

---

# International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances (INN)

---

Notice is hereby given that, in accordance with article 3 of the Procedure for the Selection of Recommended International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances, the names given in the list on the following pages are under consideration by the World Health Organization as Proposed International Nonproprietary Names. The inclusion of a name in the lists of Proposed International Nonproprietary Names does not imply any recommendation of the use of the substance in medicine or pharmacy.

Lists of Proposed (1–109) and Recommended (1–70) International Nonproprietary Names can be found in *Cumulative List No. 15, 2013* (available in CD-ROM only). The statements indicating action and use are based largely on information supplied by the manufacturer. **This information is merely meant to provide an indication of the potential use of new substances at the time they are accorded Proposed International Nonproprietary Names.** WHO is not in a position either to uphold these statements or to comment on the efficacy of the action claimed. Because of their provisional nature, these descriptors will neither be revised **nor included in the Cumulative Lists of INNs.**

## Dénominations communes internationales des Substances pharmaceutiques (DCI)

Il est notifié que, conformément aux dispositions de l'article 3 de la Procédure à suivre en vue du choix de Dénominations communes internationales recommandées pour les Substances pharmaceutiques les dénominations ci-dessous sont mises à l'étude par l'Organisation mondiale de la Santé en tant que dénominations communes internationales proposées. L'inclusion d'une dénomination dans les listes de DCI proposées n'implique aucune recommandation en vue de l'utilisation de la substance correspondante en médecine ou en pharmacie.

On trouvera d'autres listes de Dénominations communes internationales proposées (1–109) et recommandées (1–70) dans la *Liste récapitulative No. 15, 2013* (disponible sur CD-ROM seulement). Les mentions indiquant les propriétés et les indications des substances sont fondées sur les renseignements communiqués par le fabricant. **Elles ne visent qu'à donner une idée de l'utilisation potentielle des nouvelles substances au moment où elles sont l'objet de propositions de DCI.** L'OMS n'est pas en mesure de confirmer ces déclarations ni de faire de commentaires sur l'efficacité du mode d'action ainsi décrit. En raison de leur caractère provisoire, ces informations **ne figureront pas dans les listes récapitulatives de DCI.**

## Denominaciones Comunes Internacionales para las Sustancias Farmacéuticas (DCI)

De conformidad con lo que dispone el párrafo 3 del "Procedimiento de Selección de Denominaciones Comunes Internacionales Recomendadas para las Sustancias Farmacéuticas", se comunica por el presente anuncio que las denominaciones detalladas en las páginas siguientes están sometidas a estudio por la Organización Mundial de La Salud como Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas. La inclusión de una denominación en las listas de las DCI Propuestas no supone recomendación alguna en favor del empleo de la sustancia respectiva en medicina o en farmacia.

Las listas de Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (1–109) y Recomendadas (1–70) se encuentran reunidas en *Cumulative List No. 15, 2013* (disponible sólo en CD-ROM). Las indicaciones sobre acción y uso que aparecen se basan principalmente en la información facilitada por los fabricantes. **Esta información tiene por objeto dar una idea únicamente de las posibilidades de aplicación de las nuevas sustancias a las que se asigna una DCI Propuesta.** La OMS no está facultada para respaldar esas indicaciones ni para formular comentarios sobre la eficacia de la acción que se atribuye al producto. Debido a su carácter provisional, esos datos descriptivos **no deben incluirse en las listas recapitulativas de DCI.**

## Proposed International Nonproprietary Names: List 113

Comments on, or formal objections to, the proposed names may be forwarded by any person to the INN Programme of the World Health Organization within four months of the date of their publication in *WHO Drug Information*, i.e., for **List 113 Proposed INN not later than 10 November 2015**.

Publication date: 10/07/2015

## Dénominations communes internationales proposées: Liste 113

Des observations ou des objections formelles à l'égard des dénominations proposées peuvent être adressées par toute personne au Programme des Dénominations communes internationales de l'Organisation mondiale de la Santé dans un délai de quatre mois à compter de la date de leur publication dans *WHO Drug Information*, c'est à dire pour la **Liste 113 de DCI Proposées le 10 novembre 2015 au plus tard**.

Date de publication : 10/07/2015

## Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas: Lista 113

Cualquier persona puede dirigir observaciones u objeciones respecto de las denominaciones propuestas, al Programa de Denominaciones Comunes Internacionales de la Organización Mundial de la Salud, en un plazo de cuatro meses, contados desde la fecha de su publicación en *WHO Drug Information*, es decir, para la **Lista 113 de DCI Propuestas el 10 de Noviembre de 2015 a más tardar**.

Fecha de publicación: 10/07/2015

<i>Proposed INN</i> (Latin, English, French, Spanish)	<i>Chemical name or description: Action and use: Molecular formula</i> <i>Chemical Abstracts Service (CAS) registry number: Graphic formula</i>
<i>DCI Proposée</i>	<i>Nom chimique ou description: Propriétés et indications: Formule brute: Numéro dans le registre du CAS: Formule développée</i>
<i>DCI Propuesta</i>	<i>Nombre químico o descripción: Acción y uso: Fórmula molecular</i> <i>Número de registro del CAS: Fórmula desarrollada</i>

### acalabrutinibum

acalabrutinib

4-{8-amino-3-[(2S)-1-(but-2-ynoyl)pyrrolidin-2-yl]imidazo[1,5-a]pyrazin-1-yl}-N-(pyridin-2-yl)benzamide  
*antineoplastic*

acalabrutinib

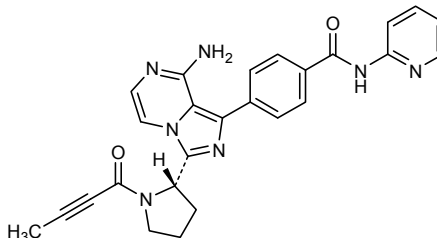
4-{8-amino-3-[(2S)-1-(but-2-ynoyl)pyrrolidin-2-yl]imidazo[1,5-a]pyrazin-1-yl}-N-(pyridin-2-yl)benzamide  
*antineoplasique*

acalabrutinib

4-{8-amino-3-[(2S)-1-(but-2-inoil)pirrolidin-2-il]imidazo[1,5-a]pirazin-1-il}-N-(piridin-2-il)benzamida  
*antineoplásico*

C<sub>26</sub>H<sub>23</sub>N<sub>7</sub>O<sub>2</sub>

1420477-60-6



**afasevikumabum #**

afasevikumab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukin 17A, IL-17A) and *Homo sapiens* IL17F (interleukin 17F, IL-17F)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;  
 gamma1 heavy chain (1-453) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-9\*01 (96.00%) -(IGHD)-IGHJ2\*01) [8.8.16] (1-123) -IGHG1\*03, G1m3 (CH1 (124-221), hinge (222-236), CH2 (237-346), CH3 (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-215')-disulfide with kappa light chain (1'-215') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-11\*01 (98.90%) -IGKJ4\*01) [6.3.10] (1'-108') -IGKC\*01, Km3 (109'-215')]; dimer (232-232":235-235")-bisdisulfide  
*immunomodulator*

afasévikumab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukine 17A, IL-17A) et *Homo sapiens* IL17F (interleukine 17F, IL-17F)], *Homo sapiens* anticorps monoclonal;  
 chaîne lourde gamma1 (1-453) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-9\*01 (96.00%) -(IGHD)-IGHJ2\*01) [8.8.16] (1-123) -IGHG1\*03, G1m3 (CH1 (124-221), charnière (222-236), CH2 (237-346), CH3 (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-215') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-11\*01 (98.90%) -IGKJ4\*01) [6.3.10] (1'-108') -IGKC\*01, Km3 (109'-215')]; dimère (232-232":235-235")-bisdisulfure  
*immunomodulateur*

afasevikumab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukina 17A, IL-17A) y *Homo sapiens* IL17F (interleukina 17F, IL-17F)], anticuerpo monoclonal de *Homo sapiens*;  
 cadena pesada gamma1 (1-453) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-9\*01 (96.00%) -(IGHD)-IGHJ2\*01) [8.8.16] (1-123) -IGHG1\*03, G1m3 (CH1 (124-221), bisagra (222-236), CH2 (237-346), CH3 (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-215') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-11\*01 (98.90%) -IGKJ4\*01) [6.3.10] (1'-108') -IGKC\*01, Km3 (109'-215')]; dímero (232-232":235-235")-bisdisulfuro  
*inmunomodulador*

1589503-30-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada  
 EVQLVESGGG LVQPGRSRLR SCAASGFTFD DYAMHWVRQA PGKLEWVSG 50  
 INWSSGGIGY ADSVKRGFTI SRDNKNSLY LQMNSLRAED TALYYCARDI 100  
 GGFGEFVWVF GLWGRGLVTV VSSASTKGPS VFPLAPSSRS TSGGTAALGG 150  
 LVYKDFEPEV FVSNWNGSLT SGVHFPAVL QSSGLVYLSV VIVFVSSSLG 200  
 TQTYICNVNH KPSNFKVDRK VEPKSCDRTH TCPPCPAPEL LGGSPVFLFP 250  
 PKPKDTLMIS RTPPEVTCVVV DVSHEDEPKV FNVVYDGVGV HNAKTKPREE 300  
 QYNSTYRVVS VLFVLHQDNL NGKEYKCRVS NKALPAPIEK TISKARQQPR 350  
 ERFVYTFEFS REEVMKQVVS ITCIVKGYF SDIAVWESH GQENNYKTT 400  
 PFLVDSGGSF FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSVMHEALHN HYVQKSLSL 450  
 PGK 453

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera  
 EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQSVR SYLAWYQQKQ GPAPRLIYD 50  
 ASNRRATGIPA RFGSGSGGTD FTLTISLLEP EDFAVYYCQQ RSNWPPATFG 100  
 GGTKVEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNPF YPREARVQWK 150  
 VDNALQSGNS QEAVTEQDSK DSTYLSLSTL TSKADYEKH FVFACEVTHQ 200  
 GLSSEVTKSF NRCEC 215

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro  
 Intra-H (C23-C104) 22-86 158-206 267-327 373-431  
 22'-96" 150'-206" 267'-327" 373'-431"  
 Intra-L (C23-C104) 23'-88" 135'-195"  
 23"-88" 135"-195"  
 Inter-H-L (h 5-CL126) 226-215' 226'-215"  
 Inter-H-H (h 11, h 14) 232-232" 235-235"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación VH N57:  
 52, 52' (2% of the glycans)  
 H CH2 N84.4:  
 303, 303' (98% of the glycans)  
 Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados

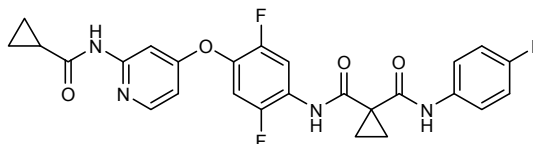
<b>aglatimagenum besadenovecum #</b> aglatimagene besadenovec	adenovirus (serotype 5) non replicant with a deletion in the E1/E2 region containing the herpes virus thymidine kinase gene ( <i>Herpes simplex virus</i> HSV-tk) under the control of a <i>Rous sarcoma virus</i> (RSV) long terminal repeat promoter <i>gene therapy product</i> ( <i>antineoplastic</i> )
aglatimagène bésadénovec	adénovirus (sérotipe 5) non répliquant, avec une suppression dans la région E1/E2, contenant le gène de la thymidine kinase du virus de l'herpès ( <i>virus Herpes simplex</i> HSV-tk) sous le contrôle de la séquence LTR (terminale longue répétée) du virus du sarcome de Rous (RSV) <i>produit de thérapie génique</i> ( <i>antineoplasique</i> )
aglatimagén besadenovec	vector adenoviral (serotipo 5), replicación-deficiente, con deleción en las regiones E1/E2, que contiene el gen de la timidina kinasa del virus del herpes ( <i>Herpes simplex virus</i> HSV-tk) bajo el control de la secuencia LTR (repetición terminal larga) del virus del sarcoma de Rous (RSV) <i>producto para terapia génica</i> ( <i>antineoplásico</i> )
1621271-62-2	
<b>alofanibum</b> alofanib	3-{{4-methyl-2-nitro-5-(pyridin-3-yl)phenyl}sulfamoyl}benzoic acid <i>antineoplastic</i>
alofanib	acide 3-{{4-méthyl-2-nitro-5-(pyridin-3-yl)phenyl}sulfamoyle}benzoïque <i>antineoplasique</i>
alofanib	ácido 3-{{4-metil-2-nitro-5-(piridin-3-il)fenil}sulfamoil}benzoico <i>antineoplásico</i>
C <sub>19</sub> H <sub>15</sub> N <sub>3</sub> O <sub>6</sub> S 1612888-66-0	
<b>altiratinibum</b> altiratinib	<i>N</i> -{4-[(2-cyclopropanecarboxamidopyridin-4-yl)oxy]-2,5-difluorophenyl}- <i>N'</i> -(4-fluorophenyl)cyclopropane-1,1-dicarboxamide <i>tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic</i>
altiratinib	<i>N</i> -{4-[(2-cyclopropanecarboxamidopyridin-4-yl)oxy]-2,5-difluorophényl}- <i>N'</i> -(4-fluorophényl)cyclopropane-1,1-dicarboxamide <i>inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique</i>

altiratinib

*N*-[4-[(2-ciclopropanocarboxamidopiridin-4-il)oxi]-2,5-difluorofenil]-*N'*-(4-fluorofenil)ciclopropano-1,1-dicarboxamida  
*inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico*

C<sub>26</sub>H<sub>21</sub>F<sub>3</sub>N<sub>4</sub>O<sub>4</sub>

1345847-93-9



**amcasertibum**  
amcasertib

*N*-[2-(diethylamino)ethyl]-2,4-dimethyl-5-[[2-oxo-5-(2-fenil-1,3-thiazol-4-yl)-1,2-dihidro-3*H*-indol-3-ylidene]metil]-1*H*-pirrole-3-carboxamide  
*antineoplástica*

amcasertib

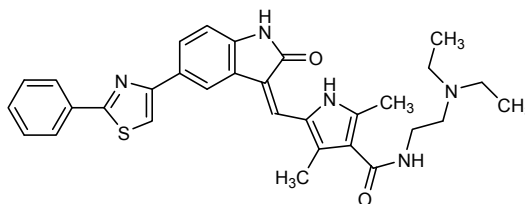
*N*-[2-(diéthylamino)éthyl]-2,4-diméthyl-5-[[2-oxo-5-(2-phényl-1,3-thiazol-4-yl)-1,2-dihydro-3*H*-indol-3-ylidène]méthyl]-1*H*-pyrrole-3-carboxamide  
*antineoplasique*

amcasertib

*N*-[2-(diethylamino)etil]-2,4-dimetil-5-[[5-(2-fenil-1,3-tiazol-4-il)-2-oxo-1,2-dihidro-3*H*-indol-3-ilideno]metil]-1*H*-pirrol-3-carboxamida  
*antineoplásico*

C<sub>31</sub>H<sub>33</sub>N<sub>5</sub>O<sub>2</sub>S

1129403-56-0



**apalutamidum**  
apalutamide

4-{7-[6-cyano-5-(trifluorometil)piridin-3-yl]-8-oxo-6-thioxo-5,7-diazaspiro[3.4]octan-5-yl}-2-fluoro-*N*-metilbenzamide  
*antiandrogen*

apalutamide

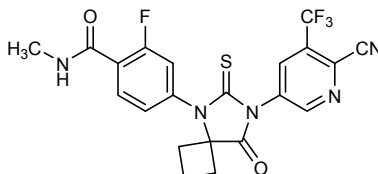
4-{7-[6-cyano-5-(trifluorométil)piridin-3-yl]-8-oxo-6-thioxo-5,7-diazaspiro[3.4]octan-5-yl}-2-fluoro-*N*-méthylbenzamide  
*antiandrogène*

apalutamida

4-{7-[6-ciano-5-(trifluorometil)piridin-3-il]-8-oxo-6-tioxo-5,7-diazaspiro[3.4]octan-5-il]-2-fluoro-*N*-metilbenzamida  
*antiandrógeno*

C<sub>21</sub>H<sub>15</sub>F<sub>4</sub>N<sub>5</sub>O<sub>2</sub>S

956104-40-8



**ascrinvacumabum #**  
ascrinvacumab

immunoglobulin G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* ACVRL1 (activin A receptor type II-like 1, activin receptor-like kinase 1, ALK1, ALK-1, serine/threonine-protein kinase receptor R3, SKR3, transforming growth factor-beta superfamily receptor type I, TGF-B superfamily receptor type I, TSR-I, HHT2, ORW2)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma2 heavy chain (1-443) [*Homo sapiens* VH (IGHV4-31\*02 (98.00%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [10.7.10] (1-118) -IGHG2\*01, G2m.. (CH1 (119-216), hinge (217-228), CH2 (229-337), CH3 (338-442), CHS K2>del (443)) (119-443)], (132-215')-disulfide with kappa light chain (1'-215')] [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-20\*01 (99.00%) -IGKJ5\*01) [7.3.9] (1'-108') -IGKC\*01, Km3 (109'-215')]]; dimer (220-220":221-221":224-224":227-227")-tetrakisdisulfide  
*immunomodulator, antineoplastic*

ascrinvacumab

immunoglobuline G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* ACVRL1 (récepteur de type II-like 1 de l'activine A, kinase 1 récepteur-like de l'activine, ALK1, ALK-1, récepteur R3 sérine/thréonine-protéine kinase, SKR3, récepteur de type I de la superfamille du facteur de croissance transformant bêta, récepteur de type I de la superfamille TGF-B, TSR-I, HHT2, ORW2)], *Homo sapiens* anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma2 (1-443) [*Homo sapiens* VH (IGHV4-31\*02 (98.00%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [10.7.10] (1-118) -IGHG2\*01, G2m.. (CH1 (119-216), charnière (217-228), CH2 (229-337), CH3 (338-442), CHS K2>del (443)) (119-443)], (132-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-215')] [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-20\*01 (99.00%) -IGKJ5\*01) [7.3.9] (1'-108') -IGKC\*01, Km3 (109'-215')]]; dimère (220-220":221-221":224-224":227-227")-tétrakisdisulfure  
*immunomodulateur, antinéoplasique*





**avelumabum #**

avelumab

immunoglobulin G1-lambda1, anti-[*Homo sapiens* CD274 (programmed death ligand 1, PDL1, PD-L1, B7 homolog 1, B7H1)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-450) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23\*01 (90.80%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.8.13] (1-120) -IGHG1\*01, Gm17,1 (CH1 (121-218), hinge (219-233), CH2 (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-450) (121-450)), (223-215')-disulfide with lambda1 light chain (1'-216') [*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGLV2-14\*01 (99.00%) -IGLJ1\*01) [9.3.10] (1'-110') -IGLC1\*02 (111'-216')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide  
*immunomodulator, antineoplastic*

avélumab

immunoglobuline G1-lambda1, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligand 1 de mort programmée, PDL1, PD-L1, homologue 1 de B7, B7H1)], *Homo sapiens* anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-450) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23\*01 (90.80%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.8.13] (1-120) -IGHG1\*01, Gm17,1 (CH1 (121-218), charnière (219-233), CH2 (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-450) (121-450)), (223-215')-disulfure avec la chaîne légère lambda1 (1'-216') [*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGLV2-14\*01 (99.00%) -IGLJ1\*01) [9.3.10] (1'-110') -IGLC1\*02 (111'-216')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure  
*immunomodulateur, antinéoplasique*

avelumab

inmunoglobulina G1-lambda1, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligando 1 de muerte programada, PDL1, PD-L1, homólogo 1 de B7, B7H1)], anticuerpo monoclonal de *Homo sapiens*; cadena pesada gamma1 (1-450) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23\*01 (90.80%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.8.13] (1-120) -IGHG1\*01, Gm17,1 (CH1 (121-218), bisagra (219-233), CH2 (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-450) (121-450)), (223-215')-disulfuro con la cadena ligera lambda1 (1'-216') [*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGLV2-14\*01 (99.00%) -IGLJ1\*01) [9.3.10] (1'-110') -IGLC1\*02 (111'-216')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro  
*immunomodulador, antineoplásico*

1537032-82-8

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGTFPS SYIMMWVRFQA PGKGLEWVSS 50
IYPSGGITFY ADTVKGRFTI SRDNRKNTLY LQMSLRABED TAVYYCARIK 100
LGTVTITVDYV GQGLTLVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DFFPEPTVVS WNSGALTSVS HFPFALQSS GLYSLSSVVT VPSSELTGT 200
YICNVNHRKPS NRVVDKKEVF KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPR 250
KDTLIMISRTF EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW VVDGVEVHNA KTKPREEQVN 300
STYRVVSVLT VLRHQLWLNKG EYKCKVSNKA LPAPIERTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSRDE LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTPPEV 400
LDSDSGFFLY SKLTVDKSRW QQGNVPSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450
```

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
QSAITQPASV SGPSPQSITI SCTGTSSDVG GYNVVSWYQQ HPGKAPKLM 50
YDVSNRPSGV SNRSPGSKSG NTASLTISGL QAEDEADYVC SSYTSSSTRV 100
FGTGKTKVTL GQPKANPTVT LFPSSSEELQ ANKATLVCLL SDFYFGAVTV 150
AWKADGSPVK AGVETTKPKS QSNNKYAASS YLSLTPEQWK SHRSYSCQVT 200
HEGSTVEKTV APTFCS 216
```

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

```
Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
Intra-L (C23-C104) 22-90 138-197
22"-90" 138"-197"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-215' 223"-215"
Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"
```

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

```
H CH2 N84.4:
300, 300"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados
```

## Other post-translational modifications / Autres modifications post-traductionnelles / Otras

```
modificaciones post-traduccionales
H CHS K2 C-terminal lysine clipping:
450, 450"
```

**belizatinibum**

belizatinib

4-fluoro-*N*-(6-([4-(2-hydroxypropan-2-yl)piperidin-1-yl]methyl)-1-*cis*-4-[(propan-2-yl)carbamoyl]cyclohexyl)-1*H*-benzimidazol-2-yl)benzamide  
*tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic*

bélizatinib

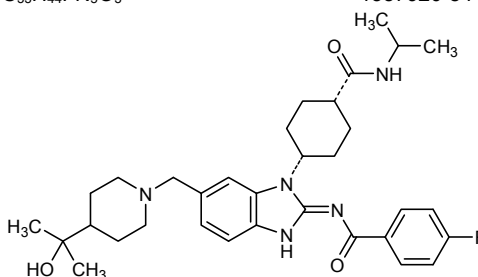
4-fluoro-*N*-(6-([4-(2-hydroxypropan-2-yl)pipéridin-1-yl]méthyl)-1-*cis*-4-[(propan-2-yl)carbamoyl]cyclohexyl)-1*H*-benzimidazol-2-yl)benzamide  
*inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique*

belizatinib

4-fluoro-*N*-(6-([4-(2-hidroxiopropan-2-il)piperidin-1-il]metil)-1-*cis*-4-[(propan-2-il)carbamoi]lciclohexil)-1*H*-benzoimidazol-2-il)benzamida  
*inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico*

C<sub>33</sub>H<sub>44</sub>FN<sub>5</sub>O<sub>3</sub>

1357920-84-3

**bexagliflozinum**

bexagliflozin

(1*S*)-1,5-anhydro-1-*C*-[4-chloro-3-({4-[2-(cyclopropyloxy)ethoxy]phenyl}methyl)phenyl]-*D*-glucitol  
*antidiabetic*

bexagliflozine

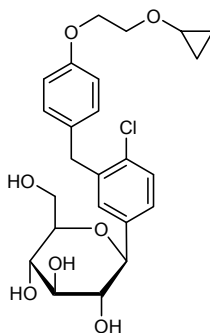
(1*S*)-1,5-anhydro-1-*C*-[4-chloro-3-({4-[2-(cyclopropyloxy)éthoxy]phényl}méthyl)phényl]-*D*-glucitol  
*antidiabétique*

bexagliflozina

(1*S*)-1,5-anhidro-1-*C*-[3-({4-[2-(ciclopropiloxi)etoxi]fenil}metil)-4-clorofenil]-*D*-glucitol  
*hipoglucemiante*

C<sub>24</sub>H<sub>29</sub>ClO<sub>7</sub>

1118567-05-7



**bictegravirum**

bictegravir

(2*R*,5*S*,13*aR*)-8-hydroxy-7,9-dioxo-*N*-[(2,4,6-trifluorophenyl)méthyl]-2,3,4,5,7,9,13,13*a*-octahydro-2,5-méthanopyrido[1',2':4,5]pyrazino[2,1-*b*][1,3]oxazépine-10-carboxamide  
*antiviral*

bictégravir

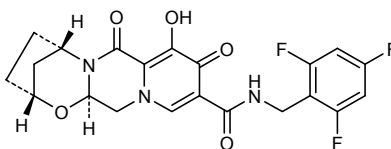
(2*R*,5*S*,13*aR*)-8-hydroxy-7,9-dioxo-*N*-[(2,4,6-trifluorophényl)méthyl]-2,3,4,5,7,9,13,13*a*-octahydro-2,5-méthanopyrido[1',2':4,5]pyrazino[2,1-*b*][1,3]oxazépine-10-carboxamide  
*antiviral*

bictegravir

(2*R*,5*S*,13*aR*)-8-hidroxi-7,9-dioxo-*N*-[(2,4,6-trifluorofenil)metil]-2,3,4,5,7,9,13,13*a*-octahidro-2,5-metanopirido[1',2':4,5]pirazino[2,1-*b*][1,3]oxazepina-10-carboxamida  
*antiviral*

C<sub>21</sub>H<sub>18</sub>F<sub>3</sub>N<sub>3</sub>O<sub>5</sub>

1611493-60-7

**bleseelumabum #**

bleseelumab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD40 (tumor necrosis factor receptor superfamily member 5, TNFRSF5)], human monoclonal antibody;  
gamma4 heavy chain (1-448) [*Homo sapiens* VH (IGHV4-39\*01 (92.90%) -(IGHD)-IGHJ5\*01) [10.7.13] (1-121) -IGHG4\*01 (CH1 (122-219), hinge S10>P (229) (220-231), CH2 (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (122-448)], (135-213')-disulfide with kappa light chain (1'-213') [*Homo sapiens* (V-KAPPA (IGKV1-13\*02 (98.90%) -IGKJ1\*01) [6.3.8] (1'-106') -IGKC\*01, Km3 (107'-213'))]; dimer (227-227'':230-230'')-bisdisulfide  
*immunomodulator*

blésélumab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD40 (membre 5 de la superfamille des récepteurs du TNF, TNFRSF5)], anticorps monoclonal humain;  
chaîne lourde gamma4 (1-448) [*Homo sapiens* VH (IGHV4-39\*01 (92.90%) -(IGHD)-IGHJ5\*01) [10.7.13] (1-121) -IGHG4\*01 (CH1 (122-219), charnière S10>P (229) (220-231), CH2 (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (122-448)], (135-213')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-213') [*Homo sapiens* (V-KAPPA (IGKV1-13\*02 (98.90%) -IGKJ1\*01) [6.3.8] (1'-106') -IGKC\*01, Km3 (107'-213'))]; dimère (227-227'':230-230'')-bisdisulfure  
*immunomodulateur*

bleselumab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD40 (miembro 5 de la superfamilia de receptores del TNF, TNFRSF5)], anticuerpo monoclonal humano; cadena pesada gamma4 (1-448) [*Homo sapiens* VH (IGHV4-39\*01 (92.90%) -(IGHD)-IGHJ5\*01) [10.7.13] (1-121) -IGHG4\*01 (CH1 (122-219), bisagra S10>P (229) (220-231), CH2 (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (122-448)], (135-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-213') [*Homo sapiens* (V-KAPPA (IGKV1-13\*02 (98.90%) -IGKJ1\*01) [6.3.8] (1'-106') -IGKC\*01, Km3 (107'-213'))]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro

*immunomodulador*

1453067-91-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QLQLQESGPG LLKPFETLSL TCTVSGGSIS SPGYYGWIR QPFGKLEWI 50  
 GSIYKSGSTY HNP SLKSRVT ISVDTSKNQF SLKLSVATA DTAVYVCTRP 100  
 VVRYFGWFDP WGQGLTVTVS SASTKGPSVF PLAPCSRSTS ESTALGCLV 150  
 KDYFPEPVTV SWNSGALTSQ VHTFPAVLQS SGLYSLSSV VTPSSSLGTK 200  
 TYTCNVDPKPP SNTKVDKRVV SKYGPPCPPC PAPEFEGGGS VLFPPPKPD 250  
 TLMISRTPEV TCVVVDVSOE DPEVQFNWYV DGEVHNAKT KPREEQFNST 300  
 YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKGLP SSIETISKA KGQPREPQVY 350  
 TLPSPQSEMT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQFEN NYKTTFPVLD 400  
 SDGSFFLYSR LTVDKSRWQE GNVFSCSVMH EALHNYHTQK SLSLSLGGK 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

AIQLTQSPSS LSASVGDRTV ITCRASQGIS SALAWYQQKP GKAPKLLIYD 50  
 ASNLESGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ FNSYPTFGQG 100  
 TKVEIKRTVA APSVFIFFPS DEQLKSGTAS VVCLLNFFYP REAKVQWKVD 150  
 NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYLSLSTLTL SKADYEKHKV YACEVTHQGL 200  
 SSPVTKSFNR GEC 213

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-97 148-204 262-322 368-426  
 22"-97" 148"-204" 262"-322" 368"-426"  
 Intra-L (C23-C104) 23"-88" 133"-193"  
 23"-88" 133"-193"  
 Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 135-213' 135"-213"  
 Inter-H-H (h 8, h 11) 227-227" 230-230"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

298, 298"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados

brigatinibum  
brigatinib

2-[(5-chloro-2-{2-methoxy-4-[4-(4-methylpiperazin-1-yl)piperidin-1-yl]anilino}pyrimidin-4-yl)amino]phenyl)dimethyl-λ<sup>5</sup>-phosphanone  
*tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic*

brigatinib

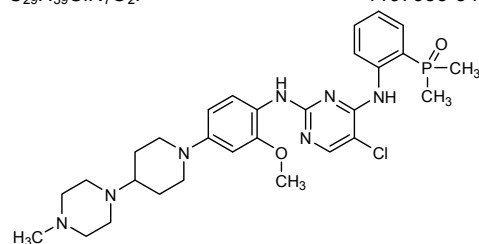
2-[(5-chloro-2-{2-méthoxy-4-[4-(4-méthylpipérazin-1-yl)pipéridin-1-yl]anilino}pyrimidin-4-yl)amino]phényl)diméthyl-λ<sup>5</sup>-phosphanone  
*inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique*

brigatinib

2-[(5-cloro-2-{2-metoxi-4-[4-(4-metilpiperazin-1-il)piperidin-1-il]anilino}pirimidin-4-il)amino]fenil)dimetil-λ<sup>5</sup>-fosfanona  
*inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico*

C<sub>29</sub>H<sub>39</sub>ClN<sub>7</sub>O<sub>2</sub>P

1197953-54-0



**capsaicinum**

capsaicin

(6*E*)-*N*-[(4-hydroxy-3-methoxyphenyl)methyl]-8-methylnon-6-enamide  
*analgesic*

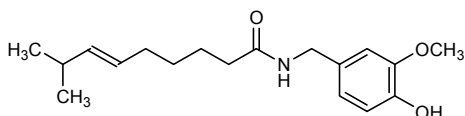
capsaicine

(6*E*)-*N*-[(4-hydroxy-3-méthoxyphényl)méthyl]-8-méthylnon-6-énamide  
*analgésique*

capsaicina

(6*E*)-*N*-[(4-hidroxi-3-metoxifenil)metil]-8-metilnon-6-enamida  
*analgésico*C<sub>18</sub>H<sub>27</sub>NO<sub>3</sub>

404-86-4

**cenerimodum**

cenerimod

(2*S*)-3-{4-[5-(2-cyclopentyl-6-methoxy-pyridin-4-yl)-1,2,4-oxadiazol-3-yl]-2-ethyl-6-methylphenoxy}propane-1,2-diol  
*immunomodulator*

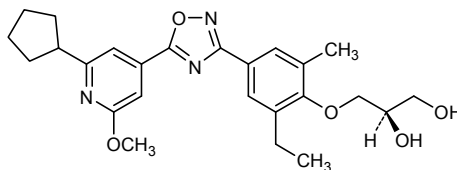
cénérimod

(2*S*)-3-{4-[5-(2-cyclopentyl-6-méthoxy-pyridin-4-yl)-1,2,4-oxadiazol-3-yl]-2-éthyl-6-méthylphénoxy}propane-1,2-diol  
*immunomodulateur*

cenerimod

(2*S*)-3-{4-[5-(2-ciclopentil-6-metoxipiridin-4-il)-1,2,4-oxadiazol-3-il]-2-etil-6-metilfenoksi}propano-1,2-diol  
*inmunomodulador*C<sub>25</sub>H<sub>31</sub>N<sub>3</sub>O<sub>5</sub>

1262414-04-9

**cenobamatum**

cenobamate

(1*R*)-1-(2-chlorophenyl)-2-(2*H*-tetrazol-2-yl)ethyl carbamate  
*antiepileptic*

cénobamate

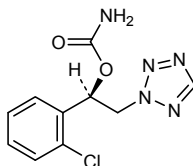
carbamate de (1*R*)-1-(2-chlorophényl)-2-(2*H*-tétrazol-2-yl)éthyle  
*antiépileptique*

cenobamato

carbamato de (1*R*)-1-(2-clorofenil)-2-(2*H*-tetrazol-2-il)etilo  
*antiepiléptico*

C<sub>10</sub>H<sub>10</sub>ClN<sub>5</sub>O<sub>2</sub>

913088-80-9



**certuzumabum amunaleukinum #**  
certuzumab amunaleukin

immunoglobulin G1-kappa fused to IL2 (interleukin 2), anti-*[Homo sapiens* CEACAM5 (carcinoembryonic antigen-related cell adhesion molecule 5, CEA, CD66e)], humanized monoclonal antibody fused to IL2; gamma1 heavy chain (1-451) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV1-18\*01 (82.70%) -(IGHD)-IGHJ6\*01) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 (122-219), hinge (220-234), CH2 L1.3>A (238), L1.2>A (239), P114>G (333) (235-344), CH3 Y5>C (353), T22>S (370), L24>A (372), Y86>V (411) (345-449), CHS (450-451) (122-451)), (224-215')-disulfide with kappa light chain (1'-215') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16\*01 (82.10%) -IGKJ2\*01) [6.3.10] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (109'-215'))]; gamma1 heavy chain fused to IL2 (1"-598") [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV1-18\*01 (82.70%) -(IGHD)-IGHJ6\*01) [8.8.14] (1"-121") -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 (122"-219"), hinge (220"-234"), CH2 L1.3>A (238"), L1.2>A (239"), P114>G (333") (235"-344"), CH3 S10>C (358"), T22>W (370"), (345"-449"), CHS K2>del (450")) (122"-450") -15-mer (tris(tetraglycyl-seryl)) linker (451"-465") -*Homo sapiens* IL2 (Pr21-153) T23>A (468"), F62>A (507"), Y65>A (510"), L92>G (547"), C145>A (590") (466"-598"), (224"-215'")-disulfide with kappa light chain (1'"-215'") [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16\*01 (82.10%) -IGKJ2\*01) [6.3.10] (1'"-108'") -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (109'"-215'")]; dimer (230-230":233-233)-bisdisulfide  
*immunomodulator, antineoplastic*

cergutuzumab amunaleukine	<p>immunoglobuline G1-kappa fusionnée à l'IL2 (interleukine 2), anti-[<i>Homo sapiens</i> CEACAM5 (molécule d'adhésion cellulaire 5 apparentée à l'antigène carcinoembryonnaire, CEA, CD66e)], anticorps monoclonal humanisé fusionné à l'IL2;</p> <p>chaîne lourde gamma1 (1-451) [VH humanisé (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-18*01 (82.70%) -(IGHD)-IGHJ6*01) [8.8.14] (1-121) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 (122-219), charnière (220-234), CH2 L1.3&gt;A (238), L1.2&gt;A (239), P114&gt;G (333) (235-344), CH3 Y5&gt;C (353), T22&gt;S (370), L24&gt;A (372), Y86&gt;V (411) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-215') [V-KAPPA humanisé (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-16*01 (82.10%) -IGKJ2*01) [6.3.10] (1'-108') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 (109'-215'))]; chaîne lourde gamma1 fusionnée à l'IL2 (1"-598") [VH humanisé (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-18*01 (82.70%) -(IGHD)-IGHJ6*01) [8.8.14] (1"-121") -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 (122"-219"), charnière (220"-234"), CH2 L1.3&gt;A (238"), L1.2&gt;A (239"), P114&gt;G (333") (235"-344"), CH3 S10&gt;C (358"), T22&gt;W (370"), (345"-449"), CHS K2&gt;del (450")) (122"-450") -15-mer (tris(tétraglycyl-séryl)) linker (451"-465") -<i>Homo sapiens</i> IL2 (Pr21-153) T23&gt;A (468"), F62&gt;A (507"), Y65&gt;A (510"), L92&gt;G (547"), C145&gt;A (590") (466"-598")), (224"-215'")- disulfure avec la chaîne légère kappa (1'"-215'") [V-KAPPA humanisé (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-16*01 (82.10%) -IGKJ2*01) [6.3.10] (1'"-108'") -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 (109'"-215'"))]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure</p> <p><i>immunomodulateur, antinéoplasique</i></p>
cergutuzumab amunaleukina	<p>immunoglobulina G1-kappa fusionada con IL2 (interleukina 2), anti-[<i>Homo sapiens</i> CEACAM5 (molécula de adhesión celular 5 relacionada con el antígeno carcinoembrionario, CEA, CD66e)], anticuerpo monoclonal humanizado fusionado IL2;</p> <p>cadena pesada gamma1 (1-451) [VH humanizada (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-18*01 (82.70%) -(IGHD)-IGHJ6*01) [8.8.14] (1-121) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 (122-219), bisagra (220-234), CH2 L1.3&gt;A (238), L1.2&gt;A (239), P114&gt;G (333) (235-344), CH3 Y5&gt;C (353), T22&gt;S (370), L24&gt;A (372), Y86&gt;V (411) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-215') [V-KAPPA humanizado (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-16*01 (82.10%) -IGKJ2*01) [6.3.10] (1'-108') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 (109'-215'))]; cadena pesada fusionada con IL2 (1"-598") [VH humanizado (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-18*01 (82.70%) -(IGHD)-IGHJ6*01) [8.8.14] (1"-121") -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 (122"-219"), bisagra (220"-234"), CH2 L1.3&gt;A (238"), L1.2&gt;A (239"), P114&gt;G (333") (235"-344"), CH3 S10&gt;C (358"), T22&gt;W (370"), (345"-449"), CHS K2&gt;del (450")) (122"-450") -15-mer (tris(tetraglicil-seril)) espaciador (451"-465") -<i>Homo sapiens</i> IL2 (Pr21-153) T23&gt;A (468"), F62&gt;A (507"), Y65&gt;A (510"), L92&gt;G (547"), C145&gt;A (590") (466"-598")), (224"-215'")- disulfuro con la cadena ligera kappa (1'"-215'") [V-KAPPA humanizado (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-16*01 (82.10%) -IGKJ2*01) [6.3.10] (1'"-108'") -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 (109'"-215'"))]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro</p> <p><i>immunomodulador, antineoplásico</i></p>

## 1509916-03-3

Heavy chain H/ Chaîne lourde H/ Cadena pesada H  
 QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT EFGMNWVRQA PGQGLEWMGW 50  
 INTKTGEATY VEEFKGRVTF TTDTSSTAY MELRSLRSD TAVYYCARWD 100  
 FAYYVEAMDY WQGGTTVTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150  
 KDYFPEPVTV SWNSGALTSQ VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TTPSSSLGTQ 200  
 TYICNVNHPK SNTKVDKVE PKSCDKTHTC PFCPEAEAG GPSVFLFPPK 250  
 PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300  
 NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALGAPIEKTI SKAKGQPREP 350  
 QVCTLPPSRD ELTKNQVSLV CAVKGFYPSD IAVWESNGQ PENNYKTPPP 400  
 VLDSGDSFFL VSKLTVDKSR WQQGNVFCSS VMHEALHNNH TQKSLSLSPG 450  
 K 451

Heavy chain H<sup>1</sup> (fused to IL2) / Chaîne lourde H<sup>1</sup> (fusionnée à IL2) / Cadena pesada H<sup>1</sup> (fusionada con IL2)  
 QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT EFGMNWVRQA PGQGLEWMGW 50  
 INTKTGEATY VEEFKGRVTF TTDTSSTAY MELRSLRSD TAVYYCARWD 100  
 FAYYVEAMDY WQGGTTVTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150  
 KDYFPEPVTV SWNSGALTSQ VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TTPSSSLGTQ 200  
 TYICNVNHPK SNTKVDKVE PKSCDKTHTC PFCPEAEAG GPSVFLFPPK 250  
 PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300  
 NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALGAPIEKTI SKAKGQPREP 350  
 QVYTLPPCRD ELTKNQVSLV CLVKGFYPSD IAVWESNGQ PENNYKTPPP 400  
 VLDSGDSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFCSS VMHEALHNNH TQKSLSLSPG 450  
 GGGSGGGGGS GGGGSAPASS STKKTQLQLE HLLLDLQML NGINNYKNPK 500  
 LTRMLTAKFA MPKKATELKH LQCLEEELKP LEEVLNGAQS KNFHLRPRDL 550  
 ISNINVIVLE LKGSETTFMC EYADETATIV EFLNRWITFA QSIISTLT 598

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera  
 DIQMTQSPSS LSASVGRVIT ITCKASAAGV TYVAWYQQKPK GKAPKLLIYS 50  
 ASYRKRGVPS RFGSGSGGTD FTLTISLQPE EDFATYYCHQ YYTYPLTFPG 100  
 QGTKLEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNPF YPREAKVQWK 150  
 VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYSLSSLT TLSKADYKHK KVAACEVTHQ 200  
 GLSSPVTKSF NRGEK 215

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro  
 Intra-H (C23-C104) 22°-96° 148°-204° 265°-325° 371°-429°  
 Intra-H (C23-C104) 22°-96° 148°-204° 265°-325° 371°-429°  
 -IL2 (Pr C78-C125) 523°-570°  
 Intra-L (C23-C104) 23°-88° 135°-195°  
 23°-88° 135°-195°  
 Inter-H-L (h 5-CL 126) 224°-215° 224°-215°  
 Inter-H-H (h 11, h 14) 230°-230° 233°-233°

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación  
 H CH2 N84.4:  
 301, 301<sup>m</sup>

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires  
 complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

Other post-translational modifications / Autres modifications post-traduccionnelles / Otras  
 modificaciones post-traduccionales  
 H CHS K2 C-terminal lysine clipping:  
 451

**ciraparantagum**  
 ciraparantag

$N^1, N^1$ -[piperazine-1,4-diylbis(propane-1,3-diyl)]bis-  
 L-argininamide  
*heparins antidote*

ciraparantag

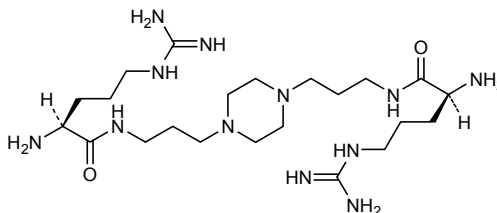
$N^1, N^1$ -[pipérazine-1,4-diylbis(propane-1,3-diyl)]bis-  
 L-argininamide  
*antidote des héparines*

ciraparantag

$N^1, N^1$ -[piperazina-1,4-diilbis(propano-1,3-diil)]bis-  
 L-argininamida  
*antídoto de heparinas*

C<sub>22</sub>H<sub>48</sub>N<sub>12</sub>O<sub>2</sub>

1438492-26-2



**clivatuzumabum tetraxetanum #**

clivatuzumab tetraxetan

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* MUC1 (mucin 1, polymorphic epithelial mucin, PEM, CD227)], humanized monoclonal antibody, tetraxetan conjugate; gamma1 heavy chain (1-449) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV1-2\*02 (79.60%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.8.12] (1-119) - *Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3 (CH1 (120-217), (hinge 218-232), CH2 (233-342), CH3 (343-447), CH-S (448-449)) (120-449)], (222-215')-disulfide with kappa light chain (1'-215') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-13\*02 (78.90%) -IGKJ2\*01) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC\*01 (109'-215')]; (228-228":231-231")-bisdisulfide dimer; tetraxetan (DOTA) conjugate (on an average of 4 to 7 lysyl, linked to the chelator by their N<sup>δ</sup>)  
*immunomodulator, antineoplastic*

clivatuzumab tétraxétan

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* MUC1 (mucine 1, mucine épithéliale polymorphique, PEM, CD227)], anticorps monoclonal humanisé, conjugué au tétraxétan;  
chaîne lourde gamma1 (1-449) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-2\*02 (79.60%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.8.12] (1-119) - *Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3 (CH1 (120-217), (hinge 218-232), CH2 (233-342), CH3 (343-447), CH-S (448-449)) (120-449)], (222-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-215') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-13\*02 (78.90%) -IGKJ2\*01) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC\*01 (109'-215')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure; conjugué au tétraxétan (DOTA) (avec une moyenne de 4 à 7 lysyl liés au chélateur par leur N<sup>δ</sup>)  
*immunomodulateur, antinéoplasique*

clivatuzumab tetraxetán

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* MUC1 (mucina 1, mucina epitelial polimórfica, PEM, CD227)], anticuerpo monoclonal humanizado, conjugado con tetraxetán;  
cadena pesada gamma1 (1-449) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-2\*02 (79.60%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.8.12] (1-119) - *Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3 (CH1 (120-217), (bisagra 218-232), CH2 (233-342), CH3 (343-447), CH-S (448-449)) (120-449)], (222-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-215') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-13\*02 (78.90%) -IGKJ2\*01) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC\*01 (109'-215')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro; conjugado con tetraxetán (DOTA) (con una media de 4 a 7 restos lisil unidos al quelante por sus respectivos N<sup>δ</sup>)  
*immunomodulador, antineoplásico*

943976-23-6

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLQQSGAE VKKPGASVKV SCEASGYTFP SYVLHWVKQA PGQGLEWIGY 50  
 INFYNDGTQY NEKFKGKATL TRDTSINTAY MELSRLRGDD TAVLYCARGF 100  
 GGSYGFAYWG QCTLVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150  
 YFPEFVTVSW NSGALTSGVH TFPAPLQSSG LYSLESVVTV PESSLGTQTY 200  
 ICMUNHKFSPN TKVDKRVBEK SCDKTHCTFP CPAPELLGGP SVFLFPKPK 250  
 DTLMISSRPE VTCVVDVSEK EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREQYNS 300  
 TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350  
 YTLPPSREEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA WEWESNGQPE NNYKTTPEVL 400  
 DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFCFSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQLTQSPSS LSASVGDRTV MTCSSASSVS SSVLYWYQQK PGKAPKLWIY 50  
 STSNLASGVP ARFSGSGSGT DFTLTISSLQ PEDSASYFCH QWNRYPYTFG 100  
 GGRLEIKRT VAAFSVFIFF PSDEQLKSGT ASVVCLLNMF YPREAKVQWK 150  
 VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYLSLSTL TLSKADYEKH KVVACEVTHQ 200  
 GLSSPVTKSF NRGEC 215

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22°-96° 146°-202° 263°-323° 369°-427°  
 22°-96° 146°-202° 263°-323° 369°-427°  
 Intra-L (C23-C104) 23°-89° 135°-195°  
 23°-89° 135°-195°  
 Inter-H-L (h 5-CL 126) 222°-215° 222°-215°  
 Inter-H-H (h 11, h 14) 228°-228° 231°-231°

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

299, 299°

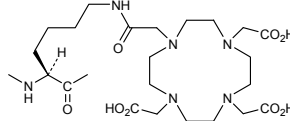
Fucosylated complex bi-antennary Sp2/0-type glycans / glycanes de type Sp2/0 bi-antennaires  
 complexes fucosylés / glicanos de tipo Sp2/0 biantennarios complejos fucosilados

## Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados

4 to 7 lysyl (K)

4 a 7 lisil (K)

4 a 7 lisil (K)

N<sup>6</sup>-(tetraxetan)-L-lysyl

## cobitolimodum

cobitolimod

*all-P-ambo-2'-deoxy-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenyl-(3'→5')-2'-deoxyadenyl-(3'→5')-2'-deoxycytidyl-(3'→5')-2'-deoxyadenyl-(3'→5')-2'-deoxyguanylyl-(3'→5')-thymidyl-(3'→5')-thymidyl-(3'→5')-2'-deoxycytidyl-(3'→5')-2'-deoxyguanylyl-(3'→5')-thymidyl-(3'→5')-2'-deoxycytidyl-(3'→5')-2'-deoxycytidyl-(3'→5')-2'-deoxyadenyl-(3'→5')-P-thiothymidyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-deoxycytidine immunomodulator*

## cobitolimod

*tout-P-ambo-2'-déoxy-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-déoxy-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-déoxy-P-thioadényl-(3'→5')-2'-déoxyadényl-(3'→5')-2'-déoxycytidyl-(3'→5')-2'-déoxyadényl-(3'→5')-2'-déoxyguanylyl-(3'→5')-thymidyl-(3'→5')-thymidyl-(3'→5')-2'-déoxycytidyl-(3'→5')-2'-déoxyguanylyl-(3'→5')-thymidyl-(3'→5')-2'-déoxycytidyl-(3'→5')-2'-déoxycytidyl-(3'→5')-2'-déoxyadényl-(3'→5')-P-thiothymidyl-(3'→5')-2'-déoxy-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-déoxy-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-déoxycytidine immunomodulateur*

cobitolimod

*todo-P-ambo-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxiadenilil-(3'→5')-2'-desoxicitidilil-(3'→5')-2'-desoxiadenilil-(3'→5')-2'-desoxiguanilil-(3'→5')-timidilil-(3'→5')-timidilil-(3'→5')-2'-desoxicitidilil-(3'→5')-2'-desoxiguanilil-(3'→5')-timidilil-(3'→5')-2'-desoxicitidilil-(3'→5')-2'-desoxicitidilil-(3'→5')-2'-desoxiadenilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxicitidina*  
*immunomodulador*

C<sub>185</sub>H<sub>233</sub>N<sub>73</sub>O<sub>106</sub>P<sub>18</sub>S<sub>6</sub>

1226822-98-5

(3'-5')-d-(G-G-A-A-C-A-G-T-T-C-G-T-C-C-A-T-G-G-C)

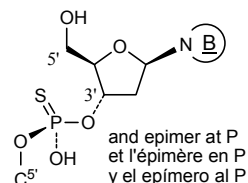
Modified residues / Nucléotides modifiés / Nucleótidos modificados

B = A, G, I

(P-RS)-2'-deoxy-P-thionucleyl

(P-RS)-2'-désoxy-P-thionucléyle

(P-RS)-2'-deoxi-P-thionucleil



daprodustatum

daprodustat

*N*-[(1,3-dicyclohexylhexahydro-2,4,6-trioxopyrimidin-5-yl)carbonyl]glycine  
*antianaemic*

daprodustat

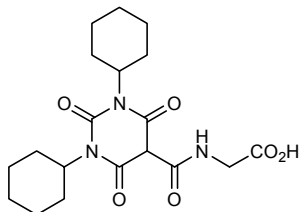
*N*-[(1,3-dicyclohexylhexahydro-2,4,6-trioxopyrimidin-5-yl)carbonyl]glycine  
*antianémique*

daprodustat

*N*-[(1,3-diciclohexilhexahidro-2,4,6-trioxopirimidin-5-il)carbonil]glicina  
*antianémico*

C<sub>19</sub>H<sub>27</sub>N<sub>3</sub>O<sub>6</sub>

960539-70-2



difelikefalinum

difelikefalin

4-amino-1-(D-phenylalanyl-D-phenylalanyl-D-leucyl-D-lysyl)piperidine-4-carboxylic acid  
*analgesic*

difelikéfaline

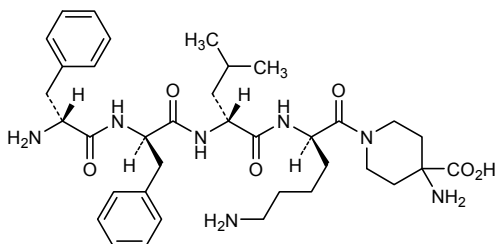
acide 4-amino-1-(D-phénylalanyl-D-phénylalanyl-D-leucyl-D-lysyl)pipéridine-4-carboxylique  
*antalgique*

difelicefalina

ácido 4-amino-1-(D-fenilalanil-D-fenilalanil-D-leucil-D-lisil)piperidina-4-carboxílico  
analgésico

C<sub>36</sub>H<sub>53</sub>N<sub>7</sub>O<sub>6</sub>

1024828-77-0



**dinutuximabum beta #**  
dinutuximab beta

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ganglioside GD2 (disialoganglioside GD2)], chimeric monoclonal antibody;  
gamma1 heavy chain (1-443) [*Mus musculus* VH (IGHV1S135\*01 -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.8.6] (1-113) -*Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3 (CH1 (114-211), hinge (212-226), CH2 (227-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (114-443)], (216-220')-disulfide with kappa light chain (1'-220') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV1-110\*01 -IGKJ5\*01) [11.3.10] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (114'-220')]; dimer (222-222'':225-225'')-bisdisulfide  
*immunomodulator, antineoplastic*

dinutuximab bêta

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ganglioside GD2 (disialoganglioside GD2)], anticorps monoclonal chimérique;  
chaîne lourde gamma1 (1-443) [*Mus musculus* VH (IGHV1S135\*01 -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.8.6] (1-113) -*Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3 (CH1 (114-211), charnière (212-226), CH2 (227-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (114-443)], (216-220')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-220') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV1-110\*01 -IGKJ5\*01) [11.3.10] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (114'-220')]; dimère (222-222'':225-225'')-bisdisulfure  
*immunomodulateur, antinéoplasique*

dinutuximab beta

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* gangliósido GD2 (disialogangliósido GD2)], anticuerpo monoclonal quimérico;  
cadena pesada gamma1 (1-443) [*Mus musculus* VH (IGHV1S135\*01 -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.8.6] (1-113) -*Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3 (CH1 (114-211), bisagra (212-226), CH2 (227-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (114-443)], (216-220')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-220') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV1-110\*01 -IGKJ5\*01) [11.3.10] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (114'-220')]; dímero (222-222'':225-225'')-bisdisulfuro  
*immunomodulador, antineoplásico*

1613303-02-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada  
 EVQLLQSGPE LEKPGASVMI SCKASGSSFT GYNNMWVRQN IGSLEWIGA 50  
 IDPYYGGTSY NQKFKGRATL TVDKSSSTAY MHLKSLTSED SAVYCVSGM 100  
 EYWQGGTSVT VSSASTKGPS VFPLAPSSKS TSGGTAALGC LVKDYFPEPV 150  
 TVSWNSGALT SGVHTFPAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG TQTYICNVNH 200  
 KFSNTKVDKR VEPKSCDKTH TCPPCPAPEL LGGPSVFLFP PKPKDTLMIS 250  
 RTPVEVTCVVV DVSHEDEPKV FNWYVDGVEV HNAKTKPREE QYNSTYRVVS 300  
 VLTVLHQDWL NGEKYCKKVS NKALPAPIEK TISKARGQPR EPQVYTLPPS 350  
 REEMTKQVS LTCLVKGFYP SDIAVEWESN GQPENNYKTT PPVLDSDGSF 400  
 FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSMVHEALHN HYTKSLSLS PGK 443

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera  
 EIVMTQSPAT LSVSPGERAT LSCRSSQSLV HRNGNTYLHW YLQKPGQSPK 50  
 LLIHKVSNRF SGVPRDFSGS GSGTDFTLKI SRVEADLDGV YFCSQSTHVP 100  
 PLTFGAGTKL ELKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 150  
 KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKSTYS LSSTLTLSKA DYEKHRVYAC 200  
 EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC 220

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 140-196 257-317 363-421  
 22°-96" 140°-196" 257°-317" 363°-421"

Intra-L (C23-C104) 23°-93" 140°-200"  
 23°-93" 140°-200"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 216-220° 216°-220°

Inter-H-H (h 11, h 14) 222-222° 225-225°

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:  
 293, 293"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires  
 complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

**dusquetidum**  
 dusquetide

L-arginyl-L-isoleucyl-L-valyl-L-prolyl-L-alaninamide  
*anti-inflammatory*

dusquetide

L-arginyl-L-isoleucyl-L-valyl-L-prolyl-L-alaninamide  
*anti-inflammatoire*

dusquetida

L-arginil-L-isoleucil-L-valil-L-proliil-L-alaninamida  
*antiinflamatorio*

C<sub>25</sub>H<sub>47</sub>N<sub>9</sub>O<sub>5</sub>

931395-42-5

H-Arg—Ile—Val—Pro—Ala-NH<sub>2</sub>  
 5

**efpegsomatropinum #**  
 efpegsomatropin

recombinant human growth hormone (somatropin) and human immunoglobulin G4 Fc fragment dimer, produced in *Escherichia coli* (nonglycosylated), linked together with polyethylene glycol derivative linker:  
 N<sup>6,1</sup>,N<sup>1,1</sup>-[ω-(oxypropane-1,3-diyl)-α-(propane-1,3-diyl)poly(oxyethylene)] human growth hormone, human immunoglobulin G4 Fc fragment (IGHG4\*01 H-CH2-CH3)-(9'-229')-peptide dimer (3'-3'')-disulfide  
*growth hormone derivative*

efpegsomatropine

hormone de croissance humaine (somatropine) et dimère du fragment Fc de l'IgG4 humain, recombinants produits par *Escherichia coli* (non glycosylés), liés par un pont dérivé du polyéthylèneglycol :  
 N<sup>6,1</sup>,N<sup>1,1</sup>- [ω-(oxypropane-1,3-diyl)-α-(propane-1,3-diyl)poly(oxyéthylène)] hormone de croissance humaine, (3'-3'')-disulfure du dimère du fragment Fc de l'immunoglobuline G4 humaine (IGHG4\*01 H-CH2-CH3)-(9'-229')-peptide  
*dérivé de l'hormone de croissance*

efpegsomatropina

hormona humana de crecimiento (somatotropina) y dímero del fragmento Fc de la IgG4 humana, recombinantes, producidos por *Escherichia coli* (no glicosilados), unidos por un puente derivado del polietilenglicol : *N*<sup>6.1</sup>,*N*<sup>1.1</sup>- [ω-(oxipropano-1,3-diil)-α-(propano-1,3-diil)poli(oxietileno)] hormona humana de crecimiento, (3'-3'')-disulfuro del dímero del fragmento Fc de la inmunoglobulina G4 humana (IGHG4\*01 H-CH2-CH3)-(9'-229')-péptido  
*derivado de la hormona de crecimiento*

1314472-89-3

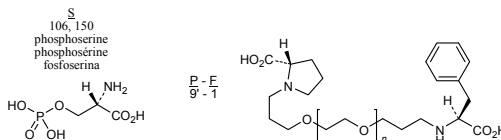
Growth Hormone / Hormone de croissance humaine / Hormona humana de crecimiento  
 EPTIPLSRLP DNAMLRRAHRL HQLAFDTYQE FEEAYIPKEQ KYSLQNPQT 50  
 SLCFSES IPT PSNREETQOK SNLELLRISL LLIQSWLEPV QFLRSVFANS 100  
 LVYGA\$DSNV YDLLKDLEEG IQTLMGRLED GSPRTQQIFK QTYSKFDTNS 150  
 HND DALKNY GLLYCFRDM DKVETFLRIV QCRSVEGSCG F 191

hIGHG4 Fc monomer / Monomère du Fc de hIGHG4 / Monómero de Fc de hIGHG4  
 ES CPAPEFLGGP SVFLFPPKPK DTLMISRTP E VTCVVVDVSO 50'  
 EDPEVQFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQFNS TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE 100'  
 YKCKVSNKGL PSSIEKTISK AKGQPREPQV YTLPPSQEEM TKNQVSLTCL 150'  
 VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL DSDGSFFLYS RLTVDKSRWQ 200'  
 EGNVFCSSVM HEALHNNHTQ KSLSLSLGK 229'

hIGHG4 Fc monomer / Monomère du Fc de hIGHG4 / Monómero de Fc de hIGHG4  
 ES CPAPEFLGGP SVFLFPPKPK DTLMISRTP E VTCVVVDVSO 50''  
 EDPEVQFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQFNS TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE 100''  
 YKCKVSNKGL PSSIEKTISK AKGQPREPQV YTLPPSQEEM TKNQVSLTCL 150''  
 VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL DSDGSFFLYS RLTVDKSRWQ 200''  
 EGNVFCSSVM HEALHNNHTQ KSLSLSLGK 229''

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro  
 11'-11'' 43'-103' 43''-103'' 53-165 149-207' 149''-207'' 182-189

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados



elamipretidum  
 elamipretide

D-arginyl-2,6-dimethyl-L-tyrosyl-L-lysyl-L-phenylalaninamide  
*cardiolipin peroxidase inhibitor*

élamiprétide

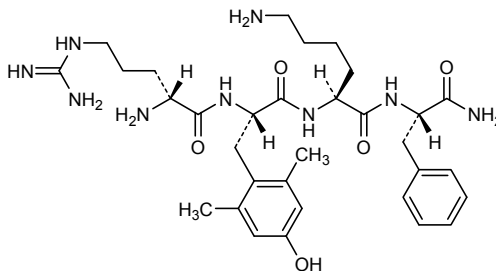
D-arginil-2,6-diméthyl-L-tyrosyl-L-lysyl-L-phénylalaninamide  
*inhibiteur de la peroxydase de la cardiolipine*

elamipretida

D-arginil-2,6-dimetil-L-tirosil-L-lisil-L-fenilalaninamida  
*inhibidor de la peroxidasa de la cardiolipina*

C<sub>32</sub>H<sub>49</sub>N<sub>9</sub>O<sub>5</sub>

736992-21-5



**emicizumabum #**

emicizumab

immunoglobulin G4-kappa, bispecific, anti-[*Homo sapiens* F9a (activated coagulation factor F9, activated coagulation factor IX) and anti-[*Homo sapiens* F10 (coagulation factor 10, coagulation factor X)], humanized monoclonal antibody;  
 gamma4 heavy chain (1-448) [humanized VH (*Homo sapiens*IGHV3-23\*04 (87.80%) -(IGHD)-IGHJ4\*01 (1-123)), IGHG4\*01 (CH1 K100>Q (202) (124-221), hinge S10>P (231) (222-233), CH2 F84.3>Y (299) (234-343), CH3 E12>K (359), R88>K (412), H115>R (438), L125>P (448) (344-448), CHS>del (124-448)], (137-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39\*01 (80.00%) -IGKJ4\*01 [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (108'-214'))];  
 gamma4 heavy chain (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2\*02 (75.50%) -(IGHD)-IGHJ6\*03 Q120>E (111"), T123>L (114") (1"-119")), IGHG4\*01 (CH1 A100>Q (198") (120"-217"), hinge S10>P (227") (218"-229"), CH2 F84.3>Y (295"), (230"-339"), CH3 R88>K (408), K119>E (438), L125>P (444) (340"-444"), CHS>del (120"-444"), (133"-214")-disulfide with kappa light chain (1""-214"")  
 [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39\*01 (80.00%) -IGKJ4\*01 [6.3.9] (1""-107""') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (108""-214""')]; dimer (229-225":232-228")-bisdisulfide  
*immunomodulator*

émicizumab

immunoglobuline G4-kappa, bispécifique, anti-[*Homo sapiens* F9a (facteur de coagulation F9 activé, facteur de coagulation IX activé) et anti-[*Homo sapiens* F10 (facteur de coagulation 10, facteur de coagulation X)], anticorps monoclonal humanisé;  
 chaîne lourde gamma4 (1-448) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-23\*04 (87.80%) -(IGHD)-IGHJ4\*01 (1-123)), IGHG4\*01 (CH1 K100>Q (202) (124-221), S10>P (231) (222-233), CH2 F84.3>Y (299) (234-343), CH3 E12>K (359), R88>K (412), H115>R (438), L125>P (448) (344-448), CHS>del (124-448)], (137-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-39\*01 (80.00%) -IGKJ4\*01 [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (108'-214'))];  
 chaîne lourde gamma4 (1-444) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-2\*02 (75.50%) -(IGHD)-IGHJ6\*03 Q120>E (111"), T123>L (114") (1"-119")), IGHG4\*01 (CH1 A100>Q (198") (120"-217"), charnière S10>P (227") (218"-229"), CH2 F84.3>Y (295"), (230"-339"), CH3 R88>K (408), K119>E (438), L125>P (444) (340"-444"), CHS>del (120"-444"), (133"-214""')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1""-214""') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-39\*01 (80.00%) -IGKJ4\*01 [6.3.9] (1""-107""') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (108""-214""')]; dimère (229-225":232-228")-bisdisulfure  
*immunomodulateur*

emicizumab

immunoglobulina G4-kappa, biespecifica, anti-[*Homo sapiens* F9a (factor de coagulación F9 activado, factor de coagulación IX activado) y anti-[*Homo sapiens* F10 (factor de coagulación 10, factor de coagulación X)], anticuerpo monoclonal humanizado;  
 cadena pesada gamma4 (1-448) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV3-23\*04 (87.80%) -(IGHD)-IGHJ4\*01 (1-123)), IGHG4\*01 (CH1 K100>Q (202) (124-221), S10>P (231) (222-233), CH2 F84.3>Y (299) (234-343), CH3 E12>K (359), R88>K (412), H115>R (438), L125>P (448) (344-448), CHS>del) (124-448)], (137-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-39\*01 (80.00%) -IGKJ4\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (108'-214')];  
 cadena pesada gamma4 (1-444) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-2\*02 (75.50%) -(IGHD)-IGHJ6\*03 Q120>E (111"), T123>L (114") (1"-119")), IGHG4\*01 (CH1 A100>Q (198") (120"-217"), bisagra S10>P (227") (218"-229"), CH2 F84.3>Y (295"), (230"-339"), CH3 R88>K (408), K119>E (438), L125>P (444) (340"-444"), CHS>del) (120"-444")], (133"-214")-disulfuro con la cadena ligera kappa (1"-214") [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-39\*01 (80.00%) -IGKJ4\*01) [6.3.9] (1"-107") -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (108"-214")]; dímero (229-225":232-228")-bisdisulfuro  
*immunomodulador*

1610943-06-0

Heavy chain anti-F9a/ Chaîne lourde anti-F9a/ Cadena pesada anti-F9a  
 QVQLVESGGG LVQPFGSLRL SCARSGFTFS YYDIQWVRQA PGKGLEWVSS 50  
 ISPSGQSIVY RREVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARRT 100  
 GREYGGWYF DYWGQCTLVV VSSASPKGPS VFPLAFCRS TSESTALGCG 150  
 LVKDYFPEPV VSWNSGALG SGVHTFPAVL QSSGLYSLSS VYVFPSSSLG 200  
 TQYTCNVDH KPSNTRKVDKR VESKYGPCCP PCPAPEFLGG PSVFLPPKP 250  
 KDTLMSIRTP EVTCVVVDVS QEDPEVFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300  
 STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKG LPSSIEKTIK KAKGQPREPQ 350  
 VYTLPPSQKE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVENESNGQP ENNYKTTPEV 400  
 LDSDSGFFLY SKLTVDKSRW QEGNVFSCSV MHEALHNRYS QKSLSLSP 448

Heavy chain anti-F10/ Chaîne lourde anti-F10/ Cadena pesada anti-F10  
 QVQLVQSGSE LKPKGASVKV SCKASGYTFT DNNMDWVRQA PGQGLEWMDG 50  
 INTRSGGSIY NEEFQDRVIM TVDKSTDTAY MELSLRSED TATYHCARRK 100  
 SYGYLDEWEG EGTLVTVSSA STKGPSVFPL APCSRSTSES TAALGCLVKD 150  
 YFPEPVTVSW NSGALTSVGH TFPAVLQSSG LYSLSVVTV FSSSLGTQTY 200  
 TCNVDPKPSN TKVDRKVESK YGPPCPPCPA PEFLLGGPSVF LFPPKPKDYL 250  
 MISRTPEVTC VVVDVSDQEDP EVQFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR 300  
 VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKCK KVSNGKLPSS IEKTIKAKG QREPPQVYTL 350  
 FPSQEEMTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTTPEVLDSD 400  
 GSFFLYSKLT VDKSRWQEGH VFSCSVMEHA LHNHYTQESL SLSF 444

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera  
 DIQMSTSPSS LSASVGRDVT ITCKASRNIE RQLAWYQKPK GQAPPELLIYQ 50  
 ASRKEGVPD RFGSGRYGTD FTLTISLQP EDIATYYCQQ YSDPPLTFGG 100  
 GTKVEIKRTV AAPSVEFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWVK 150  
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYKHKH VYACEVTHQG 200  
 LSSPVTKSFN RGEC 214

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 150-206 264-324 370-428  
 22"-96" 146"-202" 260"-320" 366"-424"  
 Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"  
 23"-88" 134"-194"  
 Inter-H-L (CHI 10-CL 126) 137-214' 133"-214"  
 Inter-H-H (h 8, h 11) 229-225" 232-228"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:  
 300, 296"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires  
 complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennario complejos fucosilados

**enasidenibum**

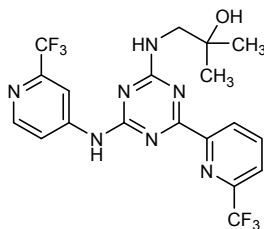
enasidenib  
2-methyl-1-[(4-[6-(trifluoromethyl)pyridin-2-yl]-6-[[2-(trifluoromethyl)pyridin-4-yl]amino]-1,3,5-triazin-2-yl)amino]propan-2-ol  
*antineoplastic*

énasidénib  
2-méthyl-1-[(4-[6-(trifluorométhyl)pyridin-2-yl]-6-[[2-(trifluorométhyl)pyridin-4-yl]amino]-1,3,5-triazin-2-yl)amino]propan-2-ol  
*antineoplasique*

enasidenib  
2-metil-1-[(4-[6-(trifluorometil)piridin-2-il]-6-[[2-(trifluorometil)piridin-4-il]amino]-1,3,5-triazin-2-il)amino]propan-2-ol  
*antineoplásico*

C<sub>19</sub>H<sub>17</sub>F<sub>6</sub>N<sub>7</sub>O

1446502-11-9

**enerisantum**

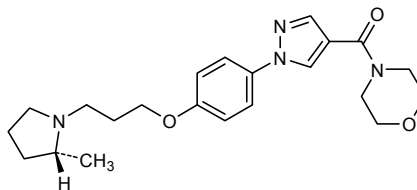
enerisant  
[1-(4-{3-[(2*R*)-2-methylpyrrolidin-1-yl]propoxy}phenyl)-1*H*-pyrazol-4-yl](morpholin-4-yl)methanone  
*histamine H<sub>3</sub> receptor antagonist*

énérisant  
[1-(4-{3-[(2*R*)-2-méthylpyrrolidin-1-yl]propoxy}phényl)-1*H*-pyrazol-4-yl](morpholin-4-yl)méthanone  
*antagoniste du récepteur H<sub>3</sub> de l'histamine*

enerisant  
1-(4-{3-[(2*R*)-2-metilpirrolidin-1-il]propoxi}fenil)-1*H*-pirazol-4-il](morfolin-4-il)metanona  
*antagonista del receptor H<sub>3</sub> de histamina*

C<sub>22</sub>H<sub>30</sub>N<sub>4</sub>O<sub>3</sub>

1152747-82-4

**entrectinibum**

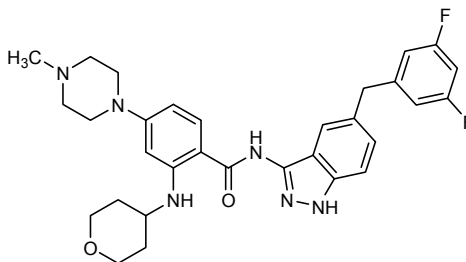
entrectinib  
*N*-[5-[(3,5-difluorophenyl)methyl]-1*H*-indazol-3-yl]-4-(4-methylpiperazin-1-yl)-2-[(oxan-4-yl)amino]benzamide  
*tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic*

entrectinib  
*N*-{5-[(3,5-difluorophényl)méthyl]-1*H*-indazol-3-yl}-4-(4-méthylpipérazin-1-yl)-2-[(oxan-4-yl)amino]benzamide  
*inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique*

entrectinib  
*N*-{5-[(3,5-difluorofenil)metil]-1*H*-indazol-3-il}-4-(4-metilpiperazin-1-il)-2-[(oxan-4-il)amino]benzamida  
*inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico*

C<sub>31</sub>H<sub>34</sub>F<sub>2</sub>N<sub>6</sub>O<sub>2</sub>

1108743-60-7

**erdafitinibum**

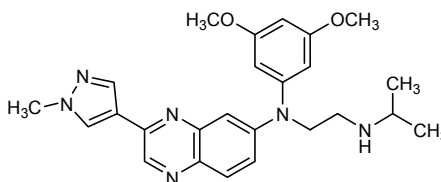
erdafitinib  
*N*<sup>1</sup>-(3,5-diméthoxyphényl)-*N*<sup>1</sup>-[3-(1-méthyl-1*H*-pyrazol-4-yl)quinoxalin-6-yl]-*N*<sup>2</sup>-(propan-2-yl)ethane-1,2-diamine  
*tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic*

erdafitinib  
*N*<sup>1</sup>-(3,5-diméthoxyphényl)-*N*<sup>1</sup>-[3-(1-méthyl-1*H*-pyrazol-4-yl)quinoxalin-6-yl]-*N*<sup>2</sup>-(propan-2-yl)éthane-1,2-diamine  
*inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique*

erdafitinib  
*N*<sup>1</sup>-(3,5-dimetoxifenil)-*N*<sup>1</sup>-[3-(1-metil-1*H*-pirazol-4-il)quinoxalin-6-il]-*N*<sup>2</sup>-(propan-2-il)etano-1,2-diamina  
*inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico*

C<sub>25</sub>H<sub>30</sub>N<sub>6</sub>O<sub>2</sub>

1346242-81-6

**etripamilum**

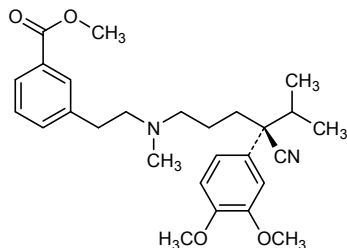
etripamil  
methyl 3-(2-[[[(4*S*)-4-cyano-4-(3,4-diméthoxyphényl)-5-méthylhexyl](méthyl)amino]éthyl]benzoate  
*calcium channel blocker*

étripamil  
3-(2-[[[(4*S*)-4-cyano-4-(3,4-diméthoxyphényl)-5-méthylhexyl](méthyl)amino]éthyl]benzoate de méthyle  
*antagoniste des canaux calciques*

etripamilo  
3-(2-[[[(4*S*)-4-ciano-4-(3,4-dimetoxifenil)-5-metilhexil](metil)amino]etil]benzoato de metilo  
*antagonista de los canales del calcio*

C<sub>27</sub>H<sub>36</sub>N<sub>2</sub>O<sub>4</sub>

1593673-23-4

**evenamidum**

evenamide

2-[[2-(3-butoxyphenyl)ethyl]amino]-N,N-diméthylacétamide  
*antipsychotic*

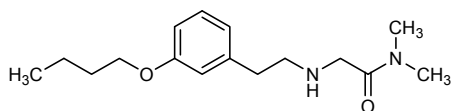
événamide

2-[[2-(3-butoxyphényl)éthyl]amino]-N,N-diméthylacétamide  
*antipsychotique*

evenamida

2-[[2-(3-butoxifenil)etil]amino]-N,N-dimetilacetamida  
*antipsicótico*C<sub>16</sub>H<sub>26</sub>N<sub>2</sub>O<sub>2</sub>

1092977-61-1

**evocalcetum**

evocalcet

4-[(3S)-3-[[[(1R)-1-(naphthalen-1-yl)ethyl]amino]pyrrolidin-1-yl]phényl]acetic acid  
*calcium-sensing receptor agonist*

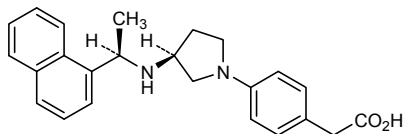
évocalcet

acide {4-[(3S)-3-[[[(1R)-1-(naphtalén-1-yl)éthyl]amino]pyrrolidin-1-yl]phényl]acétique  
*agoniste des récepteurs sensibles au calcium*

evocalcet

ácido {4-[(3S)-3-[[[(1R)-1-(naftalen-1-il)etil]amino]pirrolidin-1-il]fenil]acético  
*agonista de los receptores sensibles al calcio*C<sub>24</sub>H<sub>26</sub>N<sub>2</sub>O<sub>2</sub>

870964-67-3

**ezutromidum**

ezutromid

5-(ethanesulfonyl)-2-(naphthalen-2-yl)-1,3-benzoxazole  
*utrophin's translation modulator*

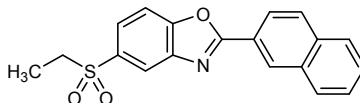
ézutromid

5-(éthanesulfonyl)-2-(naphtalén-2-yl)-1,3-benzoxazole  
*modulateur de la traduction de l'utrophine*

ezutromid

5-(etanosulfonil)-2-(naftalen-2-il)-1,3-benzoxazol  
*modulador de la traducción de la urotrofin*C<sub>19</sub>H<sub>15</sub>NO<sub>3</sub>S

945531-77-1

fibatuzumabum #  
fibatuzumab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EPHA3 (ephrin receptor A3, EPH receptor A3, ephrin type-A receptor 3, tyrosine protein kinase TYR04, tyrosine-protein kinase receptor REK4, ETK, ETK1, HEK, HEK4)], humanized monoclonal antibody;  
gamma1 heavy chain (1-449) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV1-2\*02 (91.80%) -(IGHD)-IGHJ6\*01) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1\*03, Gm3 (CH1 (119-216), hinge (217-231), CH2 (232-341), CH3 (342-447), CHS (448-449)) (119-448)], (221-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1D-16\*01 (91.60%) -IGKJ2\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01 (108'-214')]; dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide  
*immunomodulator, antineoplastic*

fibatuzumab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EPHA3 (récepteur A3 d'éphrine, récepteur A3 d'EPH, récepteur 3 type-A d'éphrine, protéine tyrosine kinase TYR04, récepteur tyrosine-protéine kinase REK4, ETK, ETK1, HEK, HEK4)], anticorps monoclonal humanisé;  
chaîne lourde gamma1 (1-449) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-2\*02 (91.80%) -(IGHD)-IGHJ6\*01) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1\*03, Gm3 (CH1 (119-216), charnière (217-231), CH2 (232-341), CH3 (342-447), CHS (448-449)) (119-448)], (221-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1D-16\*01 (91.60%) -IGKJ2\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01 (108'-214')]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure  
*immunomodulateur, antinéoplasique*

fibatuzumab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EPHA3 (receptor A3 de efrina, receptor A3 d'EPH, receptor 3 tipo-A de efrina, tirosina protein kinasa TYR04, receptor tirosina-protein kinasa REK4, ETK, ETK1, HEK, HEK4)], anticuerpo monoclonal humanizado;  
cadena pesada gamma1 (1-449) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-2\*02 (91.80%) -(IGHD)-IGHJ6\*01) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1\*03, Gm3 (CH1 (119-216), bisagra (217-231), CH2 (232-341), CH3 (342-447), CHS (448-449)) (119-448)], (221-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1D-16\*01 (91.60%) -IGKJ2\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01 (108'-214')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro  
*immunomodulador, antineoplásico*

1234137-51-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada  
 QVQLVQSGAE VKKPGASVKV CKRASGYTFT GYMNWVRQA PGQGLEWMDG 50  
 IYFGSGNTNY DEKFGQGRVTM TRDTSISTAY MELSRRLRSDD TAVYYCARGG 100  
 YYEDFDSWGG GTTIVTVSSAS TKGPSVFLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150  
 FPEFVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVTVV SSSLGTQYY 200  
 CNVNHKPSNT KVDKRVVEPKS CDKTHTCPPC PAPPELLGGPS VFLFPPKPKD 250  
 TLMISRTPEV TCVVVDVDSHE DPEVKFNWY DGEVHNNAKT KPREQYINST 300  
 YRVVSLTLVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP ARIEKTISKA KGQPREPOVY 350  
 TLPFSREEMT KNQVSLTCLV KGFVPSDIAV EWESNGQFEN NYKTPPVPVD 400  
 SDGSFFLYSK LTVDKSRNQQ GNVFCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera  
 DIQMTQSPSF LSASVGRVIT ITCRASQGI I SYLAWYQQKPK EKAPKRLIYA 50  
 ASSLSQSGVPS RFSGSGSGTE FTLTISLQPE EDFATYICGQ YANYPYTFGQ 100  
 GTKLEIKRTV AAPSVEIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150  
 DNALRQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSLT LSKADYEEKH YVACEVTHQG 200  
 LSSPVTKSFN RGEC 214

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro  
 Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426  
 22-96<sup>a</sup> 145<sup>a</sup>-201<sup>a</sup> 262<sup>a</sup>-322<sup>a</sup> 368<sup>a</sup>-426<sup>a</sup>  
 Intra-L (C23-C104) 23<sup>a</sup>-88<sup>a</sup> 134<sup>a</sup>-194<sup>a</sup>  
 23<sup>a</sup>-88<sup>a</sup> 134<sup>a</sup>-194<sup>a</sup>  
 Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-214<sup>a</sup> 221<sup>a</sup>-214<sup>a</sup>  
 Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227<sup>a</sup> 230-230<sup>a</sup>

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación  
 H CH2 N84.4:  
 298, 298<sup>a</sup>

Afucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires  
 complexes afucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos no fucosilados

**fitusiranum**  
 fitusiran

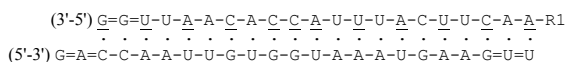
small interfering RNA (siRNA) inhibiting antithrombin liver production:  
 duplex of [(2S,4R)-1-{30-(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)-14,14-bis[16-(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)-5,11-dioxo-2,16-dioxo-6,10-diazahexadecyl]-12,19,25-trioxo-16,30-dioxo-13,20,24-triazatriacontanoyl}-4-hydroxypyrrolidin-2-yl]methyl hydrogen (*P-RS*)-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-(*P-RS*)-2'-*O*-methyl-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylate and (*P-RS*)-2'-*O*-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-(*P-RS*)-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanlyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroguanlyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanlyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanlyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-(*P-RS*)-2'-*O*-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-(*P-RS*)-2'-*O*-methyl-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanosine  
*antihaemophilic agent*



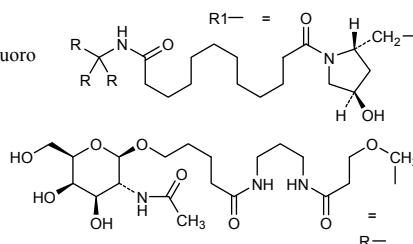
de (*P*-*RS*)-2'-*O*-metil-*P*-tiouridilil-(3'→5') (*P*-*RS*)-2'-desoxi-2'-fluoro-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoroguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(3'→5')-(*P*-*RS*)-2'-*O*-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-(*P*-*RS*)-2'-*O*-metil-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanosina *antihemofilico*

C<sub>520</sub>H<sub>679</sub>F<sub>21</sub>N<sub>175</sub>O<sub>309</sub>P<sub>43</sub>S<sub>6</sub>

1499251-18-1

**Legend**

X: 2'-deoxyx-2'-fluoro

X: 2'-*O*-methyl**fosnetupitantum**

fosnetupitant

{4-[5-{2-[3,5-bis(trifluoromethyl)phenyl]-*N*,2-dimethylpropanamido}-4-(2-methylphenyl)pyridin-2-yl]-1-methylpiperazin-1-ium-1-yl)methyl hydrogen phosphate *neurokinin receptor antagonist*

fosnétupitant

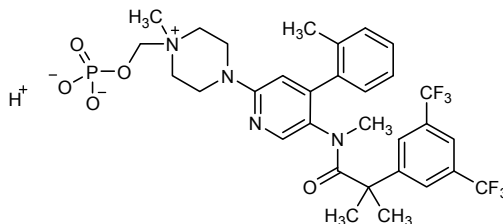
hydrogénophosphate de {4-[5-{2-[3,5-bis(trifluorométhyl)phényl]-*N*,2-diméthylpropanamido}-4-(2-méthylphényl)pyridin-2-yl]-1-méthylpipérazin-1-ium-1-yl)méthyle *antagoniste des récepteurs de la neurokinine*

fosnetupitant

hidrógenofosfato de {4-[5-{2-[3,5-bis(trifluorometil)fenil]-*N*,2-dimetilpropanamido}-4-(2-metilfenil)piridin-2-il]-1-metilpiperazin-1-ío-1-il}metilo *antagonista de los receptores de neurokinina*

C<sub>31</sub>H<sub>35</sub>F<sub>6</sub>N<sub>4</sub>O<sub>5</sub>P

1703748-89-3



**glembatumumabum vedotinum #**

glembatumumab vedotin

immunoglobulin G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* GPNMB (glycoprotein (transmembrane) nmb, glycoprotein transmembrane NMB, glycoprotein nonmetastatic melanoma protein B, CG56972, osteoactivin, hematopoietic growth factor inducible neurokinin-1 type, HGFIN) extracellular domain], *Homo sapiens* monoclonal antibody conjugated to auristatin E; gamma2 heavy chain (1-445) [*Homo sapiens* VH (IGHV4-31\*02 (94.90%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [10.7.11] (1-119) -IGHG2\*01, G2m.. (CH1 (120-217), hinge (218-229), CH2 (230-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (120-445)], (133-215')-disulfide with kappa light chain (1'-215') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-15\*01 (96.80%) -IGKJ1\*01) [6.3.10] (1'-108') -IGKC\*01, Km3 (109'-215')]; dimer (221-221":222-222":225-225":228-228")-tetrakisdisulfide; conjugated, on an average of 5 cysteinyl, to monomethylauristatin E (MMAE), via a cleavable maleimidocaproyl-valyl-citrullinyl-*p*-aminobenzoyloxycarbonyl (mc-val-cit-PABC) type linker For the *vedotin* part, please refer to the document "*INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others*".

*immunomodulator, antineoplastic*

glembatumumab védotine

immunoglobuline G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* GPNMB (glycoprotéine (transmembranaire) nmb, glycoprotéine transmembranaire NMB, protéine B glycoprotéine de mélanome non métastatique, CG56972, ostéoactive, facteur de croissance hématopoïétique inductible type neurokinine-1, HGFIN) domaine extracellulaire], *Homo sapiens* anticorps monoclonal conjugué à l'auristatine E; chaîne lourde gamma2 (1-445) [*Homo sapiens* VH (IGHV4-31\*02 (94.90%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [10.7.11] (1-119) -IGHG2\*01, G2m.. (CH1 (120-217), charnière (218-229), CH2 (230-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (120-445)], (133-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-215') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-15\*01 (96.80%) -IGKJ1\*01) [6.3.10] (1'-108') -IGKC\*01, Km3 (109'-215')]; dimère (221-221":222-222":225-225":228-228")-tétrakisdisulfure; conjugué, sur 5 cystéinyl en moyenne, au monométhylauristatine E (MMAE), via un linker clivable de type maléimidocaproyl-valyl-citrullinyl-*p*-aminobenzoyloxycarbonyl (mc-val-cit-PABC) Pour la partie *védotine*, veuillez-vous référer au document "*INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others*".

*immunomodulateur, antinéoplasique*

glembatumumab vedotina

immunoglobulina G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* GPNMB (glicoproteína (transmembrana) nmb, glicoproteína transmembrana NMB, proteína B glicoproteína de melanoma no metastásico, CG56972, osteoactivina, factor de crecimiento hematopoyético inducible tipo neurokinina-1, HGFIN) dominio extracelular], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal conjugado con auristatina E;

cadena pesada gamma2 (1-445) [*Homo sapiens* VH (IGHV4-31\*02 (94.90%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [10.7.11] (1-119)-IGHG2\*01, G2m.. (CH1 (120-217), bisagra (218-229), CH2 (230-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (120-445)], (133-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-215') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-15\*01 (96.80%) -IGKJ1\*01) [6.3.10] (1'-108') -IGKC\*01, Km3 (109'-215'')]; dímero (221-221''::222-222''::225-225''::228-228'')-tetrakisdisulfuro; conjugado, en una media de 5 restos cisteinil, con monometilauristatina E (MMAE), mediante un espaciador escindible de tipo maleimidocaproil-valil-citrulinil-*p*-aminobenciloxicarbonil (mc-val-cit-PABC) La fracción *vedotina*, la pueden encontrar en el documento "INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others".  
**immunomodulador, antineoplásico**

1182215-65-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada  
 QVQLQESGPG LVKPSQTLSSL TCTVSGGSSIS SFNYYWSWIR HHPGKGLEWI 50  
 GIYYISGSTY SNPSLKSRTV ISVDTSKNQF SLTLSSVTAA DPAVYICARG 100  
 YNHWYEDWVG QGTLVTVSSA STKQPSVFPL APCSRSTSES TRALGCLVKD 150  
 YFPFPTVSW NSGLTSGVH TFPALVQSSG LYSLSVTVV PSMFQTQTY 200  
 TCVVDHKPSN TKVDKTVVERK CCVECPCPA PPAVAGPSVFL FPPKPKDTLM 250  
 ISRTPEVTCV VVDVSHDEPE VQFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQFNSTFRV 300  
 VSVLTVVHQD WLNKGKEYCK VSNKGLPAPI EKTISKTKGQ PREPQVYTLF 350  
 PSREEMTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAWEWE SNGQPENNYK TTPMLDSDG 400  
 SFFLYSKLTV DKSRWQGNV FSCSVMEAL HNHVTQKSL SLP GK 445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera  
 EIVMTQSPAT LSVSPGERAT LSCRASQSDV NNLVWYQKPK GQAPRLLIYG 50  
 ASTRATGLPA RFSGSGSGTE FTLTISLQGS EDFAVYICQQ YNHWPPWTFG 100  
 QGTRKVEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVCLLNFF YPREAKVQWK 150  
 VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYSLSSL TLKADYKHK KYVACEVTHQ 200  
 GLSSPVTKSF NRGE C 215

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro  
 Intra-H (C23-C104) 22-97 146-202 259-319 365-423  
 22"-97" 146"-202" 259"-319" 365"-423"  
 Intra-L (C23-C104) 23"-88" 135"-195"  
 23"-88" 135"-195"

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 133-215' 133"-215"  
 Inter-H-H (h 4, h 5, h 8, h 11) 221-221" 222-222" 225-225" 228-228"

\*Two or three of the inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 5 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

\*Deux ou trois des ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 5 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

\*Faltan dos o tres puentes disulfuro inter-catenarios, una media de 5 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:  
 295, 295"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

**graunimotidum**  
 graunimotide

L-lysyl-L-arginyl-L-tyrosyl-L-phenylalanyl-L-lysyl-L-leucyl-L-seryl-L-histidyl-L-leucyl-L-glutaminy-L-methionyl-L-histidyl-L-seryl-L-arginyl-L-lysyl-L-histidine; human Wilms tumor protein (WT33) (332-347)-peptide  
**immunological agent for active immunization (antineoplastic)**

graunimotide

L-lysyl-L-arginyl-L-tyrosyl-L-phénylalanyl-L-lysyl-L-leucyl-L-séryl-L-histidyl-L-leucyl-L-glutaminy-L-méthionyl-L-histidyl-L-séryl-L-arginyl-L-lysyl-L-histidine; protéine tumorale de Wilms humaine (WT33) (332-347)-peptide  
**agent immunologique d'immunisation active (antineoplasique)**

## graunimotida

L-lisil-L-arginil-L-tirosil-L-fenilalanil-L-lisil-L-leucil-L-seril-L-histidil-L-leucil-L-glutaminil-L-metionil-L-histidil-L-seril-L-arginil-L-lisil-L-histidina;  
 proteína de tumor de Wilms humano (WT33) (332-347)-péptido  
*agente inmunológico para inmunización active (antineoplásico)*

C<sub>94</sub>H<sub>150</sub>N<sub>32</sub>O<sub>21</sub>S

851666-89-2

H-Lys—Arg—Tyr—Phe—Lys—Leu—Ser—His—Leu—  
 Gln—Met—His—Ser—Arg—Lys—His—OH  
 10 16

## guadecitabinum

guadecitabine

2'-deoxy-5-azacytidyl-(3'→5')-2'-deoxyguanosine  
*cytidine analogue, antineoplastic*

guadécitabine

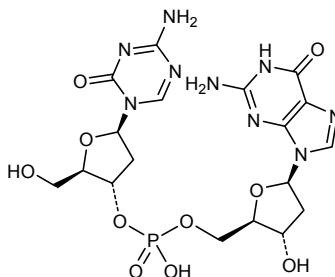
2'-déoxy-5-azacytidyl-(3'→5')-2'-déoxyguanosine  
*analogue de la cytidine, antinéoplasique*

guadecitabina

2'-desoxi-5-azacitidilil-(3'→5')-2'-desoxiguanosina  
*análogo de la citidina, antineoplásico*

C<sub>18</sub>H<sub>24</sub>N<sub>9</sub>O<sub>10</sub>P

929901-49-5



## inebilizumabum #

inebilizumab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD19 (B lymphocyte surface antigen B4, Leu-12)], humanized monoclonal antibody;  
 gamma1 heavy chain (1-451) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV3-15\*06 (83.70%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 (122-219), hinge (220-234), CH2 (235-344), CH3 (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-218')-disulfide with kappa light chain (1'-218') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV6-21\*01 (79.80%) -IGKJ4\*01) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (112'-218'))]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide  
*immunomodulator*

inébilizumab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD19 (antigène de surface B4 des lymphocytes B, Leu-12)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma1 (1-451) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-15\*06 (83.70%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 (122-219), charnière (220-234), CH2 (235-344), CH3 (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-218') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV6-21\*01 (79.80%) -IGKJ4\*01) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (112'-218')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure  
*immunomodulateur*

inebilizumab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD19 (antígeno de superficie B4 de los linfocitos B, Leu-12)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 (1-451) [VH humanizada (*Homo sapiens* IGHV3-15\*06 (83.70%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 (122-219), bisagra (220-234), CH2 (235-344), CH3 (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-218') [V-KAPPA humanizada (*Homo sapiens* IGKV6-21\*01 (79.80%) -IGKJ4\*01) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (112'-218')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro  
*inmunomodulador*

1299440-37-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SSWNWVVRQA PGKGLEWVGR 50
IYPGDGDTNY NVKFKGRFTI SRDDSKNSLY LQMNLSKTED TAVVYCARSG 100
FITTVRDFDY WQGGTLTVTS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150
KDYFPEPVTV SNNSGALTSV VHTFFAVLQS SGLYLSLSSV VTPSSSLGTQ 200
TYICNVNHPK SNTKVDKRVK PKSCDKTHTC PPCPAPELLG GPSVFLFPPK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYDVGVEVHN AKTKPREEQY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP 350
QVYVLPSSRE EMTKNQVSLT CLVKGFPYSD IAVNESNGQ PENNYKTTTP 400
VLDSDGSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFSQS VMHEALHNNY TQKSLSLSPG 450
K 451
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
EIVLTQSPDF QSVTPKEKVT ITCRAESVD TFGISFMNWF QOKPDQSPKL 50
LIHEASNQGS GVPSRFRSGS SGTDFTLTIN SLEAEDAATY YCQSKVEVPF 100
TFGGGTKVEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLT STLTLTKADY EKHKVIACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGEC 218
```

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 148-204 265-325 371-429  
22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"

Intra-L (C23-C104) 23'-92' 138'-198'  
23'''-92''' 138'''-198'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 224-218' 224"-218"

Inter-H-H (h 11, h 14) 230-230" 233-233"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

301, 301"

Afucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / Glycanes de type CHO bi-antennaires

complexes afucosylés / Glicanos de tipo CHO biantennarios complejos no fucosilados

**ingenoli disoxas**

ingenol disoxate

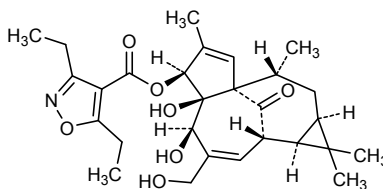
(1aR,2S,3Z,5R,5aS,6S,8aS,9R,10aR)-5,5a-dihydroxy-4-(hydroxymethyl)-1,1,7,9-tetramethyl-11-oxo-1a,2,5,5a,6,9,10,10a-octahydro-1H-2,8a-methanocyclopenta[a]cyclopropa[e][10]annulen-6-yl 3,5-diethylisoxazole-4-carboxylate  
*antineoplastic*

disoxate d'ingénol 3,5-diéthylisoxazole-4-carboxylate de  
(1aR,2S,3Z,5R,5aS,6S,8aS,9R,10aR)-5,5a-dihydroxy-  
4-(hydroxyméthyl)-1,1,7,9-tétraméthyl-11-oxo-  
1a,2,5,5a,6,9,10,10a-octahydro-1H-2,8a-  
méthanocyclopenta[a]cyclpropa[e][10]annulén-6-yle  
*antinéoplasique*

disoxato de ingenol 3,5-dietillisoxazol-4-carboxilato de  
(1aR,2S,3Z,5R,5aS,6S,8aS,9R,10aR)-5,5a-dihidroxi-  
4-(hidroximetil)-1,1,7,9-tetrametil-11-oxo-  
1a,2,5,5a,6,9,10,10a-octahidro-1H-2,8a-  
metanociclopenta[a]ciclpropa[e][10]anulen-6-ilo  
*antineoplásico*

C<sub>28</sub>H<sub>37</sub>NO<sub>7</sub>

1383547-60-1



**iodinum (<sup>131</sup>I) derlotuximabum biotinum #**  
iodine (<sup>131</sup>I) derlotuximab biotin

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* DNA/histone 1 (H1) complex], chimeric monoclonal antibody radiolabeled with iodine-131 and biotinylated; gamma1 heavy chain (1-450) [*Mus musculus* VH (IGHV2-6-5\*01 -(IGHD)-IGHJ4\*01 [8.7.14] (1-120) - *Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 V121>A (218) (121-218), hinge (219-233), CH2 (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-450)) (121-450)), (223-215')-disulfide with kappa light chain (1'-215') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV4-57-1\*01 - IGKJ1\*01) [7.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (109'-215'))]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide; (<sup>131</sup>I) iodinated with iodine-131 covalently linked to tyrosines, and biotinylated  
*immunomodulator, antineoplastic*

iodine (<sup>131</sup>I) derlotuximab biotine

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* complexe ADN/histone 1 (H1)], anticorps monoclonal chimérique biotinylé et marqué à l'iode 131; chaîne lourde gamma1 (1-450) [*Mus musculus* VH (IGHV2-6-5\*01 -(IGHD)-IGHJ4\*01 [8.7.14] (1-120) - *Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 V121>A (218) (121-218), charnière (219-233), CH2 (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-450)) (121-450)), (223-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-215') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV4-57-1\*01 -IGKJ1\*01) [7.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (109'-215'))]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure; marqué à l'iode 131 (<sup>131</sup>I) lié de manière covalente à des tyrosines, et biotinylé  
*immunomodulateur, antinéoplasique*

iodo (<sup>131</sup>I) derlotuximab biotina

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* complejo ADN/histona 1 (H1)], anticuerpo monoclonal quimérico biotinilado y marcado con iodo 131; cadena pesada gamma1 (1-450) [*Mus musculus* VH (IGHV2-6-5\*01 -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.7.14] (1-120) - *Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 V121>A (218) (121-218), bisagra(219-233), CH2 (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-215') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV4-57-1\*01 -IGKJ1\*01) [7.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (109'-215')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro; marcado con iodo 131 (<sup>131</sup>I) unido covalentemente a tirosinas, y biotinilado  
*inmunomodulador, antineoplásico*

340013-96-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLKESGPG LVAPSQSLSI TCTVSGFSLT DYGVRVIRQP PGKGLEWLVG 50  
IWGGGSTYYN SALKSRLSIS KDNKSQVFL KMNSLQDDT AMYCAKEKR 100  
RGYYAMDIYW GQGTSVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSTSG GTAALGCLVK 150  
DYFPEPVTVS WNSGALTSV HTPFAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200  
YICNVNHKPS NTKVDKKAEP KSCDKHTPC PCPAPPELLGG PSVFLFPPK 250  
KDTLMISRTP EVTCVVDVDS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300  
STYRVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTI KAKGQPREPQ 350  
VYTLPPSRDE LTKNQVSLTLC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTPPV 400  
LDSGDSFLY SKLTVDKSRW QQGNVFCV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

ENVLTQSPAI MSASPGEKVT MTCRASSVSS SSSLHWYQK SGASPKLWIY 50  
STSNLASGVP ARFSGSGSGT SYSLTISSVE AEDAATYYCQ QYSGYPLTFG 100  
GGTKLEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNFF YPREAKVQWK 150  
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYLSSTL TSKADYERH KVIACEVTHQ 200  
GLSSPVTKSF NRGEK 215

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

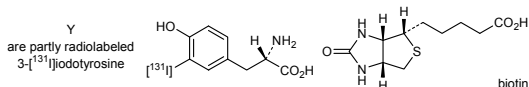
Intra-H (C23-C104) 22-95 147-203 264-324 370-428  
Intra-L (C23-C104) 22-95 147-203 264-324 370-428  
Intra-L (C23-C104) 23-89 135-195  
Inter-H-L (h 5-CL 126) 23-89 135-195  
Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-215 223-215  
Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229 232-232

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:  
300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary NS0-type glycans / glycanes de type NS0 bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo NS0 biantenarío complejos fucosilados

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados



isunakinrum #  
isunakinra

human interleukin-1 beta-(1-8)-peptide fusion protein with human interleukin-1 receptor antagonist protein-(14-45)-peptide fusion protein with human interleukin-1 beta-(42-120)-peptide fusion protein with human interleukin-1 receptor antagonist protein-(120-147)-peptide fusion protein with human interleukin-1 beta-(148-153)-peptide non-glycosylated  
*interleukin 1 receptor antagonist*

isunakinra	interleukine-1 bêta humaine-(1-8)-peptide protéine de fusion avec l'antagoniste protéique du récepteur de l'interleukine-1 humain-(14-45)-peptide protéine de fusion avec l'interleukine-1 bêta humaine-(42-120)-peptide protéine de fusion avec l'antagoniste protéique du récepteur de l'interleukine-1 humain-(120-147)-peptide protéine de fusion avec l'interleukine-1 bêta humaine-(148-153)-peptide non-glycosylé <i>antagoniste des récepteurs de l'interleukine 1</i>
isunakinra	interleukina-1 beta humana-(1-8)-péptido proteína de fusión con el antagonista proteico del receptor de la interleukina-1 humana-(14-45)-péptido proteína de fusión con la interleukina-1 beta humana-(42-120)-péptido proteína de fusión con el antagonista proteico del receptor de la interleukina-1 humana-(120-147)-péptido proteína de fusión con la interleukina-1 beta humana-(148-153)-péptido no-glicosilado <i>antagonista de los receptores de la interleukina 1</i>
	1357527-05-9
	<pre> AFVRSLSNCR I WDVNQKTFYL RNNQLVAGYL QCPNVNLEEK FSMSFVQGE 50 SNDKIPVALG LKEKNLYLSC VLKDDKPTLQ LESVDPKNYP KKKMEKRFVF 100 NKIBINNKLE FESAQFPNWF LCTAMEADQP VSLTNMPDEG VMVTKFYMQF 150 VSS 153 </pre>

**labetuzumabum govitecanum #**  
labetuzumab govitecan

immunoglobulin G1-kappa, anti- [*Homo sapiens* CEACAM5 (carcinoembryonic antigen-related cell adhesion molecule 5, CEA, CD66e)], monoclonal antibody conjugated to 7-ethyl-10-hydroxycamptothecin (SN-38), active metabolite of irinotecan;  
gamma1 heavy chain (1-449) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV3-48\*01 (75.30%) -(IGHD)-IGHJ5\*01) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 (120-217), hinge (218-232), CH2 (233-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-213')-disulfide with kappa light chain (1'-213') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39\*01 (85.70%) -IGKJ1\*01) [6.3.8] (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (107'-213'))]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide; conjugated, on an average of 6 cysteinyl, to 7-ethyl-10-hydroxycamptothecin (SN-38), active metabolite of irinotecan (CPT-11, camptothecin-11), via a maleimide-type cleavable linker (carbonate group, 4-aminobenzyl alcohol and cathepsine-B-cleavable dipeptide Phe-Lys) and containing a triazoline group and a spacer PEG (n=8)  
*immunomodulator, antineoplastic*

labétuzumab govitécan	<p>immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> CEACAM5 (molécule d'adhésion cellulaire 5 apparentée à l'antigène carcinoembryonnaire, CEA, CD66e)], anticorps monoclonal conjugué à la 7-éthyl-10-hydroxycamptothécine (SN-38), métabolite actif de l'irinotécan;</p> <p>chaîne lourde gamma1 (1-449) [humanized VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-48*01 (75.30%) -(IGHD)-IGHJ5*01) [8.8.12] (1-119) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 (120-217), charnière (218-232), CH2 (233-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-213')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-213') [V-KAPPA humanisé (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-39*01 (85.70%) -IGKJ1*01) [6.3.8] (1'-106') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 (107'-213')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure; conjugué, sur 6 cystéinyl en moyenne, à la 7-éthyl-10-hydroxycamptothécine (SN-38), métabolite actif de l'irinotécan (CPT-11, camptothécine-11), via un linker de type maléimide, clivable (liaison carbonate, 4-aminobenzyl alcool et dipeptide Phe-Lys clivable par la cathepsine B) et comprenant un groupe triazoline et un espaceur PEG (n=8)</p> <p><i>immunomodulateur, antinéoplasique</i></p>
labetuzumab govitecán	<p>inmunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> CEACAM5 (molécula de adhesión celular 5 relacionada con el antígeno carcinoembrionario, CEA, CD66e)], anticuerpo monoclonal conjugado con la 7-etil-10-hidroxicamptotecina (SN-38), metabolito activo del irinotecán;</p> <p>cadena pesada gamma1 (1-449) [humanizado VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-48*01 (75.30%) -(IGHD)-IGHJ5*01) [8.8.12] (1-119) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 (120-217), bisagra (218-232), CH2 (233-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-213') [V-KAPPA humanizado (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-39*01 (85.70%) -IGKJ1*01) [6.3.8] (1'-106') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 (107'-213')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro; conjugado, en una media de 6 restos cisteinil, con la 7-etil-10-hidroxicamptotecina (SN-38), metabolito activo del irinotecán (CPT-11, camptotecina-11), mediante un espaciador de tipo maleimida, escindible (enlace carbonato, 4-aminobencil alcohol y dipéptido Phe-Lys escindible por catepsina B) y que comprende un grupo triazolina y un espaciador PEG (n=8)</p> <p><i>inmunomodulador, antineoplásico</i></p>

## 1469876-18-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada  
 EVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCSASGFDFT TYWMSWVRQA PGKGLEWIGE 50  
 IHPDSSITNY APSLKDRTFI SRDNRKNTLF LQMDSLRPED TGVYFCASLY 100  
 FGFFWFAYWG QGTPVTVSSA STKGPSVFEL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150  
 YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPVAVLQSSG LYSLSVSVTV PSSSLGTQTY 200  
 ICNVNHHKPSN TKVDKRVPEK SCDKTHTCPP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK 250  
 DTLMISSRTE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300  
 TYRVVSVLTV LHQDNLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350  
 YTLPPSREEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400  
 DSDGSEFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVVFSCVM HEALHNHYTQ KLSLSLSPGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera  
 DIQLTQSPSS LSASVGRVIT ITCKASQDVG TSVAVYQQPK GKAPKLLIYW 50  
 TSTRHKGVPF RFSGSGSGTD FFFTISSLQP EDIATYICQQ YSLYRSFGQG 100  
 TKVEIKRIVA AFSVFIFFPS DEQLKSGTAS VVCLLNFPY REAKVQWQVD 150  
 NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYSLSSTLTL SKADYEKHKV YACEVTHQGL 200  
 SSPVTKSFNR GEC 213

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22°-96' 146°-202' 263°-323' 369°-427'  
 22°-96' 146°-202' 263°-323' 369°-427'

Intra-L (C23-C104) 23°-88' 133°-193'  
 23°-88' 133°-193'

Inter-H-L (h 5-CL 126) \* 222-213' 222°-213°

Inter-H-H (h 11, h 14) \* 228-228' 231-231'

\*Three of the inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 6 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

\*Trois des ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 6 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

\*Faltan tres puentes disulfuro inter-catenarios, una media de 6 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

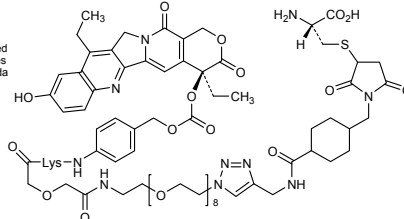
H CH2 N84.4:

299, 299°

Fucosylated complex bi-antennary Sp2/0-type glycans / glycanes de type Sp2/0 bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo Sp2/0 biantenarios complejos fucosilados

Potential modified residues / Résidus modifiés potentiels / Restos modificados potenciales

213°-213°-222°-222°-  
 228°-228°-231°-231°  
 \* an average of 6 are substituted  
 \* en moyenne, 6 sont substitués  
 \* una media de 6 está sustituida



**landogrozumabum #**  
 landogrozumab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MSTN (myostatin, growth differentiation factor 8, GDF8, GDF-8)], humanized monoclonal antibody;  
 gamma4 heavy chain (1-439) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV3-23\*04 (89.80%) -(IGHD)-IGHJ4\*01 [8.8.6] (1-113)) , IGHG4\*01 (CH1 (114-211), hinge S10>P (221) (212-223), CH2 (224-333), CH3 (334-438), CHS K2>del (439)) (114-439)], (127-215')-disulfide with kappa light chain (1'-215') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20\*01 (89.10%) -IGKJ4\*01 [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC\*01 (109'-215'))]; dimer (219-219°:222-222°)-bisdisulfide  
 immunomodulator

landogrozumab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MSTN (myostatine, facteur de croissance et de différenciation 8, GDF8, GDF-8)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma4 (1-441) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-23\*04 (89.80%) -(IGHD)-IGHJ4\*01 [8.8.6] (1-113)), IGHG4\*01 (CH1 (114-211), charnière S10>P (212-223), CH2 (224-333), CH3 (334-438), CHS K2>del (439)) (114-439)], (127-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-215') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV3-20\*01 (89.10%) -IGKJ4\*01) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC\*01 (109'-215')]; dimère (219-219":222-222")-bisdisulfure  
*immunomodulateur*

landogrozumab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MSTN (miostatina, factor de crecimiento y de diferenciación 8, GDF8, GDF-8)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma4 (1-441) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV3-23\*04 (89.80%) -(IGHD)-IGHJ4\*01 [8.8.6] (1-113)), IGHG4\*01 (CH1 (114-211), bisagra S10>P (212-223), CH2 (224-333), CH3 (334-438), CHS K2>del (439)) (114-439)], (127-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-215') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV3-20\*01 (89.10%) -IGKJ4\*01) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC\*01 (109'-215')]; dímero (219-219":222-222")-bisdisulfuro  
*inmunomodulador*

1391726-30-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGLTFS RYPMSSWRQA PGKGLVWVSA 50
ITSSGGSTYY SDTVKGRFTI SRDNAKNTLY LQMNLSRAED TAVYYCARLP 100
DYWGQGLTIVT VSSASTKGPS VFPLAPCSR S TSESTALGC LVKDYFPEPV 150
TVSWNSGALT SGVHTFPVAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG TKTYTCNVDH 200
KPSNTKVDKR VESKYGPSCP PCPAPEPLGG PSVFLFPPKP KDTLIMISRTP 250
EVTCTVVVDVS QEDPEVQFNW YVDGVEVHNA KTKPREBEQFN STYRVVSVLT 300
VLHQDWLNGK EYKCKVSNKG LPSSIEKTI S KAKGQPREPQ VYTLPPSQEE 350
MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTPPPV LDSDGSPFLY 400
SRLTVDKSRW QEGNVFVCSV MHEALHNHYT QKLSLSLGLG 439
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRASSSV S SYLHWYQQK PGQAPRLLIY 50
STSNLVAGIPI DRFSGGSGGT DFTLTIISRL PEDFAVYVYCO HHSYGFHTFG 100
GGTKVEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNMF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYSLSSLT TLSKADYEKH KVIACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGEC 215
```

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104)	22-96	140-196	254-314	360-418
	22"-96"	140"-196"	254"-314"	360"-418"

Intra-L (C23-C104)	23'-89'	135'-195'
	23"-89"	135"-195"

Inter-H-L (CH1 10-CL 126)	127-215'	127"-215"
---------------------------	----------	-----------

Inter-H-H (h 8, h 11)	219-219"	222-222"
-----------------------	----------	----------

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

290, 290"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

lefitolimodum

lefitolimod

DNA based immunomodulator agent:

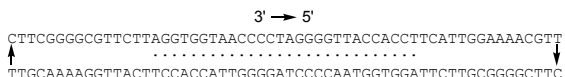
cyclo-(3'→5')[2'-deoxy-(A-A-A-A-C-G-T-T-C-T-T-C-G-G-G-G-C-G-T-T-C-T-T-A-G-G-T-G-G-T-A-A-C-C-C-C-T-A-G-G-G-G-T-T-A-C-C-A-C-C-T-T-C-A-T-T-G-G-A-A-A-A-C-G-T-T-C-T-T-C-G-G-G-G-C-G-T-T-C-T-T-A-G-G-T-G-G-T-A-A-C-C-C-C-T-A-G-G-G-G-T-T-A-C-C-A-C-C-T-T-C-A-T-T-G-G)]

*immunomodulator, antineoplastic*

léfitolimod immunomodulateur de type ADN:  
 cyclo-(3'→5')[2'-déoxy-(A-A-A-A-C-G-T-T-C-T-T-C-G-G-G-G-C-G-T-T-C-T-T-A-G-G-T-G-G-T-A-A-C-C-C-T-A-G-G-G-T-T-A-C-C-A-C-C-T-T-C-A-T-T-G-G-A-A-A-A-C-G-T-T-C-T-T-C-G-G-G-G-C-G-T-T-C-T-T-A-G-G-T-G-G-T-A-A-C-C-C-T-A-G-G-G-T-T-A-C-C-A-C-C-T-T-C-A-T-T-G-G)]  
*immunomodulateur, antinéoplasique*

lefitolimod inmunomodulador de tipo ADN:  
 ciclo-(3'→5')[2'-desoxi-(A-A-A-A-C-G-T-T-C-T-T-C-G-G-G-G-C-G-T-T-C-T-T-A-G-G-T-G-G-T-A-A-C-C-C-T-A-G-G-G-T-T-A-C-C-A-C-C-T-T-C-A-T-T-G-G-A-A-A-A-C-G-T-T-C-T-T-C-G-G-G-G-C-G-T-T-C-T-T-A-G-G-T-G-G-T-A-A-C-C-C-T-A-G-G-G-T-T-A-C-C-A-C-C-T-T-C-A-T-T-G-G)]  
*inmunomodulador, antineoplásico*

1548439-51-5



**marzeptacogum alfa (activatum) #**  
 marzeptacog alfa (activated) recombinant DNA derived human blood coagulation factor VIIa analogue:  
 [128-L-asparagine(T>N),129-L-alanine(P>A),286-L-arginine(Q>R),298-L-glutamine(M>Q)]activated human coagulation factor VII (proconvertine, SPCA), produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa  
*blood coagulation factor*

marzeptacog alfa (activé) analogue du facteur VIIa de coagulation sanguine humain produit à partir d'ADN recombinant:  
 [128-L-asparagine(T>N),129-L-alanine(P>A),286-L-arginine(Q>R),298-L-glutamine(M>Q)]facteur VII de coagulation humain activé (proconvertine, SPCA), produite par des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), forme glycosylée alfa  
*facteur de coagulation sanguine*

marzeptacog alfa (activado) análogo del factor VIIa de coagulación sanguínea humano producido a partir de ADN recombinante:  
 [128-L-asparagina(T>N),129-L-alanina(P>A),286-L-arginina(Q>R),298-L-glutamina(M>Q)]factor VII de coagulación humano activado (proconvertina, SPCA), producida por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa  
*factor de coagulación sanguínea*

160049-21-4

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

ANAFLEELRP GSLERECKEE QCSFEAREI FKDAERTKLF WISYSDGDQC 50  
 ASSPCQNGGS CKDQLQSYIC FCLPAFEGRN CETHKDDQLI CVNENGGCEQ 100  
 YCSDHTGTRK SCRCHGYSL LADGVSCNAT VEYPCGKIPI LEKRNASKPQ 150  
 GR 152

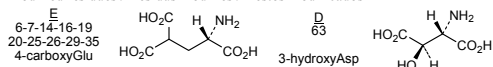
## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

IVGGKVCV KGECPWQVLL LVNGAQLCGG TLINTIUVVS AAHCFDKIKN 200  
 WRNLIIVLGE HDLSEHDGDE QSRRAQVVI PSTYVPGTTN HDIALLRLHQ 250  
 PVVLTDHVVP LCLPERTFSE RTLAFVRFSL VSGWGRLLDR GATALELQVL 300  
 NVPRLMTQDC LQQSRKVGDS PNITEYMFCA GYSDGSKDSC KGDSGGPHAT 350  
 HYRGTYWLTG IVSWGQGCAT VGHFVYTRV SQYIEWLQKL MRSEPRPGVL 400  
 LRAPFF 406

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

17-22 50-61 55-70 72-81 91-102 98-112  
 114-127 135-262 159-164 178-194 310-329 340-368

## Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados



## Glycosylation sites (S or N) / Sites de glycosylation (S ou N) / Posiciones de glicosilación

(S o N)  
 Ser-52 Ser-60 Asn-128 Asn-145 Asn-322

**mecapegfilgrastimum #**  
 mecapegfilgrastim

[1-[N-(3-[[[3RS)-1-{3-[(2-[[ω-methoxypoly(oxyethane-1,2-diy)]formamido)ethyl]amino]-3-oxopropyl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl]sulfonyl)propyl)-L-methionine]]human granulocyte colony-stimulating factor (pluripoietin) isoform Short  
*granulocyte colony stimulating factor*

## mécapegfilgrastim

[1-[N-(3-[[[3RS)-1-{3-[(2-[[ω-méthoxypoly(oxyéthane-1,2-diy)]formamido)éthyl]amino]-3-oxopropyl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl]sulfonyl)propyl)-L-méthionine]]isoforme court (*Short*) du facteur de stimulation des colonies de granulocytes humain (pluripoiétine)  
*facteur de stimulation des colonies de granulocytes*

## mecapegfilgrastim

[1-[N-(3-[[[3RS)-1-{3-[(2-[[ω-metoxipoli(oxietano-1,2-dii)]formamido)etil]amino]-3-oxopropil]-2,5-dioxopirrolidin-3-il]sulfañil]propil)-L-metionina]]isoforma corta (*Short*) del factor humano de estimulación de colonias de granulocitos (pluripoyetina)  
*factor estimulante de las colonias de granulocitos*

1570067-55-8

## Sequence / Séquence / Secuencia

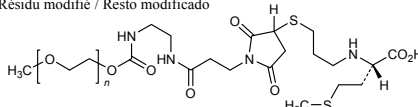
MTPLGPASSL PQSFLLKCLE QVRKIQGDGA ALQEKLCATY KLCHPEELVL 50  
 LGHSLGIPWA PLSSCPSQAL QLACLSQLH SGLFLYQGLL QALEGISPEL 100  
 GPTLDTLQLD VADFATTIWQ QMEELGMAPA LQPTQGAMPA FASAFQRRAG 150  
 GVLVASHLQS FLEVSYRVLR HLAQP 175

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

37-43 65-75

## Modified residue / Résidu modifié / Resto modificado

M  
 T  
 PEG-Met



**merestinibum**

merestinib

*N*-(3-fluoro-4-[[1-methyl-6-(1*H*-pyrazol-4-yl)-1*H*-indazol-5-yl]oxy]phenyl)-1-(4-fluorophenyl)-6-methyl-2-oxo-1,2-dihydropyridine-3-carboxamide  
*tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic*

mérestinib

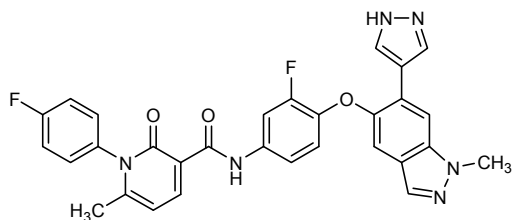
*N*-(3-fluoro-4-[[1-méthyl-6-(1*H*-pyrazol-4-yl)-1*H*-indazol-5-yl]oxy]phényl)-1-(4-fluorophényl)-6-méthyl-2-oxo-1,2-dihydropyridine-3-carboxamide  
*inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique*

merestinib

*N*-(3-fluoro-4-[[1-metil-6-(1*H*-pirazol-4-il)-1*H*-indazol-5-il]oxi]fenil)-1-(4-fluorofenil)-6-metil-2-oxo-1,2-dihidropiridina-3-carboxamida  
*inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico*

C<sub>30</sub>H<sub>22</sub>F<sub>2</sub>N<sub>6</sub>O<sub>3</sub>

1206799-15-6

**mirvetuximabum soravtansinum #**

mirvetuximab soravtansine

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FOLR1 (folate receptor 1, folate receptor alpha, FR-alpha, adult folate-binding protein, FBP, ovarian tumor-associated antigen M Ov18)], chimeric monoclonal antibody conjugated to maytansinoid DM4;  
 gamma1 heavy chain (1-447) [*Mus musculus* VH (IGHV1-37\*01)-(IGHD)-IGHJ4\*01] [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 (119-216), hinge (217-231), CH2 (232-341), CH3 (342-446), CHS K2>del (447)) (119-447)], (221-218')-disulfide with kappa light chain (1'-218') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV3-9\*01)-IGKJ2\*01] [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (112'-218')]; dimer (227-227'':230-230'')-bisdisulfide; conjugated, on an average of 3 or 4 lysyl, to maytansinoid DM4 [*N*2'-deacetyl-*N*2'-(4-mercapto-4-methyl-1-oxopentyl)-maytansine] via the reducible sulfo-SPDB linker [*N*-succinimidyl 4-(2-pyridylidithio)-2-sulfobutanoate]  
*immunomodulator, antineoplastic*

mirvétuximab soravtansine	<p>immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> FOLR1 (récepteur 1 du folate, récepteur alpha du folate, FR-alpha, protéine de l'adulte liant le folate, FBP, antigène MOv18 associé à des tumeurs ovariennes)], anticorps monoclonal chimérique conjugué au maytansinoïde DM4;</p> <p>chaîne lourde gamma1 (1-447) [<i>Mus musculus</i> VH (IGHV1-37*01 -(IGHD)-IGHJ4*01) [8.8.11] (1-118) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 (119-216), charnière (217-231), CH2 (232-341), CH3 (342-446), CHS K2&gt;del (447)) (119-447)], (221-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-218') [<i>Mus musculus</i> V-KAPPA (IGKV3-9*01 -IGKJ2*01) [10.3.9] (1'-111') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 (112'-218')]]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure; conjugué, sur 3 ou 4 lysyl en moyenne, au maytansinoïde DM4 [N2'-déacétyl-N2'-(4-mercapto-4-méthyl-1-oxopentyl)-maytansine] via le linker sulfo-SPDB réductible [4-(2-pyridyldithio)-2-sulfobutanoate de N-succinimidyle]</p> <p><i>immunomodulateur, antinéoplasique</i></p>
mirvetuximab soravtansina	<p>inmunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> FOLR1 (receptor 1 de folato, receptor alfa de folato, FR-alfa, proteina del adulto que liga el folato, FBP, antígeno MOv18 asociado a tumores ováricos)], anticuerpo monoclonal quimérico conjugado con el maitansinoide DM4;</p> <p>cadena pesada gamma1 (1-447) [<i>Mus musculus</i> VH (IGHV1-37*01 -(IGHD)-IGHJ4*01) [8.8.11] (1-118) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 (119-216), cbisagra (217-231), CH2 (232-341), CH3 (342-446), CHS K2&gt;del (447)) (119-447)], (221-218')-disulfuro com la cadena ligera-<i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 (112'-218')]]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro; conjugado en 3-4 grupos lisil por término medio con el maitansinoide DM4 [N2'-desacetil-N2'-(4-mercapto-4-metil-1-oxopentil)-maitansina] mediante el espaciador sulfo-SPDB reducible [4-(2-piridilditio)butanoato de N-succinimidilo]</p> <p><i>inmunomodulador, antineoplásico</i></p>

1453084-37-1

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

VVKGASVKI SCASGYTFT GYFMNWKQS PGQSLEWIGR 50  
 IHPYDDETFY NQKFQKATL TVDKSNTAH MELLSLTSED FAVYYCTRYD 100  
 GSRAMDYWGQ GTTIVTVSSAS TKGPSVFLPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150  
 FPEPVTVSWN SGALTSQVHT FFAVLQSSGL YSLSSVTVTF SSSLGTQTYI 200  
 CNVNHKPSMT KVDKKEVPSK CDKTHCTPPC PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250  
 TLMISRTPFV TCVVVDVSHS DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST 300  
 YRVVSVLTVL HQDMLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTLSKA KGQPREPQVY 350  
 TLPFSRDEL TKNQVSLTCLV KGFYPSDIAV ENESNGQPEN NYKTTTPVLD 400  
 SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALNHYTQK SLSLSPG 447

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

LAVSLGQPAI ISCKASQSVS FAGTSLMHWY HQKPGQQPRL 50  
 LIYRASNLEA GVPDRFSGSG SKTDFLTITIS PVEAEDAATY YCQQSREYPY 100  
 TFGGGTKLEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFYPREAKV 150  
 QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLS STLTLSKADY EKHKVIYACEV 200  
 THQGLSSPVT KSFNRGEC 218

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426  
 22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"  
 Intra-L (C23-C104) 23"-92" 138"-198"  
 23"-92" 138"-198"  
 Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-218" 221"-218"  
 Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

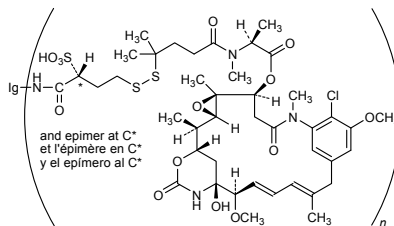
## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

298, 298"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires  
 complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

soravtansine / soravtansine / soravtansina

Ig(NH<sub>2</sub>)<sub>n</sub> = Immunoglobulin

## monalizumabum #

monalizumab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* KLRC1 (killer cell lectin-like receptor subfamily C member 1, NKG2-A, NKG2A, CD159a, CD94)], humanized monoclonal antibody;

gamma4 heavy chain (1-452) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV1-18\*01 (89.80%) -(IGHD)-IGHJ2\*01 R120>Q (117), L123>T (130)) [8.8.18] (1-125)], IGHG4\*01 (CH1 (126-223), hinge S10>P (233) (224-235), CH2 (236-345), CH3 (346-450), CHS (451-452)) (126-452)], (139-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39\*01 (87.40%) -IGKJ4\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (108'-214')]; dimer (231-231":234-234")-bisdisulfide immunomodulator, antineoplastic

monalizumab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* KLRC1 (membre 1 de la sous-famille C des récepteurs de type lectine des cellules NK, NKG2-A, NKG2A, CD159a, CD94)], anticorps monoclonal humanisé;

monalizumab

chaîne lourde gamma4 (1-452) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-18\*01 (89.80%) -(IGHD)-IGHJ2\*01 R120>Q (117), L123>T (130)) [8.8.18] (1-125)), IGHG4\*01 (CH1 (126-223), charnière S10>P (233) (224-235), CH2 (236-345), CH3 (346-450), CHS (451-452)) (126-452)], (139-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-39\*01 (87.40%) -IGKJ4\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (108'-214')]; dimère (231-231":234-234")-bisdisulfure  
*immunomodulateur, antinéoplasique*

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* KLRC1 (miembro 1 de la subfamilia C de receptores de tipo lectina de las células NK, NKG2-A, NKG2A, CD159a, CD94)], anticuerpo monoclonal humanizado;  
cadena pesada gamma4 (1-452) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-18\*01 (89.80%) -(IGHD)-IGHJ2\*01 R120>Q (117), L123>T (130)) [8.8.18] (1-125)), IGHG4\*01 (CH1 (126-223), bisagra S10>P (233) (224-235), CH2 (236-345), CH3 (346-450), CHS (451-452)) (126-452)], (139-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-39\*01 (87.40%) -IGKJ4\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (108'-214')]; dímero (231-231":234-234")-bisdisulfuro  
*immunomodulador, antineoplásico*

1228763-95-8

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT SYWMNWVRQA PGQGLEWMGR 50  
IDPYDSETHY AQLKQGRVTM TTDSTSTAY MELRSLRSDD TAVYYCARGG 100  
YDFDVGTLYW FFDVWGQGT VTVSSASTKG PSVFLAPCS RSTSESTAAL 150  
GCLVKDYFPE PVTVSWNSGA LTVSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVPSSS 200  
LGTKITYTCNV DHKPSNTRVD KRVESKYGPP CPDPAPEFL GGPSVFLFPP 250  
KPKDITLMSR TPEVTCVVVD VSQEDPEVQF NNYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300  
FNSTYRVVSV LTVLHQDMLN GKEYCKVSN KGLPSSIEKT ISKAKGQPRE 350  
PQVYTLPPSQ EEMTKNQVSL TCVLKGFPYS DIAVEWESNG QPENNYKTFP 400  
PVLDSGGSFF LYSRLTVDKS RWQEGNVFSC SVMHEALHNH YTKSLSLSL 450  
GK 452

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS LSASVGGDRV ITCRASENIY SYLAWYQQKPK GKAPKLLIYN 50  
AKTLAEGLVPS RFSOSGSGTD FLTIISLQPE EDFATYYCOH HYGTPRFIFGG 100  
GPKVEIKRTV AAPSVEIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWVK 150  
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200  
LSSPVTKSFN RGEK 214

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 152-208 266-326 372-430  
22"-96" 152"-208" 266"-326" 372"-430"  
Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134"-194"  
23"-88" 134"-194"  
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 139-214' 139"-214"  
Inter-H-H (h 8, h 11) 231-231" 234-234"

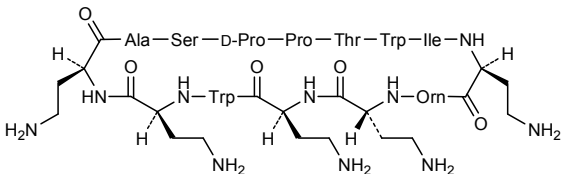
## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:  
302, 302"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes  
fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

murepavadinum  
murepavadin

cyclo[L-alanyl-L-seryl-D-prolyl-L-prolyl-L-threonyl-L-tryptophyl-L-isoleucyl-(2S)-2,4-diaminobutanoyl-L-ornithyl-(2R)-2,4-diaminobutanoyl-(2S)-2,4-diaminobutanoyl-L-tryptophyl-(2S)-2,4-diaminobutanoyl-(2S)-2,4-diaminobutanoyl]  
*antibiotic*

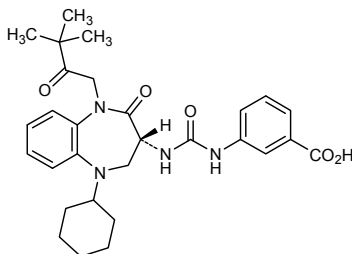
murépavadine	<p>cyclo[L-alanyl-L-séryl-D-prolyl-L-prolyl-L-thréonyl-L-tryptophyl-L-isoleucyl-(2S)-2,4-diaminobutanoyl-L-ornithyl-(2R)-2,4-diaminobutanoyl-(2S)-2,4-diaminobutanoyl-L-tryptophyl-(2S)-2,4-diaminobutanoyl-(2S)-2,4-diaminobutanoyl] <i>antibiotique</i></p>
murepavadina	<p>ciclo[L-alanil-L-seril-D-prolil-L-prolil-L-treonil-L-triptofil-L-isoleucil-(2S)-2,4-diaminobutanoil-L-ornitil-(2R)-2,4-diaminobutanoil-(2S)-2,4-diaminobutanoil-L-triptofil-(2S)-2,4-diaminobutanoil-(2S)-2,4-diaminobutanoil] <i>antibiótico</i></p>
	<p><math>C_{73}H_{112}N_{22}O_{16}</math> 944252-63-5</p>
	
<b>nadorameranum #</b> nadorameran	<p>an mRNA molecule encoding the rabies virus glycoprotein RAV-G containing elements for expression within eukaryotic cells; manufactured by enzymatic <i>in vitro</i> transcription from linearized plasmid DNA <i>immunological agent for active immunization (antirabies)</i></p>
nadoraméran	<p>ARN messenger codant la glycoprotéine G du virus de la rage contenant les éléments pour son expression dans des cellules eucaryotes; obtenu par transcription enzymatique <i>in vitro</i> à partir d'ADN de plasmide linéarisé <i>agent immunologique d'immunisation active (contre la rage)</i></p>
nadoramerán	<p>ARN mensajero que codifica la glicoproteína G del virus de la rabia y contiene los elementos para su expresión en células eucariotas; obtenido por transcripción enzimática <i>in vitro</i> a partir de ADN de plásmido transformado en lineal <i>agente inmunológico para inmunización activa (antirrábico)</i></p>
	1613055-09-6
<b>nastorazepidum</b> nastorazepide	<p>3-(((3R)-5-cyclohexyl-1-(3,3-dimethyl-2-oxobutyl)-2-oxo-2,3,4,5-tetrahydro-1H-1,5-benzodiazepin-3-yl]carbamoyl)amino)benzoic acid <i>cholecystokinin receptor antagonist</i></p>
nastorazépide	<p>acide 3-(((3R)-5-cyclohexyl-1-(3,3-diméthyl-2-oxobutyl)-2-oxo-2,3,4,5-tétrahydro-1H-1,5-benzodiazépin-3-yl]carbamoyl)amino)benzoïque <i>antagoniste des récepteurs des cholécystokinines</i></p>

nastorazepida

ácido 3-(((3*R*)-5-ciclohexil-1-(3,3-dimetil-2-oxobutil)-2-oxo-2,3,4,5-tetrahidro-1*H*-1,5-benzodiazepin-3-il)carbamoil)amino)benzoico  
*antagonista de los receptores de las colecistoquinas*

C<sub>29</sub>H<sub>36</sub>N<sub>4</sub>O<sub>5</sub>

209219-38-5

**natrii cinhyaluronas**

cinhyaluronate sodium

sodium salt of hyaluronic acid partly amidified with 3-(((2*E*)-3-phenylprop-2-enoyl)oxy)propan-1-amine  
*ophthalmic lubricant*

cinhyaluronate de sodium

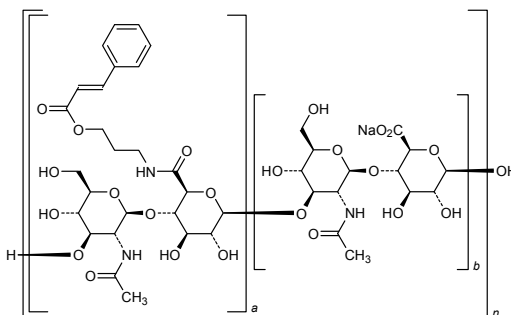
sel sodique de l'acide hyaluronique partiellement amidifié par la 3-(((2*E*)-3-phénylprop-2-énoyl)oxy)propan-1-amine  
*lubrifiant ophtalmique*

cinhialuronato de sodio

sal sódica del ácido hialurónico parcialmente amidificado por la 3-(((2*E*)-3-fenilprop-2-enoi]oxi)propan-1-amina  
*lubricante oftálmico*

[(C<sub>26</sub>H<sub>34</sub>N<sub>2</sub>O<sub>12</sub>)<sub>a</sub>(C<sub>14</sub>H<sub>20</sub>NNaO<sub>11</sub>)<sub>b</sub>]<sub>n</sub>H<sub>2</sub>O

1372784-20-7

**navivumabum #**

navivumab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[influenza A virus hemagglutinin HA], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-456) [*Homo sapiens* VH (IGHV1-18\*01 (78.60%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.8.19] (1-126) - IGHG1\*07, G1m17,1,2 (CH1 (127-224), hinge (225-239), CH2 (240-349), CH3 (350-454), CHS (455-456)) (127-456)], (229-215')-disulfide with kappa light chain (1'-215') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-20\*01 (82.30%) - IGKJ1\*01) [7.3.9] (1'-108') -IGKC\*01, Km3 (109'-215')]; dimer (235-235':238-238'')-bisdisulfide  
*immunomodulator, antiviral*

navivumab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[hémagglutinine HA du virus de la grippe A], *Homo sapiens* anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-456) [*Homo sapiens* VH (IGHV1-18\*01 (78.60%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.8.19] (1-126) -IGHG1\*07, G1m17,1,2 (CH1 (127-224), charnière (225-239), CH2 (240-349), CH3 (350-454), CHS (455-456)) (127-456)], (229-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-215') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-20\*01 (82.30%) -IGKJ1\*01) [7.3.9] (1'-108') -IGKC\*01, Km3 (109'-215')]; dimère (235-235":238-238")-bisdisulfure  
*immunomodulateur, antiviral*

navivumab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[hemaglutinina HA del virus de la gripe A], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada gamma1 (1-456) [*Homo sapiens* VH (IGHV1-18\*01 (78.60%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.8.19] (1-126) -IGHG1\*07, G1m17,1,2 (CH1 (127-224), bisagra (225-239), CH2 (240-349), CH3 (350-454), CHS (455-456)) (127-456)], (229-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-215') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-20\*01 (82.30%) -IGKJ1\*01) [7.3.9] (1'-108') -IGKC\*01, Km3 (109'-215')]; dímero (235-235":238-238")-bisdisulfuro  
*immunomodulador, antiviral*

1443004-16-7

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKTSGYFSS TYGVSWVRQA PGQGPENWGW 50  
ISAYTGITDY AQKFQGRVTL TTDATTATAF LDLRSLRPDD TATYFCARDK 100  
VQGRVEVGGSG GRHDYWGQGT LVIVSSASTK GPSVFPPLAPS SKSTSGGTAA 150  
LGCLVKDYFP EPVTVSWNSG ALTSVGHFTF AVLQSSGLYS LSSVVTVPSS 200  
SLGTQTYICN VNHKPSNTKV DKKVEPKSCD KHTTCCPPCPA PELLGGPSVF 250  
LFPKPKDYL MISRTPPEVTC VVVVDSHEDP EVKFNWYVDG VEVHNAKTKP 300  
REEQYNSTYR VVSVLTVLHQ DWLNGKBYKC KVSFNKALPAP IEKTKSKAKG 350  
QPREPQVYTL PPSRDELTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY 400  
KTPFPVLDSD GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCSVMHEG LHNHYTQKSL 450  
SLSPGK 456

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

EVVLTPSPGT LALPGERAT LSCRASHRVG STYIAWYQQK SGQAPRRLIY 50  
GASRNATDIE DRSGSGSGT DFTLTIIRLE PPSGAVYICQ QFSVSPWTFG 100  
QGTRVEIKRT VAAPSVFIFP PSEDLKSGT ASVVCLLNMF YPREAKVQWK 150  
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYLSSTL TSLKADYEKH KVYACEVTHQ 200  
GLSSPVTKSF NRGEK 215

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 153-209 270-330 376-434  
22"-96" 153"-209" 270"-330" 376"-434"  
Intra-L (C23-C104) 23"-89" 135"-195"  
23"-89" 135"-195"  
Inter-H-L (h 5-CL 126) 229-215" 229"-215"  
Inter-H-H (h 11, h 14) 235-235" 238-238"

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:  
306, 306"

## Other post-translational modifications / Autres modifications post-traduccionnelles /

Otras modificaciones post-traduccionales  
H CHS K2 C-terminal lysine clipping:  
456, 456"

netarsudilum

netarsudil

{4-[(2S)-3-amino-1-(isoquinolin-6-ylamino)-1-oxopropan-2-yl]phenyl}methyl 2,4-dimethylbenzoate  
*Rho-associated protein kinase inhibitor*

nétarsudil

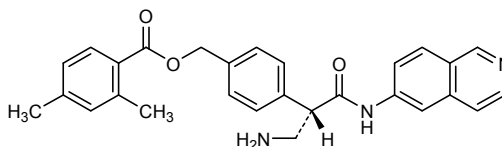
2,4-diméthylbenzoate de {4-[(2S)-3-amino-1-(isoquinoléin-6-ylamino)-1-oxopropan-2-yl]phényl}méthyle  
*inhibiteur de la protéine kinase associée à Rho*

netarsudil

2,4-dimetilbenzoato de {4-[(2S)-3-amino-1-(isoquinolein-6-ilamino)-1-oxopropan-2-il]fenil}metilo  
*inhibidor de la proteína kinasa asociada al Rho*

C<sub>28</sub>H<sub>27</sub>N<sub>3</sub>O<sub>3</sub>

1254032-66-0



**obiltoxaximabum #**  
 obiltoxaximab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Bacillus anthracis* anthrax toxin protective antigen (PA)], chimeric monoclonal antibody;  
 gamma1 heavy chain (1-449) [*Mus musculus* VH (IGHV1-82\*01 -(IGHD)-*Homo sapiens* IGHJ4\*01) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, Gm17,1 (CH1 (120-217), hinge (218-232), CH2 (233-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV10-96\*01 -*Homo sapiens* IGKJ1\*01 K127>R (107) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (108'-214'))]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide  
*immunomodulator*

obiltoxaximab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[antigène protecteur (AP) de la toxine de *Bacillus anthracis* de la maladie du charbon], anticorps monoclonal chimérique;  
 chaîne lourde gamma1 (1-449) [*Mus musculus* VH (IGHV1-82\*01 -(IGHD)-*Homo sapiens* IGHJ4\*01) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, Gm17,1 (CH1 (120-217), charnière (218-232), CH2 (233-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV10-96\*01 -*Homo sapiens* IGKJ1\*01 K127>R (107) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (108'-214'))]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure  
*immunomodulateur*

obiltoxaximab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[antígeno protector (AP) de la toxina de *Bacillus anthracis*, del carbunco], anticuerpo monoclonal quimérico;  
 cadena pesada gamma1 (1-449) [*Mus musculus* VH (IGHV1-82\*01 -(IGHD)-*Homo sapiens* IGHJ4\*01) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, Gm17,1 (CH1 (120-217), bisagra (218-232), CH2 (233-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV10-96\*01 -*Homo sapiens* IGKJ1\*01 K127>R (107) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (108'-214'))]; dimero (228-228":231-231")-bisdisulfuro  
*inmunomodulador*

1351337-07-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada  
 QVQLQQSGPE LKKPGASVKV SCKDSGYAFS SSWMNVVRA PGQGLEWIGR 50  
 IYPGDGDTNY NGKFQGRVTI TADKSSSTAY MELSSLRSLED TAVYFCARSG 100  
 LLRYAMDYWG QGTLVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150  
 YFPEPVTVSW NSGALTSVGH TFPVAVLQSSG LYSLSVVTV FSSSLGTQTY 200  
 ICNVNHFPSN TKVDKKEVEPK SCDKTHTCPP CPAPELLGGP SVFLFPPEK 250  
 DTLMISRTPV VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQINS 300  
 TYRIVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPEKTIISK AKGQPREPQV 350  
 YTLPSRDEL TKNQVSLTCL VKGYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTPPVL 400  
 DSDGGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSQSVM HEALHNYHTQ KSLSLSPGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera  
 DIQMTPSPSS LSASVGRVIT ITCRASQDIR NYLNWYQQKP GKAVKLLIYY 50  
 TSRLLPVGPFS RFSGSGSGTD YSLTISSQEQ EDIGTYFCQG GNTLPWTFQG 100  
 GTKVEIRRTV AAPSVEIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150  
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200  
 LSSPVTKSFN RGEK 214

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22°-96' 146°-202' 263°-323' 369°-427'  
 22°-96" 146°-202" 263°-323" 369°-427"  
 Intra-L (C23-C104) 23°-88' 134°-194'  
 23°-88" 134°-194"  
 Inter-H-L (h 5-CL 126) 222°-214' 222°-214"  
 Inter-H-H (h 11, h 14) 228°-228' 231°-231"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:  
 299, 299"

**omaveloxolonum**

omaveloxolone

*N*-(2-cyano-3,12-dioxo-28-noroleana-1,9(11)-dien-17-yl)-  
 2,2-difluoropropanamide  
*anti-inflammatory, antioxidant*

omavéloxolone

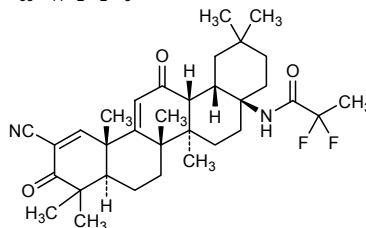
*N*-(2-cyano-3,12-dioxo-28-noroléana-1,9(11)-dién-17-yl)-  
 2,2-difluoropropanamide  
*anti-inflammatoire, antioxydant*

omaveloxolona

*N*-(2-ciano-3,12-dioxo-28-noroleana-1,9(11)-dien-17-il)-  
 2,2-difluoropropanamida  
*antiinflamatorio, antioxidante*

C<sub>33</sub>H<sub>44</sub>F<sub>2</sub>N<sub>2</sub>O<sub>3</sub>

1474034-05-3

**opicinumabum #**

opicinumab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* LINGO1 (leucine-rich repeat and Ig-like domain-containing nogo receptor-interacting protein 1, LINGO-1, leucine-rich repeat neuronal protein 1, LERN1, leucine-rich repeat neuronal protein 6A, LRRN6A)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;  
 gamma1 heavy chain (1-447) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23\*01 (91.80%) -(IGHD)-IGHJ3\*02) [8.8.11] (1-118) -IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 (119-216), hinge (217-231), CH2 T85.3>A (300) (232-341), CH3 (342-446), CHS K2>del (447)) (119-447)], (221-215')-disulfide with kappa light chain (1'-215') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-11\*01 (96.80%) -IGKJ2\*01) [6.3.10] (1'-108') -IGKC\*01, Km3 (109'-215')]; dimer (227'-227''-230'-230'')-bisdisulfide  
*immunomodulator*

opicinumab immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* LINGO1 (protéine 1 interagissant avec le récepteur de nogo et contenant des répétitions riches en leucine et un domaine Ig-like, LINGO-1, protéine neuronale 1 contenant des répétitions riches en leucine, LERN1, protéine neuronale 6A contenant des répétitions riches en leucine, LRRN6A)], *Homo sapiens* anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma 1 (1-447) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23\*01 (91.80%) -(IGHD)-IGHJ3\*02) [8.8.11] (1-118) -IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 (119-216), charnière (217-231), CH2 T85.3>A (300) (232-341), CH3 (342-446), CHS K2>del (447)) (119-447)], (221-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-215') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-11\*01 (96.80%) -IGKJ2\*01) [6.3.10] (1'-108') -IGKC\*01, Km3 (109'-215')]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure  
*immunomodulateur*

opicinumab inmuno globulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* LINGO1 (proteína 1 que interacciona con el receptor de nogo y contiene repeticiones ricas en leucina y un dominio Ig-like, LINGO-1, proteína neuronal 1, que contiene repeticiones ricas en leucina, LERN1, proteína neuronal 6A que contiene repeticiones ricas en leucina, LRRN6A)], anticuerpo monoclonal de *Homo sapiens*; cadena pesada gamma 1 (1-447) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23\*01 (91.80%) -(IGHD)-IGHJ3\*02) [8.8.11] (1-118) -IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 (119-216), bisagra (217-231), CH2 T85.3>A (300) (232-341), CH3 (342-446), CHS K2>del (447)) (119-447)], (221-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-215') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-11\*01 (96.80%) -IGKJ2\*01) [6.3.10] (1'-108') -IGKC\*01, Km3 (109'-215')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro  
*immunomodulador*

1422268-07-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada  
EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS AYEMKWRVQA PGKLEWVSV 50  
IGFSGGFTFY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCATEG 100  
DNDADFIDWQ GTTIVTVSSAS TRGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150  
FPEPVTVSWN SGALTSQVHT FPAVLQSSGL YSLSSVTVF SSSLGTQTYI 200  
CNVNHKPSNT KVDKKVEPKS CDKTHCTPCP PAFELLGGPS VFLFPKPKD 250  
TLMISRTPEV TCVVVDVSH EDEPKFNWV DGEVHNAKT KPREQYNSA 300  
YRVVSVLTVL HDWMLNGKEY KCKVSNKALP APEKTIKSKA KGPREQEQY 350  
TLPPSRDEL TKNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EMSNGQPEN NYKTPPEVLD 400  
SDGSFFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPG 447

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera  
DIQMTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQSVS SYLAWYQKQF GQAPRLLIYD 50  
ASNRRATGIPA RFGSGSGGTD FTLTISLEP EDFAVYYCQ RSNWPMYTFG 100  
GQTKLEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNPF YPREAKVQWK 150  
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYSLSSLT TSKADYKHK KRYACEVTHQ 200  
GLSSPVTKSF NRGE C 215

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro  
Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426  
22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"  
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 135"-195"  
23"-88" 135"-195"  
Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-215" 221"-215"  
Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación  
H CH2 N84.4;  
298, 298" but no glycosylation owing to / mais pas de glycosylation dû à / pero ningún glicosilación debida a H CH2 T85.3>A (300, 300")

**pamrevlumabum #**  
pamrevlumab

immunoglobulin G1-kappa, anti-*[Homo sapiens* CTGF (connective tissue growth factor, CCN family member 2, CCN2, hypertrophic chondrocyte-specific protein 24, HCS24, insulin-like growth factor-binding protein 8, IGFBP-8)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-449) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-48\*03 (84.70%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.7.14] (1-120) -IGHG1\*03, G1m3 (CH1 (121-218), hinge (219-233), CH2 (234-343), CH3 (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1D-16\*01 (100.00%) -IGKJ2\*01) [6.3.9] (1'-107') -IGKC\*01, Km3 (108'-214')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide  
*immunomodulator*

pamrevlumab

immunoglobuline G1-kappa, anti-*[Homo sapiens* CTGF (facteur de croissance du tissu conjonctif, membre 2 de la famille CCN, CCN2, protéine 24 spécifique de l'hypertrophie des chondrocytes, HCS24, protéine 8 liant le facteur de croissance analogue à l'insuline, IGFBP-8)], *Homo sapiens* anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-449) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-48\*03 (84.70%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.7.14] (1-120) -IGHG1\*03, G1m3 (CH1 (121-218), charnière (219-233), CH2 (234-343), CH3 (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1D-16\*01 (100.00%) -IGKJ2\*01) [6.3.9] (1'-107') -IGKC\*01, Km3 (108'-214')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure  
*immunomodulateur*

pamrevlumab

immunoglobulina G1-kappa, anti-*[Homo sapiens* CTGF (factor de crecimiento de tejido conjuntivo, miembro 2 de la familia CCN, CCN2, proteína 24 específica de la hipertrofia de condrocitos, HCS24, proteína 8 que ligada el factor de crecimiento análogo a la insulina, IGFBP-8)], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-449) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-48\*03 (84.70%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.7.14] (1-120) -IGHG1\*03, G1m3 (CH1 (121-218), bisagra (219-233), CH2 (234-343), CH3 (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1D-16\*01 (100.00%) -IGKJ2\*01) [6.3.9] (1'-107') -IGKC\*01, Km3 (108'-214')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro  
*immunomodulador*

946415-13-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada  
 EGQLVQSGGG LVHFPGSLRL SCAGSGFTFS SYGMHWVQA PGKLEWVSG 50  
 IGTGGGYST DSVKGRFTIS RDNANKSLYL QMNSLRAEDM AVYICARGDY 100  
 YGSGSFFDCW QGGTLVTSS ASTKGFVFP LAPSKSTSG GTAALGCLVK 150  
 DYFPEPVTVS WNSGALTSV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200  
 YICNVNHKPS NTRVDRVPEP KSCDKHTCP PCPAPPELLGG PSVFLFPKP 250  
 KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300  
 STYRVVSVLT VLRQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIKRTIS KAKGQPREPQ 350  
 VYTLPPSREE MTRNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTPPV 400  
 LKSDGSEFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera  
 DIQMTQSPSS LSASVGRVIT ITCRASQGIS SWLAWYQQKPK EKAPKSLIYA 50  
 ASSLQSGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYTCQQ YNSYPTTFGQ 100  
 GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150  
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200  
 LSSPVTKSFN RGEC 214

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-95 147-203 264-324 370-428  
 22'-95" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134"-194"  
 23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-214' 223'-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans/ glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés/ glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

Other post-translational modifications / Autres modifications post-traductionnelles / Otras modificaciones post-traduccionales

H VH CDR3 C117 (109, 109"): cysteinylation with either Cys, Cys-Gly, glutathione, or no cysteinylation cystéinilation avec soit Cys, Cys-Gly, glutathion, ou absence de cystéinilation / cisteinilación con Cis, o Cis-Gli, o glutatión, o ausencia de cisteinilación

**pegcantratinibum**  
 pegcantratinib

(5*R*,9*S*,12*R*)-9-methyl-3'-[α-methylpoly(oxyethane-1,2-diyl)]-2,3,11,12-tetrahydro-1*H*,9*H*-spiro[9,12-epoxydiindolo[1,2,3-*fg*:3',2',1'-*k*]pyrrolo[3,4-*ij*][1,6]benzodiazocine-10,5'-oxazolidine]-1,2',4'-trione  
*tyrosine kinase inhibitor*

pegcantratinib

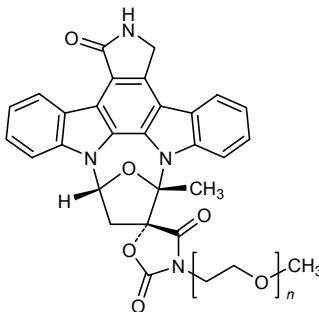
(5*R*,9*S*,12*R*)-9-méthyl-3'-[α-méthylpoly(oxyéthane-1,2-diyl)]-2,3,11,12-tétrahydro-1*H*,9*H*-spiro[9,12-époxydiindolo[1,2,3-*fg*:3',2',1'-*k*]pyrrolo[3,4-*ij*][1,6]benzodiazocine-10,5'-oxazolidine]-1,2',4'-trione  
*inhibiteur de la tyrosine kinase*

pegcantratinib

(5*R*,9*S*,12*R*)-9-metil-3'-[α-metilpoli(oxietano-1,2-diil)]-2,3,11,12-tetrahydro-1*H*,9*H*-espiro[9,12-epoxydiindolo[1,2,3-*fg*:3',2',1'-*k*]pirrolo[3,4-*ij*][1,6]benzodiazocina-10,5'-oxazolidina]-1,2',4'-triona  
*inhibidor de la tirosina kinasa*

C<sub>28</sub>H<sub>20</sub>N<sub>4</sub>O<sub>5</sub>[C<sub>2</sub>H<sub>4</sub>O]<sub>n</sub>

1233363-33-1



**pemafibratum**  
pemafibrate

(2*R*)-2-[3-((1,3-benzoxazol-2-yl)[3-(4-methoxyphenoxy)propyl]amino)methyl]phenoxy]butanoic acid  
*antihyperlipidaemic*

pémafibrate

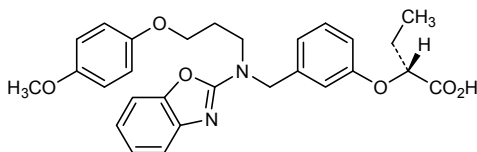
acide (2*R*)-2-[3-((1,3-benzoxazol-2-yl)[3-(4-méthoxyphénoxy)propyl]amino)méthyl]phénoxy]butanoïque  
*antihyperlipidémiant*

pemafibrato

ácido (2*R*)-2-[3-((benzoxazol-2-il)[3-(4-metoxifenoxi)propil]amino)metil]fenoxi]butanoico  
*antihiperlipémico*

C<sub>28</sub>H<sub>30</sub>N<sub>2</sub>O<sub>6</sub>

848259-27-8



**piclidenosonum**  
piclidenoson

1-deoxy-1-(6-(((3-iodophenyl)methyl)amino)-9*H*-purin-9-yl)-*N*-methyl-β-D-ribofuranuronamide  
*adenosine receptor agonist*

piclidénoson

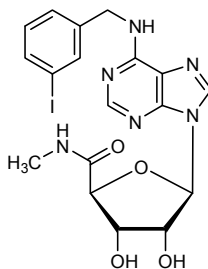
1-déoxy-1-(6-(((3-iodophényl)méthyl)amino)-9*H*-purin-9-yl)-*N*-méthyl-β-D-ribofuranuronamide  
*agoniste des récepteurs de l'adénosine*

piclidenosón

1-desoxi-1-(6-(((3-iodofenil)metil]amino)-9*H*-purin-9-il)-*N*-metil-β-D-ribofuranuronamida  
*agonista de los receptores de la adenosina*

C<sub>18</sub>H<sub>19</sub>I<sub>N</sub><sub>6</sub>O<sub>4</sub>

152918-18-8



**plozalizumabum #**

plozalizumab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CCR2 (chemokine (C-C motif) receptor 2, C-C chemokine receptor 2, CC-CKR-2, CKR-2, monocyte chemoattractant protein 1 receptor, MCP-1-R, CD192)], humanized monoclonal antibody;  
 gamma1 heavy chain (1-447) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV3-73\*01 (86.90%) -(IGHD)-IGHJ1\*01) [8.10.8] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 (118-215), hinge (216-230), CH2 L1.2>A (235), G1>A (237) (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-219')-disulfide with kappa light chain (1'-219') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-30\*01 (90.00%) -IGKJ2\*01) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC\*01 (113'-219')]; dimer (226-226":229-229")-bisulfide  
*immunomodulator*

plozalizumab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CCR2 (récepteur 2 de chimiokine (C-C motif), récepteur 2 de chimiokine C-C, CC-CKR-2, CKR-2, récepteur de la protéine 1 chimio-attractrice du monocyte, MCP-1-R, CD192)], anticorps monoclonal humanisé;  
 chaîne lourde gamma1 (1-447) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-73\*01 (86.90%) -(IGHD)-IGHJ1\*01) [8.10.8] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 (118-215), charnière (216-230), CH2 L1.2>A (235), G1>A (237) (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-219') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV2-30\*01 (90.00%) -IGKJ2\*01) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC\*01 (113'-219')]; dimère (226-226":229-229")-bisulfure  
*immunomodulateur*

plozalizumab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CCR2 (receptor 2 de quimiokina (C-C motif), receptor 2 de quimiokina C-C, CC-CKR-2, CKR-2, receptor de la proteina 1 quimioatrayente de monocitos, MCP-1-R, CD192)], anticuerpo monoclonal humanizado;  
 cadena pesada gamma1 (1-447) [VH humanizada (*Homo sapiens* IGHV3-73\*01 (86.90%) -(IGHD)-IGHJ1\*01) [8.10.8] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 (118-215), bisagra (216-230), CH2 L1.2>A (235), G1>A (237) (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-219') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV2-30\*01 (90.00%) -IGKJ2\*01) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC\*01 (113'-219')]; dímero (226-226":229-229")-bisulfuro  
*inmunomodulador*

1610761-46-0

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS AYAMNWVRQA PGKGLEWVGR 50  
 IRTKNNNYAT YYADSVKDRF TISRDDSKNT LYLQMNLSKT EDTAVYVYCTT 100  
 FYGNQVWQGG TLVTVSSAST KGPSVFLAPL SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150  
 PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSVVTVVPS SSLGTQTYIC 200  
 NVNHKPSNTK VDKKVEPKSC DKTHTCPPCP APELAGAPSV FLFPFKPKDT 250  
 LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQYNSTY 300  
 RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTIKAK GQPREPQVYT 350  
 LPPSRDELTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPVLDS 400  
 DGSFFLYSKL TVDKSRWQGG NVFSCSVMHE ALHNNHYTKS LSLSPGK 447

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DVVMTQSPFLS LPVTLGQPAS ISCKSSQSLD DSDGKFTLNW FQQRPGQSPR 50  
 RLIYLVSKLD SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGV YYCWQGTTHFP 100  
 YTFGQGTRELE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVCL LNNFYPREAK 150  
 VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDYSTYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200  
 VTHQGLSSPV TKSFNREGEC 219

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-98 144-200 261-321 367-425  
 22"-98" 144"-200" 261"-321" 367"-425"

Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'  
 23"'-93"" 139"'-199""

Inter-H-L (h 5-CL 126) 220-219" 220"-219"

Inter-H-H (h 11, h 14) 226-226" 229-229"

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

297, 297"

## Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires

complexes fucosylés / glicanes de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

**ravidasvirum**

ravidasvir

methyl *N*-[(2*S*)-1-[(2*S*)-2-[5-(6-{2-[(2*S*)-1-[(2*S*)-2-[(methoxycarbonyl)amino]-3-methylbutanoyl]pyrrolidin-2-yl]-1*H*-imidazol-4-yl)naphthalen-2-yl]-1*H*-benzimidazol-2-yl]pyrrolidin-1-yl]-3-methyl-1-oxobutan-2-yl]carbamate *antiviral*

ravidasvir

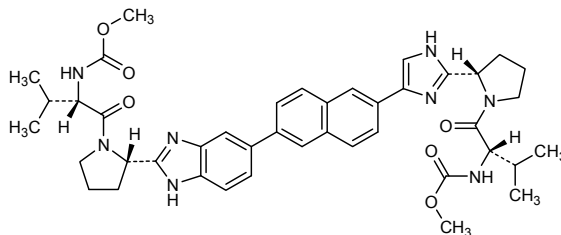
*N*-[(2*S*)-1-[(2*S*)-2-[5-(6-{2-[(2*S*)-1-[(2*S*)-2-[(méthoxycarbonyl)amino]-3-méthylbutanoyl]pyrrolidin-2-yl]-1*H*-imidazol-4-yl)naphthalén-2-yl)-1*H*-benzimidazol-2-yl]pyrrolidin-1-yl]-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl]carbamate de méthyle *antiviral*

ravidasvir

*N*-[(2*S*)-1-[(2*S*)-2-[5-(6-{2-[(2*S*)-1-[(2*S*)-2-[(metoxicarbonil)amino]-3-metilbutanoil]pirrolidin-2-il]-1*H*-imidazol-4-il]naftalen-2-il)-1*H*-benzimidazol-2-il]pirrolidin-1-il]-3-metil-1-oxobutan-2-il]carbamato de metilo *antiviral*

C<sub>42</sub>H<sub>50</sub>N<sub>8</sub>O<sub>6</sub>

1242087-93-9



**rinucumabum #**

rinucumab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDGFRB (platelet-derived growth factor receptor beta subunit, PDGFR-1, CD140b)], human monoclonal antibody; gamma4 heavy chain (1-449) [*Homo sapiens* VH (IGHV4-39\*01 (92.90%) -(IGHD)-IGHJ5\*01) [10.7.14] (1-122) -IGHG4\*01 (CH1 (123-220), hinge S10>P (230) (221-232), CH2 (233-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (123-449)], (136-215')-disulfide with kappa light chain (1'-215') [*Homo sapiens* (V-KAPPA (IGKV3-20\*01 (91.70%) -IGKJ3\*01) [7.3.9] (1'-108') -IGKC\*01, Km3 (109'-215'))]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide  
*immunomodulator*

rinucumab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDGFRB (sous-unité bêta du récepteur du facteur de croissance dérivé des plaquettes, PDGFR-1, CD140b)], anticorps monoclonal humain; chaîne lourde gamma4 (1-449) [*Homo sapiens* VH (IGHV4-39\*01 (92.90%) -(IGHD)-IGHJ5\*01) [10.7.14] (1-122) -IGHG4\*01 (CH1 (123-220), charnière S10>P (230) (221-232), CH2 (233-342), CH3 (343-447), CHS (448-449) (123-449)], (136-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-215') [*Homo sapiens* (V-KAPPA (IGKV3-20\*01 (91.70%) -IGKJ3\*01) [7.3.9] (1'-108') -IGKC\*01, Km3 (109'-215'))]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure  
*immunomodulateur*

rinucumab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDGFRB (subunidad beta del receptor del factor de crecimiento derivado de plaquetas, PDGFR-1, CD140b)], anticuerpo monoclonal humano; cadena pesada gamma4 (1-449) [*Homo sapiens* VH (IGHV4-39\*01 (92.90%) -(IGHD)-IGHJ5\*01) [10.7.14] (1-122) -IGHG4\*01 (CH1 (123-220), bisagra S10>P (230) (221-232), CH2 (233-342), CH3 (343-447), CHS (448-449) (123-449)], (136-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-215') [*Homo sapiens* (V-KAPPA (IGKV3-20\*01 (91.70%) -IGKJ3\*01) [7.3.9] (1'-108') -IGKC\*01, Km3 (109'-215'))]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro  
*inmunomodulador*

1569263-06-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada  
 QLQLQESGPG LVKPSSETLSL TCTVSGGSIT SSSYYMGWIR QPFGKGLEWI 50  
 GSIYYRGSTN YNPSLKSRVT ISVDSKSNQF YLKVSSVTAV DTAVYYCARQ 100  
 NGAARPSWFD PWGQGTLVTV SSASTKGPSV FPLAPCSRST SESTAALGCL 150  
 VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTVFSSSLGT 200  
 KTYLTCNVDHK PSNTVKDKRV ESKYGPCCPP CPAPEFLGGP SVFLFPKPK 250  
 DTLMSRTPPE VTCVVVDVSO EDPEVQFNMY VDGVEVHNAK TKPREEQFNS 300  
 TYRVVSVLTV LHQDNLNGKE YKCKVSNKGL PSSIEKTISK AKGQPREPQV 350  
 YTLPPSQEEM TKNQVSLTCL VRGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTPPVVL 400  
 DSDGSFFLYS RLTVDKSRWQ EGNVFSQSVM HEALHNYTQ KSLSLSLGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera  
 EIVLTQSPDT ISLSPGERAT LSCRASQGIS SIYLAWYQQK PGQAPRLLIY 50  
 GASSRVTGIP DRFSVSGSGT DFTLTISRLE PEDFAVYYCQ HYGISPFPTFG 100  
 PGTKVDIRRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNPF YPREAKVQWK 150  
 VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYSLSTL TLKADYKHK KVAACEVTHQ 200  
 GLSSPVTKSF NRGEC 215

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-97 149-205 263-323 369-427  
 22°-97° 149°-205° 263°-323° 369°-427°  
 Intra-L (C23-C104) 23°-89° 135°-195°  
 23°-89° 135°-195°  
 Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 136-215° 136°-215°  
 Inter-H-H (h 8, h 11) 228-228° 231-231°

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

299, 299°

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

Other post-translational modifications / Autres modifications post-traduccionnelles / Otras modificaciones post-traduccionales

H CHS K2 C-terminal lysine clipping:

449, 449°

**risankizumabum #**  
 risankizumab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL23A (interleukin 23 subunit alpha, IL-23A, IL23 subunit p19, IL23p19)], humanized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-449) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV1-69\*02 (79.40%) -(IGHD)-IGHJ5\*01) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 (121-218), hinge (219-233), CH2 L1.3>A (237), L1.2>A (238) (234-343), CH3 (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-27\*01 (80.00%) -IGKJ2\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (108'-214')]; dimer (229-229":232-232")]-bisdisulfide  
*immunomodulator*

risankizumab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL23A (interleukine 23 sous-unité alpha, IL-23A, IL23 sous-unité p19, IL23p19)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma1 (1-449) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-69\*02 (79.40%) -(IGHD)-IGHJ5\*01) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 (121-218), charnière (219-233), CH2 L1.3>A (237), L1.2>A (238) (234-343), CH3 (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-27\*01 (80.00%) -IGKJ2\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (108'-214')]; dimère (229-229":232-232")]-bisdisulfure  
*immunomodulateur*

## risankizumab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL23A (interleukina 23 subunidad alfa, IL-23A, IL23 subunidad p19, IL23p19)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 (1-449) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-69\*02 (79.40%) -(IGHD)-IGHJ5\*01) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 (121-218), bisagra (219-233), CH2 L1.3>A (237), L1.2>A (238) (234-343), CH3 (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-27\*01 (80.00%) -IGKJ2\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (108'-214')]; dímero (229-229"-232-232")-bisdisulfuro  
*inmunomodulador*

1612838-76-2

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKFGSSVKV SCKASGYTFT DQTIHMMRQA PGQGLEWIGY 50  
IYPRDPSPKY NENFKGKVTI TADKSTSTAY MELSSLRSSE TAVYYCAIPD 100  
RSGYAWFIYW GQGTLTVTSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTPAALGCLVK 150  
DYFPEPVTVS WNSGALTSV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200  
YICNVNHPKS NTKVDRKVEP KSCDKHTHCP PCPAPAEAAG PSVFLFPKPK 250  
KDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQYN 300  
STYRVVSVLT VHLQDMLNGK EYKCKVSNKALPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350  
VYTLPPSREE MTKNQVSLTCLVKGFYPSDI AVEVESNGQP ENNYKTTTPPV 400  
LDSVDSGFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 449

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS LEASVGRVITITCKASRDVA IAVAWYQQPK GKVPKLLIYW 50  
ASTRHTGVPSPFSGSGSRSDFTLTISLQPEDVADYFCHQYSSYPFTFGS 100  
GTLKLEIKRTV AAPSIVFIFPPSDEQLKSGTASVIVCLLNNFYPREAKVQWVKV 150  
DNALQSGNSQESVTEQDSKDTSTYSLSSLTLSKADYERHKVYACEVTHQG 200  
LSSPVTKSFN RGECH 214

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428  
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"  
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'  
23"'-88'" 134"'-194'"  
Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-214' 223"-214"  
Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:  
300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

## rivabazumabum pegolum #

## rivabazumab pegol

immunoglobulin Fab' G1-kappa pegylated, anti-*Pseudomonas aeruginosa* type III secretion system (TTSS) PcrV protein, pegylated humanized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain fragment VH-(CH1-hinge) (1-238) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV3-30\*06 (92.90%) -(IGHD)-IGHJ6\*01) [8.8.117] (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1\*01 (CH1 (125-222), hinge (223-237), CH2 (238)) (125-238)], noncovalently associated with kappa light chain (1'-214') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5\*01 (84.60%) -IGKJ2\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01 (108'-213')]; conjugated via a linker of the maleimide group (thioether bond with cysteinyl H h 11 (C233) and H h 14 (236)) to two linear chains of methoxy polyethylene glycol 30 (mPEG30).  
*inmunomodulador*

rivabazumab pégol

immunoglobuline Fab' G1-kappa pégylé, anti-protéine PcrV du système de sécrétion type III (TTSS) de *Pseudomonas aeruginosa*, anticorps monoclonal humanisé pégylé; fragment VH-(CH1-charnière) de la chaîne lourde gamma1 (1-238) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-30\*06 (92.90%) -(IGHD)-IGHJ6\*01) [8.8.117] (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1\*01 (CH1 (125-222), charnière (223-237), CH2 (238)) (125-238)], associé de manière noncovalente avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-5\*01 (84.60%) -IGKJ2\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01 (108'-213')]; conjugué via un linker du groupe maléimide (liaison thioéther avec les cystéinyl H h 11 (C233) et H h 14 (C236)) à deux chaînes linéaires de méthoxy polyéthylène glycol 30 (mPEG30).

*immunomodulateur*

rivabazumab pegol

immunoglobulina Fab' G1-kappa pegilada, anti-proteína PcrV del sistema de secreción tipo III (TTSS) de *Pseudomonas aeruginosa*, anticuerpo monoclonal humanizado pegilado; fragmento VH-(CH1-bisagra) de la cadena ligera gamma1 (1-238) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV3-30\*06 (92.90%) -(IGHD)-IGHJ6\*01) [8.8.117] (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1\*01 (CH1 (125-222), bisagra (223-237), CH2 (238)) (125-238)], asociado de modo novalente con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-5\*01 (84.60%) -IGKJ2\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01 (108'-213')]; conjugado mediante un espaciador del grupo maleimida (unión tioéter con los cisteinil H h 11 (C233) et H h 14 (C236)) con dos cadenas lineales de metoxi polietilén glicol 30 (mPEG30).

*immunomodulador*

1613506-32-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada  
 EVQLVESGGG VVQFGRSLRL SCAASGFTFS NYPMHWVRQA PGKGLEWVAV 50  
 ISYDGSEKWI ADSVKGRTI SRDNSKNTLY LEMNSLRPED TAVYYCARNR 100  
 GDIYYDFTYA MDIWGQGTIV TVSSASTKGP SVFPLAPSSK STSGGTAALG 150  
 CLVKDYFPEP VTVSWNSGAL TSGVHTFPAV LQSSGLYSLV SVVTVPSSSL 200  
 GTQTYICNVN HKPSNTKVDK KVEPKSSDKT HTCPCPCA 238

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera  
 DIQLTQSPST LSASVGDVST ITCRASEGVD RFLAWYQQKP GRAPKLLIYD 50  
 ASTLQSGVPS RFGSGSGSTE FSLTISSLQP DDVATYYCQH FWGTPYTFGQ 100  
 GTKLEIKRTV AAPSVEFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNEY PREAKVQWKV 150  
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200  
 LSSPVTKSFN RGEV 214

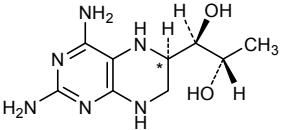
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro  
 Intra-H (C23-C104) 22-96 151-207  
 Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación  
 None

Pegylation site / Site de pegylation / Posiciones de pegilación  
 H hinge h 11, h 14  
 C233, C236

**ronopterinum**  
 ronopterin

(1R,2S)-1-[(6RS)-2,4-diamino-5,6,7,8-tetrahydropteridin-6-yl]propane-1,2-diol  
*nitric oxide synthase inhibitor*

ronoptérine	(1 <i>R</i> ,2 <i>S</i> )-1-[(6 <i>RS</i> )-2,4-diamino-5,6,7,8-tétrahydroptéridin-6-yl]propane-1,2-diol <i>inhibiteur de la NO synthase</i>
ronopterina	(1 <i>R</i> ,2 <i>S</i> )-1-[(6 <i>RS</i> )-2,4-diamino-5,6,7,8-tétrahydropteridin-6-yl]propano-1,2-diol <i>inhibidor de la NO sintasa</i>
	C <sub>9</sub> H <sub>16</sub> N <sub>6</sub> O <sub>2</sub> 206885-38-3
	 <p>and epimer at C* et l'épimère en C* y el epímero al C*</p>
<b>rovalpituzumabum #</b> rovalpituzumab	immunoglobulin G1-kappa, anti-[ <i>Homo sapiens</i> DLL3 (delta-like ligand 3)], humanized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-447) [humanized VH ( <i>Homo sapiens</i> IGHV1-18*01 (86.700%) -(IGHD)-IGHJ4*01 [8.8.11] (1-118) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 (119-216), hinge (217-231), CH2 (232-341), CH3 (342-446), CHS K2>del (447)) (119-447)), (221-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [humanized V-KAPPA ( <i>Homo sapiens</i> IGKV3-15*01 (87.40%) -IGKJ2*01 [6.3.9] (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 (108'-214'))]; dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide <i>immunomodulator, antineoplastic</i>
rovalpituzumab	immunoglobuline G1-kappa, anti-[ <i>Homo sapiens</i> DLL3 (delta-like ligand 3)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma1 (1-447) [VH humanisé ( <i>Homo sapiens</i> IGHV1-18*01 (86.700%) -(IGHD)-IGHJ4*01 [8.8.11] (1-118) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 (119-216), charnière (217-231), CH2 (232-341), CH3 (342-446), CHS K2>del (447)) (119-447)), (221-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA humanisé ( <i>Homo sapiens</i> IGKV3-15*01 (87.40%) -IGKJ2*01 [6.3.9] (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 (108'-214'))]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
rovalpituzumab	immunoglobulina G1-kappa, anti-[ <i>Homo sapiens</i> DLL3 (delta-like ligando 3)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 (1-447) [VH humanizado ( <i>Homo sapiens</i> IGHV1-18*01 (86.700%) -(IGHD)-IGHJ4*01 [8.8.11] (1-118) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*01 G1m17,1 (CH1 (119-216), bisagra(217-231), CH2 (232-341), CH3 (342-446), CHS K2>del (447)) (119-447)), (221-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA humanizado ( <i>Homo sapiens</i> IGKV3-15*01 (87.40%) -IGKJ2*01 [6.3.9] (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 (108'-214'))]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro; <i>immunomodulador, antineoplásico</i>

1613313-01-1

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTET NYGMNWRQA FQGQLEWMGW 50  
 INYTTGPTY ADDEKGRVTM TDDTSTSTAY MELRSLRSD TAVYICARIG 100  
 DSSPDSYWGQ GLTVTVSSAS TKGPSVPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150  
 FPEPVTVSWN SGALTSQVHT FFAVLQSSGL YSLSSVTVTP SSSLGTQTYI 200  
 CNVNHKPSNT KVDKKVEPKS CDKTHCTPPC FAPPELLGGPS VFLFPPKPKD 250  
 TLMISRTPEV TCVVVDVSH EPEVFNWIV DGVEVHNAKT KFEREQYNST 300  
 YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350  
 TLPSPRDEL TKNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQFEN NYKTTFPVLD 400  
 SDGSGFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPG 447

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

EIVMTQSPAT LSVSPGERAT LSCKASQSVS NDVVVYQQKP GQAPRLLIYY 50  
 ASNRITGIPA RFGSGSGSTE FTLTISSLQ S EDAFVYICQQ DYTSPWTFGQ 100  
 GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150  
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLT LSKADYERHK VYACEVTHQG 200  
 LSSPVTKSFN RGEC 214

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22°-96° 145°-201° 262°-322° 368°-426°  
 22°-96° 145°-201° 262°-322° 368°-426°

Intra-L (C23-C104) 23°-88° 134°-194°  
 23°-88° 134°-194°

Inter-H-L (h 5-CL 126) 221°-214° 221°-214°

Inter-H-H (h 11, h 14) 227°-227° 230°-230°

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

298, 298°

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

**rovalpituzumabum tesirinum #**  
rovalpituzumab tesirine

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* DLL3 (delta-like ligand 3)], humanized monoclonal antibody conjugated to the pyrrolbenzodiazepine (PBD) dimer SCX;

gamma1 heavy chain (1-447) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV1-18\*01 (86.700%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1\*01 G1m17,1 (CH1 (119-216), hinge (217-231), CH2 (232-341), CH3 (342-446), CHS K2>del (447)) (119-447)], (221-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15\*01 (87.40%) -IGKJ2\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (108'-214')]; dimer (227'-227'':230'-230'')-bisdisulfide; conjugated, on an average of 2 cysteines, to the pyrrolbenzodiazepine (PDB) dimer SCX, via a cleavable (valine-alanine dipeptide as cathepsin B cleavage site) maleimide type linker containing a spacer PEG (n=8)  
*immunomodulator, antineoplastic*

## rovalpituzumab tésirine

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* DLL3 (delta-like ligand 3)], anticorps monoclonal humanisé conjugué au dimère de pyrrolbenzodiazépine (PDB) SCX; chaîne lourde gamma1 (1-447) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-18\*01 (86.700%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1\*01 G1m17,1 (CH1 (119-216), charnière (217-231), CH2 (232-341), CH3 (342-446), CHS K2>del (447)) (119-447)], (221-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV3-15\*01 (87.40%) -IGKJ2\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (108'-214')]; dimère (227'-227'':230'-230'')-bisdisulfure; conjugué, sur 2 cystéines en moyenne, au dimère de

rovalpituzumab tesirina

pyrrolobenzodiazépine (PDB) SCX, via un linker clivable (dipeptide valine-alanine clivable par la cathepsine B) de type maléimide et comprenant un espaceur PEG (n=8) *immunomodulateur, antinéoplasique*

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* DLL3 (delta-like ligando 3)], anticuerpo monoclonal humanizado conjugado con el dímero de pirrolobenzodiazepina (PDB) SCX;

cadena pesada gamma1 (1-447) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-18\*01 (86.700%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1\*01 G1m17,1 (CH1 (119-216), bisagra(217-231), CH2 (232-341), CH3 (342-446), CHS K2>del (447)) (119-447)], (221-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV3-15\*01 (87.40%) -IGKJ2\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (108'-214')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro; conjugado, en una media de 2 cisteínas, al dímero de pirrolobenzodiazepina (PDB) SCX, mediante un espaciador escindible (dipéptido valina-alanina escindible por la cathepsina B) de tipo maleimida que comprende un espaciador PEG (n=8) *immunomodulador, antineoplásico*

1613313-09-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada  
 QVQLVQSGAE VKKFGASVKV SCRASGYTFT NYGMNWRQA PGQGLEWMGW 50  
 INTYTGEPTY ADDFKGRVTM TTDFTSTAY MELRSLRSD TAVYICARIG 100  
 DSSPSDYWGQ GTLVTVSSAS TKGPSVFFLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDI 150  
 FEEFVIVSWN SGALTSGVHT FFAVLQSSGL YSLSSVTVF SSSLGTQPI 200  
 CNVNHKPSNT KVKDKVEPKS CDKTHTCPC PCPELLGGPS VFIAPKPKD 250  
 TLMISRTPEV TCVVVDVSHS DPEVKENWYV DGEVHNAKT KPREQYNST 300  
 YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTIKSKA KGQPREPQVY 350  
 TLPSPRDEL TKNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQFEN NYKTPPEVLD 400  
 SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCVMH EALHNHYTQK SLSLSPG 447

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera  
 EIVMTQSPAT LSVSPGERAT LSCKASQSVS NDVVYQQKP GQAPRLLIYY 50  
 ASNRYTGLPA RFGSGSGSTE FTLTISLQS EDFAVYCCQ DYTSPWTFGQ 100  
 GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLNNFY BREAKVQWKV 150  
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200  
 LSPFVTKSFN RGEK 214

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426  
 22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"  
 Intra-L (C23-C104) 23-88" 134-194"  
 23"-88"" 134"-194""

Inter-H-L (h 5-CL 126)\* 221-214' 221"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14)\* 227-227" 230-230"

\*One or two of the inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 2 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

\*Un ou deux des ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 2 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

\*Faltan uno o dos puentes disulfuro inter-catenarios, una media de 2 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

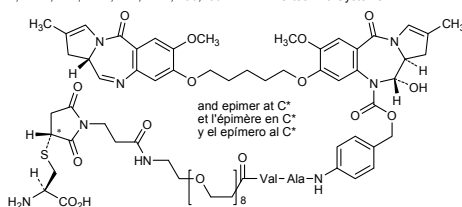
298, 298"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

Potential modified residues / Résidus modifiés potentiels / Restos modificados potenciales

C 214', 214"" : 221, 221"" : 227, 227"" : 230, 230""

"S-tesirine Cysteine"



**sacituzumabum govitecanum #**  
sacituzumab govitecan

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TACSTD2 (tumor-associated calcium signal transducer 2, membrane component chromosome 1 surface marker 1, M1S1, gastrointestinal tumor-associated antigen GA7331, pancreatic carcinoma marker protein GA733-1, epithelial glycoprotein-1, EGP-1, trophoblast antigen-2, cell surface glycoprotein Trop-2, TROP2)], humanized monoclonal antibody conjugated to 7-ethyl-10-hydroxycamptothecin (SN-38), active metabolite of irinotecan; gamma1 heavy chain (1-451) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV7-4-1\*02 (85.70%) -(IGHD)-IGHJ2\*01) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1\*03, Gm3 (CH1 (122-219), hinge (220-234), CH2 (235-344), CH3 (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-9\*01 (82.20%) -IGKJ4\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (108'-214')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide; conjugated, on an average of 6 cysteinyl, to 7-ethyl-10-hydroxycamptothecin (SN-38), active metabolite of irinotecan (CPT-11, camptothecin-11), via a maleimide-type cleavable linker (carbonate group, self-immolative 4-aminobenzyl alcohol and cathepsine-B-cleavable dipeptide Phe-Lys) and containing a triazolone group and a spacer PEG (n=8).  
*immunomodulator, antineoplastic*

sacituzumab govitecan

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TACSTD2 (transducteur 2 de signaux calciques associé aux tumeurs, composant membranaire du chromosome 1 marqueur de surface 1, M1S1, antigène GA7331 associé aux tumeurs gastrointestinales, protéine GA733-1 marqueur de carcinomes pancréatiques, glycoprotéine épithéliale 1, EGP-1, antigène 2 du trophoblaste, glycoprotéine Trop-2 à la surface des cellules, TROP2)], anticorps monoclonal humanisé conjugué à la 7-éthyl-10-hydroxycamptothécine (SN-38), métabolite actif de l'irinotécan; chaîne lourde gamma1 (1-451) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV7-4-1\*02 (85.70%) -(IGHD)-IGHJ2\*01) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1\*03, Gm3 (CH1 (122-219), charnière (220-234), CH2 (235-344), CH3 (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-9\*01 (82.20%) -IGKJ4\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (108'-214')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure; conjugué, sur 6 cystéinyl en moyenne, à la 7-éthyl-10-hydroxycamptothécine (SN-38), métabolite actif de l'irinotécan (CPT-11, camptothécine-11), via un linker de type maléimide, clivable (liaison carbonate et 4-aminobenzyl alcool et dipeptide Phe-Lys clivable par la cathepsine B) et comprenant un groupe triazolone et un espaceur PEG (n=8)  
*immunomodulateur, antinéoplasique*

## sacituzumab govitecán

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TACSTD2 (transductor 2 de señales de calcio asociado a los tumores, componente de membrana del cromosoma 1 marcador de superficie 1, M1S1, antígeno GA7331 asociado a tumores gastrointestinales, proteína GA733-1 marcador de carcinomas pancreáticos glicoproteína epitelial 1, EGP-1, antígeno 2 de trofoblasto, glicoproteína Trop-2 de la superficie celular, TROP2)], anticuerpo monoclonal humanizado conjugado con la 7-etil-10-hidroxicamptotecina (SN-38), metabolito activo del irinotecán;

cadena pesada gamma1 (1-451) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV7-4-1\*02 (85.70%) -(IGHD)-IGHJ2\*01) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1\*03, Gm3 (CH1 (122-219), bisagra(220-234), CH2 (235-344), CH3 (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-9\*01 (82.20%) -IGKJ4\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (108'-214')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro; conjugado, en una media de 6 restos cisteinil, con la 7-etil-10-hidroxicamptotecina (SN-38), metabolito activo del irinotecán (CPT-11, camptotecina-11), mediante un espaciador de tipo maleimida, escindible (enlace carbonato y 4-aminobencil alcohol y dipéptido Phe-Lys escindible por catepsina B) y que comprende un grupo triazolina y un espaciador PEG (n=8).  
*inmunomodulador, antineoplásico*

1491917-83-9

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLQQSGSE LKKPGASVKV SCKASGYTFT NYGMNWKQA PGQGLKWMGW 50  
INTYTGPEPTY TDDFKGRFAP SLDTSVSTAY LQISLLKADD TAVYFCARGG 100  
FGSSYWFYFDV WQQGSLVTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAAALGCLV 150  
RDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFFPAVLQS SGLYLSLSSVV TFPSSSLGTQ 200  
TYICNVNHRF SNPKVDKRVF PKSCDKTHTC PFCFAPELLG GFSVFLFFPK 250  
PKDTLMSKST FEVTCVWVDV SHDEPEVYFN WYVDGVVFN AKKQPREQY 300  
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP 350  
QVYTLPPSRE EMTRKNQVSLT CLVKGIFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTFPF 400  
VLDSGDGSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFSCS VMHEALHNNY TQKSLSLSPG 450  
K 451

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

D1QLTQSPSS LSASVGDVSI ITCKSDQDVS IAVVANYQKP GKAPKLLIYS 50  
ASRYVTGVDP RFGSGSGSTD FTLLTSSLQP EDFAVYVCQQ HYITPLTFGA 100  
GTKVLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PRAKVVQWV 150  
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEHKK YFACEVTHQG 200  
LSSPVTKSPN RGEC 214

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 148-204 265-325 371-429  
Intra-L (C23-C104) 23-88 134-194

Inter-H-L (h 5-CL 126) \* 224-214' 224'-214"  
Inter-H-H (h 11, h 14) \* 230-230" 233-233"

\*Three of the inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 6 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

\*Trois des ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 6 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

\*Faltan tres puentes disulfuro inter-catenarios, una media de 6 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

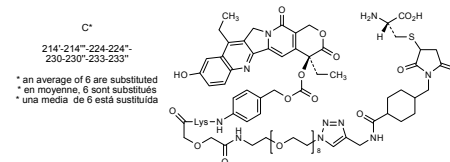
## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N844:

301, 301'

Fucosylated complex bi-antennary Sp2,0-type glycans / glycanes de type Sp2,0 bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo Sp2,0 biantenarios complejos fucosilados

## Potential modified residues / Résidus modifiés potentiels / Restos modificados potenciales



**sacubitrilat**

sacubitrilat

(2*R*,4*S*)-5-([1,1'-biphenyl]-4-yl)-4-(3-carboxypropanamido)-2-méthylpentanoic acid  
*endopeptidase inhibitor*

sacubitrilate

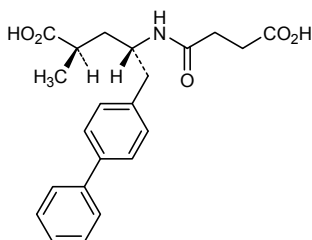
acide (2*R*,4*S*)-5-([1,1'-biphényl]-4-yl)-4-(3-carboxypropanamido)-2-méthylpentanoïque  
*inhibiteur de l'endopeptidase*

sacubitrilat

ácido (2*R*,4*S*)-5-([1,1'-bifenil]-4-il)-4-(3-carboxipropanamido)-2-metilpentanoico  
*inhibidor de la endopeptidasa*

C<sub>22</sub>H<sub>25</sub>NO<sub>5</sub>

149709-44-4

**selonsertibum**

selonsertib

5-(4-cyclopropyl-1*H*-imidazol-1-yl)-2-fluoro-4-méthyl-*N*-{6-[4-(propan-2-yl)-4*H*-1,2,4-triazol-3-yl]pyridin-2-yl}benzamide  
*serine/threonine kinase inhibitor*

sélonsertib

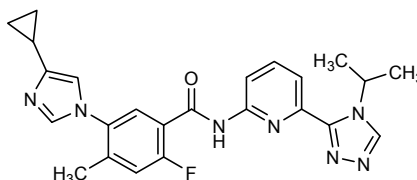
5-(4-cyclopropyl-1*H*-imidazol-1-yl)-2-fluoro-4-méthyl-*N*-{6-[4-(propan-2-yl)-4*H*-1,2,4-triazol-3-yl]pyridin-2-yl}benzamide  
*inhibiteur de la sérine/thréonine kinase*

selonsertib

5-(4-ciclopropil-1*H*-imidazol-1-il)-2-fluoro-4-metil-*N*-{6-[4-(propan-2-il)-4*H*-1,2,4-triazol-3-il]piridin-2-yl}benzamida  
*inhibidor de la serina/treonina kinasa*

C<sub>24</sub>H<sub>24</sub>FN<sub>7</sub>O

1448428-04-3





**tavilermidum**

tavilermide

3-[(4*S*,7*S*,10*S*)-7-(4-aminobutyl)-4-[(carboxyméthyl)carbamoyle]-14-nitro-6,9,12-trioxo-3,4,5,6,7,8,9,10,11,12-décahydro-2*H*-1,5,8,11-benzoxatriazacyclotétradécin-10-yl]propanoïque acid  
*nerve growth factor mimetic*

tavilermide

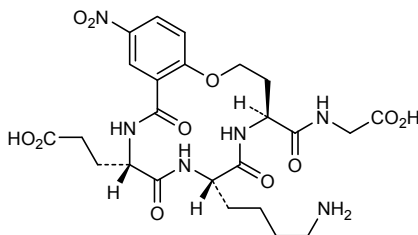
acide 3-[(4*S*,7*S*,10*S*)-7-(4-aminobutyl)-4-[(carboxyméthyl)carbamoyle]-14-nitro-6,9,12-trioxo-3,4,5,6,7,8,9,10,11,12-décahydro-2*H*-1,5,8,11-benzoxatriazacyclotétradécin-10-yl]propanoïque  
*mimétique du facteur de croissance du nerf*

tavilermida

ácido 3-[(4*S*,7*S*,10*S*)-7-(4-aminobutil)-4-[(carboximetil)carbamoil]-14-nitro-6,9,12-trioxo-3,4,5,6,7,8,9,10,11,12-décahidro-2*H*-1,5,8,11-benzoxatriazacyclotétradécin-10-il]propanoico  
*mimético del factor de crecimiento del nervio*

C<sub>24</sub>H<sub>32</sub>N<sub>6</sub>O<sub>11</sub>

263251-78-1

**tegoprazanum**

tegoprazan

7-[(4*S*)-5,7-difluoro-3,4-dihydro-2*H*-1-benzopyran-4-yl]oxy)-*N,N*,2-triméthyl-1*H*-benzimidazole-5-carboxamide  
*proton pump inhibitor*

tégo-prazan

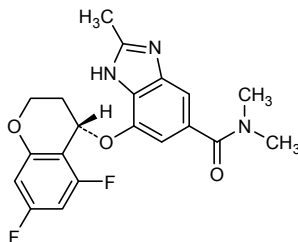
7-[(4*S*)-5,7-difluoro-3,4-dihydro-2*H*-1-benzopyran-4-yl]oxy)-*N,N*,2-triméthyl-1*H*-benzimidazole-5-carboxamide  
*inhibiteur de la pompe à protons*

tegoprazán

7-[(4*S*)-5,7-difluoro-3,4-dihidro-2*H*-1-benzopiran-4-il]oxi)-*N,N*,2-trimetil-1*H*-benzoimidazol-5-carboxamida  
*inhibidor de la bomba de protones*

C<sub>20</sub>H<sub>19</sub>F<sub>2</sub>N<sub>3</sub>O<sub>3</sub>

942195-55-3



**tesevatinibum**

tesevatinib

*N*-(3,4-dichloro-2-fluorophenyl)-6-methoxy-7-[[[(3*aR*,5*r*,6*aS*)-2-methyloctahydrocyclopenta[*c*]pyrrol-5-yl]methoxy]quinazolin-4-amine  
*tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic*

tésévatinib

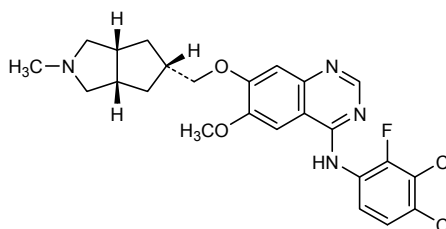
*N*-(3,4-dichloro-2-fluorophényl)-6-méthoxy-7-[[[(3*aR*,5*r*,6*aS*)-2-méthyloctahydrocyclopenta[*c*]pyrrol-5-yl]méthoxy]quinazolin-4-amine  
*inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique*

tesevatinib

*N*-(3,4-dicloro-2-fluorofenil)- 7-[[[(3*aR*,5*r*,6*aS*)-2-metiloctahidrociopenta[*c*]pirrol-5-il]metoxi]-6-metoxi-quinazolin-4-amina  
*inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico*

C<sub>24</sub>H<sub>25</sub>Cl<sub>2</sub>FN<sub>4</sub>O<sub>2</sub>

781613-23-8

**tezepelumabum #**

tezepelumab

immunoglobulin G2-lambda, anti-[*Homo sapiens* TSLP (thymic stromal lymphopoietin)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;

gamma2 heavy chain (1-448) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-33\*01 (93.90%) -(IGHD)-IGHJ3\*02) [8.8.15] (1-122) -IGHG2\*01, G2m.. (CH1 (123-220), hinge (221-232), CH2 (233-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (123-448)], (136-213')-disulfide with lambda light chain (1'-214') [*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGLV3-21\*02 (96.90%) -IGLJ2\*01) [6.3.11] (1'-108') -IGLC2\*01 (109'-214')]; dimer (224-224":225-225":228-228":231-231")-tetrakisdisulfide  
*immunomodulator*

tézésélumab

immunoglobuline G2-lambda, anti-[*Homo sapiens* TSLP (lymphopoiétine stromale thymique)], *Homo sapiens* anticorps monoclonal;

chaîne lourde gamma2 (1-448) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-33\*01 (93.90%) -(IGHD)-IGHJ3\*02) [8.8.15] (1-122) -IGHG2\*01, G2m.. (CH1 (123-220), charnière (221-232), CH2 (233-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (123-448)], (136-213')-disulfure avec la chaîne légère lambda (1'-214') [*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGLV3-21\*02 (96.90%) -IGLJ2\*01) [6.3.11] (1'-108') -IGLC2\*01 (109'-214')]; dimère (224-224":225-225":228-228":231-231")-tétrakisdisulfure  
*immunomodulateur*

tezepelumab

immunoglobulina G2-lambda, anti-[*Homo sapiens* TSLP (linfopoyetina estromal tímica)], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal;  
cadena pesada gamma2 (1-448) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-33\*01 (93.90%) -(IGHD)-IGHJ3\*02) [8.8.15] (1-122) -IGHG2\*01, G2m.. (CH1 (123-220), bisagra (221-232), CH2 (233-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (123-448)], (136-213')-disulfuro con la cadena ligera lambda (1'-214') [*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGLV3-21\*02 (96.90%) -IGLJ2\*01) [6.3.11] (1'-108') -IGLC2\*01 (109'-214')]; dímero (224-224":225-225":228-228":231-231")-tetrakisdisulfuro  
*immunomodulador*

1572943-04-4

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QMQLVESGGG VVQFGRSLRL SCAASGFTFR TYGMHWRQA PGKGLEWVAV 50  
IWDGSKNHY ADSVKGRFTI TRDNSKNTLN LQMNSLRAED FAVYYCARAP 100  
QWELVHEAFD IWGGGMVTV SSASTKGPSV FFLAPCSRST SESYALGCL 150  
VKDYFEEVTV VSWNSGALTS GVHTPPAVLQ SGLYLSLSSV VTFPSNFGT 200  
QTYTCNVDPK PSNTKYVDKTV ERKCCVCEFP CPAPFVAGPS VLFPPKPKD 250  
TLMISRTPEV TCVVVDVSH EDEPQFNWVY DGVVHNAKT KREEQFNST 300  
FRVSVLTVV HQDWLNGKEY KKVSNKGLP APIEKTISKV KGPREFQVY 350  
TLPPSREEMT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NNYTTPMMLD 400  
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK 448

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

SYVLTQPPSV SVAPGQTARI TCGGNLGSK SVHWYQQKPG QAPLVVYDD 50  
SDRPSWIPER FSGNSGNTA TLTISRGEAG DEADYVCQVW DSSSDHVVFV 100  
GGTKLTVLQK PKAAPSVTLF PPSSEELQAN KATLVCLISD FYPGAVTVAV 150  
KADSSFPKAG VETTTPSKQS NNKYAASSYL SLTPEQWKSH RSYSCQVTHE 200  
GSTVEKTVAP TECS 214

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 149-205 262-322 368-426  
22"-96" 149"-205" 262"-322" 368"-426"  
Intra-L (C23-C104) 22-87" 136"-195"  
22"-87" 136"-195"

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 136-213' 136"-213"

Inter-H-H (h 4, h 5, h 8, h 11) 224-224" 225-225" 228-228" 231-231"

\*In addition to the isoform A, isoform A/B characterized by an inter-H-H (h 4 - CH1 10) 224-136" and an inter-H-L (h 4 - CL 126) 224"-213", instead of the inter-H-H (h 4 - h 4) 224-224" and of one of the two inter-H-L (CH1 10-CL 126) 136"-213".

\*En plus de l'isoforme A, isoforme A/B caractérisée par un inter-H-H (h 4 - CH1 10) 224-136" et un inter-H-L (h 4 - CL 126) 224"-213", au lieu de l'inter-H-H (h 4 - h 4) 224-224" et de l'un des deux inter-H-L (CH1 10-CL 126) 136"-213".

\* además de la isoforma A, isoforma A/B caracterizado por un inter-H-H (h 4 - CH1 10) 224-136" y un inter-H-L (h 4 - CL 126) 224"-213", en lugar del inter-H-H (h 4 - h 4) 224-224" y uno de los dos inter-H-L (CH1 10-CL 126) 136"-213".

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

298, 298\*

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de typeCHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanosde tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

tisotumabum #  
tisotumab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* F3 (coagulation factor III (thromboplastin, tissue factor), CD142)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;  
gamma1 heavy chain (1-448) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23\*01 (93.90%) -(IGHD)-IGHJ5\*01) [8.8.11] (1-118) -IGHG1\*03, G1m3 (CH1 (119-216), hinge (217-231), CH2 (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1D-16\*01 (96.80%) -IGKJ2\*01) [6.3.9] (1'-107') -IGKC\*01, Km3 (108'-214')]; dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide  
*immunomodulator, antineoplastic*

tisotumab	immunoglobuline G1-kappa, anti-[ <i>Homo sapiens</i> F3 (facteur de coagulation III (thromboplastine, facteur tissulaire), CD142)], <i>Homo sapiens</i> anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-448) [ <i>Homo sapiens</i> VH (IGHV3-23*01 (93.90%) -(IGHD)-IGHJ5*01) [8.8.11] (1-118) -IGHG1*03, G1m3 (CH1 (119-216), charnière (217-231), CH2 (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214')] [ <i>Homo sapiens</i> V-KAPPA (IGKV1D-16*01 (96.80%) -IGKJ2*01) [6.3.9] (1'-107') -IGKC*01, Km3 (108'-214')]; dimère (227-227'':230-230'')-bisdisulfure <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
tisotumab	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[ <i>Homo sapiens</i> F3 (factor de coagulación III (tromboplastina, factor tisular), CD142)], <i>Homo sapiens</i> anticuerpo monoclonal ; cadena pesada gamma1 (1-448) [ <i>Homo sapiens</i> VH (IGHV3-23*01 (93.90%) -(IGHD)-IGHJ5*01) [8.8.11] (1-118) -IGHG1*03, G1m3 (CH1 (119-216), bisagra (217-231), CH2 (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214')] [ <i>Homo sapiens</i> V-KAPPA (IGKV1D-16*01 (96.80%) -IGKJ2*01) [6.3.9] (1'-107') -IGKC*01, Km3 (108'-214')]; dímero (227-227'':230-230'')-bisdisulfuro <i>immunomodulador, antineoplásico</i>

1418628-81-5

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS NYAMSWVRQA PGKGLEWVSS 50
ISGSGDYTYT TDSVKGRFTI SRDnskntly LQMNslraed TAVYYCARSP 100
WGYLDswGQ GTLVTVSSAS TKGpSVFPLA PSSkSTSGGT AALGCLVKDY 150
FEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVKRVEPKS CDKtHTCPPC PApELlGGPS VFLFPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APlEKtISKa KGQPREPQVY 350
TLPPSREEMT KQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKtTPPVLd 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EAlHNHYtQK SLSLSPGK 448

```

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

DIQMTQSPPS LSASAGDRVT ITCRASQGIS SRLAWYQQPK EKAPKSLIYA 50
ASSLQSGVPS RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ YNSYPYTFGQ 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

```

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426

22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"

23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-214' 221\*"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

298, 298"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glicanos de tipo CHO bi-antennaires

complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

**tisotumabum vedotinum #**

tisotumab vedotin

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* F3 (coagulation factor III (thromboplastin, tissue factor), CD142)], *Homo sapiens* monoclonal antibody conjugated to auristatin E;

gamma1 heavy chain (1-448) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23\*01 (93.90%) -(IGHD)-IGHJ5\*01) [8.8.11] (1-118) -IGHG1\*03, G1m3 (CH1 (119-216), hinge (217-231), CH2 (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1D-16\*01 (96.80%) -IGKJ2\*01) [6.3.9] (1'-107') -IGKC\*01, Km3 (108'-214')]; dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide; conjugated, on an average of 3 to 4 cysteinyl, to monomethylauristatin E (MMAE), via a cleavable maleimidocaproyl-valyl-citrullinyl-*p*-aminobenzyloxycarbonyl (mc-val-cit-PABC) type linker  
For the *vedotin* part, please refer to the document "*INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others*".  
*immunomodulator, antineoplastic*

tisotumab védotine

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* F3 (facteur de coagulation III (thromboplastine, facteur tissulaire), CD142)], *Homo sapiens* anticorps monoclonal conjugué à l'auristatine E;

chaîne lourde gamma1 (1-448) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23\*01 (93.90%) -(IGHD)-IGHJ5\*01) [8.8.11] (1-118) -IGHG1\*03, G1m3 (CH1 (119-216), charnière (217-231), CH2 (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1D-16\*01 (96.80%) -IGKJ2\*01) [6.3.9] (1'-107') -IGKC\*01, Km3 (108'-214')]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure; conjugué, sur 3 à 4 cystéinyl en moyenne, au monométhylauristatine E (MMAE), via un linker clivable de type maléimidocaproyl-valyl-citrullinyl-*p*-aminobenzyloxycarbonyl (mc-val-cit-PABC)

Pour la partie *védotine*, veuillez-vous référer au document "*INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others*".  
*immunomodulateur, antinéoplasique*

tisotumab vedotina

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* F3 (factor de coagulación III (tromboplastina, factor tisular), CD142)], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal conjugado con la auristatina E;

cadena pesada gamma1 (1-448) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23\*01 (93.90%) -(IGHD)-IGHJ5\*01) [8.8.11] (1-118) -IGHG1\*03, G1m3 (CH1 (119-216), bisagra(217-231), CH2 (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1D-16\*01 (96.80%) -IGKJ2\*01) [6.3.9] (1'-107') -IGKC\*01, Km3 (108'-214')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro; conjugado, en 3 - 4 restos cisteinil por termino medio, con monometilauristatina E (MMAE), mediante un espaciador escindible de tipo maleimidocaproyl-valil-citrulinil-*p*-aminobenciloxycarbonil (mc-val-cit-PABC)

La fracción *vedotina*, la pueden encontrar en el documento "*INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others*".  
*immunomodulador, antineoplásico*

1418731-10-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada  
 EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS NYAMSWVRQA PGKLEWVSS 50  
 ISGSGDYTY TDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNLSRAED TAVYYCARSP 100  
 WGYLDWSGQ GTLTVVSSAS TKGPSVFLA PSSKSTSGT AALGCLVKDY 150  
 FPEPVTWSN SGALTSVHT FPAVLQSSGL YLSLVVTVF SSSLGTQTYI 200  
 CNVNHKPSNT KVDKRVKPKS CDKTHTCPPC PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250  
 TLMISRTPEV TCVVVDVSH EDPVKFNWYV DGEVHNKAT KPREEQYNST 300  
 YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPVQVY 350  
 TLPSPREEMT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPVLD 400  
 SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera  
 DIQMTQSPFSS LSASAGDRVT ITCRASQGIS SRLAWYQQKPK EKAPKSLIYA 50  
 ASSLQSGVPS RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ YNSYPTFGQ 100  
 GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNEY PREAKVQWVK 150  
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200  
 LSSPVTKSFN RGEK 214

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426  
 22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"  
 23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126)\* 221-214" 221"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14)\* 227-227" 230-230"

\*Two or three of the inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 3 to 4 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

\*Deux ou trois des ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 3 à 4 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

\*Faltan dos o tres puentes disulfuro inter-catenarios, una media de 3 a 4 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación  
 H CH2 N84.4:

298, 298"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires  
 complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

**trevogrumabum #**  
 trevogrumab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MSTN (myostatin, growth differentiation factor 8, GDF8, GDF-8)], human monoclonal antibody;  
 gamma4 heavy chain (1-447) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23\*01 (93.90%) -(IGHD)-IGHJ6\*01 T125>I (117) [8.8.13] (1-120) -IGHG4\*01 (CH1 (121-218), hinge S10>P (228) (219-230), CH2 (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (121-447)], (134-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [*Homo sapiens* (V-KAPPA (IGKV1-27\*01 (90.50%) -IGKJ4\*01) [6.3.9] (1'-107') -IGKC\*01, Km3 (108'-214'))]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide  
*immunomodulator*

trévogrumab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MSTN (myostatine, facteur de croissance et de différenciation 8, GDF8, GDF-8)], anticorps monoclonal humain;  
 chaîne lourde gamma4 (1-447) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23\*01 (93.90%) -(IGHD)-IGHJ6\*01 T125>I (117) [8.8.13] (1-120) -IGHG4\*01 (CH1 (121-218), charnière S10>P (228) (219-230), CH2 (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (121-447)], (134-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [*Homo sapiens* (V-KAPPA (IGKV1-27\*01 (90.50%) -IGKJ4\*01) [6.3.9] (1'-107') -IGKC\*01, Km3 (108'-214'))]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure  
*immunomodulateur*

trevogrumab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MSTN (miostatina, factor de crecimiento y diferenciación 8, GDF8, GDF-8)], anticuerpo monoclonal humano; cadena pesada gamma4 (1-447) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23\*01 (93.90%) -(IGHD)-IGHJ6\*01 T125>I (117) [8.8.13] (1-120) -IGHG4\*01 (CH1 (121-218), bisagra S10>P (228) (219-230), CH2 (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (121-447)], (134-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [*Homo sapiens* (V-KAPPA (IGKV1-27\*01 (90.50%) -IGKJ4\*01) [6.3.9] (1'-107') -IGKC\*01, Km3 (108'-214'))]; dímero (226'-226":229'-229")-bisdisulfuro  
*inmunomodulador*

1429201-24-0

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQVLESGGD LVQPGGSLRL SCAASGFTFS AYAMTWVRQA PGKGLEWVSA 50
ISGSGGSAYY ADSVKGRFTI SRDNSKNTVY LQMNSLRAED TAVYYCAKDG 100
AWKMSGLDLVW GGGTTIVVSS ASTKGPVFP LAPCSRSTSE STAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSV HTPFVAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTRK 200
YTCNVDRKPS NTKVDRKVES KYGPPCCPCP APEFLGGPSV FLFPKPKDPT 250
LMSRTPPEVT CVVVDVSQED PEVQFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQFNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKGLPS SIEKTISKAK GQPREPQVYT 350
LPPSQEEMTK NQVSLTCLVK GFYFSDIAVE WESNGQPENN YKTTFPVLDL 400
DGSFFLYSRL TVDKSRWQEG NVFSCSVME ALHNHYTQKS LLSLGLGK 447
```

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPAS LSASVGRVIT ITCRASQDIS DYLAWYQQKPK GKIPRLLIYT 50
TSTLQSGVPS RFRSGSGGTD FLTISSLQP EDVATYYCQK YDSAPLTFGG 100
GTKVEIKRRT AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNFFY PREAKVQWQV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214
```

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

```
Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 261-321 367-425
                22"-96" 147"-203" 261"-321" 367"-425"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
                23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 134-214' 134"-214"
Inter-H-H (h 8, h 11) 226-226" 229-229"
```

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

HCH2 N84.4:  
297, 297"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

**vaborbactamum**

vaborbactam

{{(3*R*,6*S*)-2-hydroxy-3-[2-(thiophen-2-yl)acetamido]-1,2-oxaborinan-6-yl}acetic acid  
*beta-lactamase inhibitor*

vaborbactam

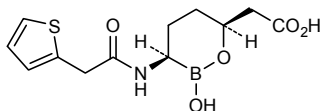
acide {{(3*R*,6*S*)-2-hydroxy-3-[2-(thiophén-2-yl)acétamido]-1,2-oxaborinan-6-yl}acétique  
*inhibiteur de la bêta-lactamase*

vaborbactam

ácido {{(3*R*,6*S*)-2-hidroxi-3-[2-(tiofen-2-il)acetamido]-1,2-oxaborinan-6-il}acético  
*inhibidor de la beta lactamasa*

C<sub>12</sub>H<sub>16</sub>BNO<sub>5</sub>S

1360457-46-0



**vadastuximabum talirinum #**  
vadastuximab talirine

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD33 (sialic acid binding Ig-like lectin 3, SIGLEC3, SIGLEC-3, gp67, p67)], chimeric monoclonal antibody conjugated to the pyrrolbenzodiazepine (PDB) dimer SGD-1882; gamma1 heavy chain (1-447) [*Mus musculus* VH (IGHV1-85\*01 -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 (118-215), hinge (216-230), CH2 S3>C (239) (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV14-111\*01 -*Homo sapiens* IGKJ4\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (108'-214')]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide; conjugated, on two site-specific drug attachment engineered cysteines (C239, C239"), to a maximum of 2 pyrrolbenzodiazepine (PDB) dimers SGD-1882, each via a cleavable (valine-alanine dipeptide as cathepsine B cleavage site) maleimidocaproyl type linker  
*immunomodulator, antineoplastic*

vadastuximab talirine

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD33 (lectine 3 de type Ig-like liant l'acide sialique, SIGLEC3, SIGLEC-3, gp67, p67)], anticorps monoclonal chimérique conjugué au dimère de pyrrolbenzodiazépine (PDB) SGD-1882; chaîne lourde gamma1 (1-447) [*Mus musculus* VH (IGHV1-85\*01 -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 (118-215), charnière (216-230), CH2 S3>C (239) (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV14-111\*01 -*Homo sapiens* IGKJ4\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (108'-214')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure; conjugué, sur deux cystéines sites de fixation spécifique du linker-produit actif (C239, C239"), à un maximum de 2 dimères de pyrrolbenzodiazépine (PDB) SGD-1882, chacun via un linker clivable (dipeptide valine-alanine clivable par la cathepsine B) de type maléimidocaproyl  
*immunomodulateur, antinéoplasique*

vadastuximab talirina

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD33 (lectina 3 de tipo Ig-like que liga el ácido siálico, SIGLEC3, SIGLEC-3, gp67, p67)], anticuerpo monoclonal quimérico conjugado con el dímero de pirolbenzodiazepina (PDB) SGD-1882; cadena pesada gamma1 (1-447) [*Mus musculus* VH (IGHV1-85\*01 -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 (118-215), bisagra (216-230), CH2 S3>C (239) (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV14-111\*01 -*Homo sapiens* IGKJ4\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 (108'-214')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro; conjugado, en dos cisteinas sitios de fijación específicos del linker-producto activo (C239, C239"), con un máximo de 2 dímeros de pirrolbenzodiazepina (PDB) SGD-1882, cada uno mediante un espaciador escindible (dipéptido valina-alanina escindible por la catepsina B) de tipo maléimidocaproyl  
*inmunomodulador, antineoplásico*

1436390-64-5

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYFTT NYDINWVRQA PGQGLEWIGW 50  
 IYPGDGSKY NEKFKAKATL TADTSTSTAY MELRSLRSDD TAVYQCASGY 100  
 EDAMDYWGQG TTVTVSSAST KGPVFPPLAP SKKSTSGCTA ALGGLVKDYF 150  
 PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVTVVPS SSLGTQTYIC 200  
 NVNHKPSNTR VDKKVEPKSC DKTHTCPPCP APELLGGPCV FLFPPKPKDT 250  
 LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQVNSTY 300  
 RVVSVLTVLH QDNLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTIKAK GQPREPQVYT 350  
 LPSPRDELTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPVLDL 400  
 DGSFLYSLK TVDKSRWQGG NVFSCSVMHE ALHNHYTQKS LSLSPGK 447

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS LSASVGRVT INCKASQDIN SYLSWFQQKP GKAPKTLIYR 50  
 ANRLVDGVPV RFGSGSGQD YTLTISLQP EDFATYICLQ YDEFPLTFGG 100  
 GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWVK 150  
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYKHK VYACEVTHQG 200  
 LSSPVTKSFN RGEK 214

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 144-200 261-321 367-425  
 22"-96" 144"-200" 261"-321" 367"-425"  
 Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'  
 23'''-88''' 134'''-194'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 220-214' 220"-214'''

Inter-H-H (h 11, h 14) 226-226" 229-229"

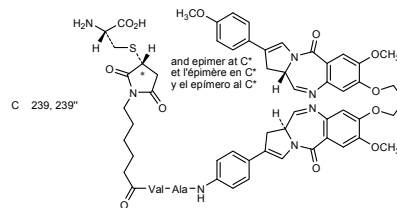
## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

297, 297"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires  
 complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

## Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados

**velmanasum alfa**

velmanase alfa

human lysosomal alpha-mannosidase (Laman, EC3.2.1.24, mannosidase alpha class 2B member 1), produced in CHO (Chinese Hamster Ovary) cells, alfa glycoform  
*enzyme replacement therapy*

velmanase alfa

alpha mannosidase lysosomiale humaine (Laman, EC3.2.1.24, membre 1 de classe 2B de la mannosidase alpha), produite par la cellule ovarienne de hamster chinois (CHO), forme glycosylée alfa  
*traitement enzymatique substitutif*

velmanasa alfa

alfa manosidasa lisosómica humana (Laman, EC3.2.1.24, miembro 1 de la clase 2B de la manosidasa alfa), producida por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa  
*tratamiento enzimático de sustitución*

1492823-75-2

GGYETCPTVQ	PNMLNVHLLP	HTHDDVGWLK	TVDQYFYGIK	NDIQHAGVQY	50
ILDSVISALL	ADPTRRFIYV	EIAFFSRWWH	QQTNATQEVV	RDLVRQGRLE	100
FANGGWVMD	EAATHYGAIV	DQMTLGLRFL	EDTFGNDGRP	RVAWHIDPFG	150
HSREQASLFA	QMGFDGFFFG	RLDYQDKWVR	MQKLEMEQVM	RASTSLKPPT	200
ADLFTGVLPN	GYNPPRNLCW	DVLCVDQPLV	EDPRSPEYNA	KELVDYFFLNW	250
ATAQGRYVRT	NHTVMTMGSD	FQYEMANMWF	KMLDKLIRLV	NAQQARGSSV	300
HVLYSTPACY	LWELNKANLT	WSVKHDDFFP	YADGPHQFTT	CYFSSRPALK	350
RVERLSYNFL	QVCNQLEÄLV	GLAANVGPYV	SGDSAPINEA	MAVLQHHDVA	400
SGTSRQHVAN	DYARQLAAGW	GPCEVLLSNA	LARLRGFKDH	FTFCQQLNIS	450
ICPLSQTAAAR	FQVIYVYVPLG	RKVNMMVRLP	VSEGVFVVKD	PNGRTVPSDV	500
VIFPSSDSQA	HPELLFSAS	LPALGFSTYS	VAQVPRWKQP	ARAPQPIPRR	550
SWSPALTIEEN	EHIRATFDPD	TGLLMEIMNM	NQQLLFPVRQ	TFWFYNASIG	600
DNESDQASGA	YIFRPNQKQP	LPVSRWAQIH	LVKFTPLVQEV	HQNFSAWCSSQ	650
VVRLYPGQRH	LELEWSVGPI	PVGDWTGKEV	ISRFDTFLET	KGRFYTDSNG	700
REILERRRDY	RPTWKLQTE	PVAGNYYPVN	TRIVYTDGNM	QLTVLTDRSQ	750
GGSSLRDGS	ELMVHRRLLK	DDGRGVSEPL	MENGSAGAVR	GRHLVLLDTA	800
QAAAAHRLL	AEQEVLAFOV	VLAPGGGAAV	NLGAAPPRTQF	SGLRRDLPPS	850
VHLLTLASWG	PEMVLLRLEH	QFAVGEDSGR	NLSAPVTLNL	RDLFSFTFIT	900
RLQETTLVAN	QLREASRLK	WTTNTGPTPH	QTPYQLDPAN	ITLEPMEIRT	950
FLÄSVQWKEV	DG				962

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro  
6-309 219-224 363-423 444-452

Glycosylation sites (potential) / Sites de glycosylation (potentiels) / Posiciones de glicosilación (potenciales)

Asn-84 Asn-261 Asn-318 Asn-448 Asn-596 Asn-602  
Asn-643 Asn-717 Asn-783 Asn-881 Asn-940

**vesatolimodum**

vesatolimod

4-amino-2-butoxy-8-({3-[(pyrrolidin-1-yl)methyl]phenyl)methyl}-7,8-dihydropteridin-6(5H)-one immunomodulator, antineoplastic

vésatolimod

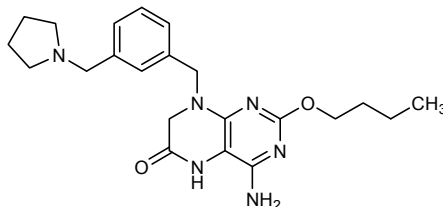
4-amino-2-butoxy-8-({3-[(pyrrolidin-1-yl)méthyl]phényl)méthyl}-7,8-dihydroptéridin-6(5H)-one immunomodulateur, antinéoplasique

vesatolimod

4-amino-2-butoxi-8-({3-[(pirrolidin-1-il)metil]fenil}metil)-7,8-dihidropteridin-6(5H)-ona inmmunomodulador, antineoplásico

C<sub>22</sub>H<sub>30</sub>N<sub>6</sub>O<sub>2</sub>

1228585-88-3

**vistusertibum**

vistusertib

3-{2,4-bis[(3S)-3-methylmorpholin-4-yl]pyrido[2,3-d]pyrimidin-7-yl}-N-methylbenzamide antineoplastic

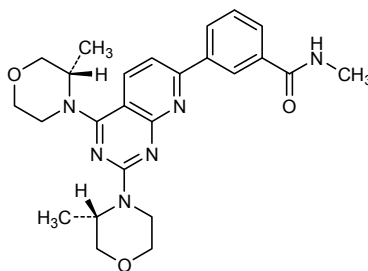
vistusertib

3-{2,4-bis[(3S)-3-méthylmorpholin-4-yl]pyrido[2,3-d]pyrimidin-7-yl}-N-méthylbenzamide antinéoplasique

- vistusertib 3-{2,4-bis[(3*S*)-3-méthylmorpholin-4-yl]pyrido[2,3-*d*]pyrimidin-7-yl}-*N*-méthylbenzamide  
*antineoplasique*
- vistusertib 3-{2,4-bis[(3*S*)-3-metilmorfolin-4-il]pirido[2,3-*d*]pirimidin-7-il}-*N*-metilbenzamida  
*antineoplásico*

C<sub>25</sub>H<sub>30</sub>N<sub>6</sub>O<sub>3</sub>

1009298-59-2



- volanesorsenum**  
volanesorsen

*all-P-ambo-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioguanlylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanlylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanlylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyluridine  
*antihypertriglyceridaemic agent**

- volanésorsen *tout-P-ambo-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioguanlylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-déoxy-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-déoxy-P-thioguanlylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-déoxy-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-déoxy-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-déoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-déoxy-P-thioguanlylyl-(3'→5')-2'-déoxy-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridine  
*antihypertriglycéridémiant**

volanesorsén

*todo-P-ambo-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metil-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metil-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metil-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metil-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metil-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metil-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metiluridina antipertrigliceridemiante*

C<sub>230</sub>H<sub>320</sub>N<sub>63</sub>O<sub>125</sub>P<sub>19</sub>S<sub>19</sub>

915430-78-3

(3'→5')(P-thio)(Amoe-Gmoe-mCmoe-Tmoe-Tmoe-dmC-dT-dT-dG-dT-dmC-dmC-dA-dG-dmC-Tmoe-Tmoe-Tmoe-Amoe-Tmoe)  
d (as prefix) = 2'-deoxy  
m (as prefix) = 5-methyl  
moe (as suffix) = 2'-O-[2-methoxy(ethyl)]

volixibat  
volixibat

*N*-(3-*O*-benzil-6-*O*-sulfo-β-*D*-glucopyranosyl)-*N'*-{3-[(3*S*,4*R*,5*R*)-3-butyl-7-(dimethylamino)-3-ethyl-4-hidroxi-1,1-dioxi-2,3,4,5-tetrahidro-1*H*-1λ<sup>6</sup>-benzotiepín-5-yl]fenil}urea  
*ileal bile acid transporter inhibitor*

volixibat

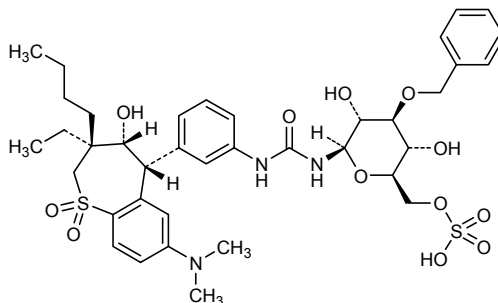
*N*-(3-*O*-benzil-6-*O*-sulfo-β-*D*-glucopyranosyl)-*N'*-{3-[(3*S*,4*R*,5*R*)-3-butyl-7-(diméthylamino)-3-éthyl-4-hidroxi-1,1-dioxi-2,3,4,5-tétrahidro-1*H*-1λ<sup>6</sup>-benzotiepín-5-yl]phényl}urée  
*inhibiteur du transporteur iléal d'acides biliaires*

volixibat

*N*-(3-*O*-bencil-6-*O*-sulfo-β-*D*-glucopiranosil)-*N'*-{3-[(3*S*,4*R*,5*R*)-3-butil-7-(dimetilamino)-3-etil-4-hidroxi-1,1-dioxi-2,3,4,5-tetrahidro-1*H*-1λ<sup>6</sup>-benzotiepín-5-yl]fenil}urea  
*inhibidor del transportador ilíaco de ácidos biliares*

C<sub>38</sub>H<sub>51</sub>N<sub>3</sub>O<sub>12</sub>S<sub>2</sub>

1025216-57-2



**voxilaprevirum**

voxilaprevir

(1*aR*,5*S*,8*S*,9*S*,10*R*,22*aR*)-5-*tert*-butyl-*N*-{(1*R*,2*R*)-2-(difluorométhyl)-1-[(1-méthylcyclopropanesulfonyl)carbamoyl]cyclopropyl}-9-éthyl-18,18-difluoro-14-méthoxy-3,6-dioxo-1,1*a*,3,4,5,6,9,10,18,19,20,21,22,22*a*-tétradécahydro-8*H*-7,10-méthanocyclopropa[18,19][1,10,3,6]dioxadiazacyclononadécino[11,12-*b*]quinoxaline-8-carboxamide  
*antiviral*

voxilaprevir

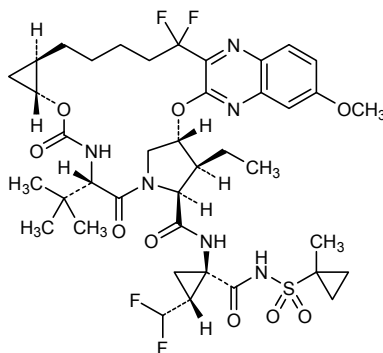
(1*aR*,5*S*,8*S*,9*S*,10*R*,22*aR*)-5-*tert*-butyl-*N*-{(1*R*,2*R*)-2-(difluorométhyl)-1-[(1-méthylcyclopropanesulfonyl)carbamoyl]cyclopropyl}-9-éthyl-18,18-difluoro-14-méthoxy-3,6-dioxo-1,1*a*,3,4,5,6,9,10,18,19,20,21,22,22*a*-tétradécahydro-8*H*-7,10-méthanocyclopropa[18,19][1,10,3,6]dioxadiazacyclononadécino[11,12-*b*]quinoxaline-8-carboxamide  
*antiviral*

voxilaprevir

(1*aR*,5*S*,8*S*,9*S*,10*R*,22*aR*)-5-*terc*-butil-*N*-{(1*R*,2*R*)-2-(difluorometil)-1-[(1-metilciclopropanosulfonyl)carbamoil]ciclopropil}-9-etil-18,18-difluoro-14-metoxi-3,6-dioxo-1,1*a*,3,4,5,6,9,10,18,19,20,21,22,22*a*-tétradécahidro-8*H*-7,10-metanociclopropa[18,19][1,10,3,6]dioxadiazacilonadécino[11,12-*b*]quinoxalina-8-carboxamida  
*antiviral*

C<sub>40</sub>H<sub>52</sub>F<sub>4</sub>N<sub>6</sub>O<sub>9</sub>S

1535212-07-7

**zidebactamum**

zidebactam

(1*R*,2*S*,5*R*)-7-oxo-2-{2-[(3*R*)-piperidine-3-carbonyl]hydrazinecarbonyl}-1,6-diazabicyclo[3.2.1]octan-6-yl hydrogen sulfate  
*beta-lactamase inhibitor*

zidébactam

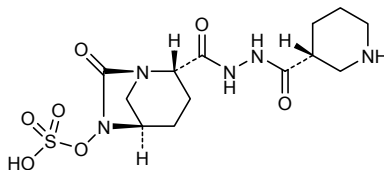
hydrogénosulfate de (1*R*,2*S*,5*R*)-7-oxo-2-{2-[(3*R*)-pipéridine-3-carbonyl]hydrazinecarbonyl}-1,6-diazabicyclo[3.2.1]octan-6-yle  
*inhibiteur de la bêta-lactamase*

zidebactam

hidrógenosulfato de (1*R*,2*S*,5*R*)-7-oxo-  
2-{2-[(3*R*)-piperidina-3-carbonil]hidrazinacarbonil}-  
1,6-diazabicyclo[3.2.1]octan-6-ilo  
*inhibidor de la beta lactamasa*

C<sub>13</sub>H<sub>21</sub>N<sub>5</sub>O<sub>7</sub>S

1436861-97-0



# Electronic structure available on Mednet: <http://mednet.who.int/>

# Structure électronique disponible sur Mednet: <http://mednet.who.int/>

# Estructura electrónica disponible en Mednet: <http://mednet.who.int/>

\* <http://www.who.int/medicines/services/inn/publication/en/>

**Names for Radicals and Groups**

Some substances for which a proposed international nonproprietary name has been established may be used in the form of salts or esters. The radicals or groups involved may be of complex composition and it is then inconvenient to refer to them in a systematic chemical nomenclature. Consequently, shorter nonproprietary names for some radicals and groups have been devised or selected, and they are suggested for use with the proposed international nonproprietary names.

**Dénominations applicables aux radicaux et groupes**

Certaines substances pour lesquelles une dénomination commune internationale proposée a été établie sont parfois utilisées sous forme de sels ou d'esters. Les radicaux ou groupes correspondants sont alors quelques fois si complexes qu'il est malcommode de les désigner conformément à la nomenclature chimique systématique. Des dénominations communes abrégées ont donc été formées ou choisies pour certains d'entre eux et il est suggéré de les employer avec les dénominations communes internationales proposées.

**Denominaciones para Radicales y Grupos**

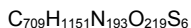
Ciertas sustancias para las cuales hay establecidas una denominación común internacional pueden usarse en forma de sales o de ésteres. Los radicales o grupos correspondientes pueden llegar a tener una composición tan compleja que resulte incómodo referirse a ellos mediante la nomenclatura química sistemática. Las siguientes denominaciones comunes abreviadas han sido ideadas o elegidas para algunos de estos radicales y grupos y se sugiere que se empleen con las denominaciones comunes internacionales propuestas.

**amunaleukinum**

amunaleukin tris[(tetraglycyl)seryl]-[3-alanine(T>A18),42-alanine(F>A57),45-alanine(Y>A60),72-glycine(L>G87),125-alanine(C>A140)]human interleukin-2 (IL-2, T-cell growth factor, TCGF)

amunaleukine tris[(tétraglycyl)séryl]-[3-alanine(T>A18),42-alanine(F>A57),45-alanine(Y>A60),72-glycine(L>G87),125-alanine(C>A140)]interleukine-2 humaine (IL-2, facteur de croissance des cellules-T, TCGF)

amunaleukina tris[(tetraglicil)seril]-[3-alanina(T>A18),42-alanina(F>A57),45-alanina(Y>A60),72-glicina(L>G87),125-alanina(C>A140)]interleukina-2 humana (IL-2, factor de crecimiento de las células-T, TCGF)



Linker IL-2 chain / Peptide de liaison IL-2 / Péptido de enlace IL-2

GGGGSGGGGS GGGGSAPASS STKKTQLQLE HLLLDLQMIL NGINNYKNPK 50  
LTRMLTAKFA MPKKATELKH LQCLEEELKP LEEVLNGAQS KNFHLRPRDL 100  
ISNINVIVLE LKGSETTFMC EYADETATIV EFLNRWITFA QSIISTLT 148

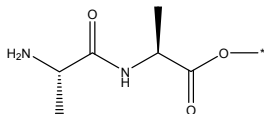
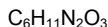
Disulfide bridge location / Position du pont disulfure / Posición del puente disulfuro  
73-120

**bialanas**

bialanate L-alanyl-L-alaninate (ester)

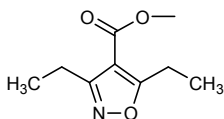
bialanate L-alanyl-L-alaninate (ester)

bialanato L-alanil-L-alaninato (ester)



**disoxas**

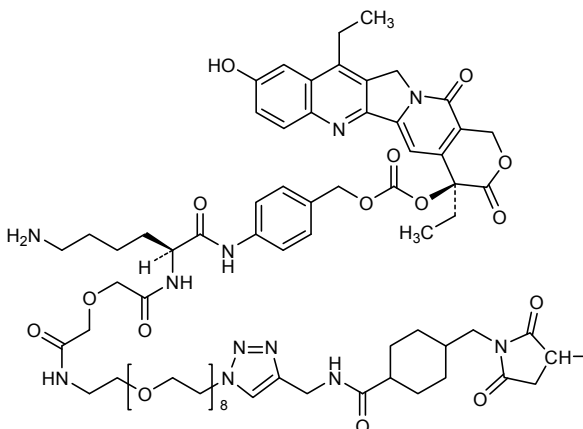
disoxate 3,5-diethyl-1,2-oxazole-4-carboxylate (ester)  
 disoxate 3,5-diéthyl-1,2-oxazole-4-carboxylate (ester)  
 disoxato 3,5-dietyl-1,2-oxazol-4-carboxilato (éster)

C<sub>8</sub>H<sub>10</sub>NO<sub>3</sub>**govitecanum**

govitecan (3*RS*)-1-[4-[[[1-[(34*S*)-38-amino-34-[(4-[[[(4*S*)-4,11-diethyl-9-hydroxy-3,14-dioxo-3,4,12,14-tetrahydro-1*H*-pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolin-4-yl]oxy]carbonyl]oxy]methyl]phenyl]carbamoyl]-28,32-dioxo-3,6,9,12,15,18,21,24,30-nonaoxa-27,33-diazaoctatriacontan-1-yl]-1*H*-1,2,3-triazol-4-yl)methyl]carbamoyl]cyclohexyl)methyl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl

govitécan (3*RS*)-1-[4-[[[1-[(34*S*)-38-amino-34-[(4-[[[(4*S*)-4,11-diéthyl-9-hydroxy-3,14-dioxo-3,4,12,14-tétrahydro-1*H*-pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinoléin-4-yl]oxy]carbonyl]oxy]méthyl]phényl]carbamoyl]-28,32-dioxo-3,6,9,12,15,18,21,24,30-nonaoxa-27,33-diazaoctatriacontan-1-yl]-1*H*-1,2,3-triazol-4-yl)méthyl]carbamoyl]cyclohexyl)méthyl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle

govitecán (3*RS*)-1-[4-[[[1-[(34*S*)-38-amino-34-[(4-[[[(4*S*)-4,11-dietil-9-hidroxi-3,14-dioxo-3,4,12,14-tetrahidro-1*H*-pirano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolein-4-*il*]oxi]carbonil]oxi]metil]fenil]carbamoil]-28,32-dioxo-3,6,9,12,15,18,21,24,30-nonaoxa-27,33-diazaoctatriacontan-1-*il*]-1*H*-1,2,3-triazol-4-*il*]metil]carbamoil]ciclohexil]metil]-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo

C<sub>73</sub>H<sub>98</sub>N<sub>11</sub>O<sub>22</sub>

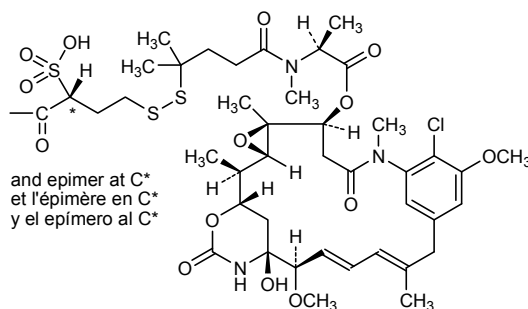
**soravtansinum**

soravtansine (2*RS*)-4-[2-(5-[[*(2S)*-1-[[*(1S,2R,3S,5S,6S,16E,18E,20R,21S)*]-11-chloro-21-hydroxy-12,20-dimethoxy-2,5,9,16-tetramethyl-8,23-dioxo-4,24-dioxa-9,22-diazatetracyclo[19.3.1.1<sup>10,14</sup>.0<sup>3,5</sup>]hexacosa-10,12,14(26),16,18-pentaen-6-yl]oxy]-1-oxopropan-2-yl](methylamino)-2-methyl-5-oxopentan-2-yl]disulfanyl]-2-sulfobutanoyl

soravtansine (2*RS*)-4-[2-(5-[[*(2S)*-1-[[*(1S,2R,3S,5S,6S,16E,18E,20R,21S)*]-11-chloro-21-hydroxy-12,20-diméthoxy-2,5,9,16-tétraméthyl-8,23-dioxo-4,24-dioxa-9,22-diazatétracyclo[19.3.1.1<sup>10,14</sup>.0<sup>3,5</sup>]hexacosa-10,12,14(26),16,18-pentaén-6-yl]oxy]-1-oxopropan-2-yl](méthyl)amino)-2-méthyl-5-oxopentan-2-yl]disulfanyl]-2-sulfobutanoyle

soravtansina (2*RS*)-4-[2-(5-[[*(2S)*-1-[[*(1S,2R,3S,5S,6S,16E,18E,20R,21S)*]-11-cloro-21-hidroxi-12,20-dimetoxi-2,5,9,16-tetrametil-8,23-dioxo-4,24-dioxa-9,22-diazatetraciclo[19.3.1.1<sup>10,14</sup>.0<sup>3,5</sup>]hexacosa-10,12,14(26),16,18-pentaén-6-il]oxi]-1-oxopropan-2-il](metil)amino)-2-metil-5-oxopentan-2-il]disulfanil]-2-sulfobutanoloil

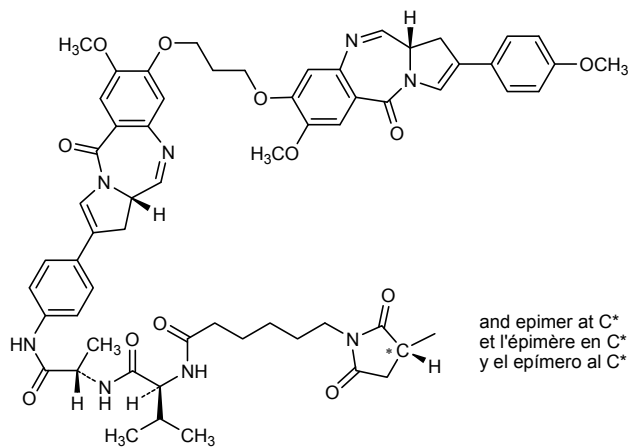
C<sub>42</sub>H<sub>59</sub>ClN<sub>3</sub>O<sub>14</sub>S<sub>3</sub>

**talirinum**

talirine S<sup>239</sup>, S<sup>239r</sup>-bis[(2<sup>11a</sup>S, 8<sup>11a</sup>S, 12S, 15S, 23<sup>3</sup>RS)-1<sup>4</sup>, 2<sup>7</sup>, 8<sup>7</sup>-trimethoxy-12-methyl-2<sup>5</sup>, 8<sup>5</sup>, 11, 14, 17, 23<sup>2</sup>, 23<sup>5</sup>-heptaoxo-15-(propan-2-yl)-2<sup>5</sup>, 2<sup>11a</sup>, 8<sup>5</sup>, 8<sup>11a</sup>-tetrahydro-2<sup>1</sup>H, 8<sup>1</sup>H-3, 7-dioxa-10, 13, 16-triaza-2(2,8), 8(8,2)-bis(pyrrolo[2, 1-c][1, 4]benzodiazepina)-23(1)-pyrrolidina-1(1), 9(1,4)-dibenzenatricosaphan-23<sup>3</sup>-yl]

talirine S<sup>239</sup>, S<sup>239r</sup>-bis[(2<sup>11a</sup>S, 8<sup>11a</sup>S, 12S, 15S, 23<sup>3</sup>RS)-1<sup>4</sup>, 2<sup>7</sup>, 8<sup>7</sup>-triméthoxy-12-méthyl-2<sup>5</sup>, 8<sup>5</sup>, 11, 14, 17, 23<sup>2</sup>, 23<sup>5</sup>-heptaoxo-15-(propan-2-yl)-2<sup>5</sup>, 2<sup>11a</sup>, 8<sup>5</sup>, 8<sup>11a</sup>-tétrahydro-2<sup>1</sup>H, 8<sup>1</sup>H-3, 7-dioxa-10, 13, 16-triaza-2(2,8), 8(8,2)-bis(pyrrolo[2, 1-c][1, 4]benzodiazépina)-23(1)-pyrrolidina-1(1), 9(1,4)-dibénéatricosaphan-23<sup>3</sup>-yl]

talirina S<sup>239</sup>, S<sup>239r</sup>-bis[(2<sup>11a</sup>S, 8<sup>11a</sup>S, 12S, 15S, 23<sup>3</sup>RS)-1<sup>4</sup>, 2<sup>7</sup>, 8<sup>7</sup>-trimetoxi-12-metil-2<sup>5</sup>, 8<sup>5</sup>, 11, 14, 17, 23<sup>2</sup>, 23<sup>5</sup>-heptaoxo-15-(propan-2-il)-2<sup>5</sup>, 2<sup>11a</sup>, 8<sup>5</sup>, 8<sup>11a</sup>-tetrahydro-2<sup>1</sup>H, 8<sup>1</sup>H-3, 7-dioxa-10, 13, 16-triaza-2(2,8), 8(8,2)-bis(pirrollo[2, 1-c][1, 4]benzodiazepina)-23(1)-pirrolidina-1(1), 9(1,4)-dibencenatricosafan-23<sup>3</sup>-yl]

C<sub>60</sub>H<sub>65</sub>N<sub>8</sub>O<sub>12</sub>**tesarinum**

tesarine

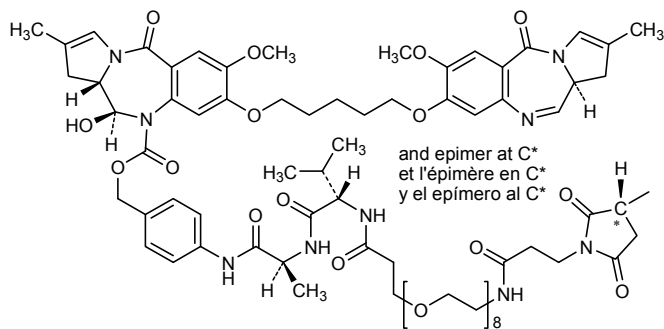
(1<sup>11a</sup>S,9<sup>11</sup>S,9<sup>11a</sup>S,16S,19S,52<sup>3</sup>RS)-9<sup>11</sup>-hydroxy-1<sup>7</sup>,9<sup>7</sup>-dimethoxy-1<sup>2</sup>,9<sup>2</sup>,16-trimethyl-1<sup>5</sup>,9<sup>5</sup>,10,15,18,21,49,52<sup>2</sup>,52<sup>5</sup>-nonaoxo-19-(propan-2-yl)-1<sup>5</sup>,1<sup>11a</sup>,9<sup>11</sup>,9<sup>11a</sup>-tetrahydro-1<sup>1</sup>H,9<sup>1</sup>H,9<sup>5</sup>H-2,8,11,24,27,30,33,36,39,42,45-undecaoxa-14,17,20,48-tetraaza-1(8),9(8,10)-bis(pyrrolo[2,1-c][1,4]benzodiazepina)-52(1)-pyrrolidina-13(1,4)benzenadopentacontaphan-52<sup>3</sup>-yl

tesarine

(1<sup>11a</sup>S,9<sup>11</sup>S,9<sup>11a</sup>S,16S,19S,52<sup>3</sup>RS)-9<sup>11</sup>-hydroxy-1<sup>7</sup>,9<sup>7</sup>-diméthoxy-1<sup>2</sup>,9<sup>2</sup>,16-triméthyl-1<sup>5</sup>,9<sup>5</sup>,10,15,18,21,49,52<sup>2</sup>,52<sup>5</sup>-nonaoxo-19-(propan-2-yl)-1<sup>5</sup>,1<sup>11a</sup>,9<sup>11</sup>,9<sup>11a</sup>-tétrahydro-1<sup>1</sup>H,9<sup>1</sup>H,9<sup>5</sup>H-2,8,11,24,27,30,33,36,39,42,45-undécaoxa-14,17,20,48-tétraaza-1(8),9(8,10)-bis(pyrrolo[2,1-c][1,4]benzodiazépina)-52(1)-pyrrolidina-13(1,4)benzénadopentacontaphan-52<sup>3</sup>-yle

tesarina

(1<sup>11a</sup>S,9<sup>11</sup>S,9<sup>11a</sup>S,16S,19S,52<sup>3</sup>RS)-9<sup>11</sup>-hidroxi-1<sup>7</sup>,9<sup>7</sup>-dimetoxi-1<sup>2</sup>,9<sup>2</sup>,16-trimetil-1<sup>5</sup>,9<sup>5</sup>,10,15,18,21,49,52<sup>2</sup>,52<sup>5</sup>-nonaoxo-19-(propan-2-il)-1<sup>5</sup>,1<sup>11a</sup>,9<sup>11</sup>,9<sup>11a</sup>-tetrahidro-1<sup>1</sup>H,9<sup>1</sup>H,9<sup>5</sup>H-2,8,11,24,27,30,33,36,39,42,45-undecaoxa-14,17,20,48-tetraaza-1(8),9(8,10)-bis(pirrolo[2,1-c][1,4]benzodiazepina)-52(1)-pirrolidina-13(1,4)benzenadopentacontafan-52<sup>3</sup>-ilo

C<sub>75</sub>H<sub>102</sub>N<sub>9</sub>O<sub>23</sub>

**AMENDMENTS TO PREVIOUS LISTS  
MODIFICATIONS APPORTÉES AUX LISTES ANTÉRIEURES  
MODIFICACIONES A LAS LISTAS ANTERIORES**

**Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 78**  
**Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 78**  
**Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 78**  
*(WHO Drug Information, Vol. 11, No. 4, 1997)*

p. 293     **thyrotropinum alfa**  
 thyrotropin alfa           *replace the mechanism of action by the following one*  
 thyrotropine alfa         *remplacer le mécanisme d'action par le suivant*  
 tirotropina alfa           *sustitúyase el mecanismo de acción por el siguiente*  
                                   *thyroid stimulating hormone (TSH) analogue*  
                                   *analogue de la thyroestimuline*  
                                   *análogo de la tireoestimulina*

**Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 107**  
**Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 107**  
**Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 107**  
*(WHO Drug Information, Vol. 26, No. 2, 2012)*

p. 201     **rilimogenum glafolivecum #**  
 rilimogene glafolivec     *replace the CAS registry number by the following one*  
 rilimogène glafolivec    *remplacer le numéro de registre du CAS par le suivant*  
 rilimogén glafolivec     *sustitúyase el número de registro del CAS por el siguiente*  
                                   1225283-42-0

**Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 111**  
**Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 111**  
**Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 111**  
*(WHO Drug Information, Vol. 28, No. 2, 2014)*

p. 242	<i>delete / supprimer / suprimáse</i>	<i>insert / insérer / insertese</i>
	<b>irbinitinibum</b>	<b>tucatinibum</b>
	irbinitinib	tucatinib
	irbinitinib	tucatinib
	irbinitinib	tucatinib

p. 266     **vanucizumabum #**  
 & 267  
 vanucizumab               *replace the description by the following one*  
 vanucizumab               *remplacer la description par la suivante*  
 vanucizumab               *sustitúyase la descripción por la siguiente*

immunoglobulin recombined G1-kappa/lambda, anti-[*Homo sapiens*  
 ANGPT2 (angiopoietin 2, Ang2)]/anti-*Homo sapiens* VEGFA (vascular  
 endothelial growth factor A, VEGF-A, VEGF)], humanized monoclonal  
 antibody;

gamma1 heavy chain anti-ANGPT2 (1-463) [*Homo sapiens* VH (*Homo sapiens* IGHV1-2\*02 (100.00%) -(IGHD)-IGHJ3\*02) [8.8.22] (1-129) -*Homo sapiens* IGKC\*01 R1.4>A (130), T1.3>S (131) (130-236) -IGHG1\*01 hinge-CH2-CH3-CHS (hinge 6-15 (237-246), CH2 (247-356), CH3 Y5>C (365), T22>S (382), L24>A (384), Y86>V (423) (357-461), CHS (462-463)) (237-463)], (236-213')-disulfide with light chain anti-ANGPT2 (1'-213') [glutaminylyl-prolyl-glycyl (1'-3') -*Homo sapiens* V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21\*02 (100.00%) -IGLJ1\*01) [6.3.11] (4'-108') -linker seryl-seryl (109'-110') -*Homo sapiens* IGHG1\*01 CH1-hinge (CH1 (111'-208') -hinge (1-5) (209'-213'))]; gamma1 heavy chain anti-VEGFA (1-453) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV3-23\*03 (76.80%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.8.16] (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1\*01 (CH1 (124-221), hinge (222-236), CH2 (237-346), CH3 S10>C (360), T22>W (372) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)],(226-214')-disulfide with kappa light chain anti-VEGFA (1'-214') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16\*01 (88.40%) -IGKJ1\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01 (108'-214')]; dimer (242-232":245-235":365-360")-trisdisulfide

immunoglobuline recombinée G1-kappa/lambda, anti-[*Homo sapiens* ANGPT2 (angiopoietine 2, Ang2)]/anti-*Homo sapiens* VEGFA (facteur de croissance A de l'endothélium vasculaire, VEGF-A, VEGF)], anticorps monoclonal humanisé;

chaîne lourde gamma1 anti-ANGPT2 (1-463) [*Homo sapiens* VH (*Homo sapiens* IGHV1-2\*02 (100.00%) -(IGHD)-IGHJ3\*02) [8.8.22] (1-129) -*Homo sapiens* IGKC\*01 R1.4>A (130), T1.3>S (131) (130-236) -IGHG1\*01 charnière-CH2-CH3-CHS (charnière 6-15 (237-246), CH2 (247-356), CH3 Y5>C (365), T22>S (382), L24>A (384), Y86>V (423) (357-461), CHS (462-463)) (237-463)], (236-213')-disulfure avec la chaîne légère anti-ANGPT2 (1'-213') [glutaminylyl-prolyl-glycyl (1'-3') -*Homo sapiens* V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21\*02 (100.00%) -IGLJ1\*01) [6.3.11] (4'-108') -linker séryl-séryl (109'-110') -*Homo sapiens* IGHG1\*01 CH1-charnière (CH1 (111'-208') -charnière (1-5) (209'-213'))];

chaîne lourde gamma1 anti-VEGFA (1-453) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-23\*03 (76.80%) -(IGHD)-IGHJ4\*01) [8.8.16] (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1\*01 (CH1 (124-221), charnière (222-236), CH2 (237-346), CH3 S10>C (360) T22>W (372) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)],(226-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa anti-VEGFA (1'-214') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-16\*01 (88.40%) -IGKJ1\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01 (108'-214')]; dimère (242-232":245-235":365-360")-trisdisulfure

immunoglobulina recombinada G1-kappa/lambda, anti-[*Homo sapiens* ANGPT2 (angiopoyetina 2, Ang2)]/anti-*Homo sapiens* VEGFA (factor de crecimiento A del endotelio vascular, VEGF-A, VEGF)], anticuerpo monoclonal humanizado;

cadena pesada gamma1 anti-ANGPT2 (1-463) [*Homo sapiens* VH (*Homo sapiens* IGHV1-2\*02 (100.00%) -(IGHD)-IGHJ3\*02) [8.8.22] (1-129) -*Homo sapiens* IGKC\*01 R1.4>A (130), T1.3>S (131) (130-236) -IGHG1\*01 bisagra-CH2-CH3-CHS (bisagra 6-15 (237-246), CH2 (247-356), CH3 Y5>C (365), T22>S (382), L24>A (384), Y86>V (423) (357-461), CHS (462-463)) (237-463)], (236-213')-disulfuro con la cadena ligera anti-ANGPT2 (1'-213') [glutaminil-proliil-glicil (1'-3') -*Homo sapiens* V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21\*02 (100.00%) -IGLJ1\*01) [6.3.11] (4'-108') -conector seril-seril (109'-110') -*Homo sapiens* IGHG1\*01 CH1-bisagra (CH1 (111'-208') -bisagra (1-5) (209'-213'))];

cadena pesada gamma1 anti-VEGFA (1-453) [VH humanizado (*Homo*

*sapiens* IGHV3-23\*03 (76.80%) -(IGHD)-IGHJ4\*01 [8.8.16] (1-123) -  
*Homo sapiens* IGHG1\*01 (CH1 (124-221), bisagra (222-236), CH2  
 (237-346), CH3 S10>C (360) T22>W (372) (347-451), CHS (452-453))  
 (124-453)], (226-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa anti-  
 VEGFA (1'-214') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-16\*01  
 (88.40%) -IGKJ1\*01) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01 (108'-  
 214')]; dímero

**Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 112**  
**Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 112**  
**Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 112**  
 (WHO Drug Information, Vol. 28, No. 4, 2014)

p. 497 **elafibranorum**

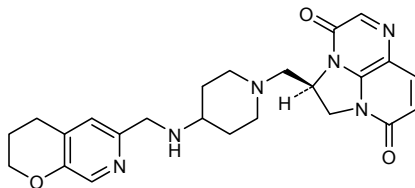
elafibranor

*replace the mechanism of action by the following one*  
*peroxisome proliferator activated receptor*

p. 504 **gepotidacinum**

gepotidacin  
 gépotidacine  
 gepotidacina

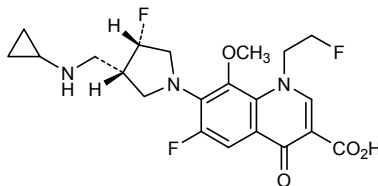
*replace the structure by the following one*  
*remplacer la structure par la suivante*  
*sustitúyase la estructura por la siguiente*



p. 511 **lascufloxacinum**

lascufloxacin  
 lascufloxacine  
 lascufloxacina

*replace the structure by the following one*  
*remplacer la structure par la suivante*  
*sustitúyase la estructura por la siguiente*



p. 514

*delete / supprimer / suprimáse*  
**lopixibati chloridum**  
 lopixibat chloride  
 chlorure de lopixibat  
 cloruro de lopixibat

*insert / insérer / insertese*  
**maralixibati chloridum**  
 maralixibat chloride  
 chlorure de maralixibat  
 cloruro de maralixibat

p. 516-17	<i>delete / supprimer / suprimáse</i> <b>mereletinibum</b> mereletinib méréletínib mereletinib	<i>insert / insérer / insertese</i> <b>osimertinibum</b> osimertinib osimertinib osimertinib
p. 518-19	<i>delete / supprimer / suprimáse</i> <b>neladenosoni dalanas</b> neladenoson dalanate dalanate de néladénoson dalanato de neladenosón	<i>insert / insérer / insertese</i> <b>neladenosoni bialanas</b> neladenoson bialanate bialanate de néladénoson bialanato de neladenosón
p. 538	<b>vandortuzumab vedotinum</b> vandortuzumab vedotin vandortuzumab védotine vandortuzumab vedotina	<i>replace the structure by the following one</i> <i>remplacer la structure par la suivante</i> <i>sustitúyase la estructura por la siguiente</i>

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada  
 EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAVSGYSIT SDYAWNWVRQ APGKLEWVG 50  
 YISNMSGSTSY NPSLKSRTTI SRDTSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARER 100  
 NYDYDDYYA MDYWGQGLTV TVSSASTKGP SVFPLAPSSK STSGGTAALG 150  
 CLVKDYFPEP TVSWNSGAL TSGVHTFPVAV LQSSGLYSLS SVVTVFSSSL 200  
 GTQTYICNVN HKPSNTKVDK KVEPKSCDKT HTCPCCPAPE LLGGPSVFLF 250  
 PPKPKDTLMI SRTPEVTCVV VDVSHEDPEV KFNWYVDGVE VHNAKTKPRE 300  
 EQYNSTYRNV SVLTVLHQDW LNGKEYKCKV SNKALPAPIE KTISKAKGQP 350  
 REFQVYTLPP SREEMTKNQV SLTCLVKGFI PSIDIAVWES NGQPENNYKT 400  
 TFPVLDSDGS FFLYSKLTVD KSRWQQGNVF SCSVMHEALH NHYTQKLSLS 450  
 SPGK 454

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera  
 DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCKSSQSLI YRSNQNLYA WYQQKPGKAP 50  
 KLLIYWASTR ESGVPSRFSG SGSGTDFTLT ISSLQPEDFA TYCCQYYNY 100  
 PRTFGQGTKV EIKRTVAAPS VFIFFPSDEQ LKSGTASVVC LLNMFYPREA 150  
 KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKDSYTS LSSTLTLSKA DYEKHKVYAC 200  
 EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC 220

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 151-207 268-328 374-432  
 22"-96" 151"-207" 268"-328" 374"-432"  
 Intra-L (C23-C104) 23"-94" 140"-200"  
 23"-94" 140"-200"

Inter-H-L\* (h 5-CL 126) 227-220" 227"-220"

Inter-H-H\* (h 11, h 14) 233-233" 236-236"

\*Two or three of the inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 3 to 4 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

\*Deux ou trois des ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 3 à 4 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

\*Faltan dos o tres puentes disulfuro inter-catenarios, una media de 3 a 4 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:  
 304, 304'

**Under Names for Radicals and Groups**  
**Sous Dénominations applicables aux radicaux et groupes**  
**Bajo Denominaciones para Radicales y Grupos**

p. 541	<i>delete/supprimer/suprimáse</i> <b>dalanas</b> dalanate dalanate dalanato	<i>insert/insérer/insertese</i> <b>bialanas</b> bialanate bialanate bialanato
--------	---	---

## ANNEX 1

**PROCEDURE FOR THE SELECTION OF RECOMMENDED INTERNATIONAL NONPROPRIETARY NAMES FOR PHARMACEUTICAL SUBSTANCES<sup>1</sup>**

The following procedure shall be followed by the World Health Organization (hereinafter also referred to as "WHO") in the selection of recommended international nonproprietary names for pharmaceutical substances, in accordance with resolution WHA3.11 of the World Health Assembly, and in the substitution of such names.

*Article 1* - Proposals for recommended international nonproprietary names and proposals for substitution of such names shall be submitted to WHO on the form provided therefore. The consideration of such proposals shall be subject to the payment of an administrative fee designed only to cover the corresponding costs of the Secretariat of WHO ("the Secretariat"). The amount of this fee shall be determined by the Secretariat and may, from time to time, be adjusted.

*Article 2* - Such proposals shall be submitted by the Secretariat to the members of the Expert Advisory Panel on the International Pharmacopoeia and Pharmaceutical Preparations designated for this purpose, such designated members hereinafter referred to as "the INN Expert Group", for consideration in accordance with the "General principles for guidance in devising International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances", annexed to this procedure<sup>2</sup>. The name used by the person discovering or first developing and marketing a pharmaceutical substance shall be accepted, unless there are compelling reasons to the contrary.

*Article 3* - Subsequent to the examination provided for in article 2, the Secretariat shall give notice that a proposed international nonproprietary name is being considered.

a) Such notice shall be given by publication in *WHO Drug Information*<sup>3</sup> and by letter to Member States and to national and regional pharmacopoeia commissions or other bodies designated by Member States.

i) Notice shall also be sent to the person who submitted the proposal ("the original applicant") and other persons known to be concerned with a name under consideration.

b) Such notice shall:

i) set forth the name under consideration;

ii) identify the person who submitted the proposal for naming the substance, if so requested by such person;

iii) identify the substance for which a name is being considered;

iv) set forth the time within which comments and objections will be received and the person and place to whom they should be directed;

v) state the authority under which WHO is acting and refer to these rules of procedure.

---

<sup>1</sup> See Annex 1 in WHO Technical Report Series, No. 581, 1975. The original text was adopted by the Executive Board in resolution EB15.R7 and amended in resolutions EB43.R9 and EB115.R4.

<sup>2</sup> See Annex 2.

<sup>3</sup> Before 1987, lists of international nonproprietary names were published in the *Chronicle of the World Health Organization*.

c) In forwarding the notice, the Secretariat shall request that Member States take such steps as are necessary to prevent the acquisition of proprietary rights in the proposed name during the period it is under consideration by WHO.

*Article 4* - Comments on the proposed name may be forwarded by any person to WHO within four months of the date of publication, under article 3, of the name in *WHO Drug Information*.

*Article 5* - A formal objection to a proposed name may be filed by any interested person within four months of the date of publication, under article 3, of the name in *WHO Drug Information*.

Such objection shall:

- i) identify the person objecting;
- ii) state his or her interest in the name;
- iii) set forth the reasons for his or her objection to the name proposed.

*Article 6* - Where there is a formal objection under article 5, WHO may either reconsider the proposed name or use its good offices to attempt to obtain withdrawal of the objection. Without prejudice to the consideration by WHO of a substitute name or names, a name shall not be selected by WHO as a recommended international nonproprietary name while there exists a formal objection thereto filed under article 5 which has not been withdrawn.

*Article 7* - Where no objection has been filed under article 5, or all objections previously filed have been withdrawn, the Secretariat shall give notice in accordance with subsection (a) of article 3 that the name has been selected by WHO as a recommended international nonproprietary name.

*Article 8* - In forwarding a recommended international nonproprietary name to Member States under article 7, the Secretariat shall:

- a) request that it be recognized as the nonproprietary name for the substance; and
- b) request that Member States take such steps as are necessary to prevent the acquisition of proprietary rights in the name and to prohibit registration of the name as a trademark or trade name.

*Article 9*

a) In the extraordinary circumstance that a previously recommended international nonproprietary name gives rise to errors in medication, prescription or distribution, or a demonstrable risk thereof, because of similarity with another name in pharmaceutical and/or prescription practices, and it appears that such errors or potential errors cannot readily be resolved through other interventions than a possible substitution of a previously recommended international nonproprietary name, or in the event that a previously recommended international nonproprietary name differs substantially from the nonproprietary name approved in a significant number of Member States, or in other such extraordinary circumstances that justify a substitution of a recommended international nonproprietary name, proposals to that effect may be filed by any interested person. Such proposals shall be submitted on the form provided therefore and shall:

- i) identify the person making the proposal;
  - ii) state his or her interest in the proposed substitution; and
  - iii) set forth the reasons for the proposal; and
  - iv) describe, and provide documentary evidence regarding the other interventions undertaken in an effort to resolve the situation, and the reasons why these other interventions were inadequate.
-

Such proposals may include a proposal for a new substitute international nonproprietary name, devised in accordance with the General principles, which takes into account the pharmaceutical substance for which the new substitute international nonproprietary name is being proposed.

The Secretariat shall forward a copy of the proposal, for consideration in accordance with the procedure described in subsection (b) below, to the INN Expert Group and the original applicant or its successor (if different from the person bringing the proposal for substitution and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations).

In addition, the Secretariat shall request comments on the proposal from:

- i) Member States and national and regional pharmacopoeia commissions or other bodies designated by Member States (by including a notice to that effect in the letter referred to in article 3(a), and
- ii) any other persons known to be concerned by the proposed substitution.

The request for comments shall:

- i) state the recommended international nonproprietary name that is being proposed for substitution (and the proposed substitute name, if provided);
- ii) identify the person who submitted the proposal for substitution (if so requested by such person);
- iii) identify the substance to which the proposed substitution relates and reasons put forward for substitution;
- iv) set forth the time within which comments will be received and the person and place to whom they should be directed; and
- v) state the authority under which WHO is acting and refer to these rules of procedure.

Comments on the proposed substitution may be forwarded by any person to WHO within four months of the date of the request for comments.

b) After the time period for comments referred to above has elapsed, the Secretariat shall forward any comments received to the INN Expert Group, the original applicant or its successor and the person bringing the proposal for substitution. If, after consideration of the proposal for substitution and the comments received, the INN Expert Group, the person bringing the proposal for substitution and the original applicant or its successor all agree that there is a need to substitute the previously recommended international nonproprietary name, the Secretariat shall submit the proposal for substitution to the INN Expert Group for further processing.

Notwithstanding the foregoing, the original applicant or its successor shall not be entitled to withhold agreement to a proposal for substitution in the event the original applicant or its successor has no demonstrable continuing interest in the recommended international nonproprietary name proposed for substitution.

In the event that a proposal for substitution shall be submitted to the INN Expert Group for further processing, the INN Expert Group will select a new international nonproprietary name in accordance with the General principles referred to in article 2 and the procedure set forth in articles 3 to 8 inclusive. The notices to be given by the Secretariat under article 3 and article 7, respectively, including to the original applicant or its successor (if not the same as the person proposing the substitution, and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations), shall in such event indicate that the new name is a substitute for a previously recommended international nonproprietary name and that Member States may

wish to make transitional arrangements in order to accommodate existing products that use the previously recommended international nonproprietary name on their label in accordance with national legislation.

If, after consideration of the proposal for substitution and the comments received in accordance with the procedure described above, the INN Expert Group, the original applicant or its successor and the person bringing the proposal for substitution do not agree that there are compelling reasons for substitution of a previously recommended international nonproprietary name, this name shall be retained (provided always that the original applicant or its successor shall not be entitled to withhold agreement to a proposal for substitution in the event that the original applicant or its successor has no demonstrable continuing interest in the recommended international nonproprietary name proposed to be substituted). In such an event, the Secretariat shall advise the person having proposed the substitution, as well as the original applicant or its successor (if not the same as the person proposing the substitution, and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations), Member States, national and regional pharmacopoeia commissions, other bodies designated by Member States, and any other persons known to be concerned by the proposed substitution that, despite a proposal for substitution, it has been decided to retain the previously recommended international nonproprietary name (with a description of the reason(s) why the proposal for substitution was not considered sufficiently compelling).

## ANNEX 2

### **GENERAL PRINCIPLES FOR GUIDANCE IN DEVISING INTERNATIONAL NONPROPRIETARY NAMES FOR PHARMACEUTICAL SUBSTANCES<sup>1</sup>**

1. International Nonproprietary Names (INN) should be distinctive in sound and spelling. They should not be inconveniently long and should not be liable to confusion with names in common use.
2. The INN for a substance belonging to a group of pharmacologically related substances should, where appropriate, show this relationship. Names that are likely to convey to a patient an anatomical, physiological, pathological or therapeutic suggestion should be avoided.

*These primary principles are to be implemented by using the following secondary principles:*

3. In devising the INN of the first substance in a new pharmacological group, consideration should be given to the possibility of devising suitable INN for related substances, belonging to the new group.
4. In devising INN for acids, one-word names are preferred; their salts should be named without modifying the acid name, e.g. "oxacillin" and "oxacillin sodium", "ibufenac" and "ibufenac sodium".
5. INN for substances which are used as salts should in general apply to the active base or the active acid. Names for different salts or esters of the same active substance should differ only in respect of the name of the inactive acid or the inactive base.  
For quaternary ammonium substances, the cation and anion should be named appropriately as separate components of a quaternary substance and not in the amine-salt style.
6. The use of an isolated letter or number should be avoided; hyphenated construction is also undesirable.
7. To facilitate the translation and pronunciation of INN, "f" should be used instead of "ph", "t" instead of "th", "e" instead of "ae" or "oe", and "i" instead of "y"; the use of the letters "h" and "k" should be avoided.

---

<sup>1</sup> In its Twentieth report (WHO Technical Report Series, No. 581, 1975), the WHO Expert committee on Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances reviewed the general principles for devising, and the procedures for selecting, INN in the light of developments in pharmaceutical compounds in recent years. The most significant change has been the extension to the naming of synthetic chemical substances of the practice previously used for substances originating in or derived from natural products. This practice involves the use of a characteristic "stem" indicative of a common property of the members of a group. The reason for, and the implications of, the change are fully discussed.

The guiding principles were updated during the 13<sup>th</sup> Consultation on nonproprietary names for pharmaceutical substances (Geneva, 27-29 April 1983) (PHARM S/NOM 928 13 May 1983, revised 18 August 1983).

8. Provided that the names suggested are in accordance with these principles, names proposed by the person discovering or first developing and marketing a pharmaceutical preparation, or names already officially in use in any country, should receive preferential consideration.

9. Group relationship in INN (see General principle 2) should if possible be shown by using a common stem. The following list contains examples of stems for groups of substances, particularly for new groups. There are many other stems in active use.<sup>1</sup> Where a stem is shown without any hyphens it may be used anywhere in the name.

<b>Latin</b>	<b>English</b>	
-acum	-ac	anti-inflammatory agents, ibufenac derivatives
-adolum	-adol }	analgesics
-adol-	-adol-}	
-astum	-ast	antiasthmatic, antiallergic substances not acting primarily as antihistaminics
-astinum	-astine	antihistaminics
-azepamum	-azepam	diazepam derivatives
bol	bol	steroids, anabolic
-cain-	-cain-	class I antiarrhythmics, procainamide and lidocaine derivatives
-cainum	-caine	local anaesthetics
cef-	cef-	antibiotics, cephalosporanic acid derivatives
-cillinum	-cillin	antibiotics, 6-aminopenicillanic acid derivatives
-conazolom	-conazole	systemic antifungal agents, miconazole derivatives
cort	cort	corticosteroids, except prednisolone derivatives
-coxibum	-coxib	selective cyclo-oxygenase inhibitors
-entanum	-entan	endothelin receptor antagonists
gab	gab	gabamimetic agents
gado-	gado-	diagnostic agents, gadolinium derivatives
-gatrimum	-gatrimum	thrombin inhibitors, antithrombotic agents
gest	gest	steroids, progestogens
gli	gli	antihyperglycaemics
io-	io-	iodine-containing contrast media
-metacinum	-metacin	anti-inflammatory, indometacin derivatives
-mycinum	-mycin	antibiotics, produced by <i>Streptomyces</i> strains
-nidazolom	-nidazole	antiprotozoal substances, metronidazole derivatives
-ololum	-olol	$\beta$ -adrenoreceptor antagonists
-oxacinum	-oxacin	antibacterial agents, nalidixic acid derivatives
-platinum	-platin	antineoplastic agents, platinum derivatives
-poetinum	-poetin	erythropoietin type blood factors
-pril(at)um	-pril(at)	angiotensin-converting enzyme inhibitors
-profenum	-profen	anti-inflammatory substances, ibuprofen derivatives
prost	prost	prostaglandins
-relinum	-relin	pituitary hormone release-stimulating peptides
-sartanum	-sartan	angiotensin II receptor antagonists, antihypertensive (non-peptidic)
-vaptanum	-vaptan	vasopressin receptor antagonists
vin-	vin- }	vinca-type alkaloids
-vin-	-vin-}	

<sup>1</sup> A more extensive listing of stems is contained in the working document WHO/EMP/RHT/TSN/2013.1 which is regularly updated and can be requested from the INN Programme, WHO, Geneva.

## ANNEXE 1

**PROCEDURE A SUIVRE EN VUE DU CHOIX DE DENOMINATIONS  
COMMUNES INTERNATIONALES RECOMMANDEES POUR LES  
SUBSTANCES PHARMACEUTIQUES<sup>1</sup>**

L'Organisation mondiale de la Santé (également désignée ci-après sous l'appellation « OMS ») observe la procédure exposée ci-dessous pour l'attribution de dénominations communes internationales recommandées pour les substances pharmaceutiques, conformément à la résolution WHA3.11 de l'Assemblée mondiale de la Santé, et pour le remplacement de telles dénominations.

*Article 1* - Les propositions de dénominations communes internationales recommandées et les propositions de remplacement de telles dénominations sont soumises à l'OMS sur la formule prévue à cet effet. L'examen de telles propositions est soumis au paiement d'une taxe administrative destinée uniquement à couvrir les coûts correspondants assumés par le Secrétariat de l'OMS (« le Secrétariat »). Le montant de cette taxe est déterminé par le Secrétariat et peut être modifié de temps à autre.

*Article 2* - Ces propositions sont soumises par le Secrétariat aux experts désignés à cette fin parmi les personnalités inscrites au Tableau d'experts de la Pharmacopée internationale et des Préparations pharmaceutiques, ci-après désignés sous l'appellation « le Groupe d'experts des DCI » ; elles sont examinées par les experts conformément aux « Directives générales pour la formation de dénominations communes internationales pour les substances pharmaceutiques » reproduites ci-après<sup>2</sup>. La dénomination acceptée est la dénomination employée par la personne qui découvre ou qui, la première, fabrique et lance sur le marché une substance pharmaceutique, à moins que des raisons majeures n'obligent à s'écarter de cette règle.

*Article 3* - Après l'examen prévu à l'article 2, le Secrétariat notifie qu'un projet de dénomination commune internationale est à l'étude.

a) Cette notification est faite par une insertion dans *WHO Drug Information*<sup>3</sup> et par l'envoi d'une lettre aux Etats Membres et aux commissions nationales et régionales de pharmacopée ou autres organismes désignés par les Etats Membres.

i) Notification est également faite à la personne qui a soumis la proposition (« le demandeur initial ») et à d'autres personnes portant à la dénomination mise à l'étude un intérêt notoire.

b) Cette notification contient les indications suivantes :

i) dénomination mise à l'étude;

ii) nom de l'auteur de la proposition tendant à attribuer une dénomination à la substance, si cette personne le demande ;

iii) définition de la substance dont la dénomination est mise à l'étude ;

iv) délai pendant lequel seront reçues les observations et les objections à l'égard de cette dénomination ; nom et adresse de la personne habilitée à recevoir ces observations et objections ;

v) mention des pouvoirs en vertu desquels agit l'OMS et référence au présent règlement.

---

<sup>1</sup> Voir annexe 1 dans OMS, Série de Rapports techniques, N° 581, 1975. Le texte original a été adopté par le Conseil exécutif dans sa résolution EB15.R7 et amendé dans ses résolutions EB43.R9 et EB115.R4.

<sup>2</sup> Voir annexe 2.

<sup>3</sup> Avant 1987, les listes de dénominations communes internationales étaient publiées dans la *Chronique de l'Organisation mondiale de la Santé*.

c) En envoyant cette notification, le Secrétariat demande aux Etats Membres de prendre les mesures nécessaires pour prévenir l'acquisition de droits de propriété sur la dénomination proposée pendant la période au cours de laquelle cette dénomination est mise à l'étude par l'OMS.

*Article 4* - Des observations sur la dénomination proposée peuvent être adressées à l'OMS par toute personne, dans les quatre mois qui suivent la date de publication de la dénomination dans *WHO Drug Information* (voir l'article 3).

*Article 5* - Toute personne intéressée peut formuler une objection formelle contre la dénomination proposée dans les quatre mois qui suivent la date de publication de la dénomination dans *WHO Drug Information* (voir l'article 3).

Cette objection doit s'accompagner des indications suivantes :

- i) nom de l'auteur de l'objection ;
- ii) intérêt qu'il ou elle porte à la dénomination en cause ;
- iii) raisons motivant l'objection contre la dénomination proposée.

*Article 6* - Lorsqu'une objection formelle est formulée en vertu de l'article 5, l'OMS peut soit soumettre la dénomination proposée à un nouvel examen, soit intervenir pour tenter d'obtenir le retrait de l'objection. Sans préjudice de l'examen par l'OMS d'une ou de plusieurs appellations de remplacement, l'OMS n'adopte pas d'appellation comme dénomination commune internationale recommandée tant qu'une objection formelle présentée conformément à l'article 5 n'est pas levée.

*Article 7* - Lorsqu'il n'est formulé aucune objection en vertu de l'article 5, ou que toutes les objections présentées ont été levées, le Secrétariat fait une notification conformément aux dispositions du paragraphe a) de l'article 3, en indiquant que la dénomination a été choisie par l'OMS en tant que dénomination commune internationale recommandée.

*Article 8* - En communiquant aux Etats Membres, conformément à l'article 7, une dénomination commune internationale recommandée, le Secrétariat :

- a) demande que cette dénomination soit reconnue comme dénomination commune de la substance considérée ; et
- b) demande aux Etats Membres de prendre les mesures nécessaires pour prévenir l'acquisition de droits de propriété sur cette dénomination et interdire le dépôt de cette dénomination comme marque ou appellation commerciale.

*Article 9* -

a) Dans le cas exceptionnel où une dénomination commune internationale déjà recommandée donne lieu à des erreurs de médication, de prescription ou de distribution ou en comporte un risque démontrable, en raison d'une similitude avec une autre appellation dans la pratique pharmaceutique et/ou de prescription, et où il apparaît que ces erreurs ou ces risques d'erreur ne peuvent être facilement évités par d'autres interventions que le remplacement éventuel d'une dénomination commune internationale déjà recommandée, ou dans le cas où une dénomination commune internationale déjà recommandée diffère sensiblement de la dénomination commune approuvée dans un nombre important d'Etats Membres, ou dans d'autres circonstances exceptionnelles qui justifient le remplacement d'une dénomination commune internationale recommandée, toute personne intéressée peut formuler une proposition dans ce sens. Cette proposition est présentée sur la formule prévue à cet effet et doit s'accompagner des indications suivantes :

- i) nom de l'auteur de la proposition ;
  - ii) intérêt qu'il ou elle porte au remplacement proposé ;
  - iii) raisons motivant la proposition ; et
-

- iv) description, faits à l'appui, des autres interventions entreprises pour tenter de régler le problème et exposé des raisons pour lesquelles ces interventions ont échoué.

Les propositions peuvent comprendre une proposition de nouvelle dénomination commune internationale de remplacement, établie conformément aux Directives générales, compte tenu de la substance pharmaceutique pour laquelle la nouvelle dénomination commune internationale de remplacement est proposée.

Le Secrétariat transmet une copie de la proposition pour examen, conformément à la procédure exposée plus loin au paragraphe b), au Groupe d'experts des DCI et au demandeur initial ou à son successeur (s'il s'agit d'une personne différente de celle qui a formulé la proposition de remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles).

De plus, le Secrétariat demande aux entités et personnes ci-après de formuler des observations sur la proposition :

- i) les Etats Membres et les commissions nationales et régionales de pharmacopée ou d'autres organismes désignés par les Etats Membres (en insérant une note à cet effet dans la lettre mentionnée à l'article 3.a), et
- ii) toutes autres personnes portant au remplacement proposé un intérêt notoire.

La demande d'observations contient les indications suivantes :

- i) dénomination commune internationale recommandée pour laquelle un remplacement est proposé (et la dénomination de remplacement proposée, si elle est fournie) ;
- ii) nom de l'auteur de la proposition de remplacement (si cette personne le demande) ;
- iii) définition de la substance faisant l'objet du remplacement proposé et raisons avancées pour le remplacement ;
- iv) délai pendant lequel seront reçus les commentaires et nom et adresse de la personne habilitée à recevoir ces commentaires ; et
- v) mention des pouvoirs en vertu desquels agit l'OMS et référence au présent règlement.

Des observations sur la proposition de remplacement peuvent être communiquées par toute personne à l'OMS dans les quatre mois qui suivent la date de la demande d'observations.

b) Une fois échoué le délai prévu ci-dessus pour la communication d'observations, le Secrétariat transmet les observations reçues au Groupe d'experts des DCI, au demandeur initial ou à son successeur et à l'auteur de la proposition de remplacement. Si, après avoir examiné la proposition de remplacement et les observations reçues, le Groupe d'experts des DCI, l'auteur de la proposition de remplacement et le demandeur initial ou son successeur reconnaissent tous qu'il est nécessaire de remplacer la dénomination commune internationale déjà recommandée, le Secrétariat soumet la proposition de remplacement au Groupe d'experts des DCI pour qu'il y donne suite.

Nonobstant ce qui précède, le demandeur initial ou son successeur n'est pas habilité à refuser son accord à une proposition de remplacement au cas où il ne peut être démontré qu'il porte un intérêt durable à la dénomination commune internationale recommandée qu'il est proposé de remplacer.

Dans le cas où une proposition de remplacement est soumise au Groupe d'experts des DCI pour qu'il y donne suite, le Groupe choisit une nouvelle dénomination commune internationale conformément aux Directives générales mentionnées à l'article 2 et selon la procédure décrite dans les articles 3 à 8 inclus. La notification faite par le Secrétariat en vertu de l'article 3 et de l'article 7, respectivement, y compris au demandeur initial ou à son successeur (si ce n'est pas la même personne que celle qui a proposé le remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse

être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles), doit dans un tel cas indiquer que la nouvelle dénomination remplace une dénomination commune internationale déjà recommandée et que les Etats Membres peuvent souhaiter prendre des mesures transitoires pour les produits existants qui utilisent la dénomination commune internationale déjà recommandée sur leur étiquette conformément à la législation nationale.

Si, après examen de la proposition de remplacement et des observations communiquées conformément à la procédure exposée plus haut, le Groupe d'experts des DCI, le demandeur initial ou son successeur et l'auteur de la proposition de remplacement ne s'accordent pas sur le fait qu'il y a des raisons impératives de remplacer une dénomination commune internationale déjà recommandée, cette dernière est conservée (étant entendu toujours que le demandeur initial ou son successeur n'est pas habilité à refuser son accord à une proposition de remplacement au cas où il ne peut être démontré qu'il porte un intérêt durable à la dénomination commune internationale recommandée qu'il est proposé de remplacer). Dans un tel cas, le Secrétariat informe l'auteur de la proposition de remplacement, ainsi que le demandeur initial ou son successeur (s'il s'agit d'une personne différente de celle qui a formulé la proposition de remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles), les Etats Membres, les commissions nationales et régionales de pharmacopée, les autres organismes désignés par les Etats Membres et toutes autres personnes portant un intérêt notoire au remplacement proposé que, malgré une proposition de remplacement, il a été décidé de conserver la dénomination commune internationale déjà recommandée (avec une brève description de la ou des raisons pour lesquelles la proposition de remplacement n'a pas été jugée suffisamment impérative).

## ANNEXE 2

### **DIRECTIVES GENERALES POUR LA FORMATION DE DENOMINATIONS COMMUNES INTERNATIONALES APPLICABLES AUX SUBSTANCES PHARMACEUTIQUES<sup>1</sup>**

1. Les dénominations communes internationales (DCI) devront se distinguer les unes des autres par leur consonance et leur orthographe. Elles ne devront pas être d'une longueur excessive, ni prêter à confusion avec des appellations déjà couramment employées.

2. La DCI de chaque substance devra, si possible, indiquer sa parenté pharmacologique. Les dénominations susceptibles d'évoquer pour les malades des considérations anatomiques, physiologiques, pathologiques ou thérapeutiques devront être évitées dans la mesure du possible.

*Outre ces deux principes fondamentaux, on respectera les principes secondaires suivants :*

3. Lorsqu'on formera la DCI de la première substance d'un nouveau groupe pharmacologique, on tiendra compte de la possibilité de former ultérieurement d'autres DCI appropriées pour les substances apparentées du même groupe.

4. Pour former des DCI des acides, on utilisera de préférence un seul mot. Leurs sels devront être désignés par un terme qui ne modifie pas le nom de l'acide d'origine : par exemple «oxacilline» et «oxacilline sodique», «ibufénac» et «ibufénac sodique».

5. Les DCI pour les substances utilisées sous forme de sels devront en général s'appliquer à la base active (ou à l'acide actif). Les dénominations pour différents sels ou esters d'une même substance active ne différeront que par le nom de l'acide inactif (ou de la base inactive).

<sup>1</sup> Dans son vingtième rapport (OMS, Série de Rapports techniques, N° 581, 1975), le Comité OMS d'experts des Dénominations communes pour les Substances pharmaceutiques a examiné les directives générales pour la formation des dénominations communes internationales et la procédure à suivre en vue de leur choix, compte tenu de l'évolution du secteur pharmaceutique au cours des dernières années. La modification la plus importante a été l'extension aux substances de synthèse de la pratique normalement suivie pour désigner les substances tirées ou dérivées de produits naturels. Cette pratique consiste à employer des syllabes communes ou groupes de syllabes communes (segments-clés) qui sont caractéristiques et indiquent une propriété commune aux membres du groupe des substances pour lequel ces segments-clés ont été retenus. Les raisons et les conséquences de cette modification ont fait l'objet de discussions approfondies.

Les directives ont été mises à jour lors de la treizième consultation sur les dénominations communes pour les substances pharmaceutiques (Genève, 27-29 avril 1983) (PHARM S/NOM 928, 13 mai 1983, révision en date du 18 août 1983).

En ce qui concerne les substances à base d'ammonium quaternaire, la dénomination s'appliquera de façon appropriée au cation et à l'anion en tant qu'éléments distincts d'une substance quaternaire. On évitera de choisir une désignation évoquant un sel aminé.

6. On évitera d'ajouter une lettre ou un chiffre isolé ; en outre, on renoncera de préférence au trait d'union.

7. Pour simplifier la traduction et la prononciation des DCI, la lettre « f » sera utilisée à la place de « ph », « t » à la place de « th », « e » à la place de « ae » ou « oe », et « i » à la place de « y » ; l'usage des lettres « h » et « k » sera aussi évité.

8. On retiendra de préférence, pour autant qu'elles respectent les principes énoncés ici, les dénominations proposées par les personnes qui ont découvert ou qui, les premières, ont fabriqué et lancé sur le marché les préparations pharmaceutiques considérées, ou les dénominations déjà officiellement adoptées par un pays.

9. La parenté entre substances d'un même groupe (voir Directive générale 2) sera si possible indiquée dans les DCI par l'emploi de segments-clés communs. La liste ci-après contient des exemples de segments-clés pour des groupes de substances, surtout pour des groupes récents. Il y a beaucoup d'autres segments-clés en utilisation active.<sup>1</sup> Les segments-clés indiqués sans trait d'union pourront être insérés n'importe où dans une dénomination.

Latin	Français	
-acum	-ac	substances anti-inflammatoires du groupe de l'ibufénac analgésiques
-adolum	-adol	
-adol-	-adol-	
-astum	-ast	antiasthmatiques, antiallergiques n'agissant pas principalement en tant qu'antihistaminiques
-astinum	-astine	antihistaminiques
-azepamum	-azépam	substances du groupe du diazépam
bol	bol	stéroïdes anabolisants
-cain-	-caïn-	antiarythmiques de classe I, dérivés du procaïnamide et de la lidocaïne
-cainum	-caïne	anesthésiques locaux
céf-	céf-	antibiotiques, dérivés de l'acide céphalosporanique
-cillinum	-cilline	antibiotiques, dérivés de l'acide 6-aminopénicillanique
-conazolum	-conazole	agents antifongiques systémiques du groupe du miconazole
cort	cort	corticostéroïdes, autres que les dérivés de la prednisolone
-coxibum	-coxib	inhibiteurs sélectifs de la cyclo-oxygénase
-entanum	-entan	antagonistes du récepteur de l'endothéline
gab	gab	gabamimétiques
gado-	gado-	agents diagnostiques, dérivés du gadolinium
-gatranum	-gatran	anti-thrombines, anti-thrombotiques
gest	gest	stéroïdes progestogènes
gli	gli	antihyperglycémiant
io-	io-	produits de contraste iodés
-metacinum	-métacine	substances anti-inflammatoires du groupe de l'indométacine
-mycinum	-mycine	antibiotiques produits par des souches de <i>Streptomyces</i>
-nidazolum	-nidazole	substances antiprotozoaires du groupe du métronidazole
-ololum	-olol	antagonistes des récepteurs β-adrénérgiques
-oxacinum	-oxacine	substances antibactériennes du groupe de l'acide nalidixique
-platinum	-platine	antinéoplasiques, dérivés du platine
-poetinum	-poétine	facteurs sanguins de type érythropoïétine
-pril(at)um	-pril(ate)	inhibiteurs de l'enzyme de conversion de l'angiotensine
-profenum	-profène	substances anti-inflammatoires du groupe de l'ibuprofène
prost	prost	prostaglandines

<sup>1</sup> Une liste plus complète de segments-clés est contenue dans le document de travail WHO/EMP/RHT/TSN/2013.1 qui est régulièrement mis à jour et qui peut être demandé auprès du programme des DCI, OMS, Genève.

-relinum	-réline	peptides stimulant la libération d'hormones hypophysaires
-sartanum	-sartan	
		antagonistes d'un récepteur de l'angiotensine II,
		antihypertenseurs (non peptidiques)
-vaptanum	-vaptan	antagonistes du récepteur de la vasopressine
vin-	vin- }	alcaloïdes du type vinca
-vin-	-vin- }	

## ANEXO 1

**PROCEDIMIENTO DE SELECCIÓN DE DENOMINACIONES COMUNES INTERNACIONALES  
RECOMENDADAS PARA SUSTANCIAS FARMACÉUTICAS<sup>1</sup>**

La Organización Mundial de la Salud (OMS) seguirá el procedimiento que se expone a continuación tanto para seleccionar denominaciones comunes internacionales recomendadas para las sustancias farmacéuticas, de conformidad con lo dispuesto en la resolución WHA3.11, como para sustituir esas denominaciones.

*Artículo 1* - Las propuestas de denominaciones comunes internacionales recomendadas y las propuestas de sustitución de esas denominaciones se presentarán a la OMS en los formularios que se proporcionen a estos efectos. El estudio de estas propuestas estará sujeto al pago de una tasa destinada a sufragar los costos de administración que ello suponga para la Secretaría de la OMS («la Secretaría»). La Secretaría establecerá la cuantía de esa tasa y podrá ajustarla periódicamente.

*Artículo 2* - Estas propuestas serán sometidas por la Secretaría a los miembros del Cuadro de Expertos en Farmacopea Internacional y Preparaciones Farmacéuticas encargados de su estudio, en adelante designados como «el Grupo de Expertos en DCI», para que las examinen de conformidad con los «Principios generales de orientación para formar denominaciones comunes internacionales para sustancias farmacéuticas», anexos a este procedimiento.<sup>2</sup> A menos que haya poderosas razones en contra, la denominación aceptada será la empleada por la persona que haya descubierto o fabricado y comercializado por primera vez esa sustancia farmacéutica.

*Artículo 3* - Tras el examen al que se refiere el artículo 2, la Secretaría notificará que está en estudio un proyecto de denominación internacional.

a) Esa notificación se hará mediante una publicación en *Información Farmacéutica OMS*<sup>3</sup> y el envío de una carta a los Estados Miembros y a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas u otros organismos designados por los Estados Miembros.

i) La notificación será enviada también a la persona que haya presentado la propuesta («el solicitante inicial») y a otras personas que tengan un interés especial en una denominación objeto de estudio.

b) En esa notificación se incluirán los siguientes datos:

i) la denominación sometida a estudio;

ii) la identidad de la persona que ha presentado la propuesta de denominación de la sustancia, si lo pide esa persona;

iii) la identidad de la sustancia cuya denominación está en estudio;

<sup>1</sup> Véase el anexo 1 en OMS, Serie de Informes Técnicos, N° 581, 1975. El texto vigente fue adoptado por el Consejo Ejecutivo en su resolución EB15.R7 y modificado en las resoluciones EB43.R9 y EB115.R4..

<sup>2</sup> Véase el anexo 2.

<sup>3</sup> Hasta 1987 las listas de DCI se publicaban en la *Crónica de la Organización Mundial de la Salud*.

iv) el plazo fijado para recibir observaciones y objeciones, así como el nombre y la dirección de la persona a quien deban dirigirse; y

v) los poderes conferidos para el caso a la OMS y una referencia al presente procedimiento.

c) Al enviar esa notificación, la Secretaría solicitará de los Estados Miembros la adopción de todas las medidas necesarias para impedir la adquisición de derechos de patente sobre la denominación propuesta, durante el periodo en que la OMS la tenga en estudio.

*Artículo 4* - Toda persona puede formular a la OMS observaciones sobre la denominación propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a su publicación en *Información Farmacéutica OMS*, conforme a lo dispuesto en el artículo 3.

*Artículo 5* - Toda persona interesada puede presentar una objeción formal a una denominación propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a su publicación en *Información Farmacéutica OMS*, conforme a lo dispuesto en el artículo 3.

Esa objeción deberá acompañarse de los siguientes datos:

i) la identidad de la persona que formula la objeción;

ii) las causas que motivan su interés por la denominación; y

iii) las causas que motivan su objeción a la denominación propuesta.

*Artículo 6* - Cuando se haya presentado una objeción formal en la forma prevista en el artículo 5, la OMS podrá reconsiderar el nombre propuesto o utilizar sus buenos oficios para intentar lograr que se retire la objeción. La OMS no seleccionará como denominación común internacional una denominación a la que se haya hecho una objeción formal, presentada según lo previsto en el artículo 5, que no haya sido retirada, todo ello sin perjuicio de que la Organización examine otra denominación o denominaciones sustitutivas.

*Artículo 7* - Cuando no se haya formulado ninguna objeción en la forma prevista en el artículo 5, o cuando todas las objeciones presentadas hayan sido retiradas, la Secretaría notificará, conforme a lo dispuesto en el párrafo a) del artículo 3, que la denominación ha sido seleccionada por la OMS como denominación común internacional recomendada.

*Artículo 8* - Al comunicar a los Estados Miembros una denominación común internacional, conforme a lo previsto en el artículo 7, la Secretaría:

a) solicitará que esta denominación sea reconocida como denominación común para la sustancia de que se trate; y

b) solicitará a los Estados Miembros que adopten todas las medidas necesarias para impedir la adquisición de derechos de patente sobre la denominación, y prohíban que sea registrada como marca de fábrica o como nombre comercial.

*Artículo 9*

a) En el caso excepcional de que, debido a su semejanza con otra denominación utilizada en las prácticas farmacéuticas y/o de prescripción, una denominación común internacional recomendada anteriormente ocasione errores de medicación, prescripción o distribución, o suponga un riesgo manifiesto de que esto ocurra, y parezca que tales errores o potenciales errores no sean fácilmente subsanables con otras medidas que no sean la posible sustitución de esa denominación común internacional recomendada anteriormente; en el caso de que una denominación común internacional recomendada anteriormente difiera considerablemente de la denominación común aprobada en un número importante de Estados Miembros, o en otras circunstancias excepcionales que justifiquen el cambio de una denominación común internacional recomendada, cualquier persona interesada puede presentar propuestas en este sentido. Esas propuestas se presentarán en los formularios que se proporcionen a estos efectos e incluirán los siguientes datos:

- i) la identidad de la persona que presenta la propuesta;
- ii) las causas que motivan su interés en la sustitución propuesta;
- iii) las causas que motivan la propuesta; y
- iv) una descripción, acompañada de pruebas documentales, de las otras medidas que se hayan adoptado con el fin de resolver la situación y de los motivos por los cuales dichas medidas no han sido suficientes.

Entre esas propuestas podrá figurar una relativa a una nueva denominación común internacional sustitutiva, formulada con arreglo a los Principios generales y que tenga en cuenta la sustancia farmacéutica para la que se proponga la nueva denominación común internacional sustitutiva.

La Secretaría enviará al Grupo de Expertos en DCI y al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que sea una persona diferente de la que ha presentado la propuesta de sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales) una copia de la propuesta, para que sea examinada de conformidad con el procedimiento descrito en el párrafo b) *infra*. Además, la Secretaría solicitará observaciones sobre la propuesta:

- i) a los Estados Miembros y a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas u otros organismos designados por los Estados Miembros (ello se hará incluyendo una notificación a tal efecto en la carta a la que se refiere el párrafo a) del artículo 3), y
- ii) a cualquier persona que tenga un interés especial en la sustitución propuesta.

Al solicitar que se formulen estas observaciones se facilitarán los siguientes datos:

- i) la denominación común internacional recomendada que se propone sustituir (y la denominación sustitutiva propuesta, si se ha facilitado);
- ii) la identidad de la persona que ha presentado la propuesta de sustitución (si lo pide esa persona);
- iii) la identidad de la sustancia a la que se refiere la sustitución propuesta y las razones para presentar la propuesta de sustitución;
- iv) el plazo fijado para recibir observaciones, así como el nombre y la dirección de la persona a quien deban dirigirse; y
- v) los poderes conferidos para el caso a la OMS y una referencia al presente procedimiento.

Toda persona puede formular a la OMS observaciones sobre la sustitución propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a la fecha en que se realizó la solicitud de observaciones.

b) Una vez agotado el mencionado plazo para la formulación de observaciones, la Secretaría enviará todos los comentarios recibidos al Grupo de Expertos en DCI, al solicitante inicial o a su sucesor, y a la persona que haya presentado la propuesta de sustitución. Si después de examinar la propuesta de sustitución y las observaciones recibidas, el Grupo de Expertos en DCI, la persona que haya presentado la propuesta de sustitución y el solicitante inicial, o su sucesor, están de acuerdo en la necesidad de sustituir la denominación común internacional recomendada anteriormente, la Secretaría remitirá la propuesta de sustitución al Grupo de Expertos en DCI para que la tramite. No obstante lo anterior, el solicitante inicial o su sucesor no tendrán derecho a impedir el acuerdo sobre una propuesta de sustitución en el caso de que hayan dejado de tener un interés demostrable en la denominación común internacional cuya sustitución se propone.

En caso de que la propuesta de sustitución sea presentada al Grupo de Expertos en DCI para que la tramite, este grupo seleccionará una nueva denominación común internacional de conformidad con los Principios generales a los que se refiere el artículo 2 y al procedimiento establecido en los artículos 3 a 8 inclusive. En ese caso, en las notificaciones que la Secretaría ha de enviar con arreglo a los artículos 3 y 7, respectivamente, incluida la notificación al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que no sea la misma persona que propuso la sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales), se indicará que la nueva denominación sustituye a una denominación común internacional recomendada anteriormente y que los Estados Miembros podrán, si lo estiman oportuno, adoptar disposiciones transitorias aplicables a los productos existentes en cuya etiqueta se utilice, con arreglo a la legislación nacional, la denominación común internacional recomendada anteriormente que se haya sustituido.

En caso de que, después de haber estudiado la propuesta de sustitución y los comentarios recibidos de conformidad con el procedimiento descrito anteriormente, el Grupo de Expertos en DCI, el solicitante inicial o su sucesor y la persona que haya presentado la propuesta de sustitución no lleguen a un acuerdo sobre la existencia de razones poderosas para sustituir una denominación común internacional recomendada anteriormente, esta denominación se mantendrá (siempre en el entendimiento de que el solicitante inicial o su sucesor no tendrán derecho a impedir el acuerdo sobre una propuesta de sustitución en el caso de que hayan dejado de tener un interés demostrable en la denominación común internacional cuya sustitución se propone). En ese caso, la Secretaría comunicará a la persona que haya propuesto la sustitución, así como al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que no sea la misma persona que propuso la sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales), a los Estados Miembros, a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas o a otros organismos designados por los Estados Miembros y a cualquier otra persona que tenga interés en la sustitución propuesta, que, pese a la presentación de una propuesta de sustitución, se ha decidido mantener la denominación común internacional recomendada anteriormente (con una descripción de la o las razones por las que se ha considerado que la propuesta de sustitución no estaba respaldada por razones suficientemente poderosas).

## ANEXO 2

### PRINCIPIOS GENERALES DE ORIENTACIÓN PARA FORMAR DENOMINACIONES COMUNES INTERNACIONALES PARA SUSTANCIAS FARMACÉUTICAS<sup>1</sup>

1. Las denominaciones comunes internacionales (DCI) deberán diferenciarse tanto fonética como ortográficamente. No deberán ser incómodamente largas, ni dar lugar a confusión con denominaciones de uso común.

2. La DCI de una sustancia que pertenezca a un grupo de sustancias farmacológicamente emparentadas deberá mostrar apropiadamente este parentesco. Deberán evitarse las denominaciones que puedan tener connotaciones anatómicas, fisiológicas, patológicas o terapéuticas para el paciente.

*Estos principios primarios se pondrán en práctica utilizando los siguientes principios secundarios:*

3. Al idear la DCI de la primera sustancia de un nuevo grupo farmacológico, deberá tenerse en cuenta la posibilidad de poder formar DCI convenientes para las sustancias emparentadas que se agreguen al nuevo grupo.

4. Al idear DCI para ácidos, se preferirán las de una sola palabra; sus sales deberán denominarse sin modificar el nombre del ácido: p. ej. «oxacilina» y «oxacilina sódica», «ibufenaco» y «ibufenaco sódico».

<sup>1</sup> En su 20º informe (OMS, Serie de Informes Técnicos, N° 581, 1975), el Comité de Expertos de la OMS en Denominaciones Comunes para las Sustancias Farmacéuticas revisó los Principios generales para formar denominaciones comunes internacionales (DCI), y su procedimiento de selección, a la luz de las novedades registradas en los últimos años en materia de compuestos farmacéuticos. El cambio más importante había consistido en hacer extensivo a la denominación de sustancias químicas sintéticas el método utilizado hasta entonces para las sustancias originadas en productos naturales o derivadas de éstos. Dicho método conlleva la utilización de una «partícula» característica que indica una propiedad común a los miembros de un grupo. En el citado informe se examinan en detalle las razones y consecuencias de este cambio.

Los Principios generales de orientación se actualizaron durante la 13ª consulta sobre denominaciones comunes para sustancias farmacéuticas (Ginebra, 27 a 29 de abril de 1983) (PHARM S/NOM 928, 13 de mayo de 1983, revisado el 18 de agosto de 1983).

5. Las DCI para las sustancias que se usan en forma de sal deberán en general aplicarse a la base activa o al ácido activo. Las denominaciones para diferentes sales o ésteres de la misma sustancia activa solamente deberán diferir en el nombre del ácido o de la base inactivos.

En los compuestos de amonio cuaternario, el catión y el anión deberán denominarse adecuadamente por separado, como componentes independientes de una sustancia cuaternaria y no como sales de una amina.

6. Deberá evitarse el empleo de letras o números aislados; también es indeseable el empleo de guiones.

7. Para facilitar la traducción y la pronunciación, se emplearán de preferencia las letras «f» en lugar de «ph», «t» en lugar de «th», «e» en lugar de «ae» u «oe», e «i» en lugar de «y»; se deberá evitar el empleo de las letras «h» y «k».

8. Siempre que las denominaciones propuestas estén de acuerdo con estos principios, recibirán una consideración preferente las denominaciones propuestas por la persona que haya descubierto las sustancias, o que fabrique y comercialice por primera vez una sustancia farmacéutica, así como las denominaciones ya adoptadas oficialmente en cualquier país.

9. El parentesco entre sustancias del mismo grupo se pondrá de manifiesto en las DCI (véase el Principio 2) utilizando una partícula común. En la lista que figura a continuación se indican ejemplos de partículas para grupos de sustancias, en particular para grupos nuevos. Existen muchas otras partículas que se usan habitualmente.<sup>1</sup> Cuando una partícula aparece sin guión alguno, puede utilizarse en cualquier lugar de la palabra.

Latín	Español	
-acum	-aco	antiinflamatorios derivados del ibufenaco
-adolum	-adol )	analgésicos
-adol-	-adol- )	
-astum	-ast	antiasmáticos, sustancias antialérgicas cuya acción principal no es la antihistamínica
-astinum	-astina	antihistamínicos
-azepamum	-azepam	derivados del diazepam
bol	bol	esteroides anabolizantes
-cain-	-caína-	antiarrítmicos de clase I, derivados de procainamida y lidocaína
-cainum	-caína-	anestésicos locales
cef-	cef-	antibióticos, derivados del ácido cefalosporánico
-cillinum	-cilina	antibióticos derivados del ácido 6-aminopenicilánico
-conazolom	-conazol	antifúngicos sistémicos derivados del miconazol
cort	cort	corticosteroides, excepto derivados de prednisolona
-coxibum	-coxib	inhibidores selectivos de ciclooxigenasa
-entanum	-entán	antagonistas del receptor de endotelina
gab	gab	gabamiméticos
gado-	gado-	agentes para diagnóstico derivados de gadolinio
-gartranum	-gatrán	inhibidores de la trombina antitrombóticos
gest	gest	esteroides progestágenos
gli	gli	hipoglucemiantes, antihiper glucémicos
io-	io-	medios de contraste iodados
-metacinum	-metacina	antiinflamatorios derivados de indometacina
-mycinum	-micina	antibióticos producidos por cepas de <i>Streptomyces</i>
-nidazolom	-nidazol	antiprotozoarios derivados de metronidazol
-ololum	-olol	antagonistas de receptores $\beta$ -adrenérgicos
-oxacinum	-oxacino	antibacterianos derivados del ácido nalidíxico
-platinum	-platino	antineoplásicos derivados del platino

<sup>1</sup> En el documento de trabajo WHO/EMP/RHT/TSN/2013.1, que se actualiza periódicamente y puede solicitarse al Programa sobre Denominaciones Comunes Internacionales, OMS, Ginebra, figura una lista más amplia de partículas.

---

<i>-poetinum</i>	<i>-poetina</i>	factores sanguíneos similares a la eritropoyetina
<i>-pril(at)um</i>	<i>-pril(at)</i>	inhibidores de la enzima convertora de la angiotensina
<i>-profenum</i>	<i>-profeno</i>	antiinflamatorios derivados del ibuprofeno
<i>prost</i>	<i>prost</i>	prostaglandinas
<i>-relinum</i>	<i>-relina</i>	péptidos estimulantes de la liberación de hormonas hipofisarias
<i>-sartanum</i>	<i>-sartán</i>	antihipertensivos (no peptídicos) antagonistas del receptor de angiotensina II
<i>-vaptanum</i>	<i>-vaptán</i>	antagonistas del receptor de vasopresina
<i>vin-</i>	<i>vin-</i> )	alcaloides de la vinca
<i>-vin-</i>	<i>-vin-</i> )	