

# International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances (INN)

Notice is hereby given that, in accordance with article 3 of the Procedure for the Selection of Recommended International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances, the names given in the list on the following pages are under consideration by the World Health Organization as Proposed International Nonproprietary Names. The inclusion of a name in the lists of Proposed International Nonproprietary Names does not imply any recommendation of the use of the substance in medicine or pharmacy.

Lists of Proposed (1–117) and Recommended (1–78) International Nonproprietary Names can be found in *Cumulative List No. 17, 2017* (available in CD-ROM only). The statements indicating action and use are based largely on information supplied by the manufacturer. **This information is merely meant to provide an indication of the potential use of new substances at the time they are accorded Proposed International Nonproprietary Names.** WHO is not in a position either to uphold these statements or to comment on the efficacy of the action claimed. Because of their provisional nature, these descriptors will neither be revised **nor included in the Cumulative Lists of INNs.**

## Dénominations communes internationales des Substances pharmaceutiques (DCI)

Il est notifié que, conformément aux dispositions de l'article 3 de la Procédure à suivre en vue du choix de Dénominations communes internationales recommandées pour les Substances pharmaceutiques les dénominations ci-dessous sont mises à l'étude par l'Organisation mondiale de la Santé en tant que dénominations communes internationales proposées. L'inclusion d'une dénomination dans les listes de DCI proposées n'implique aucune recommandation en vue de l'utilisation de la substance correspondante en médecine ou en pharmacie.

On trouvera d'autres listes de Dénominations communes internationales proposées (1–117) et recommandées (1–78) dans la *Liste récapitulative No. 17, 2017* (disponible sur CD-ROM seulement). Les mentions indiquant les propriétés et les indications des substances sont fondées sur les renseignements communiqués par le fabricant. **Elles ne visent qu'à donner une idée de l'utilisation potentielle des nouvelles substances au moment où elles sont l'objet de propositions de DCI.** L'OMS n'est pas en mesure de confirmer ces déclarations ni de faire de commentaires sur l'efficacité du mode d'action ainsi décrit. En raison de leur caractère provisoire, ces informations **ne figureront pas dans les listes récapitulatives de DCI.**

## Denominaciones Comunes Internacionales para las Sustancias Farmacéuticas (DCI)

De conformidad con lo que dispone el párrafo 3 del "Procedimiento de Selección de Denominaciones Comunes Internacionales Recomendadas para las Sustancias Farmacéuticas", se comunica por el presente anuncio que las denominaciones detalladas en las páginas siguientes están sometidas a estudio por la Organización Mundial de La Salud como Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas. La inclusión de una denominación en las listas de las DCI Propuestas no supone recomendación alguna en favor del empleo de la sustancia respectiva en medicina o en farmacia.

Las listas de Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (1–117) y Recomendadas (1–78) se encuentran reunidas en *Cumulative List No. 17, 2017* (disponible sólo en CD-ROM). Las indicaciones sobre acción y uso que aparecen se basan principalmente en la información facilitada por los fabricantes. **Esta información tiene por objeto dar una idea únicamente de las posibilidades de aplicación de las nuevas sustancias a las que se asigna una DCI Propuesta.** La OMS no está facultada para respaldar esas indicaciones ni para formular comentarios sobre la eficacia de la acción que se atribuye al producto. Debido a su carácter provisional, esos datos descriptivos **no deben incluirse en las listas recapitulativas de DCI.**

## Proposed International Nonproprietary Names: List 118

Comments on, or formal objections to, the proposed names may be forwarded by any person to the INN Programme of the World Health Organization within four months of the date of their publication in *WHO Drug Information*, i.e., for **List 118 Proposed INN not later than 18 May 2018**.

**Publication date: 19 January 2018**

## Dénominations communes internationales proposées: Liste 118

Des observations ou des objections formelles à l'égard des dénominations proposées peuvent être adressées par toute personne au Programme des Dénominations communes internationales de l'Organisation mondiale de la Santé dans un délai de quatre mois à compter de la date de leur publication dans *WHO Drug Information*, c'est à dire pour la **Liste 118 de DCI Proposées le 18 mai 2018 au plus tard**.

**Date de publication: 19 janvier 2018**

## Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas: Lista 118

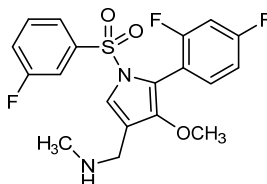
Cualquier persona puede dirigir observaciones u objeciones respecto de las denominaciones propuestas, al Programa de Denominaciones Comunes Internacionales de la Organización Mundial de la Salud, en un plazo de cuatro meses, contados desde la fecha de su publicación en *WHO Drug Information*, es decir, para la **Lista 118 de DCI Propuestas el 18 de Mayo de 2018 a más tardar**.

**Fecha de publicación: 19 de Enero de 2018**

| <i>Proposed INN<br/>(Latin, English, French, Spanish)</i> | <i>Chemical name or description: Action and use: Molecular formula, Chemical Abstracts Service (CAS) registry number: Graphic formula</i>         |
|-----------------------------------------------------------|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| <i>DCI Proposée</i>                                       | <i>Nom chimique ou description: Propriétés et indications: Formule brute, Numéro dans le registre du CAS: Formule développée</i>                  |
| <i>DCI Propuesta</i>                                      | <i>Nombre químico o descripción: Acción y uso: Fórmula molecular, Número de registro del CAS: Fórmula desarrollada</i>                            |
| <b>abeprazanum</b><br>abeprazan                           | 1-[5-(2,4-difluorophenyl)-1-(3-fluorobenzene-1-sulfonyl)-4-methoxy-1H-pyrrol-3-yl]-N-methylmethanamine<br><i>acid pump inhibitor</i>              |
| abéprazan                                                 | 1-[5-(2,4-difluorophényl)-1-(3-fluorobenzène-1-sulfonyl)-4-méthoxy-1H-pyrrol-3-yl]-N-méthylméthanamine<br><i>inhibiteur de la pompe à protons</i> |
| abeprazán                                                 | 1-[5-(2,4-difluorofenil)-1-(3-fluorobenceno-1-sulfonyl)-4-metoxi-1H-pirrol-3-il]-N-metilmetanamina<br><i>inhibidor de la bomba de protones</i>    |

C<sub>19</sub>H<sub>17</sub>F<sub>3</sub>N<sub>2</sub>O<sub>3</sub>S

1902954-60-2



**abrezekimabum #**  
abrezekimab

immunoglobulin Fab G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL13 (interleukin 13, IL-13)], neutralizing, humanized monoclonal antibody;  
VH-(CH1-hinge) gamma1 heavy chain (1-223) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV2-26\*01 (80.8%) -(IGHD)-IGHJ4\*01 (100%)) [8.7.14] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17, K120 (217) (CH1 (121-218), hinge 1-5 (218-223)) (121-223)], (223-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39\*01 (87.4%) -IGKJ4\*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]  
*immunomodulator*

abrézékimab

immunoglobuline Fab G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL13 (interleukine 13, IL-13)], neutralisant, anticorps monoclonal humanisé;  
VH-(CH1-charnière) chaîne lourde gamma1 (1-223) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV2-26\*01 (80.8%) -(IGHD)-IGHJ4\*01 (100%)) [8.7.14] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17, K120 (217) (CH1 (121-218), charnière 1-5 (218-223)) (121-223)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-39\*01 (87.4%) -IGKJ4\*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]  
*immunomodulateur*

abrezekimab

inmunoglobulina Fab G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL13 (interleukina 13, IL-13)], neutralizante, anticuerpo monoclonal humanizado;  
VH-(CH1-bisagra) cadena pesada gamma1 (1-223) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV2-26\*01 (80.8%) -(IGHD)-IGHJ4\*01 (100%)) [8.7.14] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17, K120 (217) (CH1 (121-218), bisagra 1-5 (218-223)) (121-223)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-39\*01 (87.4%) -IGKJ4\*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];  
*inmunomodulador*

2043952-59-4

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVTLKESGPV LVKPTETLTL TCTVSGFSLT NYHVQWIRQP PGKALEWLGW 50  
 MWSDGDTSFN SVLKSRLTIS RDTSKSQVVL TMNMDPVDI ATYYCARDGT 100  
 IAAMDYFDYW GQGTLLTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150  
 DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200  
 YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSC 223

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCLASEDIS NYLAWYQQKPK GKAPKLLIYH 50  
 TSRLQDGVPS RFGSGSGSTD FTLLTSSSLQP EDFATYYCQQ GYRFPFLTFGG 100  
 GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWVK 150  
 DNALQSGNSQ ESVTQDQSKD STYSLSSLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200  
 LSSPVTSKFN RGEC 214

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-95 147-203  
 Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'  
 Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-214'

No N-glycosylation sites / pas de site de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación

**adalimumabum beta #**

adalimumab beta

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNF (tumor necrosis factor (TNF) superfamily member 2, TNFSF2, TNF-alpha, TNFA)], human monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-451) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-9\*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (92.9%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 K120 (218) (122-219), hinge (220-234), CH2 (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-27\*01 (95.8%) -IGKJ1\*01 (91.7%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide  
*immunomodulator*

adalimumab bêta

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNF (facteur de nécrose tumorale membre 2 de la superfamille du TNF, TNFSF2, TNF-alpha, TNFA)], anticorps monoclonal humain; chaîne lourde gamma1 (1-451) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-9\*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (92.9%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 K120 (218) (122-219), charnière (220-234), CH2 (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-27\*01 (95.80%) -IGKJ1\*01 (91.7%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure  
*immunomodulateur*

adalimumab beta

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNF (factor de necrosis tumoral miembro 2 de la superfamilia del TNF, TNFSF2, TNF-afa, TNFA)], anticuerpo monoclonal humano;

cadena pesada gamma1 (1-451) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-9\*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (92.9%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 K120 (218) (122-219), bisagra (220-234), CH2 (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-27\*01 (95.80%) - IGKJ1\*01 (91.7%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro  
*inmunomodulador*

1446410-95-2

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVQPGRSLRL SCAASGFTFD DYAMHWVRQA PGKGLEWVSA 50
ITWNSGHIDY ADSVEGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TAVYYCAKVS 100
YLSTASSLDY WQGTGLVTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TTPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP SNTKVDKKEV PKSCDKHTHC PPCPAPELLG GPSVFLFPPK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEIKT SKAKGQFPREP 350
QVYTLPPSRD ELTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAEWESNGQ PENNYKTTFP 400
VLDSGDGSFFL YSKLTVDKSR WQGGNVFSCS VMHEALHNNY TQKSLSLSPG 450
K 451
```

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS LSASVGRVIT ITCRASQGIT NYLAWYQKPK GKAPKLLIYA 50
ASTLQSGVPS RFGSGSGGTD FTLTISSLQP EDVATYYCQR YNRPYTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214
```

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"  
22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"  
23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 224"-214" 224"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 230"-230" 233"-233"

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

301, 301"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

G0F predominant / prédominant / predominante, G2FS2 (0,10 ± 0,04 %), Man4 (0,00 ± 0,01%)

**apadamtasum alfa #**  
apadamtase alfa

human metalloproteinase with thrombospondin motifs 13  
(metalloproteinase ADAMTS13), produced in Chinese  
hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa  
*enzyme*

apadamtase alfa

métalloprotéinase avec thrombospondine motif 13  
(métalloprotéinase ADAMTS13) humaine, produite par des  
cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO),  
glycoforme alfa  
*enzyme*

apadamtasa alfa

metaloproteinasa con trombospondina-motif 13  
(metalloproteinasa ADAMTS13) humana, producida por las  
células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicoforma  
alfa  
*enzima*

2086325-24-6

AAGGILHLEL LVAVGPDVFQ AHQEDTERYV LTNLNIGAEL LRDPISLGAQF 50  
 RVHLVKMVL TEPEGAPNIT ANLTSSLLSV CGWSQTINPE DDTDPGHADL 100  
 VLYITRFDLE LDPGNRQVRG VTQLGGACSP TWSCLITEDT GFDLGVITIAH 150  
 EIGHSFGLLEH DGAPGSGCGP SGHVMSADGA APRAGLAWSP CSRRQLLSLL 200  
 SAGRARCVDW PPRPQPGSAG HPPDAQPLGY YSANEQCRVA FGPKAVACTF 250  
 AREHLDMCQA LSCHTDPLDQ SSCSRLLVPL LDGTECGVEK WCSKGRCSRSL 300  
 VELTPIAAVH GRWSSWGPRS PCSRSQGGGV VTRRRQCNNP RPAFGGRACV 350  
 GADLQAEMCN TQACEKTQLE FMSQQCARTD GQPLRSSPGG ASFYHWGAHV 400  
 PHSQGDALCR HMCRAIGESF IMKRGDSFLD GTRCMPSGPR EDGTLSLCVS 450  
 GSCRTFGCDG RMDSQQVWDR CQVCGGDNST CSPRKGSFTA GRAREYVTF 500  
 TVTFNLTSVY IANHRPLFTL LAVRIGGRYV VAGKMSISP TYPSSLLEDG 550  
 RVEYRVALTE DRLPRLEEIR IWGPLQEDAD IQVYRRYGE YGNLTRPDIT 600  
 FTYFQPKPRQ AWWVAAVRGP CSVSCGAGLR WVNYSCLDQA RKELVETVQC 650  
 QGSQQPPAWP EACVLEPCFP YWAVGDFGPC SASCGGLRPF RPRVCVEAQQ 700  
 SLLKTLPPAR CRAGAQQPAV ALETCPNPQC PARWEVSEPS SCTSAGGAGL 750  
 ALENETCPVG ADGLEAPVTE GPGSVDEKLP APEPCVGMSC PPGWGHLDAT 800  
 SAGEKAPSPW GSIRTAQAQA HVWTFPAAGSC SVSCGRGLME LRLFCMSAL 850  
 RVPVQEEELCG LASKPGSRRE VCQAVPCPAR WQYKLAACSV SCGRGVVRR 900  
 LYCARAHGED DGEIILLDTQ CQGLPRPEPQ EACSLPCPP RWKVMSLGCP 950  
 SASCGLTAR RSVACVQLDQ GQDVEVDEAA CAALVRPEAS VFCLTADCTY 1000  
 RWHVGTWMEC SVSCGDIQOR RRDTCGLPQA QAPVPADFQ HLPKPVTVRG 1050  
 CWAGPCVGQG TFSLPHEEA AAPGRTTATP AGASLEWSQA RGLLFSPAPQ 1100  
 PRRLLPQGE NSVQSSACGR QHLEPTGTID MRGPGQADCA VAIGRPLGEV 1150  
 VTLRVLESSL NCSAGDMLLL WGRLTWRKMC RKLLDMTFSS KTNLTVVRQR 1200  
 CGRPGGGVLL RYGSQALAPET FYRECDMQLF GPWGEIVSPS LSPATSNAGG 1250  
 CRLFINVAPH ARIAIHALAT NMAGTEGAN ASYILIRDTL SLRTTAFHGG 1300  
 QVLYWESESS QAEMEFSEGF LKAQASLRGQ YWTLQSWVPE MQDPQSWKGG 1350  
 EGT 1353

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro  
 81-134 128-207 168-191 237-263 248-273 258-292  
 286-297 322-359 326-364 337-349 376-413 409-448  
 434-453 458-474 471-481

Glycosylation sites (N) / Sites de glycosylation (N) / Posiciones de glicosilación (N)  
 Asn-68 Asn-72 Asn-478 Asn-505 Asn-540 Asn-593  
 Asn-633 Asn-754 Asn-1161 Asn-1280

Glycosylation sites (O) / Sites de glycosylation (O) / Posiciones de glicosilación (O)  
 Ser-325 Ser-624 Ser-683 Ser-833 Ser-891 Ser-953 Ser-1013

## apraglutidum apraglutide

5,7-O-didephosphono[Ala<sup>2</sup>>Gly, Met<sup>10</sup>>Ahx, Asn<sup>11</sup>>D-Phe, Asn<sup>16</sup>>Leu]human glucagon-like peptide 2 (1-33)-peptide 33-amide:  
 L-histidylglycyl-L-α-aspartylglycyl-L-seryl-L-phenylalanyl-L-seryl-L-α-aspartyl-L-α-glutamyl-L-2-aminohexanoyl-D-phenylalanyl-L-threonyl-L-isoleucyl-L-leucyl-L-α-aspartyl-L-leucyl-L-leucyl-L-alanyl-L-alanyl-L-arginyl-L-α-aspartyl-L-phenylalanyl-L-isoleucyl-L-asparaginy-L-tryptophyl-L-leucyl-L-isoleucyl-L-glutaminy-L-threonyl-L-lysyl-L-isoleucyl-L-threonyl-L-α-asparagine  
*glucagon like peptide 2 (GLP-2) analogue*

## apraglutide

5,7-O-didephosphono[Ala<sup>2</sup>>Gly, Met<sup>10</sup>>Ahx, Asn<sup>11</sup>>D-Phe, Asn<sup>16</sup>>Leu]peptide semblable au glucagon 2 humain (1-33)-peptide 33-amide:  
 L-histidylglycyl-L-α-aspartylglycyl-L-séryl-L-phénylalanyl-L-séryl-L-α-aspartyl-L-α-glutamyl-L-2-aminohexanoyl-D-phénylalanyl-L-thréonyl-L-isoleucyl-L-leucyl-L-α-aspartyl-L-leucyl-L-leucyl-L-alanyl-L-alanyl-L-arginyl-L-α-aspartyl-L-phénylalanyl-L-isoleucyl-L-asparaginy-L-tryptophyl-L-leucyl-L-isoleucyl-L-glutaminy-L-thréonyl-L-lysyl-L-isoleucyl-L-thréonyl-L-α-asparagine  
*analogue du peptide-2 d'action type glucagon*

apraglutida

5,7-*O*-didefosfono[Ala<sup>2</sup>>Gly, Met<sup>10</sup>>Ahx, Asn<sup>11</sup>>D-Phe, Asn<sup>16</sup>>Leu] péptido similar al glucagón humano 2-(1-33)-péptido 33-amida:  
 L-histidilglicil-L- $\alpha$ -aspartilglicil-L-seril-L-fenilalanil-L-seril-L- $\alpha$ -aspartil-L- $\alpha$ -glutamil-L-2-aminohexanoil-D-fenilalanil-L-treonil-L-isoleucil-L-leucil-L- $\alpha$ -aspartil-L-leucil-L-leucil-L-alanil-L-alanil-L-arginil-L- $\alpha$ -aspartil-L-fenilalanil-L-isoleucil-L-asparaginil-L-triptofil-L-leucil-L-isoleucil-L-glutaminil-L-treonil-L-lisil-L-isoleucil-L-threonil-L- $\alpha$ -asparagina  
*análogo del péptido 2 de acción tipo glucagón*

C<sub>172</sub>H<sub>263</sub>N<sub>43</sub>O<sub>52</sub>

1295353-98-8

H-His-Gly-Asp-Gly-Ser-Phe-Ser-Asp-Glu-Ahx-D-Phe-Thr-Ile-Leu-Asp-Leu-Leu-Ala-Arg-Ala-Asp-Phe-Ile-Asn-Trp-Leu-Ile-Gln-Thr-Lys-Ile-Thr-Asp-NH<sub>2</sub>

arazasetronum

arazasetron

*N*-[(3*R*)-1-azabicyclo[2.2.2]octan-3-yl]-6-chloro-4-methyl-3-oxo-3,4-dihydro-2*H*-1,4-benzoxazine-8-carboxamide  
*serotonin receptor antagonist*

arazasétron

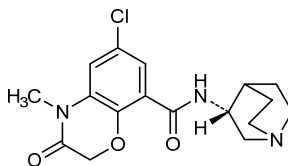
*N*-[(3*R*)-1-azabicyclo[2.2.2]octan-3-yl]-6-chloro-4-méthyl-3-oxo-3,4-dihydro-2*H*-1,4-benzoxazine-8-carboxamide  
*antagoniste des récepteurs de la sérotonine*

arazasetrón

*N*-[(3*R*)-1-azabicyclo[2.2.2]octan-3-il]-6-cloro-4-metil-3-oxo-3,4-dihidro-2*H*-1,4-benzoxazina-8-carboxamida  
*antagonista del receptor de la serotonina*

C<sub>17</sub>H<sub>20</sub>ClN<sub>3</sub>O<sub>3</sub>

2025360-90-9



belantamabum #

belantamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (TNF receptor superfamily member 17, tumor necrosis factor receptor superfamily, member 17, B cell maturation antigen, BCMA, BCM, TNFRSF13A, CD269)], humanized monoclonal antibody;

|            |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                           |
|------------|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
|            | <p>gamma1 heavy chain (1-451) [humanized VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-69*06 (83.7%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (85.7%)) [8.8.14] (1-121) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (218) (122-219), hinge (220-234), CH2 (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [humanized V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-33*01 (90.5%) -IGKJ2*02 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide<br/><i>immunomodulator, antineoplastic</i></p>                                                                                                                                                                                                                                                                                                                      |
| bélantamab | <p>immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> TNFRSF17 (membre 17 de la superfamille des récepteurs du TNF, membre 17 de la superfamille des récepteur du facteur de nécrose tumorale, antigène de maturation de cellule B, BCMA, BCM, TNFRSF13A, CD269)], anticorps monoclonal humanisé;<br/>chaîne lourde gamma1 (1-451) [VH humanisé (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-69*06 (83.7%) -(IGHD)-IGHJ4*01(85.7%)) [8.8.14] (1-121) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (218) (122-219), charnière (220-234), CH2 (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA humanisé (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-33*01 (90.5%) -IGKJ2*02 (100%)) [6.3.9] (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure<br/><i>immunomodulateur, antinéoplasique</i></p>      |
| belantamab | <p>immunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> TNFRSF17 (miembro 17 de la superfamilia de los receptores del TNF, miembro 17 de la superfamilia del receptor del factor de necrosis tumoral, antígeno de maduración de célula B, BCMA, BCM, TNFRSF13A, CD269)], anticuerpo monoclonal humanizado;<br/>cadena pesada gamma1 (1-451) [VH humanizado (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-69*06 (83.7%) -(IGHD)-IGHJ4*01(85.7%)) [8.8.14] (1-121) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (218) (122-219), bisagra (220-234), CH2 (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA humanizado (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-33*01 (90.5%) -IGKJ2*02 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro<br/><i>immunomodulador, antineoplásico</i></p> |

2061894-48-0

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGTF S NYMMHWVRQA PGQGLEWMGA 50  
 TYRGRSDTIY NQKFKGRVTI TADKSTSTAY MELSSLSRSED TAVYVCARGA 100  
 IYDGYDVLND WQQGTLVTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAAALGCLV 150  
 KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSV TVPSSSLGTQ 200  
 TYICNVNHKP SNTKVDKKVE PKSCDKTHTC PPCPAPELLG GPSVFLFPPK 250  
 PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300  
 NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP 350  
 QVYTLPPSRD ELTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTPP 400  
 VLDSDSGSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFCSS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG 450  
 K 451

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCSASQDIS NYLNWYQKP GKAPKLLIYY 50  
 TSNLHSGVPS RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQ YRKLPTWFGQ 100  
 GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLNNFY BREAKVQWKV 150  
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200  
 LSSPVTKSFN RGEC 214

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22'-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"  
 22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"  
 Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"  
 23"-88" 134"-194"  
 Inter-H-L (h 5-CL 126) 224'-214' 224"-214"  
 Inter-H-H (h 11, h 14) 230'-230" 233'-233"

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:  
 301, 301"  
 100% afucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO  
 bi-antennaires complexes 100% afucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos  
 100% afucosilados.  
 G0 > 75%.

C-terminal lysine clipping: H CHS K2: 451, 451" (clipping >90%).

**belantamabum mafodotinum #**  
 belantamab mafodotin

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens*TNFRSF17 (TNF receptor superfamily member 17, tumor necrosis factor receptor superfamily, member 17, B cell maturation antigen, BCMA, BCM, TNFRSF13A, CD269)], humanized monoclonal antibody conjugated to auristatin F; gamma1 heavy chain (1-451) [humanized VH (*Homo sapiens*IGHV1-69\*06 (83.7%) -(IGHD)-IGHJ4\*01 (85.7%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens*IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 K120 (218) (122-219), hinge (220-234), CH2 (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-33\*01 (90.5%) -IGKJ2\*02 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191)(108'-214')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide; conjugated, on an average of 4 cysteinyl, to monomethylauristatin F (MMAF), via a noncleavable maleimidocaproyl (mc) linker  
 For the *mafodotin* part, please refer to the document "*INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others*".  
*antineoplastic*

belantamab mafodotina

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (membre 17 de la superfamille des récepteurs du TNF, membre 17 de la superfamille des récepteur du facteur de nécrose tumorale, antigène de maturation de cellule B, BCMA, BCM, TNFRSF13A, CD269)], anticorps monoclonal humanisé conjugué à l'auristatine F; chaîne lourde gamma1 (1-451) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-69\*06 (83.7%) -(IGHD)-IGHJ4\*01(85.7%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 K120 (218) (122-219), charnière (220-234), CH2 (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-33\*01 (90.5%) -IGKJ2\*02 (100%)) [6.3.9] (1'-107') - *Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure; conjugué, sur 4 cystéinyl en moyenne, au monométhylauristatine F (MMAF), via un linker maléimidocaproyl (mc) non clivable  
Pour la partie *mafodotina*, veuillez-vous référer au document "*INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others*".  
*antinéoplasique*

belantamab mafodotina

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (miembro 17 de la superfamilia de los receptores del TNF, miembro 17 de la superfamilia de los receptores del factor de necrosis tumoral, antígeno de maduración de célula B, BCMA, BCM, TNFRSF13A, CD269)], anticuerpo monoclonal humanizado conjugado con la auristatina F; cadena pesada gamma1 (1-451) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-69\*06 (83.7%) -(IGHD)-IGHJ4\*01(85.7%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 K120 (218) (122-219), bisagra (220-234), CH2 (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-33\*01 (90.5%) -IGKJ2\*02 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro; conjugado, en 4 cisteinil por término medio, con monometilauristatina F (MMAF), mediante un enlace maleimidocaproyl (mc) no escindible  
Para la fracción *mafodotina*, se pueden dirigir al documento "*INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others*".  
*antineoplásico*

2050232-20-5

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGGTFS NYWMHWVRQA PGQGLEWMGA 50  
 TYRGHSDTYT NQKFKGRVTI TADKSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCARGA 100  
 IYDGYDVLND WGQGLTLVTS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150  
 KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSVV TYPSSSLGTQ 200  
 TYICNVNHRK SNTKVDKKVE PKSCDKTHTC PPCPAPELLG GPSVFLFPPK 250  
 PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300  
 NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP 350  
 QVYTLPPSRD ELTKNQVSLT CLVKGFPYSD IAVEWESNGQ PENNYKTTTP 400  
 VLDSGGSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFSCS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG 450  
 K 451

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS LSASVGRVIT ITCSASQDIS NYLNWYQQKPK GKAPKLLIYY 50  
 TSNLHSGVPS RFGSGSGGTD FTLTISSLQF EDFATYYCQQ YRKLPTWTFGQ 100  
 GTKLEIKRTV AAPSVFIPTP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150  
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200  
 LSSPVTKSFN RGEC 214

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"  
 22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"  
 23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126)\* 224"-214" 224"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14)\* 230"-230" 233"-233"

\*Two or three of the inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 4 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker. \*Deux ou trois des ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 4 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif. \*Faltan dos o tres puentes disulfuro inter-catenarios, una media de 4 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

301, 301"

100% afucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes 100% afucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos 100% afucosilados.

GO > 75%.

## C-terminal lysine clipping:

H CHS K2: 451, 451" (clipping >90%)

**belvarafenibum**

belvarafenib

4-amino-*N*-[1-(3-chloro-2-fluoroanilino)-  
 6-methylisoquinolin-5-yl]thieno[3,2-*d*]pyrimidine-  
 7-carboxamide  
*antineoplastic*

belvarafénib

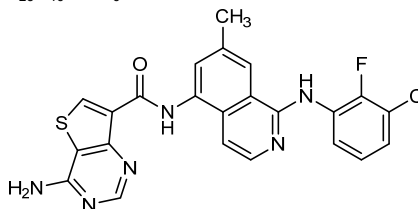
4-amino-*N*-[1-(3-chloro-2-fluoroanilino)-  
 6-méthylisoquinolin-5-yl]thiéo[3,2-*d*]pyrimidine-  
 7-carboxamide  
*antineoplasique*

belvarafenib

4-amino-*N*-[1-(3-cloro-2-fluoroanilino)-6-metilisquinolin-  
 5-il]tieno[3,2-*d*]pirimidina-7-carboxamida  
*antineoplásico*

C<sub>23</sub>H<sub>16</sub>ClF<sub>6</sub>OS

1446113-23-0



**bersanlimabum #**

bersanlimab

immunoglobulin G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* ICAM1 (intercellular adhesion molecule 1, ICAM-1, CD54)], human monoclonal antibody;  
 gamma1 heavy chain (1-447) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-33\*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (100%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 K120 (214) (118-215), hinge (216-230), CH2 (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-216')-disulfide with lambda light chain (1'-217') [*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGKV1-40\*01 (92.9%) -IGLJ3\*02, 91.7%, V2>L (101)) [9.3.11] (1'-111') -*Homo sapiens* IGLC3\*04 (112'-217')]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide  
*immunomodulator, antineoplastic*

bersanlimab

immunoglobuline G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* ICAM1 (molécule 1 d'adhésion cellulaire, ICAM-1, CD54)], anticorps monoclonal humain;  
 chaîne lourde gamma1 (1-447) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-33\*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (100%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 K120 (214) (118-215), charnière (216-230), CH2 (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-216')-disulfure avec la chaîne légère lambda (1'-217') [*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGKV1-40\*01 (92.9%) -IGLJ3\*02, 91.7%, V2>L (101)) [9.3.11] (1'-111') -*Homo sapiens* IGLC3\*04 (112'-217')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure  
*immunomodulateur, antinéoplasique*

bersanlimab

immunoglobulina G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* ICAM1 (molécula 1 de adhesión celular, ICAM-1, CD54)], anticuerpo monoclonal humano;  
 cadena pesada gamma1 (1-447) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-33\*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (100%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 K120 (214) (118-215), bisagra (216-230), CH2 (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-216')-disulfuro con la cadena ligera lambda (1'-217') [*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGKV1-40\*01 (92.9%) -IGLJ3\*02, 91.7%, V2>L (101)) [9.3.11] (1'-111') -*Homo sapiens* IGLC3\*04 (112'-217')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro  
*immunomodulador, antineoplásico*

1987854-08-9

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS NAWMSWVRQA PGKGLEWVAF 50  
 IWYDGSNKYY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARYS 100  
 GWYFDYWQGG TLVTVSSAST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150  
 PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVTVVPS SSLGTQTYIC 200  
 NVNHKPSNTK VDKKVEPKSC DKHTCCPCP APELLGGPSV FLFPPKPKDT 250  
 LMISRTPEVT CVVDVDSHED PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQYNSTY 300  
 RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK GQPREPQVYT 350  
 LPPSRDELTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPPVLD 400  
 DGSFFLYSKL TVDKSRWQGG NVFSCSVME ALHNHYTQKS LSLSPGK 447

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

QSVLTQPPSA SGTGQGRVTI SCTGSSSNIG AGYDVHWYQQ LPGTAPKLLI 50  
 YDNNRPSGV PDRFSGSKSG TSASLAISGL RSEADYYC QSYDSSLSAW 100  
 LFGGQTKLTV LGQPKAAPSV TLFPSSEEL QANKATLVCL ISDFYPGAVT 150  
 VAWKADSSPV KAGVETTPS KQSNKYAAS SYLSLTPEQW KSHRSYSCQV 200  
 THEGSTVEKT VAPTECS 217

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 144-200 261-321 367-425  
 22"-96" 144"-200" 261"-321" 367"-425"  
 Intra-L (C23-C104) 22"-90" 139"-198"  
 22"-90" 139"-198"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 220-216' 220"-216"

Inter-H-H (h 11, h 14) 226-226" 229-229"

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

297, 297"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires

complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

G0F, G1F

**bifikafuspum alfa #**  
 bifikafusp alfa

immunoglobulin single-chain variable fragment anti-  
 (human fibronectin ED-B domain) (1-236), with a  
 GDGSSGGSGGAS linker (117-128) between the VH and  
 VL regions, fused, via a EF(S<sub>4</sub>G)<sub>3</sub> linker (237-253), to  
 human interleukin-2 (IL2) (254-386), non-covalent dimer,  
 produced in mouse hybridoma cells, glycoform alfa:  
 scFv-IL2 chain (1-386) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23\*01  
 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (100%)) [8.8.9] (1-116) -12-  
 mer linker (117-128) -*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-  
 20\*01 (94.8%) -IGKJ1\*01 (100%)) [7.3.9] (129-236) -17-  
 mer EF(SSSSG)<sub>3</sub> linker (237-253) -*Homo sapiens* IL2  
 (Pr21-153) (254-386)]; noncovalent dimer  
*immunomodulator, antineoplastic*

## bifikafusp alfa

immunoglobuline à chaîne unique Fragment variable  
 (scFv), anti-(domaine ED-B de la fibronectine humaine) (1-  
 236), avec un linker GDGSSGGSGGAS (117-128) entre  
 les régions VH et VL, fusionnée, via un linker EF(S<sub>4</sub>G)<sub>3</sub>  
 (237-253), à l'interleukine 2 (IL2) humaine (254-386),  
 dimère non covalent, produit par des cellules hybridomes  
 de souris, glycoforme alfa:  
 chaîne scFv-IL2 (1-386) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23\*01  
 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (100%)) [8.8.9] (1-116) -12-  
 mer linker(117-128) -*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-  
 20\*01 (94.80%) -IGKJ1\*01 (100%)) [7.3.9] (129-236) -17-  
 mer EF(SSSSG)<sub>3</sub> linker (237-253) -*Homo sapiens* IL2  
 (Pr21-153) (254-386)]; dimère non-covalent  
*immunomodulateur, antinéoplasique*

bifikafusp alfa

inmunoglobulina con una cadena única Fragmento variable (scFv), anti-(dominio ED-B de la fibronectina humana) (1-236), con un enlace GDGSSGGSGGAS (117-128) entre las regiones VH y VL, fusionada, a través de un enlace EF(S<sub>4</sub>G)<sub>3</sub> (237-253), con la interleukina 2 (IL2) humana (254-386), dímero no covalente, producido por las células hibridomas de ratón, glicoforma alfa: cadena scFv-IL2 (1-386) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23\*01 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (100%)) [8.8.9] (1-116) -12-mer ligante (117-128) -*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-20\*01 (94.80%) -IGKJ1\*01 (100%)) [7.3.9] (129-236) -17-mer EF(SSSSG)3 ligante (237-253) -*Homo sapiens* IL2 (Pr21-153) (254-386)]; dímero no covalente  
*inmunomodulador, antineoplásico*

1957239-90-5

```
EVQLLESQGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SFSMSWVRQA PCKGLEWVSS 50
ISGSSGTTYY ADSVKGRFTI SRDMSKNILY LQMNSLRAED TAVYCAKPF 100
PYFDYWGQGT LVTVSSGDGS SGGSGGASEI VLTQSPGTL LSPGERATLS 150
CRASQSVSSS FLAWYQKPG QAPRLLIYYA SSRATGIPDR FSGSGSGTDF 200
TLTISRLEPE DFAVYYCQQT GRIPPTFGQG TKVEIKEFSS SSGSSSGSS 250
SSGAPTSST KKTQLQLEHL LLDLQMILNG INNYKNPKLT RMLTFKFYMP 300
KKATELKHQ CLEELKPLE EVLNLAQSKN PHLRPRDLIS NINIVLELK 350
GSETTFMCEY ADETATIVEF LNRWITFCQS IISTLT 386
```

Disulfide bridges location / Positions des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro  
Intra-H: 22-96  
Intra-L: 151-217  
IL2 portion: 311-358

Glycosylation site (O) / Site de glycosylation (O) / Posición de glicosilación (O)  
Thr-256

**bizalimogenum ralaplasmidum #**  
bizalimogene ralaplasmid

a DNA plasmid encoding genes for human papilloma virus type 18 (HPV-18) E6 and E7 proteins whose expression is driven by the human cytomegalovirus (hCMV) promoter with the bovine growth hormone (bGH) 3'end gene and bGH gene polyA signal  
*immunotherapy, antineoplastic*

bizalimogène ralaplasvide

ADN plasmidique contenant les gènes codant pour les protéines E6 et E7 du virus du papillome humain de type 18 (HPV-18), dont l'expression est dirigée par le promoteur du cytomégalovirus humain (hCMV) avec la région 3'-terminale du gène de l'hormone de croissance bovine (bGH) et le signal poly-A du gène de la bGH  
*immunothérapie, antinéoplasique*

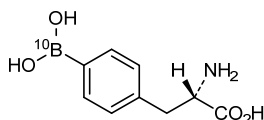
bizalimogén ralaplásido

un DNA plasmídico que contiene genes que codifican para las proteínas E6 y E7 del virus del papiloma humano tipo 18 (HPV-18), cuya expresión está dirigida por el promotor del citomegalovirus humano (hCMV) con la región 3' terminal del gen de la hormona de crecimiento bovina (bGH) y la señal poli A del gen de bGH  
*immunoterapia, antineoplásico*

1977488-08-6

**borofalanum (<sup>10</sup>B)**borofalan (<sup>10</sup>B)4-[(<sup>10</sup>B)borono]-L-phenylalanine*antineoplastic adjuvant therapy*borofalan (<sup>10</sup>B)4-[(<sup>10</sup>B)borono]-L-phénylalanine*thérapie adjuvante antinéoplasique*borofalán (<sup>10</sup>B)4-[(<sup>10</sup>B)borono]-L-fenilalanina*terapia adyuvante antineoplásica*C<sub>9</sub>H<sub>12</sub><sup>10</sup>BNO<sub>4</sub>

80994-59-8

**bulevirtidum**

bulevirtide

*N*-tetradecanoylglycyl-L-threonyl-L-asparaginyll-L-leucyl-L-seryl-L-valyl-L-prolyl-L-asparaginyll-L-prolyl-L-leucylglycyl-L-phenylalanyl-L-phenylalanyl-L-prolyl-L-α-aspartyl-L-histidyl-L-glutaminyll-L-leucyl-L-α-aspartyl-L-prolyl-L-alanyl-L-phenylalanylglycyl-L-alanyl-L-asparaginyll-L-seryl-L-asparaginyll-L-asparaginyll-L-prolyl-L-α-aspartyl-L-tryptophyll-L-α-aspartyl-L-phenylalanyl-L-asparaginyll-L-prolyl-L-asparaginyll-L-lysyl-L-α-aspartyl-L-histidyl-L-tryptophyll-L-prolyl-L-α-glutamyl-L-alanyl-L-asparaginyll-L-lysyl-L-valylglycinamide  
*antiviral*

bulévirtide

*N*-tétradécanoylglycyl-L-thréonyl-L-asparaginyll-L-leucyl-L-séryl-L-valyl-L-prolyl-L-asparaginyll-L-prolyl-L-leucylglycyl-L-phénylalanyl-L-phénylalanyl-L-prolyl-L-α-aspartyl-L-histidyl-L-glutaminyll-L-leucyl-L-α-aspartyl-L-prolyl-L-alanyl-L-phénylalanylglycyl-L-alanyl-L-asparaginyll-L-séryl-L-asparaginyll-L-asparaginyll-L-prolyl-L-α-aspartyl-L-tryptophyll-L-α-aspartyl-L-phénylalanyl-L-asparaginyll-L-prolyl-L-asparaginyll-L-lysyl-L-α-aspartyl-L-histidyl-L-tryptophyll-L-prolyl-L-α-glutamyl-L-alanyl-L-asparaginyll-L-lysyl-L-valylglycinamide  
*antiviral*

bulevirtida

*N*-tetradecanoilglicil-L-treonil-L-asparaginil-L-leucil-L-seril-L-valil-L-proil-L-asparaginil-L-proil-L-leucilglicil-L-fenilalanil-L-fenilalanil-L-proil-L-α-aspartil-L-histidil-L-glutaminil-L-leucil-L-α-aspartil-L-proil-L-alanil-L-fenilalanilglicil-L-alanil-L-asparaginil-L-seril-L-asparaginil-L-asparaginil-L-proil-L-α-aspartil-L-triptofil-L-α-aspartil-L-fenilalanil-L-asparaginil-L-proil-L-asparaginil-L-lisil-L-α-aspartil-L-histidil-L-triptofil-L-proil-L-α-glutamil-L-alanil-L-asparaginil-L-lisil-L-valilglicinamida  
*antiviral*

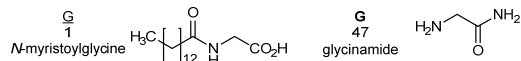
$C_{248}H_{355}N_{65}O_{72}$ 

2012558-47-1

Sequence / Séquence / Secuencia

GTNLSVFNPL GFFPDHQLDP AFGANSNNPD WDFNPNKDHV PEANKVG 47

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados

**cedazuridinum**

cedazuridine

(4*R*)-1-(2-deoxy-2,2-difluoro-β-*D*-*erythro*-pentofuranosyl)-  
4-hydroxy-1,3-diazinan-2-one  
*antineoplastic*

cédazuridine

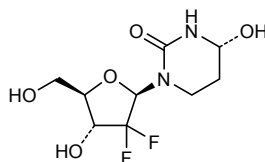
(4*R*)-1-(2-désoxy-2,2-difluoro-β-*D*-*érythro*-pentofuranosyl)-  
4-hydroxy-1,3-diazinan-2-one  
*antinéoplasique*

cedazuridina

(4*R*)-1-(2-desoxi-2,2-difluoro-β-*D*-*eritro*-pentofuranosil)-  
4-hidroxi-1,3-diazinan-2-ona  
*antineoplásico*

 $C_9H_{14}F_2N_2O_5$ 

1141397-80-9

**cetrelimabum #**

cetrelimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], human monoclonal antibody;  
gamma4 heavy chain (1-450) [*Homo sapiens* VH (IGHV1-69\*01 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (92.9%)) [8.8.16] (1-123) -*Homo sapiens* IGHG4\*01 (CH1 (124-221), hinge S10>P (231) (222-233), CH2 (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-450)) (124-450)], (137-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-11\*01 (96.8%) -IGKJ1\*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191)(108'-214')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide  
*immunomodulator, antineoplastic*

cétrélimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal humain;  
chaîne lourde gamma4 (1-450) [*Homo sapiens* VH (IGHV1-69\*01 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (92.9%)) [8.8.16] (1-123) -*Homo sapiens* IGHG4\*01 (CH1 (124-221), charnière S10>P (231) (222-233), CH2 (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-450)) (124-450)], (137-214')-

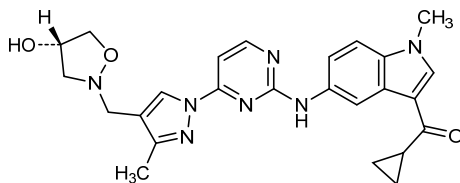
|                                |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                         |
|--------------------------------|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
|                                | disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [ <i>Homo sapiens</i> V-KAPPA (IGKV3-11*01 (96.8%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure<br><i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                     |
| cetrelimab                     | inmunoglobulina G4-kappa, anti-[ <i>Homo sapiens</i> PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal humanizado;<br>cadena pesada gamma4 (1-450) [ <i>Homo sapiens</i> VH (IGHV1-69*01 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.16] (1-123) - <i>Homo sapiens</i> IGHG4*01 (CH1 (124-221), bisagra S10>P (231) (222-233), CH2 (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-450)) (124-450)], (137-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [ <i>Homo sapiens</i> V-KAPPA (IGKV3-11*01 (96.8%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro<br><i>inmunomodulador, antineoplásico</i> |
|                                | 2050478-92-5                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                            |
|                                | Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada<br>QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SKASGGTFS SYAISWVRQA PGQGLEWMGG 50<br>IIPFDITANY AQRFGQGRVTI TADESTSTAY MELSSLRSED TAVYCARPG 100<br>LAAAYDTGSL DWYQGQTLVT VSSASTKGPS VFPLAPCSRS TSESTAALGC 150<br>LVKDYFFPEPV TVSMNSGALT SGVHTFPAVL QSSGLYSLS VVTVPSSSLG 200<br>TKTYTCNVDH KPSNTKVKDR VESKYGPPCP PCPAPEFLGG PSVFLFPKPK 250<br>KDTLMISRTPEVTCVVVDVS QEDPPEVFQNW YVDGVEVHNA KTKPREEQFN 300<br>STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKG LPSSIERTIS KAKGQPREPQ 350<br>VYTLPPSQEE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400<br>LDSGGSFFLY SRLTVDKSRW QEGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSLKG 450                                                                                                                 |
|                                | Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera<br>EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQSVR SYLAWYQQKP QGAPRLLIYD 50<br>ASNRAITGIPA RFGSGSGGTD FTLTISLEP EDFAVYVCQ RNYWPLTFGQ 100<br>GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNFFY PREAKVQWVK 150<br>DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYKHK VYACEVTHQG 200<br>LSSPVTKSFN RGEC 214                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                  |
|                                | Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro<br>Intra-H (C23-C104) 22-96 150-206 264-324 370-428<br>22"-96" 150"-206" 264"-324" 370"-428"<br>Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194"<br>23"-88" 134"-194"<br>Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 137-214' 137"-214"<br>Inter-H-H (h 8, h 11) 229-229" 232-232"                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                    |
|                                | N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación<br>H CH2 N84.4:<br>300, 300"<br>Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires<br>complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                              |
| cevidoplenibum<br>cevidoplenib | (1 <sup>4</sup> S)-1 <sup>4</sup> -hydroxy-3 <sup>3</sup> ,6 <sup>1</sup> -dimethyl-6 <sup>1</sup> H-5-aza-6(5,3)-indola-4(4,2)-pyrimidina-1(2)-[1,2]oxazolidina-3(4,1)-pyrazola-8(1)-cyclopropanaoctaphan-7-one<br><i>tyrosine kinase inhibitor</i>                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                    |
| cévidoplénib                   | (1 <sup>4</sup> S)-1 <sup>4</sup> -hydroxy-3 <sup>3</sup> ,6 <sup>1</sup> -diméthyl-6 <sup>1</sup> H-5-aza-6(5,3)-indola-4(4,2)-pyrimidina-1(2)-[1,2]oxazolidina-3(4,1)-pyrazola-8(1)-cyclopropanaoctaphan-7-one<br><i>inhibiteur de tyrosine kinase</i>                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                |

cevidoplenib

(1<sup>4</sup>S)-1<sup>4</sup>-hidroxi-3<sup>3</sup>,6<sup>1</sup>-dimetil-6<sup>1</sup>-H-5-aza-6(5,3)-indola-4(4,2)-pirimidina-1(2)-[1,2]oxazolidina-3(4,1)-pirazola-8(1)-ciclopropanaocetafan-7-ona  
inhibidor de tirosina kinasa

C<sub>25</sub>H<sub>27</sub>N<sub>7</sub>O<sub>3</sub>

1703788-21-9



**cibisatamabum #**  
cibisatamab

immunoglobulin G1-kappa/lambda with domain crossover, anti-[*Homo sapiens* CEACAM5 (carcinoembryonic antigen-related cell adhesion molecule 5, CEA, CD66e)] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], humanized monoclonal antibody, bispecific, trivalent; gamma-kappa heavy chain anti-CEACAM5 and anti-CD3E (VH-CH1-VH-C-kappa-CH2-CH3) (1-694) [humanized VH anti-CEACAM5 (*Homo sapiens* IGHV1-18\*01 (82.7%) -IGHD) -IGHJ4\*01 (92.3%)] [8.8.14] (1'-121') -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17 (CH1 K120 (218) (122-219), hinge 1-6 (220-225)) (122-225) -10-mer bis(tetraglycyl-seryl) linker (226-235) -humanized VH anti-CD3E (*Homo sapiens* IGHV3-23\*03 (87.0%) -IGHD) -IGHJ6\*01 (90.9%)] [8.10.16] (236-360) -*Homo sapiens* IGKC\*01, R1.4>S (361), Km3 A45.1 (406), V101 (444) (361-467) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m1 (hinge 5-15 (467-477), CH2 [L1.3>A (481), L1.2>A (482), P114>G (576)] (478-587), CH3 D12 (603), L14 (605) [S10>C (601), T22>W (613)] (588-692), CHS (693-694)) (468-694)]; (224'-215'')-disulfide with kappa light chain anti-CEACAM5 (1'''-215''') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16\*01 (82.1%) -IGKJ2\*02 (100%)] [6.3.10] (1'''-108''') -*Homo sapiens* IGKC\*01 Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'''-215''')]; (467'-214')-disulfide with lambda-gamma light chain anti-CD3E (1'-214') [V-LAMBDA (*Mus musculus* IGLV1\*01 (81.2%) -IGLJ1\*01 (100%)]/*Homo sapiens* IGLV7-46\*01 (80%) -IGLJ3\*01 (100%)] [9.3.9] (1'-109') -2-mer biseryl linker (110'-111') -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17 (CH1 K120 (208) (112'-209') -hinge 1-5 (210'-214'))]; gamma1 heavy chain anti-CEACAM5 (1''-451'') [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV1-18\*01 (82.7%) -IGHD) -IGHJ4\*01 (92.3%)] [8.8.14] (1''-121'') -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17 (CH1 K120 (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 [L1.3>A (238), L1.2>A (239), P114>G (333)] (235-344), CH3 [Y5>C (353), T22>S (370), L24>A (372), Y86>V (411)] (345-449), CHS (450-451)) (122''-451'')]; (224''-215''')-disulfide with kappa light chain anti-CEACAM5 (1'''-215''') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16\*01 (82.1%) -IGKJ2\*02 (100%)] [6.3.10] (1'''-108''') -*Homo sapiens* IGKC\*01 Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'''-215''')]; dimer (473'-230'':476-233'':601-353'')-trisdysulfide  
*immunomodulator, antineoplastic*

cibisatamab

immunoglobuline G1-kappa/lambda avec domaines échangés, anti-[*Homo sapiens* CEACAM5 (molécule d'adhésion cellulaire 5 apparentée à l'antigène carcinoembryonnaire, CEA, CD66e)] et anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], anticorps monoclonal humanisé, bispécifique, trivalent;

chaîne lourde gamma-kappa anti-CEACAM5 et anti-CD3E (VH-CH1-VH-C-kappa-CH2-CH3) (1-694) [VH anti-CEACAM5 humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-18\*01 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (92.3%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17 (CH1 K120 (218) (122-219), charnière 1-6 (220-225)) (122-225) -10-mer bis(tétraglycyl-séryl) linker (226-235) -VH anti-CD3E humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-23\*03 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ6\*01 (90.9%)) [8.10.16] (236-360) -*Homo sapiens* IGKC\*01, R1.4>S (361), Km3 A45.1 (406), V101 (444) (361-467) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m1 (charnière 5-15 (467-477), CH2 [L1.3>A (481), L1.2>A (482), P114>G (576)] (478-587), CH3 D12 (603), L14 (605) [S10>C (601), T22>W (613)] (588-692), CHS (693-694)) (468-694)]; (224-215'')-disulfure avec la chaîne légère kappa anti-CEACAM5 (1'''-215'') (V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-16\*01 (82.1%) -IGKJ2\*02 (100%)) [6.3.10] (1'''-108'') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'''-215'')); (467-214')-disulfure avec la chaîne légère lambda-gamma anti-CD3E (1'-214') [V-LAMBDA (*Mus musculus* IGLV1\*01 (81.2%) -IGLJ1\*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46\*01 (80%) -IGLJ3\*01 (100%)) [9.3.9] (1'-109') -2-mer biséryl linker (110'-111') -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17 (CH1 K120 (208) (112'-209') -charnière 1-5 (210'-214'))]; chaîne lourde gamma1 anti-CEACAM5 (1''-451'') [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-18\*01 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (92.3%)) [8.8.14] (1''-121'') -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17 (CH1 K120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 [L1.3>A (238), L1.2>A (239), P114>G (333)] (235-344), CH3 [Y5>C (353), T22>S (370), L24>A (372), Y86>V (411)] (345-449), CHS (450-451)) (122''-451''); (224''-215'')-disulfure avec la chaîne légère kappa anti-CEACAM5 (1'''-215'') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-16\*01 (82.1%) -IGKJ2\*02 (100%)) [6.3.10] (1'''-108'') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'''-215'')]; dimère (473-230'':476-233'':601-353'')-trisdisulfure immunomodulateur, antinéoplasique

## cibisatamab

immunoglobulina G1-kappa/lambda con dominios intercambiados, anti-[*Homo sapiens* CEACAM5 (molécula de adhesión celular 5 relacionada con el antígeno carcinoembrionario, CEA, CD66e)] y anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 épsilon, Leu-4)], anticuerpo monoclonal humanizado, biespecífico, trivalente; cadena pesada gamma-kappa anti-CEACAM5 y anti-CD3E (VH-CH1-VH-C-kappa-CH2-CH3) (1-694) [VH anti-CEACAM5 humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-18\*01 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (92.3%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17 (CH1 K120 (218) (122-219), bisagra 1-6 (220-225)) (122-225) -10-mer bis(tétraglicil-seril) ligando (226-235) -VH anti-CD3E humanizado (*Homo sapiens* IGHV3-23\*03 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ6\*01 (90.9%)) [8.10.16] (236-360) -*Homo sapiens* IGKC\*01, R1.4>S (361), Km3 A45.1 (406), V101 (444) (361-467) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m1 (bisagra 5-15 (467-477), CH2 [L1.3>A (481), L1.2>A (482), P114>G (576)] (478-587), CH3 D12 (603), L14 (605) [S10>C (601), T22>W (613)] (588-692), CHS (693-694)) (468-694)]; (224-215'')-disulfuro con la cadena ligera kappa anti-CEACAM5 (1'''-215'') (V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-16\*01 (82.1%) -IGKJ2\*02 (100%)) [6.3.10] (1'''-108'') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'''-215'')); (467-214')-disulfuro con la cadena ligera lambda-gamma anti-CD3E (1'-214') [V-LAMBDA (*Mus musculus* IGLV1\*01 (81.2%) -IGLJ1\*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46\*01 (80%) -IGLJ3\*01 (100%)) [9.3.9] (1'-109') -2-mer biseryl ligando (110'-111') -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17 (CH1 K120 (208) (112'-209') -bisagra 1-5 (210'-214'))]; cadena pesada gamma1 anti-CEACAM5 (1''-451'') [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-18\*01 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (92.3%)) [8.8.14] (1''-121'') -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17 (CH1 K120 (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 [L1.3>A (238), L1.2>A (239), P114>G (333)] (235-344), CH3 [Y5>C (353), T22>S (370), L24>A (372), Y86>V (411)] (345-449), CHS (450-451)) (122''-451''); (224''-215'')-disulfuro con la cadena ligera kappa anti-CEACAM5 (1'''-215'') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-16\*01 (82.1%) -IGKJ2\*02 (100%)) [6.3.10] (1'''-108'') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'''-215'')]; dímero (473-230'':476-233'':601-353'')-trisdisulfuro inmunomodulador, antineoplásico

1855925-27-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada anti-CEACAM5 and anti-CD3E  
 QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT EFGMNWVRQA PGQGLEWMGW 50  
 INTKTGEATY VEEFKGRVTF TTDSTSTAY MELRSLRSD TAVYYCARWD 100  
 FAYYVEAMDY WGQGTITVTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150  
 KDYFPEPVTY SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ 200  
 TYICNVNHKP SNTKVDKVE PKSCDGGGGS GGGGSEVQLL ESGGLVQPG 250  
 GSLRLSCAAS GFTFSTYAMN WVRQAPGKGL EWVSRIRSKY NNYATYYADS 300  
 VKGRFTISR DSKNTLYLQM NSLRAEDTAV YYCVRHGNFG NSYVSWFAYW 350  
 GQGTLTVSS ASVAAPSVFI FPPSDEQLKS GTASVVCCLN NFYPREAKVQ 400  
 WKVDNALQSG NSQESVTEQD SKDSTYLSLS TLTLKADYE KHKVYACEVT 450  
 HQGLSSPVTK SFNRGECDEK HTCPPEPAPE AAGGPSVFLF PPKPKDTLMI 500  
 SRTPEVTCVV VDVSHEDPEV KFNWYVDGVE VHNAKTKPRE EQYNSTYRVV 550  
 SVLTVLHQDW LNGKEYKCKV SNKALGAPIE KTISKAKGQP REPQVYTLPP 600  
 CRDELTKNQV SLWCLVKGFY PSDIAVEWES NGQPENNYKT TTPVLDSDGS 650  
 FFLYSKLTVD KSRWQQGNVF SCSVMHEALH NHYTKQSLSL SPGK 694

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera anti-CD3E  
 QAVVTQEPSL TVSPGGTIVL TCGSSTGAVT TSNYANWVQE KPGQAFRGLI 50  
 GGTNKRAPGT PARFSGSLLG KKAALTLGA QPEDEAEYYC ALWYSNLWVF 100  
 GGGTKLTVLS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV KDYFPEPVTY 150  
 SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ TYICNVNHKP 200  
 SNTKVDKVE PKSC 214

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada anti-CEACAM5  
 QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT EFGMNWVRQA PGQGLEWMGW 50  
 INTKTGEATY VEEFKGRVTF TTDSTSTAY MELRSLRSD TAVYYCARWD 100  
 FAYYVEAMDY WGQGTITVTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150  
 KDYFPEPVTY SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ 200  
 TYICNVNHKP SNTKVDKVE PKSCDKTHTC PPCPAPEAAG GPSVFLFPPK 250  
 PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300  
 NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALGAPIEKT SKAKGQPREP 350  
 QVCTLPSPRD ELTKNQVSL CAVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTTP 400  
 VLDSDGSFFL VSKLTVDKSR WQQGNVFCSS VMHEALHNNY TQKSLSLSPG 450  
 K 451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera anti-CEACAM5  
 DIQMTQSPSS LSASVGRVIT ITCKASAAG TYVAVYQQKP GKAPKLLIYS 50  
 ASYRKRGPVS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCHQ YYTYPLFTFG 100  
 QGKLEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCCLNNE YPREAKVQWK 150  
 VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYSLSSL TLKADYERH KVIACEVTHQ 200  
 GLSSPVTKSF NRGE 215

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro  
 Intra-H (C23-C104) 22-96 148-204 257-333 387-447 508-568 614-672  
 22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"  
 Intra-L (C23-C104) 22'-90' 138'-194'  
 23'''-88''' 135'''-195'''  
 Inter-H-L (h 5-CL 126) 224-215" 467-214' 224"-215"  
 Inter-H-H (h 11, h 14, AA >C) 473-230" 476-233" 601-353"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación  
 H CH2 N84.4:  
 544, 301"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires  
 complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados

ciforadenantum  
 ciforadenant

(7<sup>3</sup>S)-1<sup>5</sup>-methyl-6-oxa-2(7,3)-[1,2,3]triazolo[4,5-  
 d]pyrimidina-4(2,6)-pyridina-1(2)-furana-7(3)-  
 oxolanaheptaphan-2<sup>5</sup>-amine  
*adenosine receptor antagonist*

ciforadénant

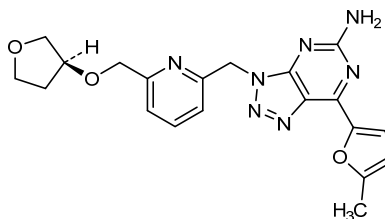
(7<sup>3</sup>S)-1<sup>5</sup>-méthyl-6-oxa-2(7,3)-[1,2,3]triazolo[4,5-  
 d]pyrimidina-4(2,6)-pyridina-1(2)-furana-7(3)-  
 oxolanaheptaphan-2<sup>5</sup>-amine  
*agoniste du récepteur de l'adénosine*

ciforadenant

(7<sup>3</sup>S)-1<sup>5</sup>-metil-6-oxa-2(7,3)-[1,2,3]triazol[4,5-d]pirimidina-  
 4(2,6)-piridina-1(2)-furana-7(3)-oxolanaheptafan-2<sup>5</sup>-amina  
*agonista del receptor de la adenosina*

C<sub>20</sub>H<sub>21</sub>N<sub>7</sub>O<sub>3</sub>

1202402-40-1

**cilofexorum**

cilofexor

3<sup>2</sup>,7<sup>2</sup>,7<sup>6</sup>-trichloro-6<sup>5</sup>-cyclopropyl-2<sup>3</sup>-hydroxy-4-oxa-1(2)-pyridina-6(4,3)-[1,2]oxazola-2(1,3)-azetidina-3(1,4),7(1)-dibenzenaheptaphane-1<sup>4</sup>-carboxylic acid  
*farnesoid X receptor (FXR) agonist*

cilofexor

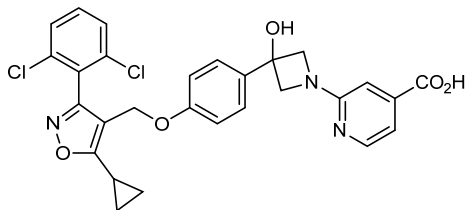
acide 3<sup>2</sup>,7<sup>2</sup>,7<sup>6</sup>-trichloro-6<sup>5</sup>-cyclopropyl-2<sup>3</sup>-hydroxy-4-oxa-1(2)-pyridina-6(4,3)-[1,2]oxazola-2(1,3)-azetidina-3(1,4),7(1)-dibenzenaheptaphane-1<sup>4</sup>-carboxylique  
*agoniste du récepteur du farnésioïde X*

cilofexor

ácido 3<sup>2</sup>,7<sup>2</sup>,7<sup>6</sup>-trichloro-6<sup>5</sup>-ciclopropil-2<sup>3</sup>-hidroxi-4-oxa-1(2)-piridina-6(4,3)-[1,2]oxazola-2(1,3)-azetidina-3(1,4),7(1)-dibencenaheptafano-1<sup>4</sup>-carboxílico  
*agonista del receptor de farnesoide X*

C<sub>28</sub>H<sub>22</sub>Cl<sub>3</sub>N<sub>3</sub>O<sub>5</sub>

1418274-28-8

**cligosibanum**

cligosiban

5-[3-[3-(2-chloro-4-fluorophenoxy)azetidin-1-yl]-5-(methoxymethyl)-4H-1,2,4-triazol-4-yl]-2-methoxypyridine  
*oxytocin antagonist*

cligosiban

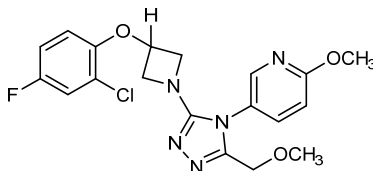
5-[3-[3-(2-chloro-4-fluorophénoxy)azétidin-1-yl]-5-(méthoxyméthyl)-4H-1,2,4-triazol-4-yl]-2-méthoxypyridine  
*antagoniste de l'oxytocine*

cligosibán

5-[3-[3-(2-cloro-4-fluorofenoxi)azetidina-1-il]-5-(metoximetil)-4H-1,2,4-triazol-4-il]-2-metoxipiridina  
*antagonista de la oxitocina*

$C_{19}H_{19}ClFN_5O_3$ 

900510-03-4

**conteltinibum**

conteltinib

2-[(2-{2-methoxy-4-[4-(4-methylpiperazin-1-yl)piperidin-1-yl]anilino}-6,7-dihydro-5H-pyrrolo[2,3-d]pyrimidin-4-yl)amino]-N-(propan-2-yl)benzene-1-sulfonamide  
*tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic*

conteltinib

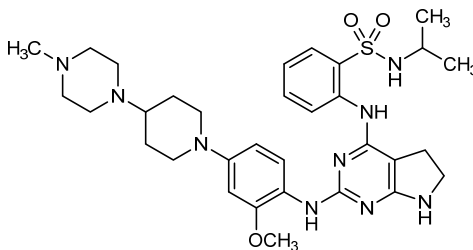
2-[(2-{2-méthoxy-4-[4-(4-méthylpipérazin-1-yl)pipéridin-1-yl]anilino}-6,7-dihydro-5H-pyrrolo[2,3-d]pyrimidin-4-yl)amino]-N-(propan-2-yl)benzène-1-sulfonamide  
*inhibiteur de tyrosine kinase, antinéoplasique*

conteltinib

2-[(2-{2-metoxi-4-[4-(4-metilpiperazin-1-il)piperidin-1-il]anilino}-6,7-dihidro-5H-pirrol[o2,3-d]pirimidin-4-il)amino]-N-(propan-2-il)benceno-1-sulfonamida  
*inhibidor de tirosina kinasa, antineoplásico*

 $C_{32}H_{45}N_9O_3S$ 

1384860-29-0

**contezolidum**

contezolid

1-{[2,3,6-trifluoro-4-[(5S)-5-[(1,2-oxazol-3-yl)amino]methyl]-2-oxo-1,3-oxazolidin-3-yl]phenyl}-2,3-dihydropyridin-4(1H)-one  
*antibacterial*

contézolid

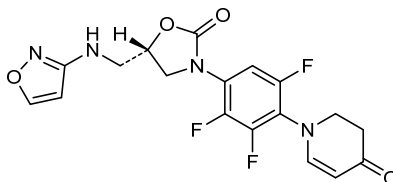
1-(2,3,6-trifluoro-4-{(5S)-5-[(1,2-oxazol-3-ylamino)méthyl]-2-oxo-1,3-oxazolidin-3-yl}phényl)-2,3-dihydropyridin-4(1H)-one  
*antibactérien*

contezolid

1-(2,3,6-trifluoro-4-{(5S)-5-[(1,2-oxazol-3-ilamino)metil]-2-oxo-1,3-oxazolidin-3-il}fenil)-2,3-dihidropiridin-4(1H)-ona  
*antibacteriano*

C<sub>18</sub>H<sub>15</sub>F<sub>3</sub>N<sub>4</sub>O<sub>4</sub>

1112968-42-9



**cusatuzumabum #**  
cusatuzumab

immunoglobulin G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* CD70 (tumor necrosis factor superfamily member 7, TNFSF7, CD27LG, CD27L)], humanized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-452) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV3-48\*03 (90.8%) -(IGHD)-IGHJ5\*01 (100%)) [8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 K120 (219) (123-220), hinge (221-235), CH2 (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-215')-disulfide with lambda light chain (1'-216') [humanized V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV8-61\*01 (78.1%) -IGLJ7\*01 (100%)) [9.3.10] (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2\*01 (111'-216')]; dimer (231-231":234-234")-bisdisulfide  
*immunomodulator, antineoplastic*

cusatuzumab

immunoglobuline G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* CD70 (membre 7 de la superfamille du facteur de nécrose tumorale (TNF), TNFSF7, CD27LG, CD27L)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma1 (1-452) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-48\*03 (90.8%) -(IGHD)-IGHJ5\*01 (100%)) [8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 K120 (219) (123-220), charnière (221-235), CH2 (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-215')-disulfure avec la chaîne légère lambda (1'-216') [V-LAMBDA humanisé (*Homo sapiens* IGLV8-61\*01 (78.1%) -IGLJ7\*01 (100%)) [9.3.10] (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2\*01 (111'-216')]; dimère (231-231":234-234")-bisdisulfure  
*immunomodulateur, antinéoplasique*

cusatuzumab

inmunoglobulina G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* CD70 (miembro 7 de la superfamilia del factor de necrosis tumoral (TNF), TNFSF7, CD27LG, CD27L)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 (1-452) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV3-48\*03 (90.8%) -(IGHD)-IGHJ5\*01 (100%)) [8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 K120 (219) (123-220), bisagra (221-235), CH2 (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-215')-disulfuro con la cadena ligera lambda (1'-216') [V-LAMBDA humanizado (*Homo sapiens* IGLV8-61\*01 (78.1%) -IGLJ7\*01 (100%)) [9.3.10] (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2\*01 (111'-216')]; dímero (231-231":234-234")-bisdisulfuro  
*inmunomodulador, antineoplásico*

## 1864871-20-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada  
 EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS VYYMNWVRQA PGKGLEWVSD 50  
 INNNEGTTYY ADSVKGRFTI SRDNSKNSLY LQMNSLRAED TAVYVCARDA 100  
 GYSNHVPIFD SWGQGTLLVTI SSASTKGPSV FPLAPSSKST SGGTAALGCL 150  
 VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTFPSSSLGT 200  
 QTYICNVNHK PSNTKVDKKV EPKSCDKTHT CPPCPAPELL GGPSVFLFPP 250  
 KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300  
 YNSTYRVVSV LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KALPAPIEKT ISKAKGQPRE 350  
 PQVYTLPPSR DELTKNQVSL TCLVKGFYPS DIAVEWESNG QPENNYKTPP 400  
 PVLDSGDSFF LYSKLTVDKS RWQQGNVFSC SVMHEALHNN YTQKSLSLSP 450  
 GK 452

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera  
 QAVVTQEPST TVSPGGTVTL TCGLKSGSVT SDNFPTWYQQ TPGQAPRLLI 50  
 YNTNTRHSGV PDRFSGSILG NKAALTITGA QADDEAEYFC ALFISNPSVE 100  
 FGGGTQLTVL GQPKAAPSVT LFPPSSSEELQ ANKATLVCLI SDFYPGAVTV 150  
 AWKADSSPVK AGVETTPPSK QSNKNYAASS YLSLTPEQWK SHRSYSCQVT 200  
 HEGSTVEKTV APTCEK 216

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro  
 Intra-H (C23-C104) 22-96 149-205 266-326 372-430  
                                   22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"  
 Intra-L (C23-C104) 22'-90' 138'-197'  
                                   22"'-90'" 138"'-197'"  
 Inter-H-L (h 5-CL 126) 225-215' 225"-215"  
 Inter-H-H (h 11, h 14) 231-231" 234-234"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación  
 H CH2 N84.4:  
 302, 302"

Afucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires  
 complexes afucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos afucosilados

**dalcinonacogum alfa #**  
 dalcinonacog alfa

human blood coagulation factor IX variant (R318Y, R338E, T343R), produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa.  
*blood coagulation factor*

dalcinonacog alfa

variant (R318Y, R338E, T343R) du facteur de coagulation sanguine IX humain, produit par des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa  
*facteur de coagulation sanguine*

dalcinonacog alfa

variante (R318Y, R338E, T343R) del factor de coagulación sanguínea IX humano, producido por las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofoma alfa  
*factor de coagulación sanguínea*

## 2055206-13-6

YNSGKLEEFV QGNLERECME EKCSFEEARE VFENTERTE FWKQYVDGDQ 50  
 CESNPCLNGG SCKDDINSYE CWCFFGFEGK NCELDVTCNI KNGRCEQFCK 100  
 NSADNKVCS CTGTYRLAEN QKSCEPAVVF PCGRVSVSQT SKLTRAETVF 150  
 PDVDYVNSTE AETILDNITQ STQSFNDFTR VVGGEDAKPG QFPWQVVLNG 200  
 KVDAFCGSGI VNEKWIIVTAA HCVETGVKIT VVAGEHNIEE TEHTEQKRN 250  
 TRIIPHNNYN AAINKYNHDI ALLELDEPLV LNSYVTPICI ADKEYTNIFL 300  
 KFGSGYVSGW GRVFKGYSA LVLQYLRVPL VDRATCLEST KFRIYNNMFC 350  
 AGFHEGGRDS CQDGSGGPHV TEVEGTSFLT GIISWEECA MKGKYGIYTK 400  
 VSRVYNWIKE KTKLT 415

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro  
 18-23 51-62 56-71 73-82 88-99 95-109  
 111-124 132-289 206-222 336-350 361-389  
 Glycosylation sites (N) / Sites de glycosylation (N) / Posiciones de glicosilación (N)  
 Asn-157 Asn-167  
 Glycosylation sites (O) / Sites de glycosylation (O) / Posiciones de glicosilación (O)  
 Ser-53 Ser-61 Thr-159 Thr-169 Thr-172 Thr-179  
 Non-conventional residues / Résidus non conventionnels / Restos no convencionales  
 Tyr-318 Glu-338 Arg-343

**delolimogenum mupadenorepvecum #**

delolimogene mupadenorepvec

a conditionally replicating adenovirus serotype 5/35 genetically engineered to express a trimerized membrane-bound CD40 ligand (TMZ-CD40L) and tumor necrosis factor superfamily member 9 (TNFSF9, 4-1BBL, CD137), under the control of a cytomegalovirus (CMV) promoter, and with deletions in E1A gene and E3 genes.

*gene therapy substance (antineoplastic)*

délolimogène mupadénorépvec

adénovirus de sérotype 5/35 dont la réplication est conditionnée, génétiquement modifié pour exprimer le ligand membranaire du récepteur CD40 (TMZ-CD40L) sous forme trimérique et le membre 9 de la superfamille du facteur de nécrose tumorale (TNFSF9, 4-1BBL, CD137), sous le contrôle d'un promoteur du cytomégalovirus (CMV) et avec des délétions sur le gène E1A et les gènes E3

*substance de thérapie génique (antineoplasique)*

delolimogén mupadenorepvec

un adenovirus de serotipo 5/35 con replicación condicionada, modificado genéticamente para expresar un ligando de membrana trimerizado de CD40 (TMZ-CD40L) y el miembro 9 de la superfamilia de factores de necrosis tumoral (TNFSF9, 4-1BBL, CD137), bajo el control de un promotor del citomegalovirus (CMV) y con deleciones en el gen E1A y en los genes E3

*sustancia de terapia celular (antineoplásico)*

2061938-98-3

**deutivacaftorum**

deutivacaftor

*N*-{2-*tert*-butyl-5-hydroxy-4-[2-(<sup>2</sup>H<sub>3</sub>)methyl(1,1,1,3,3,3-<sup>2</sup>H<sub>6</sub>)propan-2-yl]phenyl}-4-oxo-1,4-dihydroquinoline-3-carboxamide  
*cystic fibrosis transmembrane regulator (CFTR) protein modulator*

deutivacaftor

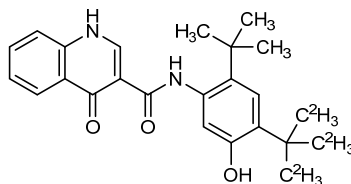
*N*-{2-*tert*-butyl-5-hydroxy-4-[2-(<sup>2</sup>H<sub>3</sub>)méthyl(1,1,1,3,3,3-<sup>2</sup>H<sub>6</sub>)propan-2-yl]phényl}-4-oxo-1,4-dihydroquinoline-3-carboxamide  
*modulateur de la protéine régulatrice de la perméabilité transmembranaire impliquée dans la mucoviscidose (CFTR)*

deutivacaftor

*N*-{2-*tert*-butil-5-hidroxi-4-[2-(<sup>2</sup>H<sub>3</sub>)metil(1,1,1,3,3,3-<sup>2</sup>H<sub>6</sub>)propan-2-il]fenil}-4-oxo-1,4-dihidroquinolina-3-carboxamida  
*modulador de la proteína reguladora de la conductancia transmembrana de la fibrosis quística (CFTR)*

$C_{24}H_{19}^2H_9N_2O_3$ 

1413431-07-8

**difamilastum**

difamilast

*N*-({2-[4-(difluoromethoxy)-3-(propan-2-yloxy)phenyl]-1,3-oxazol-4-yl)methyl}-2-ethoxybenzamide  
*phosphodiesterase IV inhibitor*

difamilast

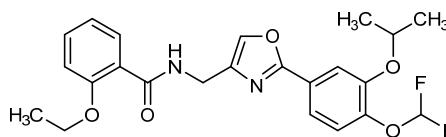
*N*-({2-[4-(difluorométhoxy)-3-(propan-2-yloxy)phényl]-1,3-oxazol-4-yl)méthyl}-2-éthoxybenzamide  
*inhibiteur de la phosphodiesterase IV*

difamilast

*N*-({2-[4-(difluorometoxi)-3-(propan-2-iloxi)fenil]-1,3-oxazol-4-il}metil)-2-etoxibenzamida  
*inhibidor de la fosfodiesterasa IV*

 $C_{23}H_{24}F_2N_2O_5$ 

937782-05-3

**diroleutonum**

diroleuton

(8*Z*,11*Z*,14*Z*)-icosa-8,11,14-trienoic acid  
*anti-inflammatory*

diroleuton

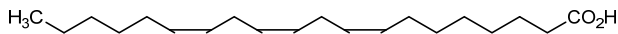
acide (8*Z*,11*Z*,14*Z*)-icosa-8,11,14-triénoïque  
*anti-inflammatoire*

diroleutón

ácido (8*Z*,11*Z*,14*Z*)-icosa-8,11,14-trienoico  
*antiinflamatorio*

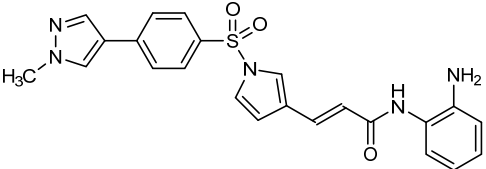
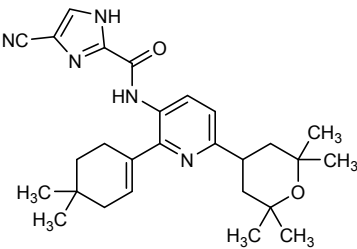
 $C_{20}H_{34}O_2$ 

1783-84-2

**domatinostat**

domatinostat

(2*E*)-*N*-(2-aminophenyl)-3-(1-([4-(1-methyl-1*H*-pyrazol-4-yl)phenyl]sulfonyl)-1*H*-pyrrol-3-yl)prop-2-enamide  
*antineoplastic*

|                                                 |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                           |
|-------------------------------------------------|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| domatinostat                                    | (2 <i>E</i> )- <i>N</i> -(2-aminophényl)-3-(1-([4-(1-méthyl-1 <i>H</i> -pyrazol-4-yl)phényl]sulfonyl)-1 <i>H</i> -pyrrol-3-yl)prop-2-énamide<br><i>antineoplasique</i>                                                                                                                                                                                    |
| domatinostat                                    | (2 <i>E</i> )- <i>N</i> -(2-aminofenil)-3-(1-([4-(1-metil-1 <i>H</i> -pirazol-4-il)fenil]sulfonyl)-1 <i>H</i> -pirrol-3-il)prop-2-enamida<br><i>antineoplásico</i>                                                                                                                                                                                        |
|                                                 | $C_{23}H_{21}N_5O_3S$ 910462-43-0                                                                                                                                                                                                                                                                                                                         |
|                                                 |                                                                                                                                                                                                                                                                         |
| <b>edicotinibum</b><br>edicotinib               | 4-cyano- <i>N</i> -[2-(4,4-dimethylcyclohex-1-en-1-yl)-6-(2,2,6,6-tetramethyloxan-4-yl)pyridin-3-yl]-1 <i>H</i> -imidazole-2-carboxamide<br><i>tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic</i>                                                                                                                                                              |
| édicotinib                                      | 4-cyano- <i>N</i> -[2-(4,4-diméthylcyclohex-1-én-1-yl)-6-(2,2,6,6-tétraméthyloxan-4-yl)pyridin-3-yl]-1 <i>H</i> -imidazole-2-carboxamide<br><i>inhibiteur de tyrosine kinase, antinéoplasique</i>                                                                                                                                                         |
| edicotinib                                      | 4-ciano- <i>N</i> -[2-(4,4-dimetilciclohex-1-en-1-il)-6-(2,2,6,6-tetrametilo-xan-4-il)piridin-3-il]-1 <i>H</i> -imidazol-2-carboxamida<br><i>inhibidor de tirosina kinasa, antineoplásico</i>                                                                                                                                                             |
|                                                 | $C_{27}H_{35}N_5O_2$ 1142363-52-7                                                                                                                                                                                                                                                                                                                         |
|                                                 |                                                                                                                                                                                                                                                                       |
| <b>efavaleukinum alfa #</b><br>efavaleukin alfa | immunoglobulin G1 $\gamma$ 1-chain C-terminal constant region fragment (Fc) (1-226 without C-terminal Lys, N77G,D136E,L138M variant)-G <sub>4</sub> S linker (227-231)-human interleukin 2 (232-364, V322K,C356A variant) fusion protein, dimer disulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa<br><i>interleukin derivative</i> |

éfavaleukine alfa

région constante C-terminale de la chaîne  $\gamma 1$  de l'immunoglobuline G1 humaine (fragment Fc) (1-226 sans la lysine C-terminale, variant N77G,D136E,L138M)-linker G<sub>4</sub>S (227-231)-interleukine 2 humaine (232-364, variant V322K, C356A), protéine de fusion, dimère disulfure, produite par des cellules de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa  
*dérivé de l'interleukine*

efavaleukina alfa

región constante C-terminal de la cadena  $\gamma 1$  de la inmunoglobulina G1 humana (fragmento Fc) (1-226 sin la lisina C-terminal, variante N77G,D136E,L138M)-ligante G<sub>4</sub>S (227-231)-interleukina 2 humana (232-364, variante V322K, C356A), proteína de fusión, dímero disulfuro, producido por las células de hamsters chinos (CHO), glicoforma alfa  
*derivado de la interleukina*

2049067-94-7

```
DKTHTCPPCP APELLGGPSV FLFPPKPKDT LMISRTPEVT CVVVDVSHED 50
PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQYGSTY RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK 100
CKVSNKALPA PIEKTISKAK GQPREPQVYT LPPSREEMTK NQVSLTCLVK 150
GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPPVLDS DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG 200
NVFSCSVME ALHNHYTQKS LSLSPGGGGG SAPTSSSTKK TQLQLEHLLL 250
DLQMILNGIN NYKNPKLTRM LTFKFYMPKK ATELKHLQCL EEELKPLEEV 300
LNLAQSKNFH LRPRDLISNI NKIVLELKGS ETTFMCEYAD ETATIVEFLN 350
RWITFAQSII STLT 364
```

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

intra-chain: 41-101 147-205 289-336

41'-101' 147'-205' 289'-336'

inter-chain: 6-6' 9-9'

Glycosylation site (O) / Site de glycosylation (O) / Posición de glicosilación (O)

Thr-234 Thr-234'

**efineptakinum alfa #**  
efineptakin alfa

Met-Gly-Met (1-3)-human interleukin 7 (4-155) fused to an antibody hybrid fragment (hyFc) consisting of human immunoglobulin D (IgD) hinge and N-terminal CH2 regions (156-193) and human immunoglobulin G4 (IgG4) C-terminal CH2 and complete CH3 regions (194-400), dimer disulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa  
*antineoplastic*

éfineptakine alfa

Met-Gly-Met (1-3)-interleukine 7 humaine (4-155), fusionnée à un fragment Fc hybride d'anticorps (hyFc) consistant en la région charnière et le domaine CH2 N-terminal de l'immunoglobuline D (IgD) humaine (156-193), fusionné au domaine CH2 C-terminal et au domaine complet CH3 de l'immunoglobuline G4 (IgG4) humaine (194-400), dimère disulfure, produit par des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa  
*antinéoplasique*

## efineptakina alfa

Met-Gly-Met (1-3)-interleukina 7 humana (4-155), fusionada con un fragmento Fc híbrido del anticuerpo (hyFc) consistente en la región bisagra y el dominio CH2 N-terminal de la inmunoglobulina D (IgD) humana (156-193), fusionada con el dominio CH2 C-terminal y con el dominio completo CH3 de la inmunoglobulina G4 (IgG4) humana (194-400), dímero disulfuro, producido por las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicoforma alfa  
*antineoplásico*

2026634-47-7

MGMDCDIEGK DGKQYESVLM VSDIQLLDSM KEIGSNCLNN EFNFFKRHHIC 50  
DANKEGMFLF RAARKLRQFL KMNSTGDFDL HLLKVSEGT ILLNCTGQVK 100  
GRKPAALGEA QPTKSLEENK SLKEQKKLND LCFLKRLLE IKTWNKILM 150  
GTKEHRNTGR GGEKKKEKE KEEQEERETK TPECPSTQP LGVFLFPKP 200  
KDTLMISRTPEVTCVVVDVS QEDPEVQFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQFN 250  
STYRVVSVLT VILHQLDLNGK EYKCKVSNKG LPSSIEKTIS KAKGQPREPQ 300  
VYTLPPSQEE MTKNQVSLTLC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 350  
LDSGDSFFLY SRLTVDKSRW QEGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSLGK 400

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro  
Intra-chain: 5-95' 37-132' 50-144' 214-274' 320-378'  
5'-95' 37-132' 50'-144' 214'-274' 320'-378'  
Inter-chain: 184-184'

Glycosylation sites (N) / Sites de glycosylation (N) / Posiciones de glicosilación (N)  
Asn-73 Asn-94 Asn-250  
Glycosylation site (O) / Site de glycosylation (O) / Posición de glicosilación (O)  
Thr-113

efinopegdutidum #  
efinopegdutide

glucagon-like peptide-1 (GLP-1) analogue, conjugated by a 10 kDa polyethylene glycol (PEG) linker (n ~ 225) to an Fc portion dimer of human immunoglobulin G4 (IgG4):  
 $N^{1-1}$ -{3-[w-(3-{3-[(3RS)-3-({16,20-anhydro-[Ser<sup>2</sup>>Aib,Ser<sup>16</sup>>Glu,Arg<sup>17</sup>>Lys,Gln<sup>20</sup>>Lys,Asp<sup>21</sup>>Glu,Lys<sup>30</sup>>Cys]-oxymodulin (1-30)-peptide 30-amide)-S<sup>3,30</sup>-yl)-2,5-dioxopyrrolidin-1-yl]propanamido}propoxy)poly(oxyethylene)-α-yloxy]propyl}[immunoglobulin γ4 heavy chain constant region C-terminal 221-peptide dimer disulfide], non-glycosylated, immunoglobulin fragment dimer produced in *Escherichia coli*  
*oxymodulin analogue*

## éfinopégdutide

analogue du peptide semblable au glucagon-1 (GLP-1), conjugué par un linker polyéthylène glycol (PEG) de 10 kDa (n ~ 225) à un dimère de fragment Fc d'immunoglobuline G4 (IgG4) humaine:  
 $N^{1-1}$ -{3-[w-(3-{3-[(3RS)-3-({16,20-anhydro-[Ser<sup>2</sup>>Aib,Ser<sup>16</sup>>Glu,Arg<sup>17</sup>>Lys,Gln<sup>20</sup>>Lys,Asp<sup>21</sup>>Glu,Lys<sup>30</sup>>Cys]-oxymodulin (1-30)-peptide 30-amide)-S<sup>3,30</sup>-yl)-2,5-dioxopyrrolidin-1-yl]propanamido}propoxy)poly(oxyéthylène)-α-yloxy]propyl}[peptide de 221 acides aminés de la région constante C-terminale de la chaîne lourde γ4 d'immunoglobuline, dimère disulfure], non-glycosylé, dimère du fragment d'immunoglobuline produit par *Escherichia coli*  
*analogue de l'oxymoduline*

efinopegdutida

análogo del péptido similar al glucagón-1 (GLP-1), conjugado por un enlace polietileno glicol (PEG) de 10 kDa (n ~ 225) a un dímero del fragmento Fc de la inmunoglobulina G4 (IgG4) humana:  
 $N^{1,1}$ -[3-[ω-(3-{3-[(3*RS*)-3-[(16,20-anhidro-[Ser<sup>16</sup>→Aib,Ser<sup>16</sup>→Glu,Arg<sup>17</sup>→Lys,Gln<sup>20</sup>→Lys,Asp<sup>21</sup>→Glu,Lys<sup>30</sup>→Cys]-oxintomodulin (1-30)-péptido 30-amida}-S<sup>3,30</sup>-il)-2,5-dioxopirrolidin-1-il]propanamido)propoxi)poli(oxietileno)-α-iloil]propil][péptido de 221 aminoácidos de la región constante C-terminal de la cadena pesada γ4 de la inmunoglobulina, dímero disulfuro], no glicosilado, dímero del fragmento de la inmunoglobulina producido por *Escherichia coli*  
*análogo de la oxintomodulina*

2055640-93-0

Conjugated peptide / peptide conjugué / péptido conjugado

HBQGTFTSDY SKYLD~~E~~KRAK EPVQWLMT~~E~~-NH<sub>2</sub>

Monomer / monomère / monómero IgG4 Fc

ESCPAPEFLG GPSVFLFPK PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SQEDPEVQFN 50  
 WYVDGVEVHN AKTKPREEQF NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK 100  
 GLPSSIEKTI SKAKGQPREP QVYTLPPSQE EMTKNQVSLT CLVKGFPYSD 150  
 IAVEWESNGQ PENNYKTTPP VLDSGGSFFL YSRLTVDKSR WQEGNVFSCS 200  
 VMHEALNNHY TQKSLSLSLG K 221

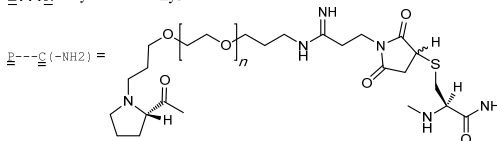
Disulfide bridges location / Positions des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-chain: 35-95 141-199 35'-95' 141'-199'

Inter-chain: 3-3'

Modified residues / résidus modifiés / restos modificados

B = 2-methylalanyl (2-aminoisobutyryl, Aib)

E...K = cyclic Glu<sup>5,16</sup>-Lys<sup>6,20</sup> amide bond

**eftansomatropinum alfa #**  
 eftansomatropin alfa

human somatotropin (1-191) fused to a hybrid Fc consisting of human immunoglobulin D (IgD) hinge region, fused to the IgD N-terminal CH2 region (192-229), fused to the immunoglobulin G4 (IgG4) C-terminal CH2 region, fused to the IgG4 CH3 region (230-436), disulfide dimer, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa  
*growth hormone derivative*

eftansomatropine alfa

somatotropine humaine (1-191) fusionnée à un fragment Fc hybride consistant en la région charnière de l'immunoglobuline D (IgD) humaine, fusionnée au domaine CH2 N-terminal de l'IgD (192-229), fusionné au domaine CH2 C-terminal de l'immunoglobuline G4 (IgG4), fusionné au domaine CH3 de l'IgG4 (230-436), dimère disulfure, produit des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa  
*dérivé de l'hormone de croissance*

eftansomatropina alfa

somatotropina humana (1-191) fusionada con un fragmento Fc híbrido consistente en la región bisagra de la inmunoglobulina D (IgD) humana, fusionada con el dominio CH2 N-terminal de la IgD (192-229), fusionada con el dominio CH2 C-terminal de la inmunoglobulina G4 (IgG4), fusionada con el dominio CH3 de la IgG4 (230-436), dímero disulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicoforma alfa  
*derivado de la hormona de crecimiento*

1905448-17-0

```

FTIPLSRRLF DNAMLRAHRL HQLAFDTYQE FEEAYIPKEQ KYSFLQNPQT 50
SLCFSESIPT PSNREETQOK SNLELLRISL LLIQSWLEPV QFLRSVFANS 100
LVYGASDSNV YDLLKDLEEG IQTLMGRLED GSPRTGQIFK QTYSKFDTNS 150
HNDDALKKNY GLLYCFRKDM DKVETFLRIV QCRSVEGSCG FRNTGRGEGE 200
KKKEKEKEEQ EERETKTPEC PSHTQPLGVF LFPKPKDTL MISRTPEVTC 250
VVVDVSQEDP EVQFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQFNSTYR VVSVLTVLHQ 300
DWLNGKEYKC KVSNGKLPSS IEKTISKAKG QPREPQVYTL PPSQEMTKN 350
QVSLTCLVKG FYPFDIAVEW ESNQGQPENNY KTTTPVLDSD GSFFLYSRLT 400
VDKSRWQEGN VFSCSVMHEA LHNHYTQKSL SLSLGG 436

```

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro  
Intra-chain : 53-165 182-189 250-310 356-414  
53'-165' 182'-189' 250'-310' 356'-414'  
Inter-chain : 220-220'

Glycosylation sites (O) / Sites de glycosylation (O) / Posiciones de glicosilación (O)  
Ser-55 Ser-57 Thr-60 Ser-62 Thr-67

Glycosylation site (N) / Site de glycosylation (N) / Posición de glicosilación (N)  
Asn-286

**elismetrepum**  
elismetrep

4-[(4-cyclopropylisoquinolin-3-yl){[4-(trifluoromethoxy)phenyl]methyl}sulfamoyl]benzoic acid  
*non-opioid analgesic*

élismétrep

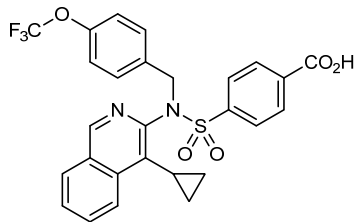
acide 4-[(4-cyclopropylisoquinoléin-3-yl){[4-(trifluorométhoxy)phényl]méthyl}sulfamoyl]benzoïque  
*analgésique non-opiacé*

elismetrep

ácido 4-[(4-ciclopropilisoquinolein-3-il){[4-(trifluorometoxi)fenil]metil}sulfamoil]benzoico  
*analgésico no opiáceo*

C<sub>27</sub>H<sub>21</sub>F<sub>3</sub>N<sub>2</sub>O<sub>5</sub>S

1400699-64-0



**enapotamabum #**  
enapotamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* AXL (AXL receptor tyrosine kinase, tyrosine-protein kinase receptor UFO)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;

## énapotamab

gamma1 heavy chain (1-445) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23\*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ3\*02 (100%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3 nG1m1 (CH1 R120 (213) (117-214), hinge (215-229), CH2 (230-339), CH3 E12 (355), M14 (357) (340-444), CHS K>del (445)) (117-445)], (219-215')-disulfide with kappa light chain (1'-215') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-20\*01 (100%) -IGKJ2\*01 (100%)) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimer (225-225":228-228")-bisdisulfide  
*immunomodulator, antineoplastic*

## enapotamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* AXL (récepteur tyrosine kinase AXL, récepteur tyrosine-protéine kinase UFO)], *Homo sapiens* anticorps monoclonal;  
chaîne lourde gamma1 (1-445) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23\*01 (95.90%) -(IGHD) -IGHJ3\*02 (100%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3 nG1m1 (CH1 R120 (213) (117-214), charnière (215-229), CH2 (230-339), CH3 E12 (355), M14 (357) (340-444), CHS K>del (445)) (117-445)], (219-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-215') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-20\*01 (100%) -IGKJ2\*01 (100%)) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure  
*immunomodulateur, antinéoplasique*

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* AXL (receptor tirosina kinasa AXL, receptor tirosina-proteina kinasa UFO)], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal;  
cadena pesada gamma1 cadena (1-445) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23\*01 (95.90%) -(IGHD) -IGHJ3\*02 (100%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3 nG1m1 (CH1 R120 (213) (117-214), bisagra (215-229), CH2 (230-339), CH3 E12 (355), M14 (357) (340-444), CHS K>del (445)) (117-445)], (219-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-215') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-20\*01 (100%) -IGKJ2\*01 (100%)) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro  
*inmunomodulador, antineoplásico*

1912423-61-0

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLLESQGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYAMNWRQA PGKLEWVST 50
TSGSGASTYY ADSVKGRFTI SRDNSKNILY LQMNSLRAED TAVYYCAKIW 100
IAFDIWGGQT MVTVSSASTK GFSVFELAPS SKSTSGGTAA LGCLVKDYFP 150
EPVTVSWNSG ALTSQVHTFP AVLQSSGLYS LSSVTVFPSS SLGTQTYICN 200
VNHKPSNWKV DKREVPKSD KTHRCPPCA FELLGGPSVF LFFPKPKDTL 250
MISRTPEVTC VVVDVSHEDP EVKSNWVYDG VEVNAKTKP REEQYNSTYR 300
VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNAKLPAP IEXTISKAKG QREPOVYTL 350
PFSREEMTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEN ESNQGPENNY KTTFPVLDS 400
GSFPLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCVMHEA LHNHYTQKSL SLSPG 445
```

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRASQSVS SSYLAWYQQK PGQAPRLIY 50
GASSRATGIP DRFGSGSGGT DFTLTISRLE PEDFAVYYCQ QYGSSPYTFG 100
QGKLEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNNF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYLSSTL TLSKADYEK KVAACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGE 215
```

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 143-199 260-320 366-424  
22"-96" 143"-199" 260"-320" 366"-424"  
Intra-L (C23-C104) 23"-89" 135"-195"  
23"-89" 135"-195"  
Inter-H-L (h 5-CL 126) 219-215' 219"-215"  
Inter-H-H (h 11, h14) 225-225" 228-228"

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

296, 296"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires  
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

**enapotamabum vedotinum #**

enapotamab vedotin

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* AXL (AXL receptor tyrosine kinase, tyrosine-protein kinase receptor UFO)], *Homo sapiens* monoclonal antibody conjugated to auristatin E;  
 gamma1 heavy chain (1-445) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23\*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ3\*02 (100%)) [8.8.9] (1-116) - *Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3 nG1m1 (CH1 R120 (213) (117-214), hinge (215-229), CH2 (230-339), CH3 E12 (355), M14 (357) (340-444), CHS K>del (445)) (117-445)], (219-215')-disulfide with kappa light chain (1'-215') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-20\*01 (100%) -IGKJ2\*01 (100%)) [7.3.9] (1'-108') - *Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimer (225-225":228-228")-bisdisulfide; conjugated, on an average of 4 cysteinyl, to monomethylauristatin E (MMAE), via a cleavable maleimidocaproyl-valyl-citrullinyl-p-aminobenzyloxycarbonyl (mc-val-cit-PABC) type linker For the vedotin part, please refer to the document "INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others".  
*immunomodulator, antineoplastic*

énapotamab védotine

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* AXL (récepteur tyrosine kinase AXL, récepteur tyrosine-protéine kinase UFO)], *Homo sapiens* anticorps monoclonal conjugué à l'auristatine E;  
 chaîne lourde gamma1 (1-445) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23\*01 (95.90%) -(IGHD) -IGHJ3\*02 (100%)) [8.8.9] (1-116) - *Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3 nG1m1 (CH1 R120 (213) (117-214), charnière (215-229), CH2 (230-339), CH3 E12 (355), M14 (357) (340-444), CHS K>del (445)) (117-445)], (219-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-215') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-20\*01 (100%) -IGKJ2\*01 (100%)) [7.3.9] (1'-108') - *Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure; conjugué sur 4 cystéinyl en moyenne, au monométhylauristatine E (MMAE), via un linker clivable de type maléimidocaproyl-valyl-citrullinyl-p-aminobenzyloxycarbonyl (mc-val-cit-PABC)  
 Pour la partie védotine, veuillez vous référer au document "INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others".  
*immunomodulateur, antinéoplasique*

enapotamab vedotina

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* AXL (receptor tirosina kinasa AXL, receptor tirosina-proteína kinasa UFO)], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal conjugado con la auristatina E;

cadena pesada gamma1 cadena (1-445) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23\*01 (95.90%) -(IGHD) -IGHJ3\*02 (100%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3 nG1m1 (CH1 R120 (213) (117-214), bisagra (215-229), CH2 (230-339), CH3 E12 (355), M14 (357) (340-444), CHS K>del (445)) (117-445)], (219-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-215') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-20\*01 (100%) -IGKJ2\*01 (100%)) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro; conjugado bajo una media de 4 cisteinil, con la monometilauristatina E (MMAE), a través de un enlace escindible del tipo maliimidocaproil-valil-citrullinil-p-aminobenziloxicarbonil (mc-val-cit-PABC)

Para la fracción *vedotina*, se pueden dirigir al documento "*INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others*".

*inmunomodulador, antineoplásico*

1912424-97-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

|         |      |         |       |        |       |         |        |         |      |     |
|---------|------|---------|-------|--------|-------|---------|--------|---------|------|-----|
| EVQLLES | GGG  | LVQPGG  | SLRL  | SCAASG | FTFS  | SYAMNW  | RQA    | PGKGLE  | WVST | 50  |
| TSGSGAS | TYY  | ADSVKGR | FTI   | SRDNSK | NNTLY | LQMNSL  | RAED   | TAVYYCA | KIW  | 100 |
| IAFDIWG | QGT  | MVTVSS  | ASTK  | GPSVF  | PLAPS | SKSTSG  | GTA    | LGCLVK  | DYFP | 150 |
| EPVTVS  | WNSG | ALTSGV  | HFTF  | AVLQSS | GLYS  | LSSVVT  | VPSS   | SLGTQTY | ICN  | 200 |
| VNHKPS  | NTKV | DKRVEP  | KSCD  | KHTC   | PPCPA | PELLGG  | PSVF   | LFPPKPK | DTL  | 250 |
| MISRTPE | VTCT | VVVDV   | SHEDP | EVKFNW | YVDG  | VEVHNA  | KTKP   | REEQYN  | STYR | 300 |
| VVSVLT  | VLHQ | DWLNGK  | EYKC  | KVSNKA | LPAP  | IEKTISK | KAG    | QPREPQ  | VYTL | 350 |
| PPSREEM | TKN  | QVSLT   | CLVK  | G      | FYP   | SDIAVEW | ESNGQP | PENNY   | K    | 400 |
| GSFFLY  | SKLT | VDKSRW  | QQGN  | VFSCSV | MHEA  | LHNHYT  | QKSL   | SLSPG   |      | 445 |

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

|         |          |        |           |        |        |       |          |        |      |     |
|---------|----------|--------|-----------|--------|--------|-------|----------|--------|------|-----|
| EIVLTQ  | SPGT     | L      | SLSPGERAT | L      | SCRASQ | SVSV  | SSYLAWY  | Q      | QK   | 50  |
| GASSRAT | GIP      | DRFSGS | GSST      | DFTLT  | ISRL   | E     | PEDFAVY  | Y      | Y    | 100 |
| QG      | TKLEIKRT | VAAPSV | FIFP      | PSDEQL | KSGT   | ASVCL | LNNF     | YPREAK | VQWK | 150 |
| VDNALQ  | SGNS     | QESVTE | QDSK      | DSTYSL | SSTL   | TL    | SKADYEKH | KVYACE | VTHQ | 200 |
| GLSSPV  | TKSF     | NRGEC  |           |        |        |       |          |        |      | 215 |

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 143"-199" 260"-320" 366"-424"  
22"-96" 143"-199" 260"-320" 366"-424"

Intra-L (C23-C104) 23"-89" 135"-195"  
23"-89" 135"-195"

Inter-H-L (h 5-CL 126) \* 219-215' 219"-215"

Inter-H-H (h 11, h14) \* 225-225" 228-228"

\*Two or three of the inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 4 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

\*Deux ou trois des ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 4 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

\*Faltan dos o tres puentes disulfuro inter-catenarios, una media de 4 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:  
296, 296"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

**enexasogaolum**  
enexasogaol

énexasogaol

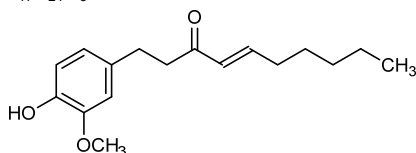
(4*E*)-1-(4-hydroxy-3-methoxyphenyl)dec-4-en-3-one  
*non-opioid analgesic*

(4*E*)-1-(4-hydroxy-3-méthoxyphényl)déc-4-én-3-one  
*analgésique non-opiacé*

enexasogaol

(4*E*)-1-(4-hidroxi-3-metoxifenil)dec-4-en-3-ona  
*analgésico no opiáceo*C<sub>17</sub>H<sub>24</sub>O<sub>3</sub>

23513-13-5

**epaminuradum**

epaminurad

(3,5-dibromo-4-hydroxyphenyl)(2,3-dihydro-4*H*-pyrido[4,3-*b*]-1,4-oxazin-4-yl)methanone  
*urate transporter inhibitor*

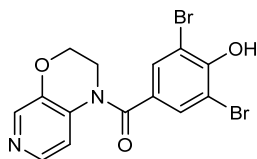
épaminurad

(3,5-dibromo-4-hydroxyphényl)(2,3-dihydro-4*H*-pyrido[4,3-*b*]-1,4-oxazin-4-yl)méthanone  
*inhibiteur du transporteur de l'urate*

epaminurad

(3,5-dibromo-4-hidroxifenil)(2,3-dihidro-4*H*-pirido[4,3-*b*]-1,4-oxazin-4-il)metanona  
*inhibidor del transportador del urato*C<sub>14</sub>H<sub>10</sub>Br<sub>2</sub>N<sub>2</sub>O<sub>3</sub>

1198153-15-9

**epeleutonum**

epeleuton

ethyl (5*Z*,8*Z*,11*Z*,13*E*,15*S*,17*Z*)-15-hydroxyicosa-5,8,11,13,17-pentaenoate  
*anti-inflammatory*

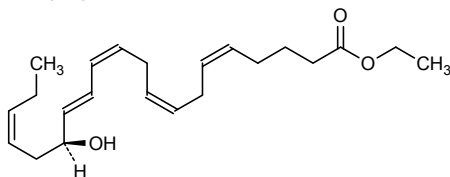
épéleuton

(5*Z*,8*Z*,11*Z*,13*E*,15*S*,17*Z*)-15-hydroxyicosa-5,8,11,13,17-pentaénoate d'éthyle  
*anti-inflammatoire*

epeleutón

(5*Z*,8*Z*,11*Z*,13*E*,15*S*,17*Z*)-15-hidroxiicosa-5,8,11,13,17-pentaenoato de etilo  
*antiinflamatorio*C<sub>22</sub>H<sub>34</sub>O<sub>3</sub>

1667760-39-5



**etidaligidum**  
etidaligide

*all-P-ambo-5'-O-[(4RS)-1-[5'-O-{19-[(cholest-5-en-3 $\beta$ -yl)oxy]-1-hydroxy-1,19-dioxo-2,5,8,11,14-pentaoxa-18-aza-1 $\lambda^5$ -phosphanonadecan-1-yl]deoxy}([1,2,3]tri-*P*-thio)(5'-GCTGTGCCCCA CAACCCAGCA AACAAGCCTA GA-3')-3'-O-yl]-1,4,23-trihydroxy-1,11,23-trioxo-2,6,22-trioxa-10-aza-1 $\lambda^5$ ,23 $\lambda^5$ -diphosphatricosan-23-yl]deoxy}([29,30,31]tri-*P*-thio)(5'-TCTAGGCTTG TTTGCTGGGT TGTGGGCACA GC-3')*  
*antineoplastic*

## étidaligide

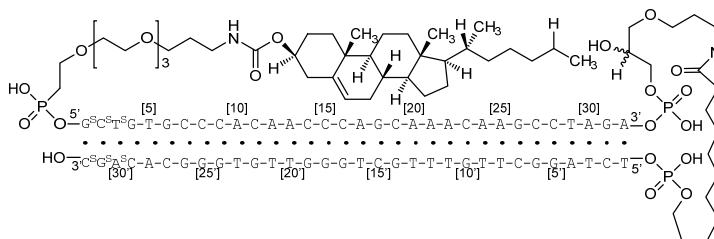
*tout-P-ambo-5'-O-[(4RS)-1-[5'-O-{19-[(cholest-5-en-3 $\beta$ -yl)oxy]-1-hydroxy-1,19-dioxo-2,5,8,11,14-pentaoxa-18-aza-1 $\lambda^5$ -phosphanonadécan-1-yl]désoxy}([1,2,3]tri-*P*-thio)(5'-GCTGTGCCCCA CAACCCAGCA AACAAGCCTA GA-3')-3'-O-yl]-1,4,23-trihydroxy-1,11,23-trioxo-2,6,22-trioxa-10-aza-1 $\lambda^5$ ,23 $\lambda^5$ -diphosphatricosan-23-yl]désoxy}([29,30,31]tri-*P*-thio)(5'-TCTAGGCTTG TTTGCTGGGT TGTGGGCACA GC-3')*  
*antinéoplasique*

## etidaligida

*todo-P-ambo-5'-O-[(4RS)-1-[5'-O-{19-[(cholest-5-en-3 $\beta$ -yl)oxi]-1-hidroxi-1,19-dioxo-2,5,8,11,14-pentaoxa-18-aza-1 $\lambda^5$ -fosfanonadecan-1-yl]desoxi}([1,2,3]tri-*P*-tio)(5'-GCTGTGCCCCA CAACCCAGCA AACAAGCCTA GA-3')-3'-O-yl]-1,4,23-trihidroxi-1,11,23-trioxo-2,6,22-trioxa-10-aza-1 $\lambda^5$ ,23 $\lambda^5$ -difosfatricosan-23-il]desoxi}([29,30,31]tri-*P*-tio)(5'-TCTAGGCTTG TTTGCTGGGT TGTGGGCACA GC-3')*  
*antineoplásico*

C<sub>678</sub>H<sub>885</sub>N<sub>244</sub>O<sub>392</sub>P<sub>65</sub>S<sub>6</sub>

1974402-87-3

**etigilimabum #**  
etigilimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TIGIT (T-cell immunoreceptor with Ig domain and ITIM, V-set Ig member 9, VSIG9, V-set and transmembrane member 3, VSTM3)], humanized monoclonal antibody;  
gamma1 heavy chain (1-448) [*Homo sapiens* VH (IGHV4-59\*01 (88.8%) - (IGHD)- IGHJ4\*01 (92.9%)) [8.7.12] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (215) (119-216), hinge (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-33\*01 (85.3%) -IGKJ1\*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*05, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide  
*immunomodulator*

## étigilimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TIGIT (immunorécepteur des lymphocytes T avec domaine Ig et ITIM, membre 9 de l'Ig V-set, VSIG9, membre 3 de l'Ig V-set et région transmembrane, VSTM3)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma1 (1-448) [*Homo sapiens* VH (IGHV4-59\*01 (88.8%) -(IGHD)- IGHJ4\*01 (92.9%)) [8.7.12] (1-118) - *Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (215) (119-216), charnière (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-33\*01 (85.3%) -IGKJ1\*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*05, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure  
*immunomodulateur*

## etigilimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TIGIT (immunoreceptor de los linfocitos T con dominio Ig e ITIM, miembro 9 de la Ig V-set, VSIG9, miembro 3 de la Ig V-set y región transmembrana, VSTM3)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 (1-448) [*Homo sapiens* VH (IGHV4-59\*01 (88.8%) -(IGHD)- IGHJ4\*01 (92.9%)) [8.7.12] (1-118) - *Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (215) (119-216), bisagra (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-33\*01 (85.3%) -IGKJ1\*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*05, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro  
*inmunomodulador*

2044984-83-8

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

QVQLQESGPG LVKPSSETLSL TCAVSGYSIT SDYAWNWIQ PPGKGLEWIG 50
YISYSGSTSY NPSLRSRVTI SRDTSKNQFF LKLSVTAAD TAVYCARRQ 100
VGLGFAYWQG GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPTVSWN SGALTSGVHT FFAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKRVEPKS CDKTHTCPPC PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSREEMT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPVLD 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK 448

```

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCKASQDVS TAVAWYQQKP GKAPKLLIYS 50
ASYRYTGVPs RFGSGSGSTD FTFTISSLQP EDIATYYCQQ HYSTPWFQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLNTLT LSKADYEEKK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

```

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96 145'-201 262'-322 368'-426  
 22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"  
 Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'  
 23"-88" 134"-194"  
 Inter-H-L (h 5-CL 126) 221'-214' 221"-214"  
 Inter-H-H (h 11, h 14) 227'-227" 230-230"

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

298, 298"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires  
 complejos fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

**faricimabum #**

## faricimab

immunoglobulin G1-kappa/lambda with domain crossover, anti-[*Homo sapiens* VEGFA (vascular endothelial growth factor A, VEGF-A, VEGF)] and anti-[*Homo sapiens* ANGPT2 (angiopoietin 2, Ang2)], humanized and *Homo sapiens* monoclonal antibody, bispecific;

gamma1 heavy chain anti-VEGFA (1-453) [humanized VH (*Homo sapiens*IGHV3-30\*02 (75.8%) -(IGHD)-IGHJ4\*01 (93.3%)) [8.8.16] (1-123) -*Homo sapiens*IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 K120 (220) (124-221), hinge 1-15 (222-236), CH2 [L1.3>A (240), L1.2>A (241), I15.2>A (259), H93>A (316), P114>G (335)](237-346), CH3D12 (362), L14 (364) [S10>C (360), T22>W (372), H115>A (441)](347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-214')-disulfide with kappa light chain, anti-VEGFA (1'-214') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-16\*01 (87.4%) -IGKJ1\*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];

gamma1-kappa heavy chain anti-ANGPT2 (1"-463") [*Homo sapiens* VH (IGHV1-2\*02 (100%) -(IGHD)-IGHJ3\*02 (100%)) [8.8.22] (1"-129") -*Homo sapiens*IGKC\*01, Km3 A45.1 (175), V101 (213) [R1.4>A (130), T1.3>S (131)] (130"-236") -*Homo sapiens*IGHG1\*01, G1m1 (hinge 6-15 (237-246), (CH2[L1.3>A (250), L1.2>A (251), I15.2>A (269), H93>A (326), P114>G (345)] (247-356), CH3 D12 (372), L14 (374) [Y5>C (365), T22>S (382), L24>A (384), Y86>V (423), H115>A (451)] (357-461), CHS (462-463)) (237"-463")], (236"-213'")-disulfide with lambda-gamma light chain anti-ANGPT2 (1'''-213''') [*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGLV3-21\*02 (100.00%) -IGLJ2\*01 (100%)) [6.3.11] (1'''-108''') -2-mer linker biseryl (109'''-110''') -*Homo sapiens*IGHG1\*01, G1m17(CH1 K120 (207) (111-208)-hinge 1-5 (209-213)) (111'''-213''')]; dimer (232-242":235-245":360-365")-trisdisulfide *angiogenesis inhibitor*

## faricimab

immunoglobuline G1-kappa/lambda avec domaines échangés, anti-[*Homo sapiens* VEGFA (facteur de croissance A de l'endothélium vasculaire, VEGF-A, VEGF)] et anti-[*Homo sapiens* ANGPT2 (angiopoïétine 2, Ang2)], anticorps monoclonal humanisé et *Homo sapiens*, bispécifique;

chaîne lourde gamma1 anti-VEGFA (1-453) [VH humanisé (*Homo sapiens*IGHV3-30\*02 (75.8%) -(IGHD)-IGHJ4\*01 (93.3%)) [8.8.16] (1-123) -*Homo sapiens*IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 K120 (220) (124-221), charnière 1-15 (222-236), CH2 [L1.3>A (240), L1.2>A (241), I15.2>A (259), H93>A (316), P114>G (335)](237-346), CH3D12 (362), L14 (364) [S10>C (360), T22>W (372), H115>A (441)](347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa, anti-VEGFA (1'-214') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens*IGKV1-16\*01 (87.4%) -IGKJ1\*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];

chaîne lourde gamma1-kappa anti-ANGPT2 (1"-463") [*Homo sapiens* VH (IGHV1-2\*02 (100%) -(IGHD)-IGHJ3\*02 (100%)) [8.8.22] (1"-129") -*Homo sapiens*IGKC\*01, Km3 A45.1 (175), V101 (213) [R1.4>A (130), T1.3>S (131)] (130"-236") -*Homo sapiens*IGHG1\*01, G1m1 (charnière 6-15 (237-246), (CH2 [L1.3>A (250), L1.2>A (251), I15.2>A (269), H93>A (326), P114>G (345)] (247-356), CH3 D12 (372), L14 (374) [Y5>C (365), T22>S (382), L24>A (384), Y86>V (423), H115>A (451)] (357-461), CHS (462-463)) (237"-463")], (236"-213'")-disulfure avec la chaîne légère lambda-gamma anti-ANGPT2 (1'''-213''') [*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGLV3-21\*02 (100.00%) -IGLJ2\*01 (100%)) [6.3.11] (1'''-108''') -2-mer linker biséryl (109'''-110''') -*Homo sapiens*IGHG1\*01, G1m17 (CH1 K120 (207) (111-208)-charnière 1-5 (209-213)) (111'''-213''')]; dimère (232-242":235-245":360-365")-trisdisulfure *inhibiteur de l'angiogénèse*

## faricimab

inmunoglobulina G1-kappa/lambda con dominios intercambiados, anti-[*Homo sapiens* VEGFA (factor de crecimiento A del endotelio vascular, VEGF-A, VEGF)] y anti-[*Homo sapiens* ANGPT2 (angiopoyetina 2, Ang2)], anticuerpo monoclonal humanizado y *Homo sapiens*, biespecífico;

cadena pesada gamma1 anti-VEGFA (1-453) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV3-30\*02 (75.8%) -IGHD) -IGHJ4\*01 (93.3%)] [8.8.16] (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 K120 (220) (124-221), bisagra 1-15 (222-236), CH2 [L1.3>A (240), L1.2>A (241), I15.2>A (259), H93>A (316), P114>G (335)](237-346), CH3D12 (362), L14 (364) [S10>C (360), T22>W (372), H115>A (441)](347-451), CHS (452-453) (124-453)], (226-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa, anti-VEGFA (1'-214') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-16\*01 (87.4%) -IGKJ1\*01 (100%)] [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];

cadena pesada gamma1-kappa anti-ANGPT2 (1"-463") [*Homo sapiens* VH (IGHV1-2\*02 (100%) -IGHD) -IGHJ3\*02 (100%)] [8.8.22] (1"-129") -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (175), V101 (213) [R1.4>A (130), T1.3>S (131)] (130"-236") -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m1 (bisagra 6-15 (237-246), CH2 [L1.3>A (250), L1.2>A (251), I15.2>A (269), H93>A (326), P114>G (345)] (247-356), CH3 D12 (372), L14 (374) [Y5>C (365), T22>S (382), L24>A (384), Y86>V (423), H115>A (451)] (357-461), CHS (462-463) (237"-463")], (236"-213'")-disulfuro con la cadena ligera lambda-gamma anti-ANGPT2 (1'''-213''') [*Homo sapiens* V-LAMBDA (IGLV3-21\*02 (100.00%) -IGLJ2\*01 (100%)] [6.3.11] (1'''-108''') -2-mer ligando biseril (109'''-110''') -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17 (CH1 K120 (207) (111-208)-bisagra 1-5 (209-213) (111'''-213''')]; dímero (232-242":235-245":360-365")-trisdisulfuro

**inhibidor de la angiogénesis**

1607793-29-2

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada anti-VEGFA

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGYDFT HYGMNWRQA PGKLEWVGW 50
INTYTGEPY AADFKRRFTF SLDTSKSTAY LQMNSLRAED TAVYCAKYP 100
YYTGTSHWYF DWVGQGLTMT VSSASTKGPS VFELAPSSKS TSGTAALGC 150
LVKDYFFEEV TVSWNSGALT SGVHTFPVL QSSGLYSLSS VTVFPSSSLG 200
TQYIICVNMH KFSNWKVDKK VEPKSCDKTH TCPPCPAPEA AGGSVFLFP 250
PKPKDTLMAS RTPETVCVVV DVSHEDPEVK FNNYVDGVEV HNAAKTPREE 300
QYNSTYRVVS VLTVLAQDWL NGKEYKCKVS NKALGAPIEK TISKAKGQPR 350
EPQVYTLPPC RDELTKNQVS LWCLVKGFYP SDIAVEWESN GQPENNYKTT 400
PPVLDSGSGF FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSMVHEALHN AYTQKSLSL 450
PGK 453
```

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera anti-VEGFA

```
DIQLTSQSPSS LSASVGRVIT ITCSAQDIS NYLNNYQOKP GKAKPKLIYF 50
TSSLISGVPS RFGSGSGSDT FTLTISLQEP EDPATYQCO YSTVFWTFQ 100
GTRVEIKRTV AAPSVEFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSITL LSKADYKHKH VYACEVTHQG 200
LSSPYTKSFN RGEC 214
```

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada anti-ANGPT2

```
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYMHVWRQA PGKLEWVGW 50
INPNSGGTNY AQRKQGRVTM TRDTISITAY MELSLRLSD TAVYCARSP 100
NPIYIDSSGY YTPGAFDIWG QGTMTVTSSA SVAARSVFVF PPSDEQLKSG 150
TASVYCLLN FYREARVQW KVDNALQSN SGEVTVQDS KDSTYSLST 200
LTLKADYK HKVYACEVTH QGLSSPVTKS FNRGECDKTH TCPPCPAPEA 250
AGGSVFLFP PKPKDTLMAS RTPETVCVVV DVSHEDPEVK FNNYVDGVEV 300
HNAAKTPREE QYNSTYRVVS VLTVLAQDWL NGKEYKCKVS NKALGAPIEK 350
TISKAKGQPR EPQVCTLPSS RDELTKNQVS LSCAVKGFYP SDIAVEWESN 400
GQPENNYKTT PPVLDSGSGF FLVSKLTVDK SRWQQGNVFS CSMVHEALHN 450
AYTQKSLSL PGK 463
```

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera anti-ANGPT2

```
SYVLTQPPSV SVAPGQTARI TCGNNIGSK SVHWYQKPG QAPVLVYDD 50
SDRPSGIPER FSGNSGNTA TLTISRVEAG DEADYQCVW DSSSDHWVFG 100
GGTKLTVLSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK DYFFEPVTVS 150
WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT YICNVNHHKS 200
NTKVDKKVEP KSC 213
```

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-46 150-206 267-327 373-431

22"-96" 156"-216" 277"-337" 383"-441"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'

22'''-87''' 137'''-193'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 226-214' 236'-213"

Inter-H-H (h 11, h 14, AA >C) 232-242" 235-245" 360-365"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

303, 313"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires

complexes fucosylés / glycanes de type CHO biantennaires complexes fucosilados

**fidanacogenum elaparvecum #**

fidanacogene elaparvec

a non-replicating adeno-associated virus serotype 2 (AAV2) expressing the Padua variant (R338L) of human coagulation factor IX (F9, Factor IX, FIX), under the control of the liver-specific apolipoprotein E (Apo E) enhancer/alpha1-antitrypsin (hAAT) promoter (ApoE/hAAT), and all AAV genes encoding viral products deleted

*gene therapy substance (hemophilia B)*

fidanacogène élaparvec

virus adéno-associé de sérotype 2 (AAV2) non-répliquant, exprimant le variant Padua (R338L) du facteur de coagulation IX humain (F9, Facteur IX, FIX), sous le contrôle de l'activateur de l'apolipoprotéine E (ApoE) spécifique du foie/promoteur de l'alpha1-antitrypsine (ApoE/hAAT) et tous les gènes de l'AAV codant pour des produits viraux ont été supprimés

*substance de thérapie génique (hémophilie B)*

fidanacogén elaparvec

un virus adenoasociado de serotipo 2 (AAV2) no replicativo, que expresa la variante Padua (R338L) del factor de coagulación IX (F9, también conocido como Factor IX (FIX)), bajo el control del enhancer de la apolipoproteína E (Apo E) específica del hígado/promotor de la alfa1-antitripsina (hAAT) (ApoE/hAAT), y con todos los genes del AAV que codifican para productos del virus delecionados

*sustancia de terapia genica (hemofilia B)*

1954659-47-2

**fimepinostat**

fimepinostat

*N*-hydroxy-2-[[[2-(6-methoxypyridin-3-yl)-4-(morpholin-4-yl)thieno[3,2-*d*]pyrimidin-6-yl]methyl](methyl)amino]pyrimidine-5-carboxamide

*histone deacetylase inhibitor, antineoplastic*

fimépinostat

*N*-hydroxy-2-[[[2-(6-méthoxypyridin-3-yl)-4-(morpholin-4-yl)thiéno[3,2-*d*]pyrimidin-6-yl]méthyl](méthyl)amino]pyrimidine-5-carboxamide

*inhibiteur de l'histone désacétylase, antinéoplasique*

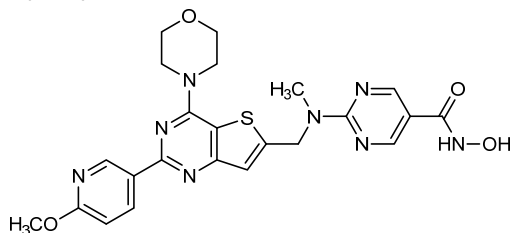
fimepinostat

*N*-hidroxi-2-[[[2-(6-metoxipiridin-3-il)-4-(morfolin-4-il)tiéno[3,2-*d*]pirimidin-6-il]metil](metil)amino]pirimidina-5-carboxamida

*inhibidor de la histona desacetilasa, antineoplásico*

C<sub>23</sub>H<sub>24</sub>N<sub>8</sub>O<sub>4</sub>S

1339928-25-4



**firsocostatum**

firsocostat

2-[1-[(2*R*)-2-(2-methoxyphenyl)-2-[(oxan-4-yl)oxy]ethyl]-5-methyl-6-(1,3-oxazol-2-yl)-2,4-dioxo-1,4-dihydrothieno[2,3-*d*]pyrimidin-3(2*H*)-yl]-2-methylpropanoic acid  
*acetyl-CoA carboxylase inhibitor*

firsocostat

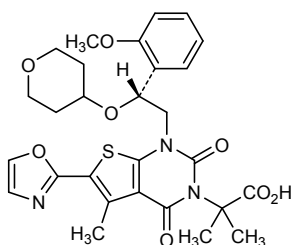
acide 2-[1-[(2*R*)-2-(2-méthoxyphényl)-2-[(oxan-4-yl)oxy]éthyl]-5-méthyl-6-(1,3-oxazol-2-yl)-2,4-dioxo-1,4-dihydrothiéno[2,3-*d*]pyrimidin-3(2*H*)-yl]-2-méthylpropanoïque  
*inhibiteur de l'acétyl-CoA carboxylase*

firsocostat

ácido 2-[1-[(2*R*)-2-(2-metoxifenil)-2-[(oxan-4-il)oxi]etil]-5-metil-6-(1,3-oxazol-2-il)-2,4-dioxo-1,4-dihidrotieno[2,3-*d*]pirimidin-3(2*H*)-il]-2-metilpropanoico  
*inhibidor de la acetil-CoA carboxilasa*

C<sub>28</sub>H<sub>31</sub>N<sub>3</sub>O<sub>8</sub>S

1434635-54-7

**flotetuzumabum #**

flotetuzumab

immunoglobulin scFv\_scFv, anti-[*Homo sapiens* IL3RA (interleukin 3 receptor subunit alpha, interleukin 3 receptor alpha (low affinity), CD123)] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)]; *Mus musculus* and humanized monoclonal antibody scFv\_scFv, bispecific; scFv-lambda-heavy-E-coil (1-272) [V-LAMBDA anti-CD3E (*Mus musculus* IGLV1-01 (81.2%) -IGLJ1\*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46 (77.9%) -IGHJ3\*02 (100%)) [9.3.9] (1-109) -9-mer tetraglycyl-seryl-tetraglycyl linker (110-118) -humanized VH anti-IL3RA (*Homo sapiens* IGHV1-46\*01 (83.7%) -IGHD) -IGHJ6\*01 (90.9%)) [8.8.13] (119-238) -6-mer diglycyl-cysteinyl-triglycyl linker (239-244) -E-coil motif (245-272)], (241-249')-disulfide with scFv-kappa-heavy-K-coil (1'-280') [V-KAPPA anti-IL3RA (*Mus musculus* IGKV8-19\*01 (91.1%) -IGKJ2\*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV4-1\*01 (88.1%) -IGKJ2\*01 (100%)) [12.3.9] (1'-113') -8-mer triglycyl-seryl-tetraglycyl linker (114'-121') -VH anti-CD3E (*Mus musculus* IGHV10-1\*02 (89.9%) -IGHD) -IGHJ3\*01 (93.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-72\*01 (87.0%) -IGHD) -IGHJ6\*01 (90.9%)) [8.10.16] (122'-246')] -6-mer diglycyl-cysteinyl-triglycyl linker (247'-252') -K-coil motif (253'-280')] *immunomodulator, antineoplastic*

flotétuzumab

immunoglobuline scFv\_scFv, anti-[*Homo sapiens* IL3RA (sous-unité alpha du récepteur de l'interleukine 3, récepteur alpha (faible affinité) de l'interleukine 3, CD123)] et anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)]; anticorps monoclonal scFv\_scFv *Mus musculus* et humanisé, bispécifique;  
 scFv-lambda-lourde-E-coil (1-272) [V-LAMBDA anti-CD3E (*Mus musculus* IGLV1-01 (81.2%) -IGLJ1\*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46 (77.9%) -IGHJ3\*02 (100%)) [9.3.9] (1-109) -9-mer tétraglycyl-séryl-tétraglycyl linker (110-118) -VH anti-IL3RA humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-46\*01 (83.7%) -(IGHD) -IGHJ6\*01 (90.9%)) [8.8.13] (119-238)-6-mer diglycyl-cystéinyl-triglycyl linker (239-243) -motif E-coil (245-272)], (241-249)-disulfure avec scFv-kappa-lourde-K-coil (1'-280') [V-KAPPA anti-IL3RA (*Mus musculus* IGKV8-19\*01 (91.1%) -IGKJ2\*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV4-1\*01 (88.1%) -IGKJ2\*01 (100%)) [12.3.9] (1'-113') -8-mer triglycyl-séryl-tétraglycyl linker (114'-121') -VH anti-CD3E (*Mus musculus* IGHV10-1\*02 (89.9%) -(IGHD) -IGHJ3\*01 (93.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-72\*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ6\*01 (90.9%)) [8.10.16] (122'-246')] -6-mer diglycyl-cystéinyl-triglycyl linker (247'-252')-motif K-coil (253'-280')]  
*immunomodulateur, antinéoplasique*

flotetuzumab

inmunoglobulina scFv\_scFv, anti-[*Homo sapiens* IL3RA (subunidad alfa del receptor de la interleukina 3, receptor alfa (baja afinidad) de la interleukina 3, CD123)]yt anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 épsilon, Leu-4)]; *Mus musculus* y anticuerpo monoclonal humanizado scFv\_scFv, biespecífico;  
 scFv-lambda-pesada-E-coil (1-272) [V-LAMBDA anti-CD3E (*Mus musculus* IGLV1-01 (81.2%) -IGLJ1\*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46 (77.9%) -IGHJ3\*02 (100%)) [9.3.9] (1-109) -9-mer tetraglicil-seril-tetraglicil ligando (110-118) -VH anti-IL3RA humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-46\*01 (83.7%) -(IGHD) -IGHJ6\*01 (90.9%)) [8.8.13] (119-238)-6-mer diglicil-cisteinil-triglicil ligando (239-243) -motif E-coil (245-272)], (241-249)-disulfuro con scFv-kappa-pesada-K-coil (1'-280') [V-KAPPA anti-IL3RA (*Mus musculus* IGKV8-19\*01 (91.1%) -IGKJ2\*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV4-1\*01 (88.1%) -IGKJ2\*01 (100%)) [12.3.9] (1'-113') -8-mer triglicil-seril-tetraglicil ligando (114'-121') -VH anti-CD3E (*Mus musculus* IGHV10-1\*02 (89.9%) -(IGHD) -IGHJ3\*01 (93.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-72\*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ6\*01 (90.9%)) [8.10.16] (122'-246')] -6-mer diglicil-cisteinil-triglicil ligando (247'-252') -motif K-coil (253'-280')]  
*inmunomodulador, antineoplásico*

1664355-28-5

## scFv-lambda-heavy-E-coil

QAVVTQEPSTL TVSPGGTIVTL TCRSSTGAVT TSNYANWVQQ KPGQAPRGLI 50  
 GGTNKRAPWT PARFSGSLLG GKAALTITGA QAEDEADYYC ALWYSNLWVF 100  
 GGGTKLITVLG GGGSGGGGEV QLVQSGAELK KPGASVKVSC KASGYTFTDY 150  
 YMKWVRQAPG QGLEWIGDII PSNGATFYNQ KFKGRVTITV DKSTSTAYME 200  
 LSSLRSEDTA VYYCARSHLL RASWFAYWGQ GTLVTVTSSGG CGGGEVAAL 250  
 KEVAALKEEV AALEKEVAAL EK 272

## scFv-kappa-heavy-K-coil

DFVMTQSPDS LAVSLGERVT MSCKSSQSLL NSGNQKNYLT WYQQKPGQPP 50  
 KLLIYWASTR ESGVPDRFSG SGSSTDFTLT ISSLQAEDVA VYYQNDYSY 100  
 PYTFGQGTKL EIKGGSGGGG GEVQLVESGG GLVQPGGSLR LSCAASGFTF 150  
 STYAMNWRQ APKGLEWVG RIRSKYNNA TYVADSVKDR FTISRDDSKN 200  
 SLYLQMSLK TEDTAVYYCV RHGNFGNSYV SWFAYWGQGT LVTVSSGGCG 250  
 GGVAAALKEK VAALKEKVAA LKEKVAALKE 280

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-scFv (C23-C104) 22-90 140-214  
 23'-94' 143'-219'

Inter-chain (h 11, h 14) 241-249'

No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación  
 N-terminal glutamine cyclization to Glp (5-oxoproline, pyroglutamic acid):  
 Q1>Glp (1)

**gadopiclenolum**

gadopiclenol

*rac*-[(2*R*,2'*Ξ*,2''*Ξ*)-2,2',2''-(3,6,9-triaza-κ<sup>3</sup>*N*<sup>3</sup>,*N*<sup>6</sup>,*N*<sup>9</sup>-1(2,6)-pyridina-κ*N*<sup>1</sup>-cyclodecaphane-3,6,9-triyl)tris(5-[(2*Ξ*)-2,3-dihydroxypropyl]amino)-5-oxopentanoato-κ<sup>3</sup>*O*<sup>1</sup>,*O*<sup>1</sup>,*O*<sup>1</sup>')(3-)]gadolinium  
*diagnostic agent*

gadopicléno

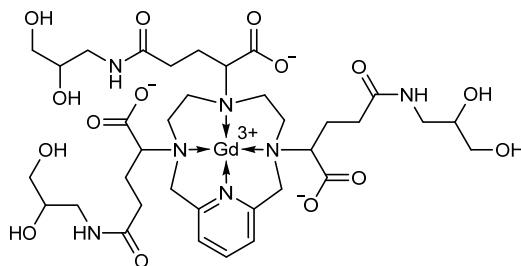
*rac*-[(2*R*,2'*Ξ*,2''*Ξ*)-2,2',2''-(3,6,9-triaza-κ<sup>3</sup>*N*<sup>3</sup>,*N*<sup>6</sup>,*N*<sup>9</sup>-1(2,6)-pyridina-κ*N*<sup>1</sup>-cyclodécaphane-3,6,9-triyl)tris(5-[(2*Ξ*)-2,3-dihydroxypropyl]amino)-5-oxopentanoato-κ<sup>3</sup>*O*<sup>1</sup>,*O*<sup>1</sup>,*O*<sup>1</sup>')(3-)]gadolinium  
*substance à usage diagnostique*

gadopiclenol

*rac*-[(2*R*,2'*Ξ*,2''*Ξ*)-2,2',2''-(3,6,9-triaza-κ<sup>3</sup>*N*<sup>3</sup>,*N*<sup>6</sup>,*N*<sup>9</sup>-1(2,6)-piridina-κ*N*<sup>1</sup>-ciclodecafano-3,6,9-triil)tris(5-[(2*Ξ*)-2,3-dihidroxiopropil]amino)-5-oxopentanoato-κ<sup>3</sup>*O*<sup>1</sup>,*O*<sup>1</sup>,*O*<sup>1</sup>')(3-)]gadolinio  
*agente de diagnóstico*

C<sub>35</sub>H<sub>54</sub>GdN<sub>7</sub>O<sub>15</sub>

933983-75-6

**ganaplacidum**

ganaplacide

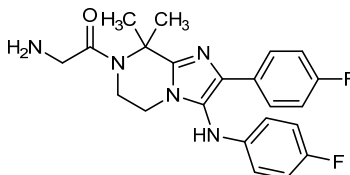
2-amino-1-[3-(4-fluoroanilino)-2-(4-fluorophenyl)-8,8-dimethyl-5,6-dihydroimidazo[1,2-*a*]pyrazin-7(8*H*)-yl]ethan-1-one  
*antimalarial*

ganaplacide 2-amino-1-[3-(4-fluoroanilino)-2-(4-fluorophényl)-8,8-diméthyl-5,6-dihydroimidazo[1,2-*a*]pyrazin-7(8*H*)-yl]éthan-1-one  
*antipaludéen*

ganaplacida 2-amino-1-[3-(4-fluoroanilino)-2-(4-fluorofenil)-8,8-dimetil-5,6-dihidroimidazo[1,2-*a*]pirazin-7(8*H*)-il]etan-1-ona  
*antipalúdico*

C<sub>22</sub>H<sub>23</sub>F<sub>2</sub>N<sub>5</sub>O

1261113-96-5



**gefapixantum**

gefapixant

5-[(2,4-diaminopyrimidin-5-yl)oxy]-2-methoxy-4-(propan-2-yl)benzene-1-sulfonamide  
*purinergic receptor antagonist*

gefapixant

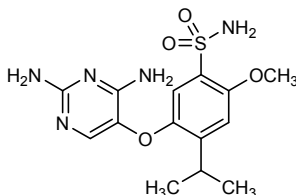
5-[(2,4-diaminopyrimidin-5-yl)oxy]-2-méthoxy-4-(propan-2-yl)benzène-1-sulfonamide  
*antagoniste des récepteurs purinergiques*

gefapixant

5-[(2,4-diaminopirimidin-5-il)oxi]-2-metoxi-4-(propan-2-il)benceno-1-sulfonamida  
*antagonista de los receptores purinérgicos*

C<sub>14</sub>H<sub>19</sub>N<sub>5</sub>O<sub>4</sub>S

1015787-98-0



**ibrexafungerpum**

ibrexafungerp

(1*S*,4*aR*,6*aS*,7*R*,8*R*,10*aR*,10*bR*,12*aR*,14*R*,15*R*)-15-[(2*R*)-2-amino-2,3,3-trimethylbutoxy]-1,6*a*,8,10*a*-tetraméth-yl-8-[(2*R*)-3-méthylbutan-2-yl]-14-[5-(pyridin-4-yl)-1*H*-1,2,4-triazol-1-yl]-1,6,6*a*,7,8,9,10,10*a*,10*b*,11,12,12*a*-dodécahydro-2*H*,4*H*-1,4*a*-propanophénanthro[1,2-*c*]pyran-7-carboxylic acid  
*antifungal*

ibrexafungerp

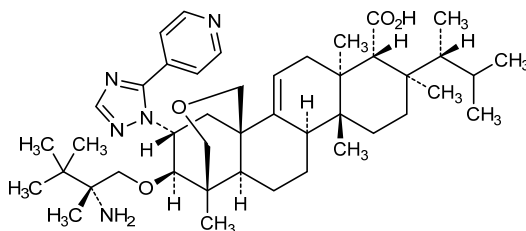
acide (1*S*,4*aR*,6*aS*,7*R*,8*R*,10*aR*,10*bR*,12*aR*,14*R*,15*R*)-15-[(2*R*)-2-amino-2,3,3-triméthylbutoxy]-1,6*a*,8,10*a*-tétraméth-yl-8-[(2*R*)-3-méthylbutan-2-yl]-14-[5-(pyridin-4-yl)-1*H*-1,2,4-triazol-1-yl]-1,6,6*a*,7,8,9,10,10*a*,10*b*,11,12,12*a*-dodécahydro-2*H*,4*H*-1,4*a*-propanophénanthro[1,2-*c*]pyran-7-carboxylique  
*antifongique*

ibrexafungerp

ácido (1*S*,4*aR*,6*aS*,7*R*,8*R*,10*aR*,10*bR*,12*aR*,14*R*,15*R*)-15-  
[[*(2R)*-2-amino-2,3,3-trimetilbutoxi]-1,6*a*,8,10*a*-tetramet-il-8-  
[[*(2R)*-3-metilbutan-2-il]-14-[5-(piridin-4-il)-1*H*-1,2,4-triazol-  
1-il]-1,6,6*a*,7,8,9,10,10*a*,10*b*,11,12,12*a*-dodecahidro-  
2*H*,4*H*-1,4*a*-propanofenantro[1,2-*c*]piran-7-carboxílico  
antifúngico

C<sub>44</sub>H<sub>67</sub>N<sub>5</sub>O<sub>4</sub>

1207753-03-4



**imaprelimabum #**  
imaprelimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* MCAM  
(melanoma cell adhesion molecule, gicerin, MUC18,  
CD146)], humanized monoclonal antibody;  
gamma1 heavy chain (1-448) [humanized VH (*Homo  
sapiens* IGHV2-26\*01 (82.0%) -(IGHD)-IGHJ4\*01 (93.3%))  
[8.7.12] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3, nG1m1  
(CH1 R120 (215) (119-216), hinge (217-231), CH2 L1.3>A  
(235), L1.2>A (236) (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359)  
(342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-213')-disulfide  
with kappa light chain (1'-213') [humanized V-KAPPA  
(*Homo sapiens* IGKV1-12\*01 (85.6%) -IGKJ2\*01 (100%))  
[6.3.8] (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1  
(152), V101 (190) (107'-213')]; dimer (227-227'':230-230'')-  
bisdisulfide  
*immunomodulator*

imaprélimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* MCAM  
(molécule d'adhésion de cellule de mélanome, gicérine,  
MUC18, CD146)], anticorps monoclonal humanisé;  
chaîne lourde gamma1 (1-448) [VH humanisé (*Homo  
sapiens* IGHV2-26\*01 (82.0%) -(IGHD)-IGHJ4\*01 (93.3%))  
[8.7.12] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3, nG1m1  
(CH1 R120 (215) (119-216), charnière (217-231), CH2  
L1.3>A (235), L1.2>A (236)(232-341), CH3 E12 (357),  
M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-  
213')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-213') [V-  
KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-12\*01 (85.6%) -  
IGKJ2\*01 (100%)) [6.3.8] (1'-106') -*Homo sapiens*  
IGKC\*01, Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')];  
dimère (227-227'':230-230'')-bisdisulfure  
*immunomodulateur*

imaprelimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* MCAM  
(molécule de adhesión de célula de melanoma, gicerina,  
MUC18, CD146)], anticuerpo monoclonal humanizado;

cadena pesada gamma1 (1-448) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV2-26\*01 (82.0%) -(IGHD)-IGHJ4\*01 (93.3%)) [8.7.12] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (215) (119-216), bisagra (217-231), CH2 L1.3>A (235), L1.2>A (236) (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-213') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-12\*01 (85.6%) -IGKJ2\*01 (100%)) [6.3.8] (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro  
*immunomodulador*

2014343-04-3

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVTLKESGPV LVKPTETLT TCTVSGFSLT SNAVSWVRQP PCKALEWIAA 50  
ISSGGTTYNN SAKFSRLTIS RDTSKSQVVL TMTNMDPVDI ATYYCARRYG 100  
YGWYDFWGG GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150  
FPEPVTVSWN SGALTSQVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGQTYYI 200  
CNVNHKPSNT KVDKRVPEKS CDKTHTCPPC PAPEAAGGPS VFLFPKPKD 250  
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST 300  
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350  
TLPPSREEMT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTPEVLD 400  
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK 448

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS LSASVGRDVT INCKASQNIY NSLAWYQQKP GKAPKVLIFN 50  
ANSLQTGIPS RFSGSGSGDT FTLTISLQF EDFATYYCQQ FYSGYTFGGG 100  
TKLEIKRTVA APSVFIFPPS DEQLKSGTAS VVCLLNNFYP REAKVQWKVD 150  
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYSLSSTLT TL SKADYEKKHV YACEVTHQGL 200  
SSPVTKSFNR GEC 213

## Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22'-95' 145'-201' 262'-322' 368'-426'

22"-95" 145"-201" 262"-322" 368"-426"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 133'-193'

23"-88" 133"-193"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 221'-213' 221"-213"

Inter-H-H (h 11, h 14) 227'-227" 230-230"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

HCH2N84.4;

298, 298"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

**iscalimabum #**  
**iscalimab**

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD40 (tumor necrosis factor receptor superfamily member 5, TNFRSF5)], human monoclonal antibody;  
gamma1 heavy chain (1-450) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-30\*03 (93.9%) -(IGHD)-IGHJ4\*01 (100%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), hinge (219-233), CH2 N84.4>A (300) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-219')-disulfide with kappa light chain (1'-219') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV2-28\*01 (95.0%) -IGKJ3\*01 (91.7%, K12>R)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide  
*immunomodulator*

iscalimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD40 (membre 5 de la superfamille des récepteurs du TNF, TNFRSF5)], anticorps monoclonal humain; chaîne lourde gamma1 (1-450) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-30\*03 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (100%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1\*03 (CH1 (121-218), charnière (219-233), CH2 N84.4>A (300) (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-219') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV2-28\*01 (95.0%) -IGKJ3\*01 (91.7%, K12>R) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219'))]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure  
*immunomodulateur*

iscalimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD40 (miembro 5 de la superfamilia de los receptores del TNF, TNFRSF5)], anticuerpo monoclonal humano; cadena pesada gamma1 (1-450) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-30\*03 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (100%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1\*03 (CH1 (121-218), bisagra (219-233), CH2 N84.4>A (300) (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-219') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV2-28\*01 (95.0%) -IGKJ3\*01 (91.7%, K12>R) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219'))]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro  
*immunomodulador*

2031153-61-2

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVESGGG VVQPGKSLRL SCAASGFTFS SYGMHWVRQA PGKGLEWVAV 50  
ISYEESNRYH ADSVKGRFTI SRDNSKITLY LQMNSLRLED TAVYYCARDG 100  
GIAAPGPDYV GQGTLLVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150  
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200  
YICNVNHKPS NTKVDKRVFP KSCDKTHTCP PCPAPPELLGG PSVFLFPPKP 250  
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYA 300  
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350  
VYTLPPSREE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400  
LDSGGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFCSCV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIVMTQSPLS LTVTPGEPAS ISCRSSQSL L YSNGYNLDW YLQKPGQSPQ 50  
VLISLGSNRA SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDGVV YYCMQARQTP 100  
FTFGPGTKVD IRRVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVCL LNNFYPREAK 150  
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDYSTSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200  
VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428  
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"  
Intra-L (C23-C104) 23'-93" 139'-199"  
23'''-93''' 139'''-199'''  
Inter-H-L (h 5-CL 126) 223'-219" 223"-219"  
Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

## No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación:

H CH2 N84.4&gt;A (300, 300")

## N-terminal glutamine cyclization to Glp (5-oxoproline, pyroglutamic acid):

H VH Q1&gt;Glp (1, 1")

## C-terminal lysine clipping:

H CHS K2: 450, 450"

**Ianraplenibum**

I anraplenib

6-(6-aminopyrazin-2-yl)-*N*-(4-[4-(oxetan-3-yl)piperazin-1-yl]phenyl)imidazo[1,2-*a*]pyrazin-8-amine  
*tyrosine kinase inhibitor*

I anraplénib

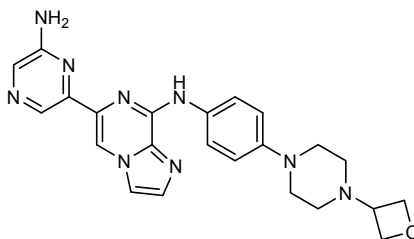
6-(6-aminopyrazin-2-yl)-*N*-(4-[4-(oxétan-3-yl)pipérazin-1-yl]phényl)imidazo[1,2-*a*]pyrazin-8-amine  
*inhibiteur de tyrosine kinase*

I anraplenib

6-(6-aminopirazin-2-il)-*N*-(4-[4-(oxetan-3-il)piperazin-1-il]fenil)imidazo[1,2-*a*]pirazin-8-amina  
*inhibidor de tirosina kinasa*

C<sub>23</sub>H<sub>25</sub>N<sub>9</sub>

1800046-95-0

**Ienabasumum**

I enabasum

(6*aR*,10*aR*)-1-hydroxy-6,6-dimethyl-3-(2-methyloctan-2-yl)-6*a*,7,10,10*a*-tetrahydro-6*H*-dibenzo[*b,d*]pyran-9-carboxylic acid  
*cannabinoid receptor agonist*

I énabasum

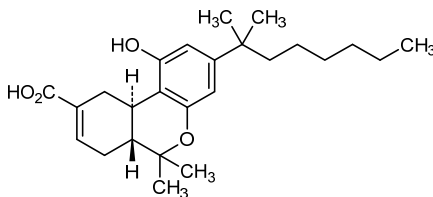
acide (6*aR*,10*aR*)-1-hydroxy-6,6-diméthyl-3-(2-méthyloctan-2-yl)-6*a*,7,10,10*a*-tétrahydro-6*H*-dibenzo[*b,d*]pyran-9-carboxylique  
*agoniste des récepteurs aux cannabinoïdes*

I enabasum

ácido (6*aR*,10*aR*)-1-hidroxi-6,6-dimetil-3-(2-metiloctan-2-il)-6*a*,7,10,10*a*-tetrahidro-6*H*-dibenzo[*b,d*]piran-9-carboxílico  
*agonista del receptor de cannabinoïdes*

C<sub>25</sub>H<sub>36</sub>O<sub>4</sub>

137945-48-3



**lenervimabum #**

lenervimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[Hepatitis B virus (HBV) surface antigen (HBsAg)], humanized monoclonal antibody;  
 gamma1 heavy chain (1-459) [humanized VH (*Homo sapiens*IGHV3-21\*01 (83.7%) -(IGHD) -IGHJ1\*01 (90%), L12>T (124)) [8.8.22] (1-129) -*Homo sapiens*IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 K120 (226) (130-227), hinge (228-242), CH2 (243-352), CH3 D12 (368), L14 (370) (353-457), CHS (458-459)) (130-459)], (232-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-NL1\*01 (87.4%) -IGKJ2\*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC\*01 Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (238-238":241-241")-bisdisulfide  
*immunomodulator, antiviral*

lenervimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[antigène de surface du virus de l'hépatite B (VHB) (AgsHB)], anticorps monoclonal humanisé;  
 chaîne lourde gamma1 (1-459) [VH humanisé (*Homo sapiens*IGHV3-21\*01 (83.7%) -(IGHD) -IGHJ1\*01 (90%), L12>T (124)) [8.8.22] (1-129) -*Homo sapiens*IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 K120 (226) (130-227), charnière (228-242), CH2 (243-352), CH3 D12 (368), L14 (370) (353-457), CHS (458-459)) (130-459)], (232-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-NL1\*01 (87.4%) -IGKJ2\*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC\*01 Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (238-238":241-241")-bisdisulfure  
*immunomodulateur, antiviral*

lenervimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[antígeno de superficie del virus de la hepatitis B (VHB) (AgsHB)], anticuerpo monoclonal humanizado;  
 cadena pesada gamma1 (1-459) [VH humanizado (*Homo sapiens*IGHV3-21\*01 (83.7%) -(IGHD) -IGHJ1\*01 (90%), L12>T (124)) [8.8.22] (1-129) -*Homo sapiens*IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 K120 (226) (130-227), bisagra (228-242), CH2 (243-352), CH3 D12 (368), L14 (370) (353-457), CHS (458-459)) (130-459)], (232-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-NL1\*01 (87.4%) -IGKJ2\*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC\*01 Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (238-238":241-241")-bisdisulfuro  
*inmunomodulador, antiviral*

2055006-79-4

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCSASGFSLT KYKMTWVRQA PGKGLEWVSS 50
ISSTSRDIDY ADSVKGRFTI SRDNAKNSLF LQMSLSLRVDD TAVYYCTRDG 100
WLWGWDVRSN YYNALDVMG QGTTVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG 150
TAALGCLVKD YFPEPVTVSG NSGALTSGVH TFPAYLQSSG LYSLSVTVV 200
PSSSLGTQTY ICNVNHKPSN TKVDKKVEPK SCDKTHTCTPP CPAPELLGPP 250
SVFLFPPKPK DTLNISRTPE VTCVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK 300
TKPREQYNS TYRVVSVLTV LQDNLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK 350
AKGQPREPQV YTLPPSRDEL TKNQVSLTCL VKGFIYPSDIA VEWESNGQPE 400
NNYKTTTPVL DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ 450
KSLSLSPGK

```

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

DIVVTQSPSS LSASVGRVIT ITCRASQGIY NSIAWYQQKP GKAPKLLLYS 50
TSTLLSGVPS RFGSGSGSTD YTLTITNLQP EDFATYYCQQ YFVTPETFGQ 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK

```

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

```

Intra-H (C23-C104) 22-96 156-212 273-333 379-437
                  22"-96" 156"-212" 273"-333" 379"-437"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
                  23'''-88''' 134'''-194'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 232-214' 232"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 238-238" 241-241"

```

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

309, 309"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

## leronlimabum #

leronlimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CCR5 (chemokine (C-C motif) receptor 5, CD195)], humanized monoclonal antibody;

gamma4 heavy chain (1-449) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV3-15\*01 (72.40%) -(IGHD)-IGHJ4\*01 (86.7%))] [7.8.16] (1-122) -*Homo sapiens* IGHG4\*01 (CH1 (123-220), hinge (221-232), CH2 (233-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (123-449)], (136-219')-disulfide with kappa light chain (1'-219') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2D-29\*02 (87.0%) -IGKJ1\*01 (100%))] [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide

*immunomodulator*

léronlimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CCR5 (récepteur 5 de la chimiokine (motif C-C), CD195)], anticorps monoclonal humanisé;

chaîne lourde gamma4 (1-449) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-15\*01 (72.40%) -(IGHD)- IGHJ4\*01 (86.7%))] [7.8.16] (1-122) -*Homo sapiens* IGHG4\*01 (CH1 (123-220), charnière (221-232), CH2 (233-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (123-449)], (136-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-219') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV2D-29\*02 (87.0%) -IGKJ1\*01 (100%))] [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure

*immunomodulateur*

## leronlimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CCR5 (receptor 5 de la quimiocina (motif C-C), CD195)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma4 (1-449) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV3-15\*01 (72.40%) -(IGHD)- IGHJ4\*01 (86.7%)) [7.8.16] (1-122) -*Homo sapiens* IGHG4\*01 (CH1 (123-220), bisagra (221-232), CH2 (233-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (123-449)], (136-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-219') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV2D-29\*02 (87.0%) -IGKJ1\*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (228-228'':231-231'')-bisdisulfuro  
*inmunomodulador*

674782-26-4

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGYTFS NYWIGWVRQA PGKGLEWIGD 50  
IYPGGNYIRN NEKFKDKTTL SADTSKNTAY LQMNSLKTED TAVYYCGSSF 100  
GSNYVFAWFT YWQGGLTLTV SSASTKGPSV FFLAPCSRST SESTAALGCL 150  
VKDYFPPEPV VSWNSGALTS GVHTFFPAVLQ SSGLYSLSSV VTPSSSLGT 200  
KTYTCNVDPK PSNTKVDKRV ESKYGPPCP SCAPEFLGGP SVFLFPKPK 250  
DTLMISRTPE VTCVVVDVQ EDPEVQFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQFNS 300  
TYRVVSVLT V LHQDWLNGKE YKCKVSNKGL PSSIEKTISK AKGQPREPV 350  
YTLPPSQEEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400  
DSDGSFFLYS RLTVDKSRWQ EGNVSCSVM HEALHNYTQ KSLSLSLGK 449

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIVMTQSPPLS LPVTPGEPAS ISCRSSQRL LSSYGHYTLHW YLQKPGQSPQ 50  
LLIYEVSNRF SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEADVG VYCSQSTHVP 100  
LTFGGGTKVE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150  
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSITYSL SSTLTLSKAD YEKKHVVYACE 200  
VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 149-205 263-323 369-427  
22"-96" 149"-205" 263"-323" 369"-427"

Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'  
23'''-93''' 139'''-199'''

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 136-219' 136"-219"

Inter-H-H (h 8, h 11) 228-228" 231-231"

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

299, 299"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

## licogliflozinum

## licogliflozin

(1S)-1,5-anhydro-1-C-{3-[(2,3-dihydro-1,4-benzodioxin-6-yl)methyl]-4-ethylphenyl}-D-glucitol  
*sodium-glucose co-transporter inhibitor*

## licogliflozine

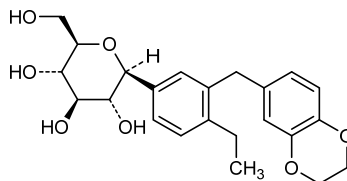
(1S)-1,5-anhydro-1-C-{3-[(2,3-dihydro-1,4-benzodioxin-6-yl)méthyl]-4-éthylphényl}-D-glucitol  
*inhibiteur du co-transporteur sodium-glucose*

## licogliflozina

(1S)-1,5-anhidro-1-C-{3-[(2,3-dihidro-1,4-benzodioxin-6-il)metil]-4-etilfenil}-D-glucitol  
*inhibidor del cotransportador sodio-glucosa*

C<sub>23</sub>H<sub>28</sub>O<sub>7</sub>

1291094-73-9

**lifileucelum**

lifileucel

human culture expanded activated autologous T cells for cell-based immunotherapy. The cell substance is a heterogeneous mixture consisting of CD4+ and CD8+ tumor-infiltrating lymphocytes (TIL), derived from isolated metastatic tumor biopsy of patients with metastatic melanoma, and cultured in the presence of feeder cells (irradiated allogeneic mononuclear cells from healthy donors) and human recombinant interleukin 2 (IL-2)/OKT3 anti-CD3 antibody (*muromonab-CD3* (59)(29)) for T-cell activation.

*cell therapy substance (antineoplastic)*

lifileucel

lymphocytes T humains autologues, activés en culture d'expansion pour immunothérapie cellulaire. Les cellules sont un mélange hétérogène consistant en des lymphocytes T CD4+ et CD8+ infiltrant la tumeur (TIL), dérivés d'une biopsie isolée de la tumeur métastatique de patients avec un mélanome métastatique et mis en culture en présence de cellules nourricières (cellules mononucléaires allogéniques irradiées obtenues à partir de donneurs sains) et d'interleukine 2 (IL2) recombinante humaine/ anticorps OKT3 anti-CD3 (*muromonab-CD3* (59)(29)) pour l'activation des lymphocytes T.

*substance de thérapie cellulaire (antineoplasique)*

lifileucel

linfocitos T humanos autólogos activados y expandidos en cultivo para inmunoterapia celular. La sustancia celular es una mezcla heterogénea consistente en linfocitos CD4+ y CD8+ infiltrantes de tumor, derivados de una biopsia aislada de tumor metastásico de pacientes con melanoma metastásico, y cultivados en presencia de células *feeder* (células mononucleares alogénicas irradiadas obtenidas de donantes sanos) e interleukina 2 recombinante humana (IL-2)/anticuerpo OKT3 anti-CD3 (*muromonab-CD3* (59)(29)) para activación de linfocitos T.

*sustancia de terapia celular (antineoplásico)*

**linerixibat**

linerixibat

3-({[(3*R*,5*R*)-3-butyl-3-ethyl-7-methoxy-1,1-dioxo-5-phenyl-2,3,4,5-tetrahydro-1*H*-1λ<sup>6</sup>,4-benzothiazepin-8-yl]methyl}amino)pentanedioic acid  
*ileal bile acid transporter inhibitor*

linérixibat

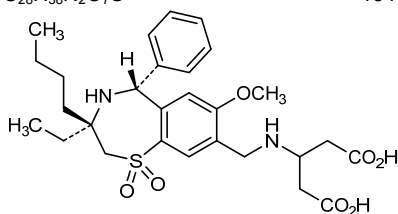
acide 3-({[(3*R*,5*R*)-3-butyl-3-éthyl-7-méthoxy-1,1-dioxo-5-phényl-2,3,4,5-tétrahydro-1*H*-1λ<sup>6</sup>,4-benzothiazépin-8-yl]méthyl}amino)pentanedioïque  
*inhibiteur du transporteur iléal d'acides biliaires*

linerixibat

ácido 3-({[(3*R*,5*R*)-3-butil-3-etil-7-metoxi-1,1-dioxo-5-fenil-2,3,4,5-tetrahidro-1*H*-1λ<sup>6</sup>,4-benzotiazepin-8-il]metil}amino)pentanodioico  
*inhibidor del transportador ilíaco de ácidos biliares*

C<sub>28</sub>H<sub>38</sub>N<sub>2</sub>O<sub>7</sub>S

1345982-69-5

**linzagolixum**

linzagolix

3-{5-[(2,3-difluoro-6-methoxyphenyl)methoxy]-2-fluoro-4-methoxyphenyl}-2,4-dioxo-1,2,3,4-tetrahydrothieno[3,4-*d*]pyrimidine-5-carboxylic acid  
*gonadotrophin releasing hormone (GnRH) antagonist*

linzagolix

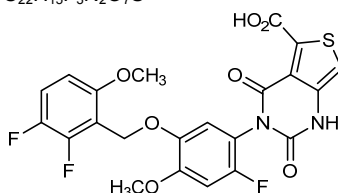
acide 3-{5-[(2,3-difluoro-6-méthoxyphényl)méthoxy]-2-fluoro-4-méthoxyphényl}-2,4-dioxo-1,2,3,4-tétrahydrothiéno[3,4-*d*]pyrimidine-5-carboxylique  
*antagoniste du facteur libérant les gonadotrophines (GnRH)*

linzagolix

ácido 3-{5-[(2,3-difluoro-6-metoxifenil)metoxi]-2-fluoro-4-metoxifenil}-2,4-dioxo-1,2,3,4-tetrahidrotieno[3,4-*d*]pirimidina-5-carboxílico  
*antagonista del factor liberador de gonadotrofinas (GnRH)*

C<sub>22</sub>H<sub>15</sub>F<sub>3</sub>N<sub>2</sub>O<sub>7</sub>S

935283-04-8



**livoletidum**

livoletide

1,8-anhydro(L-arginyl-L-valyl-L-glutaminyl-L-seryl-L-prolyl-L- $\alpha$ -glutamyl-L-histidyl-L-glutaminyl)  
*ghrelin analogue*

livolétide

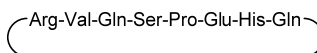
1,8-anhydro(L-arginyl-L-valyl-L-glutaminyl-L-séryl-L-prolyl-L- $\alpha$ -glutamyl-L-histidyl-L-glutaminyl)  
*analogue de la ghreline*

livoletida

1,8-anhidro(L-arginil-L-valil-L-glutaminil-L-seril-L-prolil-L- $\alpha$ -glutamil-L-histidil-L-glutaminil)  
*análogo de la ghrelina*

C<sub>40</sub>H<sub>63</sub>N<sub>15</sub>O<sub>13</sub>

1088543-62-7

**lotamilastum**

lotamilast

methyl 4-({3-[6,7-dimethoxy-2-(methylamino)quinazolin-4-yl]phenyl}carbamoyl)benzoate  
*phosphodiesterase IV inhibitor*

lotamilast

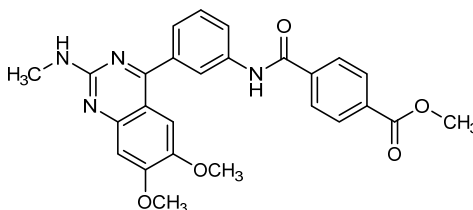
4-({3-[6,7-diméthoxy-2-(méthylamino)quinazolin-4-yl]phényl}carbamoyl)benzoate de méthyle  
*inhibiteur de la phosphodiesterase IV*

lotamilast

4-({3-[6,7-dimetoxi-2-(metilamino)quinazolin-4-il]fenil}carbamoil)benzoato de metilo  
*inhibidor de la fosfodiesterasa IV*

C<sub>26</sub>H<sub>24</sub>N<sub>4</sub>O<sub>5</sub>

947620-48-6

**macozinonum**

macozinone

2-[4-(cyclohexylmethyl)piperazin-1-yl]-8-nitro-6-(trifluoromethyl)-4*H*-1,3-benzothiazin-4-one  
*antituberculosis*

macozinone

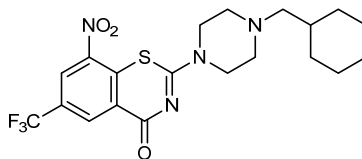
2-[4-(cyclohexylméthyl)pipérazin-1-yl]-8-nitro-6-(trifluorométhyl)-4*H*-1,3-benzothiazin-4-one  
*antituberculeux*

macozinona

2-[4-(ciclohexilmetil)piperazin-1-il]-8-nitro-6-(trifluorometil)-4*H*-1,3-benzotiazin-4-ona  
*antituberculoso*

$C_{20}H_{23}F_3N_4O_3S$ 

1377239-83-2



**mavelertinibum**  
mavelertinib

*N*-[(3*R*,4*R*)-4-fluoro-1-{6-[(3-methoxy-1-methyl-1*H*-pyrazol-4-yl)amino]-9-methyl-9*H*-purin-2-yl}pyrrolidin-3-yl]prop-2-enamide

*tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic*

mavéleritinib

*N*-[(3*R*,4*R*)-4-fluoro-1-{6-[(3-méthoxy-1-méthyl-1*H*-pyrazol-4-yl)amino]-9-méthyl-9*H*-purin-2-yl}pyrrolidin-3-yl]prop-2-énamide

*inhibiteur de tyrosine kinase, antinéoplasique*

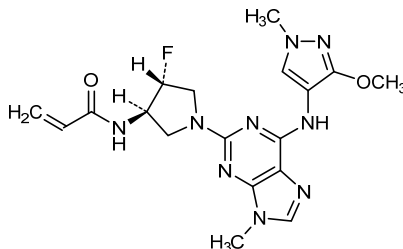
mavelertinib

*N*-[(3*R*,4*R*)-4-fluoro-1-{6-[(3-metoxi-1-metil-1*H*-pirazol-4-il)amino]-9-metil-9*H*-purin-2-il}pirrolidin-3-il]prop-2-enamida

*inhibidor de tirosina kinasa, antineoplásico*

 $C_{18}H_{22}FN_3O_2$ 

1776112-90-3



**mavilimogenum ralaplasmidum #**  
mavilimogene ralaplasmid

a DNA plasmid encoding genes for human papilloma virus type 16 (HPV-16) E6 and E7 proteins whose expression is driven by the human cytomegalovirus (hCMV) promoter with the bovine growth hormone (bGH) 3'end gene and bGH gene polyA signal.

*immunotherapy, antineoplastic*

mavilimogène ralaplasמיד

ADN plasmidique contenant les gènes codant pour les protéines E6 et E7 du virus du papillome humain de type 16 (HPV-16), dont l'expression est dirigée par le promoteur du cytomégalovirus humain (hCMV) avec la région 3'-terminale du gène de l'hormone de croissance bovine (bGH) et le signal poly-A du gène de la bGH

*immunothérapie, antinéoplasique*

mavilimogén ralaplásmido

un DNA plasmídico que contiene genes que codifican para las proteínas E6 y E7 del virus del papiloma humano tipo 16 (HPV-16), cuya expresión está dirigida por el promotor del citomegalovirus humano (hCMV) con la región 3' terminal del gen de la hormona de crecimiento bovina (bGH) y la señal poli A del gen de bGH  
*immunoterapia, antineoplásico*

1977487-95-8

**mavorixafor**  
 mavorixafor

*N*<sup>1</sup>-[(1*H*-benzimidazol-2-yl)methyl]-*N*<sup>1</sup>-[(8*S*)-5,6,7,8-tetrahydroquinolin-8-yl]butane-1,4-diamine  
*CXC chemokine receptor type 4 (CXCR4) antagonist*

mavorixafor

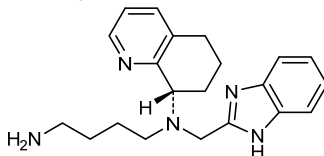
*N*<sup>1</sup>-[(1*H*-benzimidazol-2-yl)méthyl]-*N*<sup>1</sup>-[(8*S*)-5,6,7,8-tétrahydroquinoléin-8-yl]butane-1,4-diamine  
*antagoniste des récepteurs des chimiokines CXC type 4*

mavorixafor

*N*<sup>1</sup>-[(1*H*-benzimidazol-2-il)metil]-*N*<sup>1</sup>-[(8*S*)-5,6,7,8-tetrahydroquinolein-8-il]butano-1,4-diamina  
*antagonista de los receptores de quimioquinas CXC de tipo 4*

C<sub>21</sub>H<sub>27</sub>N<sub>5</sub>

558447-26-0



**mosedipimodum**  
 mosedipimod

*rac*-(2*R*)-propane-1,2,3-triyl 1-acetate 3-hexadecanoate  
 2-[(9*Z*,12*Z*)-octadeca-9,12-dienoate]  
*immunomodulator, anti-inflammatory*

mosédipimod

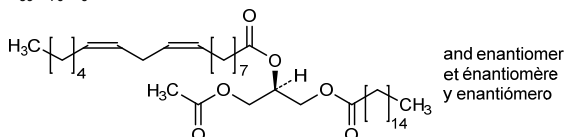
1-acétate, 3-hexadécanoate et 2-[(9*Z*,12*Z*)-octadéca-9,12-diénoate]de *rac*-(2*R*)-propane-1,2,3-triyle  
*immunomodulateur, anti-inflammatoire*

mosedipimod

1-acetato, 3-hexadecanoato y 2-[(9*Z*,12*Z*)-octadeca-9,12-dienoato]de *rac*-(2*R*)-propano-1,2,3-triilo  
*immunomodulador, antiinflamatorio*

C<sub>39</sub>H<sub>70</sub>O<sub>6</sub>

221139-79-3



**nalotimagenum carmaleucelum #**

nalotimagene carmaleucel

human culture expanded activated allogeneic T cells for adjunctive immunotherapy. Cells are derived from the haematopoietic stem cell (HSC) donor and are genetically modified *ex vivo* with a non-replicative SFCMM-3 gamma-retroviral vector derived from Moloney murine Leukemia Virus (Mo-MuLV), encoding for a truncated form of the human low affinity nerve growth factor receptor ( $\Delta$ NGFR) and the herpes simplex virus thymidine kinase (HSV-TK Mut2). Cells contain a suicide gene in case of graft versus host disease development.

*cell genetically modified (adjuvant therapy to stem cell transplant)*

nalotimagène carmaleucel

lymphocytes T humains allogéniques, activés, en culture d'expansion pour immunothérapie adjuvante. Les lymphocytes sont dérivés de cellules souches hématopoïétiques (CSH) d'un donneur et sont génétiquement modifiés *ex vivo* avec un vecteur rétroviral gamma SFCMM-3 non-répliquant dérivé du virus de la leucémie murine de Moloney (Mo-MuLV), codant pour une forme tronquée du récepteur du facteur de croissance nerveuse à faible affinité humain ( $\Delta$ NGFR) et la thymidine kinase du virus herpès simplex (HSV-TK Mut2). Les cellules contiennent un gène suicide en cas de développement de réaction du greffon contre l'hôte.

*cellule génétiquement modifiée (thérapie adjuvante à une transplantation de cellules souches)*

nalotimagén carmaleucel

linfocitos T humanos alogénicos activados y expandidos en cultivo para inmunoterapia adyuvante. Los linfocitos se derivan a partir del donante de las células madre hematopoyéticas (CMH) y se modifican genéticamente *ex vivo* con un vector retroviral gamma SFCMM-3 no replicativo derivado del virus de la leucemia murina de Moloney (Mo-MuLV), que codifica para una forma truncada del receptor para el factor de crecimiento nervioso de baja afinidad humano ( $\Delta$ NGFR) y de la timidina quinasa del virus del herpes simplex (HSV-TK Mut2). Las células contienen un gen suicida en caso de que se desarrolle la enfermedad de injerto contra huésped.

*celula genéticamente modificada (terapia adyuvante a un trasplante de células madres)*

**nedisertibum**

nedisertib

(S)-{2-chloro-4-fluoro-5-[7-(morpholin-4-yl)quinazolin-4-yl]phenyl}(6-methoxypyridazin-3-yl)methanol  
*antineoplastic*

nédisertib

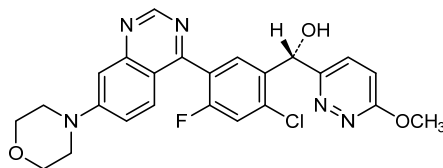
(S)-{2-chloro-4-fluoro-5-[7-(morpholin-4-yl)quinazolin-4-yl]phényl}(6-méthoxypyridazin-3-yl)méthanol  
*antineoplasique*

nedisertib

(S)-{2-cloro-4-fluoro-5-[7-(morfolin-4-il)quinazolin-4-il]fenil}(6-metoxipiridazin-3-il)metanol  
*antineoplásico*

C<sub>24</sub>H<sub>21</sub>ClFN<sub>5</sub>O<sub>3</sub>

1637542-33-6

**nemorexantum**

nemorexant

[(2S)-2-(5-chloro-4-methyl-1H-benzimidazol-2-yl)-2-methylpyrrolidin-1-yl][5-methoxy-2-(2H-1,2,3-triazol-2-yl)phenyl]methanone  
*orexin receptors antagonist*

némorexant

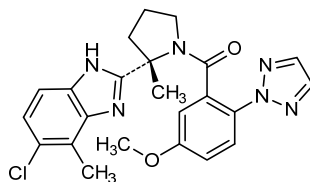
[(2S)-2-(5-chloro-4-méthyl-1H-benzimidazol-2-yl)-2-méthylpyrrolidin-1-yl][5-méthoxy-2-(2H-1,2,3-triazol-2-yl)phényl]méthanone  
*antagoniste des récepteurs de l'orexine*

nemorexant

[(2S)-2-(5-cloro-4-metil-1H-benzimidazol-2-il)-2-metilpirrolidin-1-il][5-metoxi-2-(2H-1,2,3-triazol-2-il)fenil]metanona  
*antagonista de los receptores de la orexina*

C<sub>23</sub>H<sub>23</sub>ClN<sub>6</sub>O<sub>2</sub>

1505484-82-1

**netakimabum #**

netakimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukin 17A, IL-17A)], chimeric and *Homo sapiens* monoclonal antibody;  
chimeric gamma1 heavy chain (1-455) [VH (*Lama glama* IGHV3S3\*01 (80.2%) -(IGHD) -IGHJ3\*01 (92.3%)/*Homo sapiens* IGHV3-23\*04 -(IGHD) -IGHJ5\*01 (92.9%)) [8.8.18] (1-124) -1mer seryl linker (125) -*Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3 (CH1 (126-223), hinge (224-238), CH2 [M15.1>Y (260), S16>T (262), T18>E (264)] (239-348), CH3 (349-453), CHS (454-455)) (126-455)], (228-215')-disulfide with *Homo sapiens* kappa light chain (1'-216') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-20\*01 (96.9%) -IGKJ1\*01 (100%)) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimer (234-234":237-237")-bisdisulfide  
*immunomodulator*

nétakimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukine 17A, IL-17A)], anticorps monoclonal chimérique et *Homo sapiens*;

netakimab

chaîne lourde gamma1 chimérique (1-455) [VH (*Lama glama*IGHV3S3\*01 (80.2%) -(IGHD) -IGHJ3\*01 (92.3%)/*Homo sapiens* IGHV3-23\*04 -(IGHD) -IGHJ5\*01 (92.9%)] [8.8.18] (1-124) -1mer linker séryl (125) -*Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3 (CH1 (126-223), charnière (224-238), CH2 [M15.1>Y (260), S16>T (262), T18>E (264)] (239-348), CH3 (349-453), CHS (454-455)) (126-455)], (228-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-216') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-20\*01 (96.9%) -IGKJ1\*01 (100%)] [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimère (234-234":237-237")-bisdisulfure immunomodulateur

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukina 17A, IL-17A)], anticuerpo monoclonal quimérico y *Homo sapiens*; cadena pesada gamma1 quimérica (1-455) [VH (*Lama glama*IGHV3S3\*01 (80.2%) -(IGHD) -IGHJ3\*01 (92.3%)/*Homo sapiens* IGHV3-23\*04 -(IGHD) -IGHJ5\*01 (92.9%)] [8.8.18] (1-124) -1mer ligando seril (125) -*Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3 (CH1 (126-223), bisagra (224-238), CH2 [M15.1>Y (260), S16>T (262), T18>E (264)] (239-348), CH3 (349-453), CHS (454-455)) (126-455)], (228-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-216') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-20\*01 (96.9%) -IGKJ1\*01 (100%)] [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dímero (234-234":237-237")-bisdisulfuro inmunomodulador

1796570-08-5

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGGG LVQAGGSLRL SCAASGGTFA TSPMGWLRQA PGKGTEFVAA 50  
 ISPSGGDRIY ADSVKGRFTI SRDNAGYFIY LQMNSLKPED TAVYYCAVRR 100  
 RFDGTSYYTG DYDSWGQGTLL VTVSSASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAL 150  
 GCLVKDYFPE PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVFSSS 200  
 LGTQTYICNV NHKPSNTKVD KRVEPKSCDK THTCPPCPAP ELLGGPSVFL 250  
 FPPKPKDTLY ITREPEVTCV VVDVSHEDPE VKFNNWYVDGV EVHNATKPR 300  
 EEQYNSTYRV VSVLTVLHQD WLNKEYEKCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ 350  
 PREPQVYTLF PSREEMTKNQ VSLTCLVKGK YPSDIAVEWE SNGQPENNYK 400  
 TTPPVLDSDG SFFLYSKLTQ DKSRRQGGNV FSCSVMEAL HNHYTQKSL 450  
 LSPGK 455

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRASQSVS SSYLAWYQQK PGQAPRLLIY 50  
 DASSRATGIP DRFSGSGSGT DFTLTISRLE PEDFAVYYCQ QYSYSPVTFG 100  
 QGTRKVEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNNF YPREAKVQWK 150  
 VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYSLSSLT TLISKADYEK KVIACEVTHQ 200  
 GLSSPVTKSF NRGEK 215

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 152-208 269-329 375-433  
 22"-96" 152"-208" 269"-329" 375"-433"  
 Intra-L (C23-C104) 23'-89' 135'-195'  
 23"-89'" 135"-195'"  
 Inter-H-L (h 5-CL 126) 228-215' 228"-215"  
 Inter-H-H (h 11, h 14) 234-234" 237-237"

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

305, 305"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires

complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

G0 (1.07-2.02%), G0F (55.3-70.61%), G1 (0.08-0.45%), G1F (23.61-31.74%),

G2 (0.00-0.02%), G2F (3.75-7.53%), Mann5 (0.1-0.95%)

**nidufexorum**

nidufexor

4-[(*N*-benzyl-8-chloro-1-méthyl-1,4-dihydro[1]benzopyrano[4,3-*c*]pyrazole-3-carboxamido)méthyl]benzoïc acid  
*farnesoid X receptor (FXR) agonist*

nidufexor

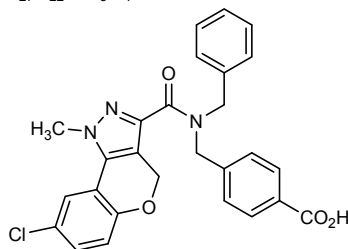
acide 4-[(*N*-benzyl-8-chloro-1-méthyl-1,4-dihydro[1]benzopyrano[4,3-*c*]pyrazole-3-carboxamido)méthyl]benzoïque  
*agoniste du récepteur du farnésoïde X*

nidufexor

ácido 4-[(*N*-bencil-8-cloro-1-metil-1,4-dihidro[1]benzopirano[4,3-*c*]pirazol-3-carboxamido)metil]benzoico  
*agonista del receptor de farnesoide X*

C<sub>27</sub>H<sub>22</sub>ClN<sub>3</sub>O<sub>4</sub>

1773489-72-7

**onfekafuspum alfa #**

onfekafusp alfa

immunoglobulin single-chain variable fragment anti-(human fibronectin ED-B domain) (1-236), with a GDGSSSGSGGAS linker (117-128) between the VH and VL regions, fused, via a EF(S<sub>4</sub>G)<sub>3</sub> linker (237-253), to human tumor necrosis factor (TNF) soluble form (254-410), non-covalent trimer, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa :  
scFv-TNF chain (1-410) [*Homo sapiens* VH (IGHV3-23\*01 (94.9%)-(IGHD) -IGHJ4\*01 (100%)) [8.8.9](1-116) -12-mer linker(117-128) -*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3-20\*01 (94.8%)-IGKJ1\*01 (100%)) [7.3.9] (129-236) -17-mer EF(SSSSG)<sub>3</sub> linker (237-253)-*Homo sapiens* TNF (Pr77-233)(254-410)], non-covalent trimer  
*immunomodulator, antineoplastic*

onfékafusp alfa

immunoglobuline à chaîne unique Fragment variable (scFv), anti-(domaine ED-B de la fibronectine humaine) (1-236), avec un linker GDGSSSGSGGAS (117-128) entre les régions VH et VL, fusionné, via un linker EF(S<sub>4</sub>G)<sub>3</sub> (237-253), à la forme soluble du facteur de nécrose tumorale (TNF) humain (254-410), trimère non covalent, produit par des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa:

|                                |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                       |
|--------------------------------|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
|                                | chaîne scFv-TNF (1-410) [ <i>Homo sapiens</i> VH (IGHV3-23*01 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%))[8.8.9] (1-116) -12-mer linker (117-128) - <i>Homo sapiens</i> V-KAPPA (IGKV3-20*01 (94.8%) -IGKJ1*01 (100%))[7.3.9] (129-236) -17-mer EF(SSSSG)3 linker (237-253) - <i>Homo sapiens</i> TNF (Pr77-233) (254-410)], trimère non-covalent<br><i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                   |
| onfekafusp alfa                | inmunoglobulina con la cadena única Fragmento variable (scFv), anti-(dominio ED-B de la fibronectina humana) (1-236), con un ligando GDGSSGGSGGAS (117-128) entre las regiones VH y VL, fusionado, a través de un enlace EF(S <sub>4</sub> G) <sub>3</sub> (237-253), con la forma soluble del factor de necrosis tumoral (TNF) humano (254-410), trímero no covalente, producido por las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicoforma alfa:<br>cadena scFv-TNF (1-410) [ <i>Homo sapiens</i> VH (IGHV3-23*01 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%))[8.8.9] (1-116) -12-mer ligando (117-128) - <i>Homo sapiens</i> V-KAPPA (IGKV3-20*01 (94.8%) -IGKJ1*01 (100%))[7.3.9] (129-236) -17-mer EF(SSSSG)3 ligando (237-253) - <i>Homo sapiens</i> TNF (Pr77-233) (254-410)], trímero no covalente<br><i>immunomodulador, antineoplásico</i>                                                          |
|                                | 1957239-88-1                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                          |
|                                | Chain / Chaîne / Cadena scFv-TNF<br>EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SFSMSWVRQA PGKLEWVSS 50<br>ISGSSGTTY AD SVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAKPF 100<br>PYFDYWGQGT LVTVSSGDGS SGGSGGASEI VLTQSPGTLT LSPGERATLS 150<br>CRASQSVSS FLAWYQQKPG QAPRLIYYA SSRATGIPDR FSGSGSGTDF 200<br>TLTISRLEPE DFAVYYCQQT GRIPPTFGQG TKVEIKEFSS SSGSSSSGSS 250<br>SSGVRSSRT PSDKPAHV V ANPQAEGLQ WLNRRANALL ANGVELRDNQ 300<br>LVVPSGLYL IYSQVLFKQ GCPSTHVLLT HTISRIVSY QTKVNLLSAI 350<br>KSPCQRETP E GAEAKPWYEP IYLGGVFQLE KGDRLSAEIN RPDYLDFAES 400<br>GQVYFGIIAL 410                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                            |
|                                | Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro<br>Intra-H (C23-C104) 22-96 151-217<br>Intra-TNF 322-354                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                              |
|                                | Glycosylation site (O) / Site de glycosylation (O) / Posición de glicosilación (O)<br>Ser-257<br>CHO-type O-glycans / O-glycans de type CHO / O-glicanos de tipo CHO                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                  |
| onvatilimumab #<br>onvatilimab | immunoglobulin G1-kappa, anti-[ <i>Homo sapiens</i> VSIR (V-set immunoregulatory receptor, C10orf54, chromosome 10 orf54, B7H5, B7-H5, PDCD1 homolog, PD-1H, stress induced secreted protein 1, SISP1, V-domain Ig suppressor of T cell activation, VISTA)], human monoclonal antibody;<br>gamma1 heavy chain (1-450) [ <i>Homo sapiens</i> VH (IGHV1-69*01 (100.00%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.13] (1-120) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), hinge (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [ <i>Homo sapiens</i> V-KAPPA (IGKV1-39*01 (92.6%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191)(223'-214')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide<br><i>immunomodulator, antineoplastic</i> |

## onvatilimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* VSIR (récepteur immunorégulateur du V-set, C10orf54, orf54 du chromosome 10, B7H5, B7-H5, homologue du PDCD1, PD-1H, protéine 1 secrétée induite par le stress, SISP1, suppresseur d'activation de cellule T du V-set Ig, VISTA)], anticorps monoclonal humain; chaîne lourde gamma1 (1-450) [*Homo sapiens* VH (IGHV1-69\*01 (100.00%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (100%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1\*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), charnière (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-39\*01 (92.6%) -IGKJ1\*01(100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191)(223'-214')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure  
*immunomodulateur, antinéoplasique*

## onvatilimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* VSIR (receptor inmunoregulador del V-set, C10orf54, orf54 del cromosoma 10, B7H5, B7-H5, homólogo del PDCD1, PD-1H, proteína 1 secretada inducida por el estrés, SISP1, supresor de la activación de célula T del V-set Ig, VISTA)], anticuerpo monoclonal humano; cadena pesada gamma1 (1-450) [*Homo sapiens* VH (IGHV1-69\*01 (100.00%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (100%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1\*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), bisagra (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-39\*01 (92.6%) -IGKJ1\*01(100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (223'-214')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro  
*inmunomodulador, antineoplásico*

1969313-51-6

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGGTFS SYAISWRQA PGQGLEWMGG 50  
IIPFGTANY AQKFQGRVTI TADESTSTAY MELSSLRSED TAVYYCARSS 100  
YGWSYEFDYW GQGTILVTSS ASTKGPVSFP LAPSSKSTSG CTAALGCLVK 150  
DYFPEPTVTS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200  
YICNVNPKPS NTRVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPPELLGG PSVFLFPPKP 250  
KDTLMISRTPEVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300  
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYCKVSNKA LPAPIKTIS KARGQPREPQ 350  
VYTLPPSREE MTRKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPV 400  
LDSGGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS LSASVGRVIT ITCRASQSID TRLNWYQKPK GKAPKLLIYS 50  
ASSLQSGVPS RFGSGSGSTD FTLTISSLQF EDFATYYCQQ SAYNPITFGQ 100  
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150  
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200  
LSSPVTKSFN RGEK 214

## Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428  
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194'  
23"'-88"' 134"'-194'"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-214' 223"-214'"

Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

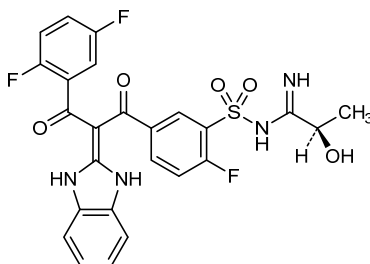
300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires  
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

|            |                                                                                                                                                                                                                                                   |
|------------|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| opigolixum | (2 <i>R</i> )- <i>N</i> -{5-[3-(2,5-difluorophenyl)-2-(1,3-dihydro-2 <i>H</i> -benzimidazol-2-ylidene)-3-oxopropanoyl]-2-fluorobenzene-1-sulfonyl}-2-hydroxypropanimidamide<br><i>gonadotrophin releasing hormone (GnRH) antagonist</i>           |
| opigolix   | (2 <i>R</i> )- <i>N</i> -{5-[3-(2,5-difluorophényl)-2-(1,3-dihydro-2 <i>H</i> -benzimidazol-2-ylidène)-3-oxopropanoyle]-2-fluorobenzène-1-sulfonyl}-2-hydroxypropanimidamide<br><i>antagoniste du facteur libérant les gonadotrophines (GnRH)</i> |
| opigolix   | (2 <i>R</i> )- <i>N</i> -{5-[3-(2,5-difluorofenil)-2-(1,3-dihidro-2 <i>H</i> -benzimidazol-2-ilideno)-3-oxopropanoil]-2-fluorobenceno-1-sulfonyl}-2-hidroxiopropanimidamida<br><i>antagonista del factor liberador de gonadotrofinas (GnRH)</i>   |

C<sub>25</sub>H<sub>19</sub>F<sub>3</sub>N<sub>4</sub>O<sub>5</sub>S

912587-25-8



**opinerceptum #**  
opinercept

human tumor necrosis factor receptor-2 extracellular domain (1-235) fused to a fragment of immunoglobulin G1 consisting of the Fc portion and hinge region (236-467), dimer, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycosylated  
*immunomodulator*

opinercept

domaine extracellulaire du récepteur 2 du facteur de nécrose tumorale humain (1-235) fusionné à un fragment d'immunoglobuline G1 constitué du fragment Fc et de la région charnière (236-467), dimère, produit par des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycosylé  
*immunomodulateur*

opinercept

dominio extracelular del receptor 2 del factor de necrosis tumoral humano (1-235) fusionado con un fragmento de inmunoglobulina G1 constituida por el fragmento Fc y la región bisagra (236-467), dímero, producido por las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicosilado  
*inmunomodulador*

## 2055118-96-0

LPAQVAFPTY APEPGSTCRL REYYDQTAQM CCSKCSPGQH AKVFCTKTS 50  
 TVCDSCEDST YTQLWNVPE CLSCGSRCS DQVETQACTR EQNRICTRCP 100  
 GWYCALSKQE GCRLCAPLRK CRPGFGVARP GTETSDVVC PCAPGTFSNT 150  
 TSSTDICRPH QICNVVAIFG NASMDAVCTS TSPTRSMAPG AVHLPQPVST 200  
 RSQHTQPTPE PSTAPSTSFL LPMGSPPAE GSTGDEPKSC DKHTCPPCP 250  
 APELLGGPSV FLFPPKPKDT LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD 300  
 GVEVHNAKTK PREEQYNSTY RVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA 350  
 PIEKTISKAK GQPREPQVYT LPPSRDELTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE 400  
 WESNGQPENN YKTTTPVLDS DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVME 450  
 ALHNHYTQKS LSLSPGK 467

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro  
 intra-chain: 18-31 32-45 35-53 56-71 74-88 78-96 98-104 112-121  
 115-139 142-157 163-178 281-341 387-445  
 inter-chain: 240-240' 246-246' 249-249'

Glycosylation sites (N) / Sites de glycosylation (N) / Posiciones de glicosilación (N)  
 Asn-149 Asn-171 Asn-317

Glycosylation sites (O) / Sites de glycosylation (O) / Posiciones de glicosilación (O)  
 Thr-8 Thr-184 Ser-199 Thr-200 Ser-202 Thr-205 Thr-208 Ser-212  
 Thr-213 Ser-216 Thr-217 Ser-218 Ser-226 Ser-232 Thr-233 Thr-243

**otaplimastatum**  
 otaplimastat

*N*-[3-(2,4-dioxo-1,4-dihydroquinazolin-3(2*H*)-yl)propyl]-  
*N*-(4-[[3-(2,4-dioxo-1,4-dihydroquinazolin-  
 3(2*H*)-yl)propyl]amino]butyl)acetamide  
*matrix metalloproteinase inhibitor*

otaplimastat

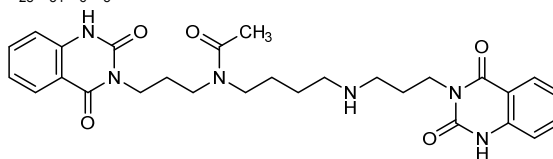
*N*-[3-(2,4-dioxo-1,4-dihydroquinazolin-3(2*H*)-yl)propyl]-  
*N*-(4-[[3-(2,4-dioxo-1,4-dihydroquinazolin-  
 3(2*H*)-yl)propyl]amino]butyl)acétamide  
*inhibiteur de la métalloprotéinase de la matrice*

otaplimastat

*N*-[3-(2,4-dioxo-1,4-dihydroquinazolin-3(2*H*)-il)propil]-  
*N*-(4-[[3-(2,4-dioxo-1,4-dihydroquinazolin-  
 3(2*H*)-il)propil]amino]butil)acetamida  
*inhibidor de la metaloproteinasas de matriz*

C<sub>28</sub>H<sub>34</sub>N<sub>6</sub>O<sub>5</sub>

1176758-4-5



**parimifasorum**  
 parimifasor

3-chloro-*N*-[(3-chloro-5-fluoroanilino){[5-(trifluoromethyl)-  
 1*H*-pyrazol-3-yl]amino}methylidene]benzamide  
*immunomodulator, anti-inflammatory*

parimifasor

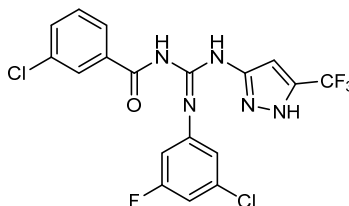
3-chloro-*N*-[(3-chloro-5-fluoroanilino){[5-(trifluorométhyl)-  
 1*H*-pyrazol-3-yl]amino}méthylidène]benzamide  
*immunomodulateur, anti-inflammatoire*

parimifasor

3-cloro-*N*-[(3-cloro-5-fluoroanilino){[5-(trifluorometil)-  
 1*H*-pirazol-3-il]amino}metilideno]benzamida  
*immunomodulador, antiinflamatorio*

C<sub>18</sub>H<sub>11</sub>Cl<sub>2</sub>F<sub>4</sub>N<sub>5</sub>O

1796641-10-5



**pavinetantum**  
pavinetant

3-(methanesulfonamido)-2-phenyl-N-[(1S)-1-phenylpropyl]quinoline-4-carboxamide  
*neurokinin NK3 receptor antagonist*

pavinétant

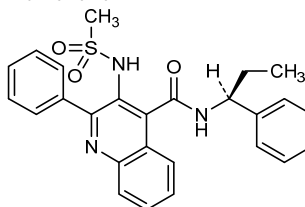
3-(méthanesulfonamido)-2-phényl-N-[(1S)-1-phénylpropyl]quinoléine-4-carboxamide  
*antagoniste du récepteur NK3 de la neurokinine*

pavinetant

3-(metanosulfonamido)-2-fenil-N-[(1S)-1-fenilpropil]quinoleína-4-carboxamida  
*antagonista del receptor NK3 de neurokinina*

C<sub>26</sub>H<sub>25</sub>N<sub>3</sub>O<sub>3</sub>S

941690-55-7



**pegcetacoplanum**  
pegcetacoplan

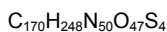
O,O'-bis[(S<sup>2</sup>,S<sup>12</sup>-cyclo{N-acetyl-L-isoleucyl-L-cysteinyl-L-valyl-1-methyl-L-tryptophyl-L-glutamyl-L-α-aspartyl-L-tryptophylglycyl-L-alanyl-L-histidyl-L-arginyl-L-cysteinyl-L-threonyl-2-[2-(2-aminoethoxy)ethoxy]acetyl-L-lysine amide})-N<sup>6,15</sup>-carbonyl]polyethylene glycol (n = 800-1100)  
*complement C3 inhibitor*

pegcétacoplan

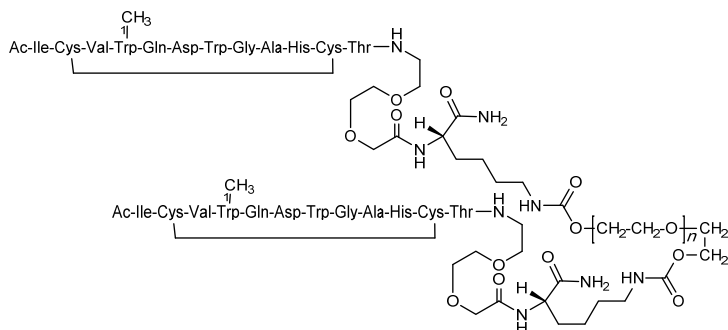
O,O'-bis[(S<sup>2</sup>,S<sup>12</sup>-cyclo{N-acétyl-L-isoleucyl-L-cystéinyl-L-valyl-1-méthyl-L-tryptophyl-L-glutamyl-L-α-aspartyl-L-tryptophylglycyl-L-alanyl-L-histidyl-L-arginyl-L-cystéinyl-L-thréonyl-2-[2-(2-aminoéthoxy)éthoxy]acétyl-L-lysine amide})-N<sup>6,15</sup>-carbonyl]polyéthylène glycol (n = 800-1100)  
*inhibiteur du facteur C3 du complément*

pegcetacoplán

O,O'-bis[(S<sup>2</sup>,S<sup>12</sup>-ciclo{N-acetil-L-isoleucil-L-cisteinil-L-valil-1-metil-L-triptofil-L-glutaminil-L-α-aspartil-L-triptofilglicil-L-alanil-L-histidil-L-arginil-L-cisteinil-L-treonil-2-[2-(2-aminoetoxi)etoxi]acetil-L-lisinamida})-N<sup>6,15</sup>-carbonil]polietileno glicol (n = 800-1100)  
*inhibidor del factor C3 de complemento*



2019171-69-6



**pemigatinibum**  
pemigatinib

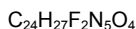
3-(2,6-difluoro-3,5-dimethoxyphenyl)-1-ethyl-8-[(morpholin-4-yl)methyl]-1,3,4,7-tetrahydro-2H-pyrrolo[3',2':5,6]pyrido[4,3-d]pyrimidin-2-one  
*tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic*

pémigatinib

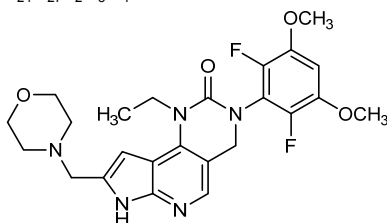
3-(2,6-difluoro-3,5-diméthoxyphényl)-1-éthyl-8-[(morpholin-4-yl)méthyl]-1,3,4,7-tétrahydro-2H-pyrrolo[3',2':5,6]pyrido[4,3-d]pyrimidin-2-one  
*inhibiteur de tyrosine kinase, antinéoplasique*

pemigatinib

3-(2,6-difluoro-3,5-dimetoxifenil)-1-etil-8-[(morfolin-4-il)metil]-1,3,4,7-tetrahydro-2H-pirrolo[3',2':5,6]pirido[4,3-d]pirimidin-2-ona  
*inhibidor de tirosina kinasa, antineoplásico*



1513857-77-6



**praonasum #**  
praonase

L-seryl (1)-[mono-ADP-ribosyltransferase C3 (exoenzyme C3, EC=2.4.2.-) of *Clostridium botulinum* D phage (2-212)] fusion protein with an artificial permeability-conferring C-terminal 19-peptide (213-231), produced in *Escherichia coli*  
*enzyme*

praonase

L-séryl (1)-[mono-ADP-ribosyltransférase C3 de phage de *Clostridium botulinum* de type D (exoenzyme C3, EC=2.4.2.-)], fusionnée par l'extrémité C-terminale à un peptide conférant une perméabilité artificielle (213-231), produite par *Escherichia coli*  
*enzyme*

praconasa

L-seril (1)-[mono-ADP-ribosiltransferasa C3 de phage de *Clostridium botulinum* de tipo D (exoenzima C3, EC=2.4.2.-) (2-212)], fusionada con la extremidad C-terminal a un péptido que confiere una permeabilidad artificial (213-231), producido por *Escherichia coli* enzima

2098615-90-6

SAYSNTYQEEF TNIDQAKAWG NAQYKKYGLS KSEKEAIVSY TKSASEINGK 50  
LRQNGKGVING FPSNLIKQVE LLDKSFNKMK TPENIMLFRG DDPAYLGTGF 100  
QNTLLNSNGT INKTAFKAK AKFLNKDRLE YGYISTSLMN VSQFAGRPII 150  
TKFKVAGGSK AGYIDPISAF AGQLEMLLPR HSTYHIDDMR LSSDGKQIII 200  
TATMMGTAIN PKEFVMNPAN AQGRHTPGTR L 231

ravagalimabum #  
ravagalimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD40 (tumor necrosis factor super family member 5, TNFRSF5)], humanized monoclonal antibody;  
gamma1 heavy chain (1-446) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV3-48\*01 (89.8%) -(IGHD)-IGHJ6\*01 (100%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1\*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (213) (117-214), hinge (215-229), CH2 L1.3>A (233), L1.2>A (234), T14>Q (249) (230-339), CH3 E12 (355), M14 (357), M107>L (427) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-220')-disulfide with kappa light chain (1'-220') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1\*01 (89.1%) -IGKJ2\*01 (100%)) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dimer (225-225":228-228")-bisdisulfide immunomodulator

ravagalimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD40 (membre 5 de la superfamille des récepteurs du TNF, TNFRSF5)], anticorps monoclonal humanisé;  
chaîne lourde gamma1 (1-446) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-48\*01 (89.8%) -(IGHD)-IGHJ6\*01 (100%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1\*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (213) (117-214), charnière (215-229), CH2 L1.3>A (233), L1.2>A (234), T14>Q (249) (230-339), CH3 E12 (355), M14 (357), M107>L (427) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-220')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-220') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV4-1\*01 (89.1%) -IGKJ2\*01 (100%)) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure immunomodulateur

ravagalimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD40 (miembro 5 de la superfamilia de los receptores del TNF, TNFRSF5)], anticuerpo monoclonal humanizado;

cadena pesada gamma1 (1-446) [VH humanizado (*Homo sapiens*IGHV3-48\*01 (89.8%) -(IGHD)-IGHJ6\*01 (100%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens*IGHG1\*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (213) (117-214), bisagra (215-229), CH2 L1.3>A (233), L1.2>A (234), T14>Q (249) (230-339), CH3 E12 (355), M14 (357), M107>L (427) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-220')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-220') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens*IGKV4-1\*01 (89.1%) -IGKJ2\*01 (100%)) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens*IGKC\*01, Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro *inmunomodulador*

2050816-56-1

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVPKGGSLRL SCAASGFTFS DYGMINVVRQA PGKGLEWIAI 50
ISSGRGNIYY ADTVKGRFTI SRDIAKNSLY LQMSLRAED TAVYYCARSW 100
GYFDVWGQGT TTVTSASTK GPSVFPLAPS SKSTSGGTAA LGCLVKDYFP 150
EPVTVSWNSG ALTSQVHTFP AVLQSSGLYS LSSVTVTPSS SLGTQTYICN 200
VNHKPSNTKV DKKVEPKSCD KTHCTPCCPA PEAAGGPSVF LFPPKPKDQL 250
MISRTPEVTC VVVDVSHEDF EVKFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR 300
VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNAKLPAP IEKTISKAKG QPREPQVYTL 350
PPSREEMTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTTFPVLDSD 400
GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCSVLHEA LHNHYTQKSL SLSPGK 446
```

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIVMTQSPDS LAVSLGERAT INCKSSQSLN NRGNKQNYLT WFQKFGQPP 50
KLLIYWASTR ESGVPDRFSG SGSGTDFTLT ISSLQAEDVA VYYCQNDYTY 100
PLTFGQGTKL EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 150
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKDSITY LSSTLTLSKA DYEKKHVYAC 200
EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC 220
```

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 143"-199" 260"-320" 366"-424"  
 22"-96" 143"-199" 260"-320" 366"-424"  
 Intra-L (C23-C104) 23"-94" 140"-200"  
 23"-94" 140"-200"  
 Inter-H-L (h 5-CL 126) 219-220" 219"-220"  
 Inter-H-H (h 11, h 14) 225-225" 228-228"

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

296, 296"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados.

**rebisufligenum etisparvovecum #**  
 rebisufligene etisparvec

a non-replicating, recombinant, self-complementary adeno-associated virus serotype 9 (scAAV9) vector, expressing the human N-sulfoglucosamine sulfohydrolase (hSGSH) cDNA, under the control of a murine small nuclear RNA promoter U1a.  
*gene therapy substance (mucopolysaccharidosis IIIA)*

rébisufligène étisparvec

vecteur viral adéno-associé de sérotype 9 non-répliquant, recombinant et autocomplémentaire (scAAV9), contenant l'ADN circulaire de la N-sulfoglucosamine sulfohydrolase humaine (hSGSH), sous le contrôle d'un promoteur U1a de petit ARN nucléaire murin.  
*substance de thérapie génique (mucopolysaccharidose IIIA)*

rebisufligén etisparvovec

un vector de virus adeno-asociado serotipo 9 no-replicativo, recombinante, y auto-complementario, que expresa el cDNA de la N-sulfoglucosamina sulfohidrolasa humana, bajo el control de un promotor U1a de RNA nuclear pequeño murino.  
*sustancia de terapia génica (mucopolisacaridosis IIIA)*

1966978-67-5

**revosimelinum**  
 revosimeline

ethyl (1*R*,3*r*,5*S*)-3-(3-oxo-2,8-diazaspiro[4.5]decan-8-yl)-8-azabicyclo[3.2.1]octane-8-carboxylate  
*cannabinoid receptor agonist*

révosiméline

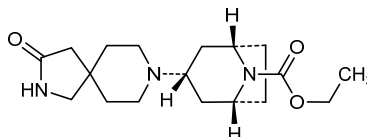
(1*R*,3*r*,5*S*)-3-(3-oxo-2,8-diazaspiro[4.5]décan-8-yl)-8-azabicyclo[3.2.1]octane-8-carboxylate d'éthyle  
*agoniste des récepteurs aux cannabinoïdes*

revosimelina

(1*R*,3*r*,5*S*)-3-(3-oxo-2,8-diazaspiro[4.5]decan-8-il)-8-azabicyclo[3.2.1]octano-8-carboxilato de etilo  
*agonista del receptor de cannabinoïdes*

C<sub>18</sub>H<sub>29</sub>N<sub>3</sub>O<sub>3</sub>

1810001-96-7



**risdiplamum**  
 risdiplam

7-(4,7-diazaspiro[2.5]octan-7-yl)-2-(2,8-dimethylimidazo[1,2-*b*]pyridazin-6-yl)-4*H*-pyrido[1,2-*a*]pyrimidin-4-one  
*gene splicing modulator (neuromuscular disease)*

risdiplam

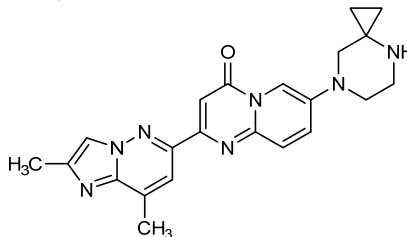
7-(4,7-diazaspiro[2.5]octan-7-yl)-2-(2,8-diméthylimidazo[1,2-*b*]pyridazin-6-yl)-4*H*-pyrido[1,2-*a*]pyrimidin-4-one  
*modulateur d'épissage de gène (maladie neuromusculaire)*

risdiplam

7-(4,7-diazaspiro[2.5]octan-7-il)-2-(2,8-dimetilimidazo[1,2-*b*]piridazin-6-il)-4*H*-pirido[1,2-*a*]pirimidin-4-ona  
*modulador del ensamblaje genético (enfermedad neuromuscular)*

C<sub>22</sub>H<sub>23</sub>N<sub>7</sub>O

1825352-65-5



**roblitinibum**

roblitinib

*N*-[5-cyano-4-[(2-methoxyethyl)amino]pyridin-2-yl]-7-formyl-6-[(4-methyl-2-oxopiperazin-1-yl)methyl]-3,4-dihydro-1,8-naphthyridine-1(2*H*)-carboxamide  
*tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic*

roblitinib

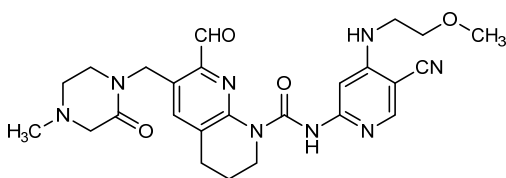
*N*-[5-cyano-4-[(2-méthoxyéthyl)amino]pyridin-2-yl]-7-formyl-6-[(4-méthyl-2-oxopipérazin-1-yl)méthyl]-3,4-dihydro-1,8-naphthyridine-1(2*H*)-carboxamide  
*inhibiteur de tyrosine kinase, antinéoplasique*

roblitinib

*N*-[5-ciano-4-[(2-metoxietil)amino]piridin-2-il]-7-formil-6-[(4-metil-2-oxopiperazin-1-il)metil]-3,4-dihidro-1,8-naftiridina-1(2*H*)-carboxamida  
*inhibidor de tirosina kinasa, antineoplásico*

C<sub>25</sub>H<sub>30</sub>N<sub>6</sub>O<sub>4</sub>

1708971-55-4

**romilkimabum #**

romilkimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL13 (interleukin 13, IL-13)] and anti-[*Homo sapiens* IL4 (interleukin 4, IL-4)], chimeric and humanized monoclonal antibody, bispecific, tetravalent;

gamma1 heavy chain (1-577) [VH anti-IL13 (*Mus musculus* IGHV2-6-7\*01 (83.50%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (93.8%)/*Homo sapiens* IGHV2-26\*01 (59.6%) -(IGHD) -IGHJ1\*01 (90.9%)) [8.7.12] (1-118) -10-mer linker bis(tetraglycyl-seryl) (119-128) -VH anti-IL4 (*Mus musculus* IGHV1S127\*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ1\*01 (87.5%)/*Homo sapiens* IGHV1-46\*01 (68.4%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (86.7%)) [8.8.16] (129-251) -*Homo sapiens* IGHG4\*01 (CH1 (252-349), hinge 1-12, S10>P (359) (350-361), CH2 L1.2>E (366) (362-471), CH3 (472-576), CHS K>del (577)) (252-577)]; (265-335')-disulfide with kappa light chain (1'-335') [V-KAPPA anti-IL13 (*Mus musculus* IGKV3-10\*01 (92.90%) -IGKJ1\*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV4-1\*01 (71.9%) -IGKJ4\*01 (90.9%)) [10.3.9] (1'-111') -10-mer linker bis(tetraglycyl-seryl) (112'-121') -humanized V-KAPPA anti-IL4 (*Homo sapiens* IGKV1-12\*01 (76.8%) -IGKJ2\*02 (90.9%)) [6.3.9] (122'-228') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (274), V101 (312) (229'-335')]; dimer (357-357'':360-360'')-bisdisulfide  
*immunomodulator*

romilkimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL13 (interleukine 13, IL-13)] et anti-[*Homo sapiens* IL4 (interleukine 4, IL-4)], anticorps monoclonal chimérique et humanisé, bispécifique, tétravalent;

chaîne lourde gamma1 (1-577) [VH anti-IL13 (*Mus musculus* IGHV2-6-7\*01 (83.50%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (93.8%)/*Homo sapiens* IGHV2-26\*01 (59.6%) -(IGHD) -IGHJ1\*01 (90.9%)) [8.7.12] (1-118) -10-mer linker bis(tétraglycyl-séryl) (119-128) - VH anti-IL4 (*Mus musculus* IGHV1S127\*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ1\*01 (87.5%)/*Homo sapiens* IGHV1-46\*01 (68.4%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (86.7%)) [8.8.16] (129-251) -*Homo sapiens* IGHG4\*01 (CH1 (252-349), charnière 1-12, S10>P (359) (350-361), CH2 L1.2>E (366) (362-471), CH3 (472-576), CHS K>del (577)) (129-577)]; (265-335')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-335') [V-KAPPA anti-IL13 (*Mus musculus* IGKV3-10\*01 (92.90%) -IGKJ1\*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV4-1\*01 (71.9%) -IGKJ4\*01 (90.9%)) [10.3.9] (1'-111') -10-mer linker bis(tétraglycyl-séryl) (112'-121') -V-KAPPA anti-IL4 humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-12\*01 (76.8%) -IGKJ2\*02 (90.9%)) [6.3.9] (122'-228') -*Homo sapiens* IGKC\*01,Km3 A45.1 (274), V101 (312) (229'-335')]; dimère (357-357":360-360")-bisdisulfure  
*immunomodulateur*

romilkimab

immunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL13 (interleukina 13, IL-13)] y anti-[*Homo sapiens* IL4 (interleukina 4, IL-4)], anticuerpo monoclonal quimérico y humanizado, biespecífico, tetravalente;

cadena pesada gamma1 (1-577) [VH anti-IL13 (*Mus musculus* IGHV2-6-7\*01 (83.50%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (93.8%)/*Homo sapiens* IGHV2-26\*01 (59.6%) -(IGHD) -IGHJ1\*01 (90.9%)) [8.7.12] (1-118) -10-mer ligando bis(tetraglicil-seril) (119-128) - VH anti-IL4 (*Mus musculus* IGHV1S127\*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ1\*01 (87.5%)/*Homo sapiens* IGHV1-46\*01 (68.4%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (86.7%)) [8.8.16] (129-251) -*Homo sapiens* IGHG4\*01 (CH1 (252-349), bisagra 1-12, S10>P (359) (350-361), CH2 L1.2>E (366) (362-471), CH3 (472-576), CHS K>del (577)) (129-577)]; (265-335')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-335') [V-KAPPA anti-IL13 (*Mus musculus* IGKV3-10\*01 (92.90%) -IGKJ1\*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV4-1\*01 (71.9%) -IGKJ4\*01 (90.9%)) [10.3.9] (1'-111') -10-mer ligando bis(tetraglicil-seril) (112'-121') -V-KAPPA anti-IL4 humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-12\*01 (76.8%) -IGKJ2\*02 (90.9%)) [6.3.9] (122'-228') -*Homo sapiens* IGKC\*01,Km3 A45.1 (274), V101 (312) (229'-335')]; dímero (357-357":360-360")-bisdisulfuro  
*immunomodulador*

1399584-78-1

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

EVQLKESGPG LVAPGGSLSI TCTVSGFSLT DSSINWVRQP PGKGLEWLGM 50
IWGDGRIDYA DALKSRLSIS KDSSKSQVFL EMTSLRTDDT ATYYCARDGY 100
FPYAMDFWGO GTSVTVSSGG GSGGGGSGVQ LQQSGPELV KPGASVKISC 150
KASGYSFTSY WIHWIKQRPQ QGLEWIGMID PSDGETRLNQ RFQGRATLTV 200
DESTTAYMQ LRSPTSEDSA VVYCTRLKEY GNYDSFYFDV WGAGTLVTVS 250
SASTKGPSVF PLAPCSRSTS ESTAALGCLV KDYFPEPVTV SWNSGALTSG 300
VHTFPAVLQS SGLYLSLSVV TVPSSSLGTK TYTCNVDHKP SNTKVDKRVE 350
SKYGPCCPCP PAPEFEGGPS VFLFPPPKPD TLMISRTPEV TCVVVDVQSQ 400
DPEVQFNWYV DGVEVHNART KPREEQFNST YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY 450
KCKVSNKGLP SSIEKTISKA KGQPREPQVY TLPPSQEEMT KNQVSLTCLV 500
KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTPPVLD SDGSFFLYSR LTVDKSRWQE 550
GNVFCSCVMH EALHNHYTQK SLSLSLG 577

```

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

DIVLTQSPAS LAVSLGQRAT ISCRASESVD SYGQSYMHVY QQKAGQPPKL 50
LIYLASNLES GVPARFSGSG SRTDFTLTID PVQAEDAATY YCQNAEDSR 100
TFGGGTKLEI KGGGGSGGGG SDIQMTQSPA SLSVSVGDTI TLTHASQNI 150
DVWLWFWQK GNIPKLLIY KASNLHTGVP SRFGSGSGT GFTLTISLQ 200
PEDIATYYCQ QAHSYPFTFG GGTKLEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT 250
ASVVCLLNMF YPREAKVQWK VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYSLSTL 300
TLISKADYEK KVIACEVTHQ GLSSPVTKSF NRGEC 335

```

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

```

Intra-H (C23-C104) 22-95 150-224 278-334 392-452 498-556
                  22"-95" 150"-224" 278"-334" 392"-452" 498"-556"
Intra-L (C23-C104) 23'-92' 144'-209' 255'-315'
                  23'"-92'" 144'"-209'" 255'"-315'"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 265-335' 265"-335"
Inter-H-H (h 8, h 11) 357-357" 360-360"

```

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

428, 428"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

**samrotamabum #**  
samrotamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* LRRC15 (leucine-rich repeat-containing member 15, leucine-rich repeat member induced by beta-amyloid homolog, LIB)], humanized and chimeric monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-450) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV1-2\*02 (77.6%) -(IGHD) -IGHJ5\*01 (86.7%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1\*01 (CH1 (121-218), hinge (219-233), CH2 (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfide with kappa light chain chimeric (1'-214')] [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV10-96\*01 (85.30%) -IGKJ1\*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV1-39\*01 (84.2%) -IGKJ4\*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191)(108'-214')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide immunomodulator, antineoplastic

samrotamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* LRRC15 (membre 15 contenant des répétitions riches en leucine, membre des répétitions riches en leucine induit par l'homologue beta-amyloïde, LIB)], anticorps monoclonal humanisé et chimérique; chaîne lourde gamma1 (1-450) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-2\*02 (77.60%) -(IGHD) -IGHJ5\*01 (86.7%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1\*01 (CH1 (121-218), charnière (219-233), CH2 (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfure avec

## samrotamab

la chaîne légère kappa chimérique (1'-214') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV10-96\*01 (85.30%) -IGKJ1\*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV1-39\*01 (84.2%) -IGKJ4\*01 (100%)] [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191)(108'-214')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure  
*immunomodulateur, antinéoplasique*

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* LRRC15 (miembro 15 que contiene las repeticiones ricas en leucina, miembro de las repeticiones ricas en leucina inducido por el homólogo beta-amiloide, LIB)], anticuerpo monoclonal humanizado y quimérico; cadena pesada gamma1 chain (1-450) [VH humanizado (*Homo sapiens*IGHV1-2\*02 (77.60%) -(IGHD) -IGHJ5\*01 (86.7%)] [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1\*01 (CH1 (121-218), bisagra (219-233), CH2 (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa quimérica (1'-214') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV10-96\*01 (85.30%) -IGKJ1\*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV1-39\*01 (84.2%) -IGKJ4\*01 (100%)] [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191)(108'-214')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro  
*inmunomodulador, antineoplásico*

2052591-32-7

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYKFS SYWIEWVKQA PGQGLEWIGE 50
ILPGSDTTNY NEKFKDRATF TSDTSINTAY MELSLRLSDD TAVYYCARDR 100
GNYRAWFGYW GQGTLLTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTVSG HTFFPAVLQSS GLYSLSSVTV VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKHTTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPK 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KARGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
LSDSGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450
```

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS LSASVGRVT ITCRASQDIS NYLNWYQQKP GGAVKFLIYY 50
TSRLHSGVPS RFSGSGSGTD YTLTISLQEP EDFATYFCQQ GEALPWTFGG 100
GKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214
```

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

```
Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
                    22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
                    23'''-88''' 134'''-194'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-214' 223"-214'"
Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"
```

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados  
G0F, G1F

## C-terminal lysine clipping:

H CHS K2: 450, 450"

**samrotamabum vedotinum #**  
samrotamab vedotin

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* LRRC15 (leucine-rich repeat-containing protein 15, leucine-rich repeat induced by beta-amyloid homolog, LIB)], humanized and chimeric monoclonal antibody conjugated to auristatin E;  
gamma1 heavy chain (1-450) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV1-2\*02 (77.6%) -(IGHD) -IGHJ5\*01 (86.7%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1\*01 (CH1 (121-218), hinge (219-233), CH2 (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfide with kappa light chain chimeric (1'-214') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV10-96\*01 (85.30%) -IGKJ1\*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV1-39\*01 (84.2%) -IGKJ4\*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191)(108'-214')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide; conjugated, on an average of 2 cysteinyl, to monomethylauristatin E (MMAE), via a cleavable maleimidocaproyl-valyl-citrullinyl-p-aminobenzyloxycarbonyl (mc-val-cit-PABC) type linker  
For the *vedotin* part, please refer to the document "*INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others*".  
*antineoplastic*

samrotamab védotine

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* LRRC15 (protéine 15 contenant des répétitions riches en leucine, répétition riche en leucine induite par l'homologue bêta-amyloïde, LIB)], anticorps monoclonal humanisé et chimérique conjugué à l'auristatine E;  
chaîne lourde gamma1 chain (1-450) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-2\*02 (77.60%) -(IGHD) -IGHJ5\*01 (86.7%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1\*01 (CH1 (121-218), charnière (219-233), CH2 (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa chimérique (1'-214') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV10-96\*01 (85.30%) -IGKJ1\*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV1-39\*01 (84.2%) -IGKJ4\*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191)(108'-214')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure ; conjugué sur 2 cystéinyl en moyenne, au monométhylauristatine E (MMAE), via un linker clivable de type maléimidocaproyl-valyl-citrullinyl-p-aminobenzyloxycarbonyl (mc-val-cit-PABC)  
Pour la partie *védotine*, veuillez vous référer au document "*INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others*".  
*antineoplasique*

samrotamab vedotina

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* LRRC15 (proteína 15 que contiene la repeticiones ricas en leucina, repetición rica en leucina inducida por el homólogo beta-amiloide, LIB)], anticuerpo monoclonal humanizado y quimérico conjugado con la auristatina E;

cadena pesada gamma1 chain (1-450) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-2\*02 (77.60%) -(IGHD) -IGHJ5\*01 (86.7%) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1\*01 (CH1 (121-218), bisagra (219-233), CH2 (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa quimérica (1'-214') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV10-96\*01 (85.30%) -IGKJ1\*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV1-39\*01 (84.2%) -IGKJ4\*01 (100%)] [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191)(108'-214')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro ; conjugado bajo una media de 2 cisteinil, con la monometilauristatina E (MMAE), a través de un enlace escindible del tipo maleimidocaproil-valil-citrullinil-p-aminobenciloxicarbonil (mc-val-cit-PABC) Para la fracción *vedotina*, se pueden dirigir al documento "*INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others*".  
*antineoplásico*

2052649-42-8

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYKFS SYWIEWVKQA PGQGLEWIGE 50
ILPGSDTNY NEKFKDRATF TSDTSINTAY MELSLRSD TAVVYCARDR 100
GNIRAWFGYW GQCTLVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNKKPS NTKVDKKVEP KSCDKHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLGQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLTCLVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPPV 400
LSDSGSFLLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNNHYT QKSLSLSPGK 450
```

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRTVITCRASQDIS NYLWYQQKPK GGAVKFLIYY 50
TSRLHSGVPS RFGSGSGTD YTLTISSLQP EDFATYFCQQ GEALPWTFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGECE 214
```

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428  
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"  
Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194'  
23'''-88''' 134'''-194'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) \* 223-214' 223"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) \* 229-229" 232-232"

\*One or two of the inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 2 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

\*Un ou deux des ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 2 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

\*Faltan uno o dos puentes disulfuro inter-catenarios, una media de 2 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados  
G0F, G1F

## C-terminal lysine clipping:

H CHS K2: 450, 450"

**satoreotidum tetraxetanum**

satoreotide tetraxetan

$S^2, S^7$ -cyclo[4-chloro-*N*-{[4,7,10-tris(carboxymethyl)-1,4,7,10-tetraazacyclododecan-1-yl]acetyl}-L-phenylalanyl-D-cysteinyl-4-[(4*S*)-2,6-dioxo-1,3-diazinane-4-carboxamido]-L-phenylalanyl-4-(carbamoylamino)-D-phenylalanyl-L-lysyl-L-threonyl-L-cysteinyl-D-tyrosinamide]  
*antineoplastic*

satoréotide tétraxétan

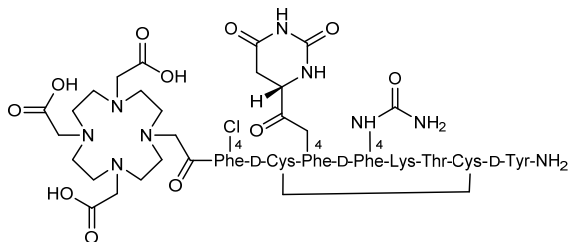
$S^2, S^7$ -cyclo[4-chloro-*N*-{[4,7,10-tris(carboxyméthyl)-1,4,7,10-tétraazacyclododécane-1-yl]acétyl}-L-phénylalanil-D-cystéinyl-4-[(4*S*)-2,6-dioxo-1,3-diazinane-4-carboxamido]-L-phénylalanil-4-(carbamoylamino)-D-phénylalanil-L-lysyl-L-thréonyl-L-cystéinyl-D-tyrosinamide]  
*antinéoplasique*

satoreotida tetraxetán

$S^2, S^7$ -ciclo[4-cloro-*N*-{[4,7,10-tris(carboximetil)-1,4,7,10-tetraazaciclododecan-1-il]acetil}-L-fenilalanil-D-cisteinil-4-[(4*S*)-2,6-dioxo-1,3-diazinane-4-carboxamido]-L-fenilalanil-4-(carbamoilamino)-D-fenilalanil-L-lisil-L-treonil-L-cisteinil-D-tirosinamida]  
*antineoplásico*

C<sub>74</sub>H<sub>98</sub>ClN<sub>19</sub>O<sub>21</sub>S<sub>2</sub>

1039726-31-2

**seclidemstatum**

seclidemstat

*N'*-[(1*E*)-1-(5-chloro-2-hydroxyphenyl)ethylidene]-3-(4-methylpiperazine-1-sulfonyl)benzohydrazide  
*antineoplastic*

séclidemstat

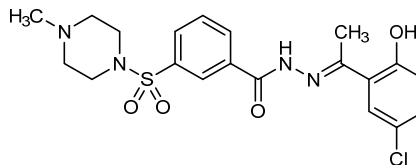
*N'*-[(1*E*)-1-(5-chloro-2-hydroxyphényl)éthylidene]-3-(4-méthylpipérazine-1-sulfonyl)benzohydrazide  
*antinéoplasique*

seclidemstat

*N'*-[(1*E*)-1-(5-cloro-2-hidroxifenil)etilideno]-3-(4-metilpiperazina-1-sulfonyl)benzohidrazida  
*antineoplásico*

C<sub>20</sub>H<sub>23</sub>ClN<sub>4</sub>O<sub>4</sub>S

1423715-37-0



**setafrastatum**

setafrastat

(5<sup>2</sup>S)-7,7-difluoro-8<sup>1</sup>-hydroxy-8<sup>3</sup>,8<sup>3</sup>,8<sup>5</sup>,8<sup>5</sup>-tetramethyl-2-oxa-1(3)-pyridina-4(5,3)-[1,2]oxazola-5(2,1)-pyrrolidina-8(1)-cyclohexanaoctaphan-6-one  
*rotamase inhibitor and vascular endothelial growth factor (VEGF) promotor*

sétafrastat

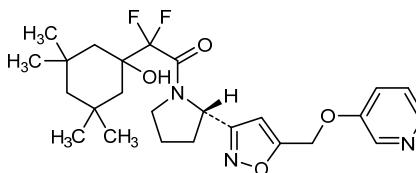
(5<sup>2</sup>S)-7,7-difluoro-8<sup>1</sup>-hydroxy-8<sup>3</sup>,8<sup>3</sup>,8<sup>5</sup>,8<sup>5</sup>-tétraméthyl-2-oxa-1(3)-pyridina-4(5,3)-[1,2]oxazola-5(2,1)-pyrrolidina-8(1)-cyclohexanaoctaphan-6-one  
*inhibiteur de la rotamase et promoteur du facteur de croissance de l'endothélium vasculaire*

setafrastat

(5<sup>2</sup>S)-7,7-difluoro-8<sup>1</sup>-hidroxi-8<sup>3</sup>,8<sup>3</sup>,8<sup>5</sup>,8<sup>5</sup>-tetrametil-2-oxa-1(3)-piridina-4(5,3)-[1,2]oxazola-5(2,1)-pirrolidina-8(1)-ciclohexanaoctafan-6-ona  
*inhibidor de la rotamasa y promotor del factor de crecimiento del endotelio vascular*

C<sub>25</sub>H<sub>33</sub>F<sub>2</sub>N<sub>3</sub>O<sub>4</sub>

1399715-48-0

**surufatinibum**

surufatinib

*N*-[2-(dimethylamino)ethyl]-1-[3-({4-[(2-methyl-1*H*-indol-5-yl)oxy]pyrimidin-2-yl}amino)phenyl]methanesulfonamide  
*tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic*

surufatinib

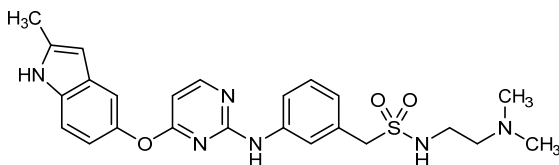
*N*-[2-(diméthylamino)éthyl]-1-[3-({4-[(2-méthyl-1*H*-indol-5-yl)oxy]pyrimidin-2-yl}amino)phényl]méthanesulfonamide  
*inhibiteur de tyrosine kinase, antinéoplasique*

surufatinib

*N*-[2-(dimetilamino)etil]-1-[3-({4-[(2-metil-1*H*-indol-5-il)oxi]pirimidin-2-il}amino)fenil]metanosulfonamida  
*inhibidor de tirosina kinasa, antineoplásico*

C<sub>24</sub>H<sub>28</sub>N<sub>6</sub>O<sub>3</sub>S

1308672-74-3



**sutimlimabum #**

sutimlimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* C1S (complement C1s, complement component 1 subcomponent s)], humanized and chimeric monoclonal antibody;  
 gamma4 heavy chain (1-445) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV3-23\*03 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (100%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4\*01 (CH1 (119-216), hinge S10>P (226) (217-228), CH2 L1.2>E (233) (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (118-445)], (132-216')-disulfide with kappa light chain chimeric (1'-216') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV4-74\*01 (82.5%)/*Homo sapiens* IGKV3D-7\*01 (78.1%) -*Homo sapiens* IGKJ2\*01 (100%)) [7.3.10] (1'-109') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (155), V101 (193) (110'-216')]; dimer (224-224":227-227")-bisdisulfide  
*immunomodulator*

sutimlimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* C1S (composant C1s, composant du complément 1 sous-composants)], anticorps monoclonal humanisé et chimérique;  
 chaîne lourde gamma4 (1-445) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-23\*03 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (100%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4\*01 (CH1 (119-216), charnière S10>P (226) (217-228), CH2 L1.2>E (233) (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (118-445)], (132-216')-disulfure avec la chaîne légère kappa chimérique (1'-216') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV4-74\*01 (82.5%)/*Homo sapiens* IGKV3D-7\*01 (78.1%) -*Homo sapiens* IGKJ2\*01 (100%)) [7.3.10] (1'-109') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (155), V101 (193) (110'-216')]; dimère (224-224":227-227")-bisdisulfure  
*immunomodulateur*

sutimlimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* C1S (componente C1s, componente de complemento 1 subcomponente s)], anticuerpo monoclonal humanizado y quimérico;  
 cadena pesada gamma4 (1-445) [humanizado VH (*Homo sapiens* IGHV3-23\*03 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (100%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4\*01 (CH1 (119-216), bisagra S10>P (226) (217-228), CH2 L1.2>E (233) (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (118-445)], (132-216')-disulfuro con la cadena ligera kappa quimérica (1'-216') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV4-74\*01 (82.5%)/*Homo sapiens* IGKV3D-7\*01 (78.1%) -*Homo sapiens* IGKJ2\*01 (100%)) [7.3.10] (1'-109') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (155), V101 (193) (110'-216')]; dímero (224-224":227-227")-bisdisulfuro  
*immunomodulador*

2049079-64-1

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS NYAMSWVRQA PGKGLEWVAT 50  
ISSGGSHTYY LDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TALYCARLF 100  
TGYAMDYWGQ GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PCSRSSTEST AALGLCVKDY 150  
FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTKTYT 200  
CNVDHKPSNT KVDKRVESKY GPPCPPCPAP EFEGGPSVFL FPPKPKDTLM 250  
ISRTLPEVTCV VVDVSQEDPE VQFNWYVDGV EVHNAKTQPR EEQFNSTYRV 300  
VSVLTVLHQD WLNGKEYKCK VSNKGLPSSI EKTISKAKGQ PREPQVYTL 350  
PSQEEMTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400  
SFFLYSRLTV DKSRWQEGNV FSCSVMEAL HNHYTQKSL LSLGK 445

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

QIVLTQSPAT LSLSPGERAT MSCTASSSVS SSYLHWYQQK PGKAPKLWIY 50  
STSNLASGVP SRFSGSGSGT DYTLTISSLQ PEDFATYYCH QYRLPPITF 100  
GQGKLEIKR TVAAPSIFIF PPSDEQLKSG TASVVCLLNN FYPREAKVQW 150  
KVDNALQSGN SQESVTEQDS KDSTYSLST LTLSKADYEK HKVYACEVTH 200  
QGLSSPVTKS FNRGEC 216

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 259-319 365-423  
22"-96" 145"-201" 259"-319" 365"-423"

Intra-L (C23-C104) 23"-89" 136"-196"  
23"-89" 136"-196"

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 132-216" 132"-216"

Inter-H-H (h 8, h 11) 224-224" 227-227"

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

295, 295"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires  
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

tagraxofuspum #  
tagraxofusp

methionyl (1)-*Corynebacterium diphtheriae* toxin fragment  
(catalytic and transmembrane domains) (2-389, Q388R  
variant)-His390-Met391-human interleukin 3 (392-524,  
natural P399S variant) fusion protein, produced in  
*Escherichia coli*  
*antineoplastic*

tagraxofusp

méthionyl (1)-fragment de toxine de *Corynebacterium*  
*diphtheriae* (domaines catalytique et transmembranaire)  
(2-389, variant Q388R )-His390-Met391-interleukine 3  
humaine (392-524, variant P399S naturel) protéine de  
fusion, produite par *Escherichia coli*  
*antineoplasique*

tagraxofusp

metionil (1)-fragmento de toxina de *Corynebacterium*  
*diphtheriae* (dominios catalíticos y transmembranarios) (2-  
389, variante Q388R )-His390-Met391-interleukina 3  
humana (392-524, variante P399S natural) proteína de  
fusión, producida por *Escherichia coli*  
*antineoplásico*

2055491-00-2

MGADDVVDSS KSFVMENFSS YHGTPKGYVD SIQKGIQKPK SGTQGNYYDD 50  
WKGFYSTDNK YDAAAGYSVDN ENPLSGKAGG VVKVTPYGLT KVLALKVDNA 100  
ETIKKELGLS LTEPLMEQVG TEEFIKRFGD GASRVVLSLP FAEGSSSVEY 150  
INNWEQAKAL SVELEINFET RGRKGQDAMY EYMAQACAGN RVRRSVGSSL 200  
SCINLDWDVI RDKTKTKIES LKEHGPPIKNK MSESPPNKTVS EEKAKQYLEE 250  
FHTALEHPE LSELKTVTGT NPVFAGANYA AWAVNVAQVI DSETADNLEK 300  
TTAALSILPG IGSVMGIADG AVHHNTEIEIV AQSIALLSSLM VAQAIPLVGE 350  
LVDIGFAAYN FVESIINLFQ VVHNSYNRPA YSPGHKTRPH MAPMTQTSSL 400  
KTSWVNCSNM IDEIITHLKQ PPLPLLDENN LNAGEDQDILM ENNLRRPNLE 450  
AFNRAVKSQ NASAIESILK NLLPLCLPIAT AAPTRHPIHI KGDWNEFR 500  
KLTFYKLTLE NAQAQQTTLS LAIF 524

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro  
187-202 407-475

**tavokinogenum telseplasmidum #**

tavokinogene telseplasmid

a DNA plasmid containing genes coding for the human interleukin 12 (IL-12) p35 and p40 subunits that are separated by an internal ribosomal entry site (IRES) and under the control of a single cytomegalovirus (CMV) promoter  
*gene therapy substance (antineoplastic)*

tavokinogène telseplasmide

ADN plasmidique contenant les gènes codant pour les sous-unités p35 et p40 de l'interleukine 12 (IL-12) séparés par un site d'entrée interne du ribosome (IRES) et sous le contrôle d'un promoteur de cytomégalovirus (CMV) unique  
*substance de thérapie génique (antineoplasique)*

tavokinogén telseplásmido

un DNA plasmídico que contiene genes que codifican para las subunidades p35 y p40 de la interleukina 12 (IL-12) que están separados por un sitio de entrada ribosómico interno (IRES) y bajo el control de un único promotor de citomegalovirus (CMV)  
*sustancia de terapia génica (antineoplásico)*

1971880-37-1

**tebentafuspum #**

tebentafusp

soluble engineered human T cell receptor, dimer of alpha and beta chains, fused at the beta chain, via a linker (254-258), to a humanized immunoglobulin single-chain variable fragment anti-(human CD3), produced in *Escherichia coli*: IG-scFv-TR-BETA (1-500) [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-33\*01 (87.2%) -IGKJ1\*01 (100%)) [6.3.9] (1-107) -24-mer tetra(tetraglycyl-seryl)-triglycylseryl linker (108-131) -humanized VH (*Homo sapiens* IGHV3-66\*01 (76.8%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (93.3%)) [8.8.15] (132-253) -5-mer tetraglycyl-seryl linker(254-258) -*Homo sapiens* V-BETA (TRBV19\*01 (95.7%) -(TRBD) -TRBJ2-7 (100%)) [5.6.11] (259-370) -*Homo sapiens* C-BETA (TRBC2\*01 EX1 1.7-125, EX2 1 (97.7%) S79>C (427), C85.1>A (445), N97>D (459)) (371-500)], disulfide (427-157')with TR-ALPHA chain (1'-195') [*Homo sapiens* V-ALPHA (TRAV17\*01 (98.9%) -TRAJ29\*01 (100%)) [5.7.9](1'-109') -C-ALPHA (TRAC\*01 EX1 1.3-119, N1.2>K (113), T84>C (157) (97.6%)) (110'-195')] ]  
*immunomodulator, antineoplastic*

tébentafusp

récepteur des lymphocytes T humain modifié pour être soluble, dimère des chaînes alpha et bêta, fusionné sur la chaîne bêta, via un linker (254-258), au fragment de la chaîne unique variable de l'immunoglobuline humanisée anti-(CD3 humain), produit par *Escherichia coli*:

IG-scFv-TR-BETA (1-500) [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV3-33\*01 (87.2%) -IGKJ1\*01 (100%)) [6.3.9] (1-107) -24-mer tétra(tétraglycyl-séryl)-triglycylséryl linker (108-131) -VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-66\*01 (76.8%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (93.3%)) [8.8.15] (132-253) -5-mer tétraglycyl-séryl linker (254-258) -*Homo sapiens* V-BETA (TRBV19\*01 (95.7%) -(TRBD) -TRBJ2-7 (100%)) [5.6.11] (259-370) -*Homo sapiens* C-BETA (TRBC2\*01 EX1 1.7-125, EX2 1 (97.7%) S79>C (427), C85.1>A (445), N97>D (459)) (371-500)], disulfide (427-157') avec la chaîne TR-ALPHA (1'-195') [*Homo sapiens* V-ALPHA (TRAV17\*01 (98.9%) -TRAJ29\*01 (100%)) [5.7.9](1'-109') -C-ALPHA (TRAC\*01 EX1 1.3-119, N1.2>K (113), T84>C (157) (97.6%)) (110'-195')] *immunomodulateur, antinéoplasique*

tebentafusp

receptor de linfocitos T humanos modificado por ser soluble, heterodímero de las cadenas alfa y beta, fusionadas en la cadena beta, a través de un enlace (254-258), con el fragmento de la cadena única variable de la inmunoglobulina humanizada anti-(CD3 humano), producido por *Escherichia coli*:

IG-scFv-TR-BETA (1-500) [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV3-33\*01 (87.2%) -IGKJ1\*01 (100%)) [6.3.9] (1-107) -24-mer tetra(tetraglicil-seril)-triglicilseril ligando (108-131) -VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV3-66\*01 (76.8%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (93.3%)) [8.8.15] (132-253) -5-mer tetraglicil-seril ligando (254-258) -*Homo sapiens* V-BETA (TRBV19\*01 (95.7%) -(TRBD) -TRBJ2-7 (100%)) [5.6.11] (259-370) -*Homo sapiens* C-BETA (TRBC2\*01 EX1 1.7-125, EX2 1 (97.7%) S79>C (427), C85.1>A (445), N97>D (459)) (371-500)], disulfuro (427-157') con la cadena TR-ALPHA (1'-195') [*Homo sapiens* V-ALPHA (TRAV17\*01 (98.9%) -TRAJ29\*01 (100%)) [5.7.9](1'-109') -C-ALPHA (TRAC\*01 EX1 1.3-119, N1.2>K (113), T84>C (157) (97.6%)) (110'-195')] *immunomodulador, antineoplásico*

1874157-95-5

TCR alpha chain / Chaîne alpha TCR / Cadena alfa TCR

AQQGEEDPQA LSIQEGENAT MNCSYKTSIN NLQWYRQNSG RGLVHLILIR 50  
 SNEREKHSGR LRVTLDTSKK SSSLITASR AADTASYFCA TDGSTFMQFG 100  
 KGTRLSVIAN IQKPDPAVYQ LRDSKSSDKS VCLTFDFDSQ TNVSQSKSDS 150  
 VYITDKCVLD MRSMDFKSNs AVAWSNKSDf ACANAFNNSI IPEDT 195

Anti-CD3 scFv - TCR beta chain fusion / Anti-CD3 scFv - chaîne bêta TCR /

Anti-CD3 scFv - cadena beta TCR

AIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCRASQDIR NYLNWYQQK QKAPKLLIYY 50  
 TSRLESQVPS RFSGSGSGTD YTLTISSLQP EDFATYYCQQ GNTLPWTFGQ 100  
 GTKVEIKGGG GSGGGGSGGG GSGGGGSGGG SEVQLVESGG GLVQPGGSLR 150  
 LSCAASGYSF TGYTMNWRVQ APGKGLEWVA LINPYKGVST YNQKFKDRFT 200  
 ISVDKSKNTA YLQMNLSRAE DTAIVYCARs GYGDSDWYF DVWGQGLTVT 250  
 VSSGGGSGDG GITQSPKYLE RKEGQNVTLs CEQNLNHDAM YWYRQDPGQG 300  
 LRLIYYSWAQ GDFQKGDIAE GYSVSREKKE SFPLTVTSAQ KNPTAFYLCA 350  
 SSWGAPYEQY FGPGRRLTVT EDLKNVFPPE VAVFEPSEAE ISHTQKATLV 400  
 CLATGFYPDH VELSWWVNGK EVHSGVCTDP QPLKEQPALN DSRVALSSRL 450  
 RVSATFWQDP RNHFRCQVQF YGLSENDEWT QDRAPVYTI VSAEAWGRAD 500

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Inter-chain: alpha chain C157 - beta chain C427

Intra-chain:

TCR alpha chain: 23-89 132-182  
 scFv-TCR beta chain fusion: 23-88 153-227 281-349 401-466

 $\alpha 1$ - $\alpha 195$  = engineered T cell receptor (TCR)  $\alpha$  chain fragment $\beta 1$ - $\beta 107$  =  $\kappa$  light chain fragment V-KAPPA (IGKV1-12 IGKJ1\*01) $\beta 108$ - $\beta 131$  = artificial 24 aa peptide linker (G4S)<sub>4</sub>(G3S) $\beta 132$ - $\beta 253$  = heavy chain fragment VH (IGHV3-71 IGHJ2\*01) $\beta 254$ - $\beta 258$  = artificial 5 aa peptide linker G4S $\beta 259$ - $\beta 500$  = engineered T cell receptor (TCR)  $\beta$  chain fragment

**tegavivintum**

tegavivint

{2,7-bis[(3*R*,5*S*)-3,5-dimethylpiperidine-1-sulfonyl]anthracene-9,10-diylidene}bis(hydroxylamine)  
*Wnt pathway inhibitor, antineoplastic*

tégavivint

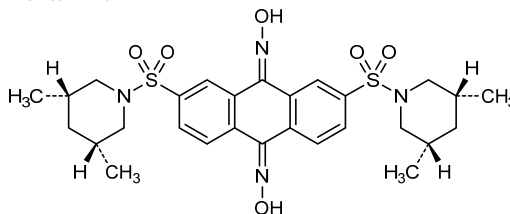
{2,7-bis[(3*R*,5*S*)-3,5-diméthylpipéridine-1-sulfonyl]anthracène-9,10-diylidène}bis(hydroxylamine)  
*inhibiteur de la voie Wnt, antinéoplasique*

tegavivint

{2,7-bis[(3*R*,5*S*)-3,5-dimetilpiperidina-1-sulfonyl]antraceno-9,10-diilideno}bis(hidroxilamina)  
*inhibidor de la vía Wnt, antineoplásico*

C<sub>28</sub>H<sub>36</sub>N<sub>4</sub>O<sub>6</sub>S<sub>2</sub>

1227637-23-1

**telratolimodum**

telratolimod

*N*-{4-[(4-amino-2-butyl-1*H*-imidazo[4,5-*c*]quinolin-1-yl)oxy]butyl}octadecanamide  
*immunomodulator, antineoplastic*

telratolimod

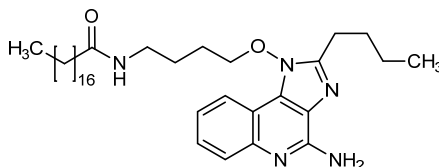
*N*-{4-[(4-amino-2-butyl-1*H*-imidazo[4,5-*c*]quinoléin-1-yl)oxy]butyl}octadécanamide  
*immunomodulateur, antinéoplasique*

telratolimod

*N*-{4-[(4-amino-2-butyl-1*H*-imidazo[4,5-*c*]quinolein-1-il)oxi]butil}octadecanamida  
*immunomodulador, antineoplásico*

C<sub>36</sub>H<sub>59</sub>N<sub>5</sub>O<sub>2</sub>

1359993-59-1

**tengonerminum #**

tengonermin

human tumor necrosis factor (7-163) fused at the N-terminus to a peptide (1-6) ligand of the human CD13 antigen, trimer, produced in *Escherichia coli*; L-cysteiny-L-asparaginyglycyl-L-arginyl-L-cysteinyglycyl (1-6, CNGRCG, ligand of the human CD13 antigen)-human tumor necrosis factor soluble form (7-163), non-covalent trimer, produced in *Escherichia coli*  
*antineoplastic*

tengonermine      facteur de nécrose tumorale humain (7-163), fusionné sur la partie N-terminale, à un peptide (1-6), se liant à l'antigène CD13 humain, trimère, produit dans *Escherichia coli*;  
L-cystéinyl-L-asparaginylglycyl-L-arginyl-L-cystéinylglycyl (1-6, CNGRCG, se liant à l'antigène CD13 humain)-forme soluble du facteur de nécrose tumorale humain (7-163), trimère non covalent, produit dans *Escherichia coli antinéoplasique*

tengonermina      factor de necrosis tumoral humano (7-163), fusionado en el extremo N-terminal, a un péptido (1-6), unido al antígeno CD13 humano, trimero, producido en *Escherichia coli*;  
L-cisteinil-L-asparaginilglicil-L-arginil-L-cisteinilglicil (1-6, CNGRCG, unido al antígeno CD13 humano)-forma soluble del factor de necrosis tumoral humano (7-163), trimero no covalente, producido en *Escherichia coli antineoplásico*

1960461-99-7

CNGRCGVRSS SRTPSDKPVA HVVANPQAEQ QLQWLNRRAN ALLANGVELR 50  
DNQLVVPSEG LYLIYSQVLF KGQGCPSHIV LLTHTISRIA VSYQTKVNLL 100  
SAIKSPCQRE TPEGAEAKFW YEPIYLGGVF QLEKGDRLSA EINRPDYLDF 150  
AESGQVYFGI IAL 163

Disulfide bridges locations / Positions des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro  
Intra-chain: 1-5 75-107

**tepilamidi fumaras**  
tepilamide fumarate

2-(diethylamino)-2-oxoethyl and methyl (2*E*)-but-2-enedioate  
*anti-inflammatory*

fumarate de tépilamide

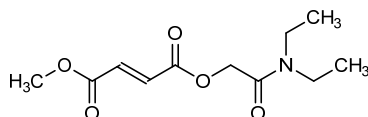
(2*E*)-but-2-enedioate de 2-(diéthylamino)-2-oxoéthyle et de méthyle  
*anti-inflammatoire*

fumarato de tepilamida

(2*E*)-but-2-enedioato de 2-(dietilamino)-2-oxoetilo y de metilo  
*antiinflamatorio*

C<sub>11</sub>H<sub>17</sub>NO<sub>5</sub>

1208229-58-6



**tepoditamabum #**

## tepoditamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLEC12A (C-type lectin domain family 12 member A, dendritic cell-associated lectin 2, DCAL-2, myeloid inhibitory C-type lectin-like receptor, MICL, CD371) and anti-[*Homo sapiens* CD3 epsilon (CD3E, Leu-4)], human monoclonal antibody, bispecific;

gamma1 heavy chain anti-CLEC12A (1-447) [*Homo sapiens* VH (IGHV1-46\*01 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (93.3%)) [8.8.11] (1-118) - *Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3 nG1m1 (CH1 R120 (215) (119-216), hinge (217-231), CH2 [L1.2>G (236), G1.1>R (237)] (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) [L7>D (352), L24>E (369)] (342-446), CHS K2>del (447)) (119-447)]; (221-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-39\*01 (100.00%) -IGKJ1\*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191)(108'-214')];

gamma1 heavy chain anti-CD3E (1"-447") [*Homo sapiens* VH (IGHV3-33\*01 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ5\*02 (100%)) [8.8.11] (1"-118") -*Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3 nG1m1 (CH1 R120 (215) (119-216), hinge (217-231), CH2 [L1.2>G (236), G1.1>R (237)] (232-341), CH3 [L7>K (352), T22>K (367)] (342-446), CHS K>del (447)) (119"-447")], (221"-214'")-disulfide with kappa light chain (1'"-214'") [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-39\*01 (100%) -IGKJ1\*01 (100%)) [6.3.9] (1'"-107'") - *Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191)(108'"-214'")]; dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide  
*immunomodulator, antineoplastic*

## tepoditamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLEC12A (membre A de la famille 12 domaine lectine de type C, lectine 2 associée aux cellules dendritiques, DCAL-2, récepteur lectine-like de type C inhibiteur myéloïde, MICL, CD371) et anti-[*Homo sapiens* CD3 epsilon (CD3E, Leu-4)], anticorps monoclonal humain, bispécifique;

chaîne lourde gamma1 anti-CLEC12A (1-447) [*Homo sapiens* VH (IGHV1-46\*01 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (93.3%)) [8.8.11] (1-118) - *Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3 nG1m1 (CH1 R120 (215) (119-216), charnière (217-231), CH2 [L1.2>G (236), G1.1>R (237)] (232-341), CH3 E12 (367), M14 (369) [L7>D (352), L24>E (369)] (342-446), CHS K2>del (447)) (119-447)]; (221-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-39\*01 (100.00%) -IGKJ1\*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];

chaîne lourde gamma1 anti-CD3E (1"-447") [*Homo sapiens* VH (IGHV3-33\*01 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ5\*02 (100%)) [8.8.11] (1"-118") -*Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3 nG1m1 (CH1 R120 (215) (119-216), charnière (217-231), CH2 [L1.2>G (236), G1.1>R (237)] (232-341), CH3 [L7>K (352), T22>K (367)] (342-446), CHS K>del (447)) (119"-447")], (221"-214'")-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'"-214'") [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-39\*01 (100%) -IGKJ1\*01 (100%)) [6.3.9] (1'"-107'") -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191)(108'"-214'")]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure  
*immunomodulateur, antinéoplasique*

## tepoditamab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLEC12A (miembro A de la familia 12 dominio lectina de tipo C, lectina 2 asociada con las células dendríticas, DCAL-2, semejante al receptor lectina de tipo C inhibidor mieloide, MICL, CD371) y anti-[*Homo sapiens* CD3 épsilon (CD3E, Leu-4)], anticuerpo monoclonal humano, biespecífico;

cadena pesada gamma1 anti-CLEC12A (1-447) [*Homo sapiens* VH (IGHV1-46\*01 (99.0%) -IGHD) -IGHJ4\*01 (93.3%)] [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3 nG1m1 (CH1 R120 (215) (119-216), bisagra (217-231), CH2 [L1.2>G (236), G1.1>R (237)] (232-341), CH3 E12 (367), M14 (369) [L7>D (352), L24>E (369)] (342-446), CHS K2>del (447)) (119-447)]; (221-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-39\*01 (100.00%) -IGKJ1\*01 (100%)] [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214'')]; gamma1 cadena pesada anti-CD3E (1"-447") [*Homo sapiens* VH (IGHV3-33\*01 (89.8%) -IGHD) -IGHJ5\*02 (100%)] [8.8.11] (1"-118") -*Homo sapiens* IGHG1\*03, G1m3 nG1m1 (CH1 R120 (215) (119-216), hinge (217-231), CH2 [L1.2>G (236), G1.1>R (237)] (232-341), CH3 [L7>K (352), T22>K (367)] (342-446), CHS K>del (447)) (119"-447'')], (221"-214'")-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'"-214'") [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV1-39\*01 (100%) -IGKJ1\*01 (100%)] [6.3.9] (1'"-107'") -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191)(108'"-214'')]; dímero (227-227'':230-230'')-bisdisulfuro

inmunomodulador, antineoplásico

2044679-53-8

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada anti-CLEC12A

```
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT SYVMHWVRQA PGQGLEWMGI 50
INPSGGSTSY AQKFQGRVTM TRDTSTSTVY MELSSLRSED TAVYYCAKGT 100
TGDWFDYWGQ GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKRVPEKS CDKTHTCPPC PAPELGRGPS VFLEPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TDPPSREEMT KNQVSLTCEV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPPVL 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPG 447
```

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada anti-CD3E

```
QVQLVQSGGG VVQPGRSRLR SCVASGFTFS SYGMHWVRQA PGKGLEWVAA 50
IWNARKQDY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMSNLRAED TAVYYCTRG 100
GYNWFDPPWQ GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKRVPEKS CDKTHTCPPC PAPELGRGPS VFLEPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TKPPSREEMT KNQVSLKCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPPVL 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPG 447
```

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCRASQSI SYLNWYQKPK GKAPKLLIYA 50
ASSLQSGVPS RFSGSGSGTD FTLTISLQP EDFATYYCQ SYSTPPTEFG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQNKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214
```

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426  
 22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"  
 Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'  
 23'"-88'" 134'"-194'"  
 Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-214' 221"-214"  
 Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

298, 298"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

**timbetasinum**

timbetasin

human thymosin beta-4, N-terminal acetylated :  
 3,11,25,31,38-pentakis(de-*N*<sup>6</sup>-acetyl)-1,22,30,33-tetrakis(de-*O*<sup>3</sup>-phosphono)thymosin β4 (human):  
*N*-acetyl-L-seryl-L-α-aspartyl-L-lysyl-L-prolyl-L-α-aspartyl-L-methionyl-L-alanyl-L-α-glutamyl-L-isoleucyl-L-α-glutamyl-L-lysyl-L-phenylalanyl-L-α-aspartyl-L-lysyl-L-seryl-L-lysyl-L-leucyl-L-lysyl-L-lysyl-L-threonyl-L-α-glutamyl-L-threonyl-L-glutamyl-L-α-glutamyl-L-lysyl-L-asparaginy-L-prolyl-L-leucyl-L-prolyl-L-seryl-L-lysyl-L-α-glutamyl-L-threonyl-L-isoleucyl-L-α-glutamyl-L-glutamyl-L-α-glutamyl-L-lysyl-L-glutamyl-L-alanylglycyl-L-α-glutamyl-L-serine  
*thymosin β4 analogue*

timbétasine

thymosine beta-4 humaine, acétylée en son extrémité N-terminale :  
 3,11,25,31,38-pentakis(dé-*N*<sup>6</sup>-acétyl)-1,22,30,33-tétrakis(dé-*O*<sup>3</sup>-phosphono)thymosine β4 (humaine):  
*N*-acétyl-L-séryl-L-α-aspartyl-L-lysyl-L-prolyl-L-α-aspartyl-L-méthionyl-L-alanyl-L-α-glutamyl-L-isoleucyl-L-α-glutamyl-L-lysyl-L-phénylalanyl-L-α-aspartyl-L-lysyl-L-séryl-L-lysyl-L-leucyl-L-lysyl-L-lysyl-L-thréonyl-L-α-glutamyl-L-thréonyl-L-glutamyl-L-α-glutamyl-L-lysyl-L-asparaginy-L-prolyl-L-leucyl-L-prolyl-L-séryl-L-lysyl-L-α-glutamyl-L-thréonyl-L-isoleucyl-L-α-glutamyl-L-glutamyl-L-α-glutamyl-L-lysyl-L-glutamyl-L-alanylglycyl-L-α-glutamyl-L-sérine  
*analogue de la thymosine β4*

timbetasina

timosina beta-4 humana, acetilada en su extremidad N-terminal :  
 3,11,25,31,38-pentakis(de-*N*<sup>6</sup>-acetil)-1,22,30,33-tetrakis(de-*O*<sup>3</sup>-fosfono)timosina β4 (humana):  
*N*-acetil-L-seril-L-α-aspartil-L-lisil-L-prolil-L-α-aspartil-L-metionil-L-alanil-L-α-glutamil-L-isoleucil-L-α-glutamil-L-lisil-L-fenilalanil-L-α-aspartil-L-lisil-L-seril-L-lisil-L-leucil-L-lisil-L-lisil-L-treonil-L-α-glutamil-L-treonil-L-glutaminil-L-α-glutamil-L-lisil-L-asparaginil-L-prolil-L-leucil-L-prolil-L-seril-L-lisil-L-α-glutamil-L-treonil-L-isoleucil-L-α-glutamil-L-glutaminil-L-α-glutamil-L-lisil-L-glutaminil-L-alanilglicil-L-α-glutamil-L-serina  
*análogo de la timosina β4*

C<sub>212</sub>H<sub>350</sub>N<sub>56</sub>O<sub>78</sub>S

77591-33-4

Sequence / Séquence / Secuencia

SDKPDMAEIE KFDKSKLKKT ETQKNPLPS KETIEQEKQA GES 43

Modified residue / résidu modifié / resto modificado

Ser-1 : *N*-acetyl-L-serine**tomivosertibum**

tomivosertib

6'-[(6-aminopyrimidin-4-yl)amino]-8'-methyl-2'-*H*-spiro[cyclohexane-1,3'-imidazo[1,5-*a*]pyridine]-1',5'-dione  
*antineoplastic*

tomivosertib

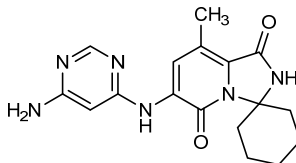
6'-[(6-aminopyrimidin-4-yl)amino]-8'-méthyl-2'-*H*-spiro[cyclohexane-1,3'-imidazo[1,5-*a*]pyridine]-1',5'-dione  
*antineoplasique*

tomivosertib

6'-[(6-aminopirimidin-4-il)amino]-8'-metil-2'-H-spiro[ciclohexano-1,3'-imidazo[1,5-a]piridina]-1',5'-diona  
*antineoplásico*

C<sub>17</sub>H<sub>20</sub>N<sub>6</sub>O<sub>2</sub>

1849590-01-7



trastuzumabum beta #

trastuzumab beta

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (epidermal growth factor receptor 2, receptor tyrosine-protein kinase erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], humanized monoclonal antibody;  
humanized gamma1 heavy chain (1-449) [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV3-66\*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (100%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1\*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), hinge (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K>del (449)) (121-449)], (223-214')-disulfide with humanized kappa light chain (1'-214') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39\*01 (86.3%) -IGKJ1\*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01 Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide  
*immunomodulator, antineoplastic*

trastuzumab bêta

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (récepteur 2 du facteur de croissance épidermique, récepteur tyrosine-protéine kinase erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticorps monoclonal humanisé;  
chaîne lourde gamma1 humanisée (1-449) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-66\*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (100%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1\*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), charnière (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K>del (449)) (121-449)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-39\*01 (86.3%) -IGKJ1\*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01 Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure  
*immunomodulateur, antinéoplasique*

trastuzumab beta

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (receptor 2 del factor de crecimiento epidérmico, receptor tirosina-proteína kinasa erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticuerpo monoclonal humanizado;

cadena pesada gamma1 humanizada (1-449) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV3-66\*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4\*01 (100%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1\*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (217) (121-218), bisagra (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K>del (449)) (121-449)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-39\*01 (86.3%) -IGKJ1\*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01 Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]]; dímero (229-229':232-232')-bisdisulfuro  
*inmunomodulador, antineoplásico*

1446410-98-5

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFNIK DTYIHWVRQA PGKLEWVAR 50
IYPTNGYTRY ADSVKGRTI SADTSKNTAY LQMSLRAED TAVYYCSWNG 100
GDGFYAMDYW GQGTILVTSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFFAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIK KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTRKQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTFPV 400
LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNNYT QKSLSLSPG 449
```

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS LSASVGRDVT ITCRASQDVN TAVAWYQQPK GKAPKLLIYS 50
ASFLYSGVPS RFGSGRSGTD FTLTISLQP EDFATYYCQQ HYTTPPTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSLTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214
```

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"  
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"  
23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223"-214" 223"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 229"-229" 232"-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación  
H CH2 N84.4:  
300, 300"

## Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires

complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

G0F predominant / prédominant / predominante, A1G0F (0.33 ± 0.05 %), A1G1F (0.35 ± 0.10 %)

**tricaprilinum**

tricaprilin

tricapriline

tricaprilina

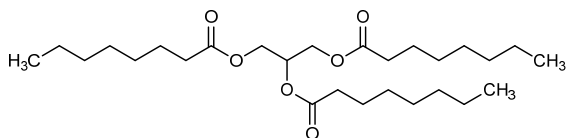
propane-1,2,3-triyl trioctanoate  
*triglyceride*

trioctanoate de propane-1,2,3-triyle  
*triglycérde*

trioctanoato de propano-1,2,3-triilo  
*triglicérdo*

C<sub>27</sub>H<sub>50</sub>O<sub>6</sub>

538-23-8



**umbralisibum**

umbralisib

2-[(1*S*)-1-{4-amino-3-[3-fluoro-4-(propan-2-yloxy)phenyl]-1*H*-pyrazolo[3,4-*d*]pyrimidin-1-yl}ethyl]-6-fluoro-3-(3-fluorophenyl)-4*H*-1-benzopyran-4-one  
*antineoplastic*

umbralisib

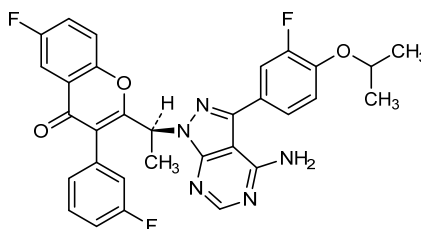
2-[(1*S*)-1-{4-amino-3-[3-fluoro-4-(propan-2-yloxy)phényl]-1*H*-pyrazolo[3,4-*d*]pyrimidin-1-yl}éthyl]-6-fluoro-3-(3-fluorophényl)-4*H*-1-benzopyran-4-one  
*antinéoplasique*

umbralisib

2-[(1*S*)-1-{4-amino-3-[3-fluoro-4-(propan-2-iloxi)fenil]-1*H*-pirazolo[3,4-*d*]pirimidin-1-il}etil]-6-fluoro-3-(3-fluorofenil)-4*H*-1-benzopiran-4-ona  
*antineoplásico*

C<sub>31</sub>H<sub>24</sub>F<sub>3</sub>N<sub>5</sub>O<sub>3</sub>

1532533-67-7

**upacicalcetum**

upacicalcet

(2*S*)-2-amino-3-[[[(3-chloro-2-methyl-5-sulfofenil)carbamoil]amino}propanoic acid  
*calcium-sensing receptor agonist*

upacicalcet

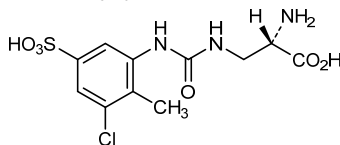
acide (2*S*)-2-amino-3-[[[(3-chloro-2-méthyl-5-sulfophényl)carbamoil]amino}propanoïque  
*agoniste des récepteurs sensibles au calcium*

upacicalcet

ácido (2*S*)-2-amino-3-[[[(3-cloro-2-metil-5-sulfofenil)carbamoil]amino}propanoico  
*agonista de los receptores sensibles al calcio*

C<sub>11</sub>H<sub>14</sub>ClN<sub>3</sub>O<sub>6</sub>S

1333218-50-0

**uproleselanum**

uproleselan

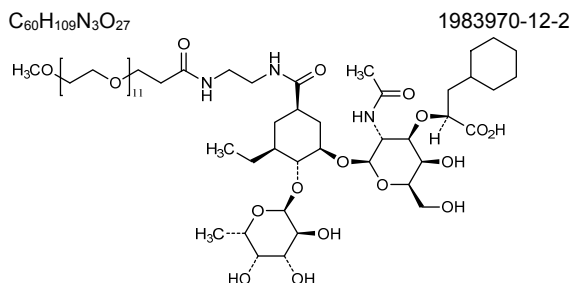
(2*S*)-2-{2-acetamido-2-deoxy-1-*O*-[(1*R*,2*R*,3*S*,5*R*)-2-[(6-deoxy-α-*L*-galactopyranosyl)oxy]-3-ethyl-5-(38-oxo-2,5,8,11,14,17,20,23,26,29,32,35-dodecaoxa-39,42-diazatritetracontan-43-oyl)cyclohexyl]-β-*D*-galactopyranos-3-*O*-yl}-3-cyclohexylpropanoic acid  
*antithrombotic, antineoplastic*

uprolésélan

acide (2S)-2-{2-acétamido-2-désoxy-1-O-[(1R,2R,3S,5R)-2-[(6-désoxy- $\alpha$ -L-galactopyranosyl)oxy]-3-éthyl-5-(38-oxo-2,5,8,11,14,17,20,23,26,29,32,35-dodécaoxa-39,42-diazatritétracontan-43-oyl)cyclohexyl]- $\beta$ -D-galactopyranos-3-O-yl]-3-cyclohexylpropanoïque  
*anti-thrombotique, antinéoplasique*

uprolesélan

ácido (2S)-2-{2-acetamido-2-desoxi-1-O-[(1R,2R,3S,5R)-2-[(6-desoxi- $\alpha$ -L-galactopiranosil)oxi]-3-etil-5-(38-oxo-2,5,8,11,14,17,20,23,26,29,32,35-dodecaoxa-39,42-diazatritetracontan-43-oi)ciclohexil]- $\beta$ -D-galactopiranos-3-O-il]-3-ciclohexilpropanoico  
*antitrombótico, antineoplásico*



**valanafuspum alfa #**  
 valanafusp alfa

anti-(human insulin receptor) immunoglobulin G1 (chimeric human-*Mus musculus*) fused on both heavy chains (1-443, 1"-443") to seryl-seryl (444-445, 444"-445")-human  $\alpha$ -L-iduronidase (IDUA) ((1-626) natural variant Gln6 (H452>Q)) (447-1072, 447"-1072"), produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells,  
 glycoform alfa:  
 gamma1 heavy chain fused to IDUA (1-1072) [*Mus musculus* VH (IGHV1S56\*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ3\*01 (93.3%)) [8.8.6] (1-113) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 K120 (210) (114-211), hinge (212-226), CH2 (227-336), CH3 D12 (352), L14 (354) (337-441), CHS K2>S (443) (442-443)) (114-443) -2-mer diseryl linker (444-445) -*Homo sapiens* IDUA, catalytic glutamates E182 (601), E299 (718) (446-1072)], (216-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV9-120\*01 (94.7%) -IGKJ1\*01 (91.7%), L9>M (104)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (222-222":225-225")-bisdisulfide  
*enzyme replacement therapy*

valanafusp alfa

immunoglobuline G1 (chimérique humaine-*Mus musculus*) anti-(récepteur à l'insuline humaine), fusionnée sur les deux chaînes lourdes (1-443, 1"-443") à séryl-séryl (444-445, 444"-444")- $\alpha$ -L-iduronidase humaine (IDUA) (Gln6 variant naturel (H452Q)), produite dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa:  
 chaîne lourde gamma1 fusionnée à l'IDUA (1-1072) [*Mus musculus* VH (IGHV1S56\*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ3\*01 (93.3%)) [8.8.6] (1-113) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 K120 (210) (114-211), charnière (212-226), CH2 (227-336), CH3 D12 (352), L14 (354) (337-441), CHS K2>S (443) (442-443)) (114-443) -2-mer diseryl linker (444-445) -*Homo sapiens* IDUA,

glutamates catalytiques E182 (601), E299 (718) (446-1072)], (216-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV9-120\*01 (94.7%) -IGKJ1\*01 (91.7%), L9>M (104)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (222-222'':225-225'')-bisdisulfure  
*traitement enzymatique substitutif*

valanafusp alfa

inmunoglobulina G1 (quimérica humana-*Mus musculus*) anti-(receptor de la insulina humana), fusionada con las diez cadenas pesadas (1-443, 1"-443") al seril-seril (444-445, 444"-444'')-α-L-iduronidasa humana (IDUA) ((1-626) Gln6 variante natural (H452Q)), producida en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofoma alfa:  
 cadena pesada gamma1 fusionada con la IDUA (1-1072) [*Mus musculus* VH (IGHV1S56\*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ3\*01 (93.3%)) [8.8.6] (1-113) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17.1 (CH1 K120 (210) (114-211), bisagra (212-226), CH2 (227-336), CH3 D12 (352), L14 (354) (337-441), CHS K2>S (443) (442-443)) (114-443) -2-mer ligante diseril (444-445) -*Homo sapiens* IDUA, glutamatos catalíticos E182 (601), E299 (718) (446-1072)], (216-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [*Mus musculus* V-KAPPA (IGKV9-120\*01 (94.7%) -IGKJ1\*01 (91.7%), L9>M (104)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (222-222'':225-225'')-bisdisulfuro  
*tratamiento enzimático de sustitución*

1815583-32-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLQSGPE LKPGALVKI SKKASGYTFT NYDIHWVKQR PGQGLEWIGW 50  
 IYFGDGSSTKY NEKFKGKATL TADKSSSTAY MHLSSLTSEK SAVIFCAREW 100  
 AYKQGGTLVT VSAASTKQPS VFPLAFSPKS TSGGTAALGC LKDYFFPEPV 150  
 TVSWNSGALT SCVHTPAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG TQTYICNNWH 200  
 KPSNTKVDKG VEPKSCDKTH TCPPCPAPEL LGGSPVFLFP PKPKDTLMIS 250  
 RTEPVTCCVV DVSHEDPEVK FNWYVDGVEV HNAKTPREE QYNSTYRVVS 300  
 VLTVLHQDWL NGKEYCKKVS NKALPAPIEK TISKAKGQPR EPQVYTLPPS 350  
 RDELTKNQVS LTCLVKGFYP SDIAVEWESN GQPNNNYKTT PPVLSDGGSF 400  
 FLYSKLTVDK SRWQGNVFS CSMHEALHN HYTKSLSLSG PGSSSEAPHL 450  
 VQVDAARALW PLRRFWRSTG FCPPLPHSQA QDYVLSWDQQ LNLAYVGAVP 500  
 HRGIKQVRTH WLLELVTTRG STGRGLSYNF THLDGYLDLL RENQLPGFE 550  
 LMGSASGHFT DFEDKQVFE WKDLVSSLAR RYIGRYGLAH VSKNWFETWN 600  
 EPDHHDFDNV SMTWQGFILNY YDACEGLRA ASPALRLGGP GDSFHTPPRS 650  
 PLSWGLLRHC HDGTNFFTGE AGVRLDYISL HRKGARSSIS ILEQEKVVAQ 700  
 QIRQLFPKFA DTPINDEAD PLVGWSLPQP WRADVTYAM VVKVIAQHON 750  
 LLLANTTSFA PYALLSNDNA FLSYHPHPEA QRTLTAREQV NNRTPPHVQL 800  
 LRKPVLTAMG LLALLDERQL WAEVSAQGTV LDSNHTVGVV ASAHRPQGPA 850  
 DAWRAAVLIY ASDDTTRAHPN RSVAVTLRLR GVPPGPGGLVY VTRYLDNGLC 900  
 SPDGEWRRLG RFVFTPAQGF RRMRAAEDPV AAAPRPLPAG GRLLRLPALR 950  
 LPSLLLVHVC ARPEKPPGQV TRLRALPLTQ GQLVLVWSDH HVGSKCLWTV 1000  
 EIQFSQDGKA YTPVSRKFST FNLVFSFSDT GAVSGSYRVR ALDYWARPGP 1050  
 FSDPVPYLEV FVPRGPPSPG NP 1072

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS LSASLGERVS LTCRASQDIG GNLYWLQGGP DGTIKRLIYA 50  
 TSSLDOSGVK RFGSGRSGSD YSLTISLLES EDFVYDYLQ YSSSPWTFQG 100  
 GTKMEIKRTV AAPSVEIFPP SDEQLKSGTA SYVCLLNHFY PREAKVQMKV 150  
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYKHKV VYACEVTHQG 200  
 LSSPVTKSFN RGEK 214

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 140-196 257-317 363-421  
 22"-96" 140"-196" 257"-317" 363"-421"  
 Intra-H (IDUA) 472-624 660-900 960-996  
 472"-624" 660"-900" 960"-996"  
 Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"  
 23'''-88''' 134'''-194'''  
 Inter-H-L (h 5-CL 126) 216-214' 216"-214"  
 Inter-H-H (h 11, h 14) 222-222" 225-225"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

HCH2 N84.4:293,293"  
 IDUA: 529, 609, 755, 791, 834, 870, 529", 609", 755", 791", 834", 870"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires  
 complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

**valemetostatum**

valemetostat

(2*R*)-7-chloro-2-[*trans*-4-(diméthylamino)cyclohexyl]-*N*-[(4,6-diméthyl-2-oxo-1,2-dihydropyridin-3-yl)méthyl]-2,4-diméthyl-1,3-benzodioxole-5-carboxamide  
*antineoplastic*

valémétostat

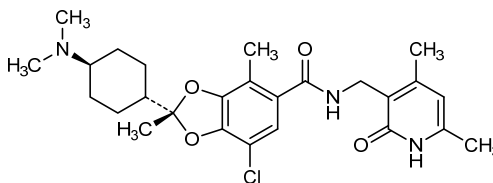
(2*R*)-7-chloro-2-[*trans*-4-(diméthylamino)cyclohexyl]-*N*-[(4,6-diméthyl-2-oxo-1,2-dihydropyridin-3-yl)méthyl]-2,4-diméthyl-1,3-benzodioxole-5-carboxamide  
*antinéoplasique*

valemestostat

(2*R*)-7-cloro-2-[*trans*-4-(dimetilamino)ciclohexil]-*N*-[(4,6-dimetil-2-oxo-1,2-dihidropiridin-3-il)metil]-2,4-dimetil-1,3-benzodioxol-5-carboxamida  
*antineoplásico*

C<sub>26</sub>H<sub>34</sub>ClN<sub>3</sub>O<sub>4</sub>

1809336-39-7

**vanalimabum #**

vanalimab

immunoglobulin G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* CD40 (tumor necrosis factor receptor superfamily member 5, TNFRSF5)], humanized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-449) [humanized VH (IGHV3-48\*01 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ1\*01 (100%)) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), hinge (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-216')-disulfide with lambda light chain (1'-217') [humanized V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-47\*02 (90.9%) -IGLJ3\*02 (100%)) [9.4.11] (1'-111') -*Homo sapiens* IGLC3\*04 (112'-217'')]; dimer (228-228'':231-231'')-bisdisulfide  
*immunomodulator, antineoplastic*

vanalimab

immunoglobuline G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* CD40 (membre 5 de la superfamille des récepteurs du TNF, TNFRSF5)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma1 (1-449) [VH humanisé (IGHV3-48\*01 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ1\*01 (100%)) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), charnière (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-216')-disulfure avec la chaîne légère lambda (1'-217') [V-LAMBDA humanisé (*Homo sapiens* IGLV1-47\*02 (90.9%) -IGLJ3\*02 (100%)) [9.4.11] (1'-111') -*Homo sapiens* IGLC3\*04 (112'-217'')]; dimère (228-228'':231-231'')-bisdisulfure  
*immunomodulateur, antinéoplasique*

vanalimab

inmunoglobulina G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* CD40 (miembro 5 de la superfamilia de los receptores del TNF, TNFRSF5)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 (1-449) [VH humanizado (IGHV3-48\*01 (86.7%) -IGHD) -IGHJ1\*01 (100%)] [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1\*01, G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), bisagra (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-216')-disulfuro con la cadena ligera lambda (1'-217') [V-LAMBDA humanizado (*Homo sapiens* IGLV1-47\*02 (90.9%) -IGLJ3\*02 (100%)] [9.4.11] (1'-111') -*Homo sapiens* IGLC3\*04 (112'-217')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro  
*inmunomodulador, antineoplásico*

2055640-86-1

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLLESQGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS TYGMHWVRQA PGKGLEWLSY 50
ISGGSSYIFY ADSVRGRFTI SRDENSEALY LQMNSLRAED TAVYYCARIL 100
RGGSGMDLWG QGTLVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPVAVLSQSSG LYSLSVTVV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN TKVDKKVEPK SCDKTHCTCP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTEP VTCVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLTV LQDNLNGKE YKCKVSNKAL PAPIETISK AKGQPREPQV 350
YITLPPSRDEL TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTPPPVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449
```

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
QSVLTQPPSA SGTGQQRVTI SCTGSSSNIG AGYNVVWYQQ LPGTAPKLLI 50
YGNINRPSGV PDRFSGSKSG TSASLAISGL RSEDEADYYC AAWDKSISGL 100
VFGGGTCLTV LGQPKAAPSV TLFPSSSEEL QANKATLVCL ISDFYPGAVT 150
VAWKADSSPV KAGVETTPPS KQSNKYAAS SYLSLTPEQW KSHRSYSCQV 200
THEGSTVEKT VAPTECS 217
```

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 263-323 369-427  
 22"-96" 146"-202" 263"-323" 369"-427"  
 Intra-L (C23-C104) 22"-90" 139'-198"  
 22"-90" 139"-198"  
 Inter-H-L (h 5-CL 126) 222'-216" 222"-216"  
 Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228" 231-231"

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

299, 299"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

viltolarsenum

viltolarsen

*all-P-ambo*-[2',3'-azanediyl-*P*,2',3'-trideoxy-*P*-  
 (dimethylamino)-2',3'-seco](2'-*N*→5')(CCTCCGGTTC  
 TGAAGGTGTT C)  
*stimulation of functional dystrophin synthesis*

viltolarsen

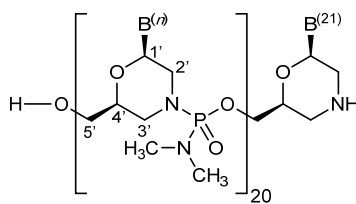
*tout-P-ambo*-[2',3'-azanediyl-*P*,2',3'-tridésoxy-*P*-  
 (diméthylamino)-2',3'-séco](2'-*N*→5')(CCTCCGGTTC  
 TGAAGGTGTT C)  
*stimulation de la synthèse de dystrophine fonctionnelle*

viltolarsén

*todo-P-ambo*-[2',3'-azanediil-*P*,2',3'-tridesoxi-*P*-  
 (dimetilamino)-2',3'-seco](2'-*N*→5')(CCTCCGGTTC  
 TGAAGGTGTT C)  
*estimulación de la síntesis de distrofina funcional*

C<sub>244</sub>H<sub>381</sub>N<sub>113</sub>O<sub>88</sub>P<sub>20</sub>

2055732-84-6



CCTCCGGTTC TGAAGGTGTT C

**vopratelimabum #**  
vopratelimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ICOS (inductible T-cell costimulatory, activation-inducible lymphocyte immunomediatory molecule, AILIM, CD278)], humanized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-447) [humanized VH (IGHV3-74\*01 (88.8%) - (IGHD) -IGHJ5\*01 (100%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1\*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (214) (118-215), hinge (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-218')-disulfide with kappa light chain (1'-218') [humanized V-KAPPA (IGKV4-1\*01 (84.2%) - IGKJ3\*01 (100%)) [10.3.9] (1'-111')] -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide  
*immunomodulator*

vopratélimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ICOS (costimulateur inductible du lymphocyte T, molécule immunomédiateur lymphocytaire inductible par activation, AILIM, CD278)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma1 (1-447) [VH humanisé (IGHV3-74\*01 (88.8%) - (IGHD) -IGHJ5\*01 (100%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1\*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (214) (118-215), charnière (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-218') [V-KAPPA humanisé (IGKV4-1\*01 (84.2%) - IGKJ3\*01 (100%)) [10.3.9] (1'-111')] -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure  
*immunomodulateur*

vopratelimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ICOS (coestimulador inducible del linfocito T, molécula inmunomediadora linfocitaria inducible por activación, AILIM, CD278)], anticuerpo monoclonal humanizado;

## vopratelimab

cadena pesada gamma1 (1-447) [VH humanizado (IGHV3-74\*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ5\*01 (100%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1\*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (214) (118-215), bisagra (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-218') [V-KAPPA humanizado (IGKV4-1\*01 (84.2%) -IGKJ3\*01 (100%)) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC\*01, Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro  
*inmunomodulador*

2039148-04-2

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS DYWMDWVRQA PGKGLVWVSN 50  
IDEDGSITEY SPFVKGRFTI SRDNAKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCTRWG 100  
RFGFDSWCQG TLTVVSSAST KGPSVFLEAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150  
PEPVTVSWSN GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVTVVPS SSLGTQTYIC 200  
NVNHKPSNTK VDKKVEPKSC DKTHTCPPCP APELLGGPSV FLFPPKPKDT 250  
LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNATK PREEQYNSTY 300  
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKISKAK GQPREPQVYT 350  
LPDSREEMTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTFPVLD 400  
DGSFFLYSKL TVDKSRWQGG NVFSCSVMEH ALHNHYTQKS LSLSPGK 447

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIVMTQSPDS LAVSLGERAT INCKSSQSLI SGFSNYLTWY QKPGQPPKL 50  
LIFYASTRHT GVPDRFSGSG SGTDFLTITIS SLQAEDVAVY YCHHHYNAPP 100  
TFGPGTKVDI KRTVAAPSVE IFPPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFYPREAKV 150  
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLT STLTLSKADY EKHVVYACEV 200  
THQGLSSPVT KSFNRGEC 218

## Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 144-200 261-321 367-425  
22"-96" 144"-200" 261"-321" 367"-425"

Intra-L (C23-C104) 23"-92" 138"-198"  
23'''-92''' 138'''-198'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 220-218' 220"-218"

Inter-H-H (h 11, h 14) 226-226" 229-229"

## N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

297, 297"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires

complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping: H CHS K2: 447, 447"

## zilucoplanum

## zilucoplan

*N*<sup>2</sup>-acetyl-L-lysyl-L-valyl-L-α-glutamyl-L-arginyl-L-phenylalanyl-L-α-aspartyl-*N*-methyl-L-α-aspartyl-3-methyl-L-valyl-L-tyrosyl-3-(1*H*-pyrrolo[2,3-*b*]pyridin-3-yl)-L-alanyl-L-α-glutamyl-L-tyrosyl-L-prolyl-(2*S*)-2-cyclohexylglycyl-*N*<sup>6</sup>-(3-{ω-[(*N*-hexadecanoyl-L-γ-glutamyl)amino]tetracosakis(oxyethylene)-α-yl}propanoyl)-L-lysine (6→1<sup>6</sup>)-lactam  
*complement C5 inhibitor*

## zilucoplan

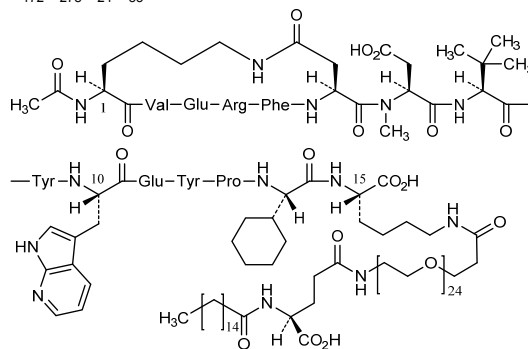
*N*<sup>2</sup>-acétyl-L-lysyl-L-valyl-L-α-glutamyl-L-arginyl-L-phénylalanyl-L-α-aspartyl-*N*-méthyl-L-α-aspartyl-3-méthyl-L-valyl-L-tyrosyl-3-(1*H*-pyrrolo[2,3-*b*]pyridin-3-yl)-L-alanyl-L-α-glutamyl-L-tyrosyl-L-prolyl-(2*S*)-2-cyclohexylglycyl-*N*<sup>6</sup>-(3-{ω-[(*N*-hexadécanoyl-L-γ-glutamyl)amino]tétracosakis(oxyéthylène)-α-yl}propanoyl)-L-lysine (6→1<sup>6</sup>)-lactam  
*inhibiteur du facteur C5 du complément*

zilucoplán

*N*<sup>2</sup>-acetil-L-lisil-L-valil-L-α-glutamil-L-arginil-L-fenilalanil-L-α-aspartil-*N*-metil-L-α-aspartil-3-metil-L-valil-L-tirosil-3-(1*H*-pirrolo[2,3-*b*]piridin-3-il)-L-alanil-L-α-glutamil-L-tirosil-L-proilil-(2*S*)-2-ciclohexilglicil-*N*<sup>6</sup>-(3-{ω-[(*N*-hexadecanoil-L-γ-glutamil)amino]tetracosakis(oxietileno)-α-yl}propanoil)-L-lisina (6→1<sup>6</sup>)-lactam  
*inhibidor del factor C5 de complemento*

C<sub>172</sub>H<sub>278</sub>N<sub>24</sub>O<sub>55</sub>

1841136-73-9



# Electronic structure available on Mednet: <http://mednet.who.int/>

# Structure électronique disponible sur Mednet: <http://mednet.who.int/>

# Estructura electrónica disponible en Mednet: <http://mednet.who.int/>

\* <http://www.who.int/medicines/services/inn/publication/en/>

**AMENDMENTS TO PREVIOUS LISTS  
MODIFICATIONS APPORTÉES AUX LISTES ANTÉRIEURES  
MODIFICACIONES A LAS LISTAS ANTERIORES**

**Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 85**  
**Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 85**  
**Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 85**  
**(WHO Drug Information, Vol. 15, No. 2, 2001)**

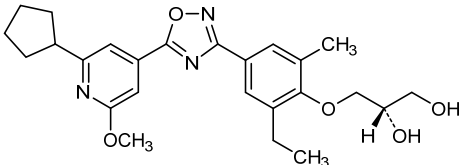
|       |                      |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                       |
|-------|----------------------|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| p. 98 | <b>alicaforsenum</b> |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                       |
|       | alicaforsen          | <i>replace the chemical name and the molecular formula by the following ones</i>                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                      |
|       | alicaforsen          | <i>remplacer le nom chimique et la formule moléculaire brute par les suivants</i>                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                     |
|       | alicaforsén          | <i>sustitúyase el nombre químico y la fórmula molecular por los siguientes</i>                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                        |
|       |                      | <i>all-P-(R)-2'-deoxy-P-thioguanylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thiocytidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxyadenosine</i>                 |
|       |                      | <i>tout-P-(R)-2'-désoxy-P-thioguanylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thiocytidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxyadénosine</i> |
|       |                      | <i>todo-P-(R)-2'-desoxi-P-tioguaniilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguaniilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tiocitidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguaniilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguaniilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguaniilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxiadenosina</i>                 |

C<sub>192</sub>H<sub>244</sub>N<sub>75</sub>O<sub>98</sub>P<sub>19</sub>S<sub>19</sub>

**Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 109**  
**Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 109**  
**Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 109**  
*(WHO Drug Information, Vol. 27, No 2, 2013)*

- p. 174 **patisiranum**  
 patisiran  
 patisiran  
 patisirán
- replace the molecular formula by the following one*  
*remplacer la formule moléculaire brute par la suivante*  
*sustitúyase la fórmula molecular por la siguiente*
- $C_{412}H_{520}N_{148}O_{290}P_{40}$

**Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 113**  
**Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 113**  
**Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 113**  
*(WHO Drug Information, Vol. 29, No 2, 2015)*

- p. 207 **cenerimodum**  
 cenerimod  
 cénérimod  
 cenerimod
- replace the structure by the following one*  
*remplacer la structure par la suivante*  
*sustitúyase la estructura por la siguiente*
- 

**Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 115**  
**Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 115**  
**Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 115**  
*(WHO Drug Information, Vol. 30, No. 2, 2016)*

- |            |                                   |                                 |
|------------|-----------------------------------|---------------------------------|
| p. 316-317 | <i>delete/supprimer/suprimáse</i> | <i>insert/insérer/insertese</i> |
|            | <b>tavolixizumabum</b>            | <b>tavolimabum</b>              |
|            | tavolixizumab                     | tavolimab                       |
|            | tavolixizumab                     | tavolimab                       |
|            | tavolixizumab                     | tavolimab                       |

**Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 117**  
**Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 117**  
**Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 117**  
**(WHO Drug Information, Vol. 31, No. 2, 2017)**

p. 275 **emiplacelum**

emiplacel  
 émiplacel  
 emiplacel

*replace the description by the following one*  
*remplacer la description par la suivante*  
*sustitúyase la descripción por la siguiente*

human culture expanded allogenic adherent mesenchymal-like stromal cells for cell-based therapy. Cells are derived of maternal origin from isolated placentae of healthy donors following a cesarean section. Cells express cell surface markers CD29, CD73, and CD105 and exhibit immunomodulatory, pro-angiogenic and muscle regeneration effects.

cellules mésenchymales adhérentes humaines allogéniques semblables au stroma, en culture d'expansion, pour thérapie cellulaire. Les cellules d'origine maternelle sont obtenues à partir du placenta de donneuses saines et vivantes suivant une césarienne. Les cellules expriment les marqueurs de surface CD29, CD73, and CD105 et montrent des propriétés immunomodulatrices et des effets pro-angiogéniques.

células adherentes mesenquimales similares al estroma alogénicas, humanas, expandidas en cultivo para terapia celular. Las células de origen maternal se derivan a partir de la placenta de donantes sanos vivos tras una sección por cesárea. Las células expresan los marcadores de superficie CD29, CD73 y D105, y muestran efectos inmunomoduladores y angiogénicos

p. 277 **fenebrutinibum**

fenebrutinib

*replace the chemical name and the CAS registry number by the following ones*

fénébrutinib

*remplacer le nom chimique et le numéro de registre du CAS par les suivants*

fenebrutinib

*sustitúyase el nombre químico y el número de registro del CAS por los siguientes*

(6<sup>2</sup>S)-2<sup>3</sup>-(hydroxymethyl)-1<sup>7</sup>,1<sup>7</sup>,3<sup>1</sup>,6<sup>2</sup>-tetramethyl-1<sup>3</sup>,1<sup>4</sup>,1<sup>7</sup>,1<sup>8</sup>-tetrahydro-4-aza-1(2)-cyclopenta[4,5]pyrrolo[1,2-a]pyrazina-6(1,4)-piperazina-2(2,4),3(3,5),5(2,5)-tripyridina-7(3)-oxetanaheptaphane-1<sup>1</sup>(1<sup>6</sup>H),3<sup>6</sup>(3<sup>1</sup>H)-dione

(6<sup>2</sup>S)-2<sup>3</sup>-(hydroxyméthyl)-1<sup>7</sup>,1<sup>7</sup>,3<sup>1</sup>,6<sup>2</sup>-tétraméthyl-1<sup>3</sup>,1<sup>4</sup>,1<sup>7</sup>,8<sup>8</sup>-tétrahydro-4-aza-1(2)-cyclopenta[4,5]pyrrolo[1,2-*a*]pyrazina-6(1,4)-pipérazina-2(2,4),3(3,5),5(2,5)-tripyridina-7(3)-oxétanaheptaphane-1<sup>1</sup>(1<sup>6</sup>H),3<sup>6</sup>(3<sup>1</sup>H)-dione

(6<sup>2</sup>S)-2<sup>3</sup>-(hidroksimetil)-1<sup>7</sup>,1<sup>7</sup>,3<sup>1</sup>,6<sup>2</sup>-tetrametil-1<sup>3</sup>,1<sup>4</sup>,1<sup>7</sup>,1<sup>8</sup>-tetrahidro-4-aza-1(2)-ciklopenta[4,5]pirrolo[1,2-a]pirazina-6(1,4)-piperazina-2(2,4),3(3,5),5(2,5)-tripiridina-7(3)-oketanaheptafano-1<sup>1</sup>(1<sup>6</sup>H),3<sup>6</sup>(3<sup>1</sup>H)-diona

1434048-34-6

p. 294

## lonapegsomatropinum #

lonapegsomatropin

lonapegsomatropine

lonapegsomatropina

*replace the structure by the following one*

remplacer la structure par la suivante

*sustitúyase la estructura por la siguiente*

Sequence / Séquence / Secuencia

|            |             |            |            |            |     |
|------------|-------------|------------|------------|------------|-----|
| FPTIPLSRFL | DNAMLRHRL   | HQLAFDTYQE | FEEAYIPKEQ | KYSFLQNPQT | 50  |
| SLCFSESIPT | PSNREETQQK  | SNLELLRISL | LLIQSWLEPV | QFLRSVFANS | 100 |
| LVDGASDSNV | YDLLKDLLEEG | IKTLMGRLED | GSPRTGQIFK | QTSKFDTNS  | 150 |
| HNNDALLKNY | GLLYCFERKDM | DQVLEFLRLV | OCRSVEGSCG | F          | 191 |

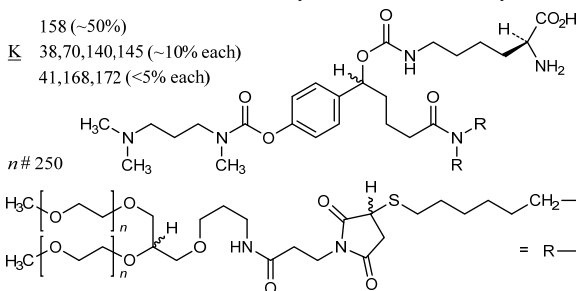
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posición de los puentes disulfuro  
53-165 182-189

Potential modified residues / Résidus modifiés potentiels / Restos modificados potenciales

158 (~50%)

K 38,70,140,145 (~10% each)

41,168,172 (<5% each)



p. 317

**plocabulinum**

plocabulin

plocabuline

plocabulina

replace the CAS registry number by the following one

remplacer le numéro de registre du CAS par le suivant

sustitúyase el número de registro del CAS por el siguiente

960210-99-5

p. 357 **zenocutuzumabum #**zenocutuzumab  
zénocutuzumab  
zenocutuzumab*replace the structure by the following one*  
*remplacer la structure par la suivante*  
*sustitúyase la estructura por la siguiente*

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-ERBB3)

QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT GYYMHWVRQA PGQGLEWMGW 50  
 INPNSGGTNY AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRRLSDD TAVYVCARDH 100  
 GSRHFWSYWG FDYWGQGTLV TVSSASTKGP SVFPLAPSSK STSGGTALG 150  
 CLVKDYFPEP VTVSWNSGAL TSGVHTFPAV LQSSGLYSLS SVVTVPSSSL 200  
 GTQTYICNVN HKPSNTKVDK RVEPKSCDKT HTCPCCPAPE LGGGPSVFLF 250  
 PPKPKDTLMI SRTPEVTCVV VDVSHEDPEV KFNWYVDGVE VHNAKTKPRE 300  
 EQYNSTYRVV SVLTVLHQDW LNGKEYKCKV SNKALPAPIE KTISKAKGQP 350  
 REPQVYTKFP SREEMTKNQV SLKCLVKGPY PSDIAVEWES NGQPENNYKT 400  
 TPPVLDSDGS FFLYSKLTVD KSRWQQGNVF SCSVMHEALH NHYTQKSLSL 450  
 SPG 453

## Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-ERBB2)

QVQLVQSGAE VKKPGASVKL SCKASGYTFT AYYINWVRQA PGQGLEWIGR 50  
 IYPGSGYTSY AQKFQGRATL TADESTSTAY MELSSLSRSD TAVYFCARPP 100  
 VYDSDAWFAY WQGGLTLVTS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150  
 KDYFPEFPTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ 200  
 TYICNVNHKP SNTKVDKRVK PKSCDKTHTC PPCPAPELLG GPSVFLFPPK 250  
 PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300  
 NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP 350  
 QVYTDPPSRE EMTRNQVSLT CEVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTPP 400  
 VLDSGGSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFSQS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG 450

## Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCRASQSI SYLNWYQQKPK GKAPKLLIYA 50  
 ASSLQSGVPS RFGSGSGSTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ SYSTPPTFCQ 100  
 GTKVEIKRTV AAPSVFIIPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWVK 150  
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYKHK VYACEVTHQG 200  
 LSSPVTKSFN RGEC 214

## Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 151-207 268-328 374-432  
 22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'  
 23'-88" 134'-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 227-214' 224"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 233-230" 236-233"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

304, 301"

Defucosylated ( $\geq 90\%$ ) complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO

bi-antennaires complexes défucosylés ( $\geq 90\%$ ) / glicanos de tipo CHO biantennarios  
 complejos defucosilados ( $\geq 90\%$ )

p. 362 **cannabidiolum**  
cannabinol*replace the action and use by the following one*  
*cannabinoid receptor agonist*

p. 364

**gatipotuzumabum #**

gatipouzumab  
 gatipotuzumab  
 gatipotuzumab

*replace the structure by the following one*  
*remplacer la structure par la suivante*  
*sustitúyase la estructura por la siguiente*

**Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada**

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFNIK DTYIHWRQA PGKGLEWVAR 50
IYPTNGYTRY ADSVKGRFTI SADTSKNTAY LQMNSLRAED TAVYYCSRWG 100
GDGFYAMDYV GQGTILVTYSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKHTTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSRDE LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
LSDSGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEGLNHYT QKSLSLSPGK 450
```

**Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera**

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCRASQDVN TAVAWYQQKP GKAPKLLIYS 50
ASFLYSGVPS RFGSGRSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ HYTTPTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214
```

**Post-translational modifications**

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96 147"-203 264"-324 370"-428  
 22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23"-88' 134'-194'  
 23'''-88''' 134'''-194'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223"-214' 223"-214'"

Inter-H-H (h 11, h 14) 229"-229" 232"-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 300"

Produced in a cell line glyco-engineered from human erythroleukemia (K562) cell line. Glycans are mostly biantennary complex glycans with <30% high mannose and high degree of galactosylation. They have >5% sialylated glycans, >50% fucosylation, >10% bisecting N-acetylglucosamine bearing glycans and no N-glycolylneuraminic acid. / Produit par une lignée cellulaire issue de cellules humaines d'érythroleucémie (K562) par glyco-ingénierie. Les glycanes sont principalement complexes bi-antennaires avec <30% de mannose de haut poids moléculaire et de haut degré de galactosylation. Ils contiennent >5% de glycanes sialylés, >50% de fucosylation, >10% de glycanes présentant des N-acétylglucosamines bisectionnées et pas d'acide N-glycolylneuraminique. / Producido en una línea celular derivada de una línea celular humana de eritroleucemia (K562) por glico-ingenería. Los glicanos son principalmente glicanos complejos biantenarios con <30% de manosas de alto peso molecular y alto grado de galactosilación. Contienen >5% de glicanos sialilados, >50% de fucosilación, >10% de glicanos que llevan N-acetilglucosaminas biseccionadas y ningún ácido N-glicolilneuramínico.

p. 366

**timigutuzumab #**

timigutuzumab

timigutuzumab

timigutuzumab

*replace the structure by the following one**remplacer la structure par la suivante**sustitúyase la estructura por la siguiente*

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada  
 EVQLVESGGG LVQPQGSRLR SCASGSENIK DTYIHWVRQA PGKGLEWVAR 50  
 IYPTNGYTRY ADSVKGRFTI SADTSKNTAY LQMNSLRAED TAVYYCSRWG 100  
 GDGFYAMDYW GGGTLTVTSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150  
 DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200  
 YICNVNHNKPS NTKVDKKEVP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250  
 KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300  
 STYRVVSVLT VLNQDNLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIIS KAKGQPREPQ 350  
 VITLPPSRDE LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPEV 400  
 LDSGGSFPLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEGLHNHYT QKSLSLSPGK 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera  
 DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCRASQDVN TAVAWYQQKP GKAPKLLIYS 50  
 ASFLYSGVPS RFGSGRSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ HYTPPTTFGQ 100  
 GTKVEIKRTV AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150  
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYKHK VYACEVTHGQ 200  
 LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications  
 Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22°-96° 147°-203° 264°-324° 370°-428°  
 22°-96° 147°-203° 264°-324° 370°-428°

Intra-L (C23-C104) 23°-88° 134°-194°  
 23°-88° 134°-194°

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223°-214° 223°-214°  
 Inter-H-H (h 11, h 14) 229°-229° 232°-232°

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación  
 H CH2 N84.4:  
 300, 300°

Produced in a cell line glyco-engineered from human erythroleukemia (K562) cell line. Glycans are mostly biantennary complex glycans with <30% high mannose and high degree of galactosylation. They have <40% sialylated glycans, <50% fucosylated glycans, <50% bisecting N-acetylglucosamine bearing glycans and no N-glycolylneuraminic acid. / Produit par une lignée cellulaire issue de cellules humaines d'érythroleucémie (K562) par glyco-ingénierie. Les glycanes sont principalement complexes bi-antennaires avec <30% de mannose de haut poids moléculaire et de haut degré de galactosylation. Ils contiennent <40% de glycanes sialylés, <50% de glycanes fucosylés, <50% de glycanes présentant des N-acétylglucosamines bisectionnées et pas d'acide N-glycolylneuraminique. / Producido en una línea celular derivada de una línea celular humana de eritroleucemia (K562) por glico-ingeniería. Los glicanos son principalmente glicanos complejos biantenaricos con <30% de manosas de alto peso molecular y alto grado de galactosilación. Contienen <40% de glicanos sialilados, <50% de fucosilación, <50% de glicanos que llevan N-acetilglucosaminas biseccionadas y ningún ácido N-glicolilneuramínico.

p. 367 **tomuzotuximabum #**  
 tomuzotuximab  
 tomuzotuximab  
 tomuzotuximab

*replace the structure by the following one*  
*remplacer la structure par la suivante*  
*sustitúyase la estructura por la siguiente*

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada  
 EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTIK DTYIHVVRQA PGKLEWVAR 50  
 IYPNGYTRY ADSVKGRTFI SADTSKNTAY LQMNSLRAD TAVYYCSRWG 100  
 GDGFYAMDYW GQGTLVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150  
 DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200  
 YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPPELLGG PSVFLFPPKF 250  
 KDTLMTSRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300  
 STYKRVSVLT VLHQDMLNGK EYKCKVSNKA LPAIEKTTIS KAKQCPREPO 350  
 VYTLPPSRDE LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400  
 LSDSGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEGLNHYT QKSLSLSPGK 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera  
 DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCRASQDVN TAVAWYQQKP GKAPKLLIYS 50  
 ASFLYSGVPS RFGSGRSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ HYTTPPTFGQ 100  
 GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150  
 DNALQSGNSQ ESFTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200  
 LSSPVTKSFN RGEC 214

#### Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428  
 22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"  
 Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"  
 23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-214' 223"-214"  
 Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación  
 H CH2 N84.4:  
 300, 300"

Produced in a cell line glyco-engineered from human erythroleukemia (K562) cell line. Glycans are mostly biantennary complex glycans with <30% high mannose and high degree of galactosylation. They have >5% sialylated glycans, <50% fucosylation, >10% bisecting N-acetylglucosamine bearing glycans and no N-glycolylneuraminic acid. / Produit par une lignée cellulaire issue des cellules humaines d'érythroleucémie (K562) par glyco-ingénierie. Les glycanes sont principalement complexes bi-antennaires avec <30% de mannose de haut poids moléculaire et de haut degré de galactosylation. Ils contiennent >5% de glycanes sialylés, <50% de fucosylation, >10% de glycanes présentant des N-acetylglucosamines bisectionnées et pas d'acide N-glycolylneuraminique. / Producido en una línea celular derivada de una línea celular humana de eritroleucemia (K562) por glyco-ingenería. Los glicanos son principalmente glicanos complejos biantenarios con <30% de manosas de alto peso molecular y alto grado de galactosilación. Contienen >5% de glicanos sialilados, <50% de fucosilación, >10% de glicanos que llevan N-acetilglucosaminas biseccionadas y ningún ácido N-glicolilneuramínico.

## ANNEX 1

**PROCEDURE FOR THE SELECTION OF RECOMMENDED INTERNATIONAL NONPROPRIETARY NAMES FOR PHARMACEUTICAL SUBSTANCES<sup>1</sup>**

The following procedure shall be followed by the World Health Organization (hereinafter also referred to as "WHO") in the selection of recommended international nonproprietary names for pharmaceutical substances, in accordance with resolution WHA3.11 of the World Health Assembly, and in the substitution of such names.

*Article 1* - Proposals for recommended international nonproprietary names and proposals for substitution of such names shall be submitted to WHO on the form provided therefore. The consideration of such proposals shall be subject to the payment of an administrative fee designed only to cover the corresponding costs of the Secretariat of WHO ("the Secretariat"). The amount of this fee shall be determined by the Secretariat and may, from time to time, be adjusted.

*Article 2* - Such proposals shall be submitted by the Secretariat to the members of the Expert Advisory Panel on the International Pharmacopoeia and Pharmaceutical Preparations designated for this purpose, such designated members hereinafter referred to as "the INN Expert Group", for consideration in accordance with the "General principles for guidance in devising International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances", annexed to this procedure<sup>2</sup>. The name used by the person discovering or first developing and marketing a pharmaceutical substance shall be accepted, unless there are compelling reasons to the contrary.

*Article 3* - Subsequent to the examination provided for in article 2, the Secretariat shall give notice that a proposed international nonproprietary name is being considered.

a) Such notice shall be given by publication in *WHO Drug Information*<sup>3</sup> and by letter to Member States and to national and regional pharmacopoeia commissions or other bodies designated by Member States.

i) Notice shall also be sent to the person who submitted the proposal ("the original applicant") and other persons known to be concerned with a name under consideration.

b) Such notice shall:

i) set forth the name under consideration;

ii) identify the person who submitted the proposal for naming the substance, if so requested by such person;

iii) identify the substance for which a name is being considered;

iv) set forth the time within which comments and objections will be received and the person and place to whom they should be directed;

v) state the authority under which WHO is acting and refer to these rules of procedure.

---

<sup>1</sup> See Annex 1 in WHO Technical Report Series, No. 581, 1975. The original text was adopted by the Executive Board in resolution EB15.R7 and amended in resolutions EB43.R9 and EB115.R4.

<sup>2</sup> See Annex 2.

<sup>3</sup> Before 1987, lists of international nonproprietary names were published in the *Chronicle of the World Health Organization*.

c) In forwarding the notice, the Secretariat shall request that Member States take such steps as are necessary to prevent the acquisition of proprietary rights in the proposed name during the period it is under consideration by WHO.

*Article 4* - Comments on the proposed name may be forwarded by any person to WHO within four months of the date of publication, under article 3, of the name in *WHO Drug Information*.

*Article 5* - A formal objection to a proposed name may be filed by any interested person within four months of the date of publication, under article 3, of the name in *WHO Drug Information*.

Such objection shall:

- i) identify the person objecting;
- ii) state his or her interest in the name;
- iii) set forth the reasons for his or her objection to the name proposed.

*Article 6* - Where there is a formal objection under article 5, WHO may either reconsider the proposed name or use its good offices to attempt to obtain withdrawal of the objection. Without prejudice to the consideration by WHO of a substitute name or names, a name shall not be selected by WHO as a recommended international nonproprietary name while there exists a formal objection thereto filed under article 5 which has not been withdrawn.

*Article 7* - Where no objection has been filed under article 5, or all objections previously filed have been withdrawn, the Secretariat shall give notice in accordance with subsection (a) of article 3 that the name has been selected by WHO as a recommended international nonproprietary name.

*Article 8* - In forwarding a recommended international nonproprietary name to Member States under article 7, the Secretariat shall:

- a) request that it be recognized as the nonproprietary name for the substance; and
- b) request that Member States take such steps as are necessary to prevent the acquisition of proprietary rights in the name and to prohibit registration of the name as a trademark or trade name.

*Article 9*

a) In the extraordinary circumstance that a previously recommended international nonproprietary name gives rise to errors in medication, prescription or distribution, or a demonstrable risk thereof, because of similarity with another name in pharmaceutical and/or prescription practices, and it appears that such errors or potential errors cannot readily be resolved through other interventions than a possible substitution of a previously recommended international nonproprietary name, or in the event that a previously recommended international nonproprietary name differs substantially from the nonproprietary name approved in a significant number of Member States, or in other such extraordinary circumstances that justify a substitution of a recommended international nonproprietary name, proposals to that effect may be filed by any interested person. Such proposals shall be submitted on the form provided therefore and shall:

- i) identify the person making the proposal;
- ii) state his or her interest in the proposed substitution; and
- iii) set forth the reasons for the proposal; and
- iv) describe, and provide documentary evidence regarding the other interventions undertaken in an effort to resolve the situation, and the reasons why these other interventions were inadequate.

Such proposals may include a proposal for a new substitute international nonproprietary name, devised in accordance with the General principles, which takes into account the pharmaceutical substance for which the new substitute international nonproprietary name is being proposed.

The Secretariat shall forward a copy of the proposal, for consideration in accordance with the procedure described in subsection (b) below, to the INN Expert Group and the original applicant or its successor (if different from the person bringing the proposal for substitution and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations).

In addition, the Secretariat shall request comments on the proposal from:

- i) Member States and national and regional pharmacopoeia commissions or other bodies designated by Member States (by including a notice to that effect in the letter referred to in article 3(a), and
- ii) any other persons known to be concerned by the proposed substitution.

The request for comments shall:

- i) state the recommended international nonproprietary name that is being proposed for substitution (and the proposed substitute name, if provided);
- ii) identify the person who submitted the proposal for substitution (if so requested by such person);
- iii) identify the substance to which the proposed substitution relates and reasons put forward for substitution;
- iv) set forth the time within which comments will be received and the person and place to whom they should be directed; and
- v) state the authority under which WHO is acting and refer to these rules of procedure.

Comments on the proposed substitution may be forwarded by any person to WHO within four months of the date of the request for comments.

b) After the time period for comments referred to above has elapsed, the Secretariat shall forward any comments received to the INN Expert Group, the original applicant or its successor and the person bringing the proposal for substitution. If, after consideration of the proposal for substitution and the comments received, the INN Expert Group, the person bringing the proposal for substitution and the original applicant or its successor all agree that there is a need to substitute the previously recommended international nonproprietary name, the Secretariat shall submit the proposal for substitution to the INN Expert Group for further processing.

Notwithstanding the foregoing, the original applicant or its successor shall not be entitled to withhold agreement to a proposal for substitution in the event the original applicant or its successor has no demonstrable continuing interest in the recommended international nonproprietary name proposed for substitution.

In the event that a proposal for substitution shall be submitted to the INN Expert Group for further processing, the INN Expert Group will select a new international nonproprietary name in accordance with the General principles referred to in article 2 and the procedure set forth in articles 3 to 8 inclusive. The notices to be given by the Secretariat under article 3 and article 7, respectively, including to the original applicant or its successor (if not the same as the person proposing the substitution, and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations), shall in such event indicate that the new name is a substitute for a previously recommended international nonproprietary name and that Member States may wish to make transitional arrangements in order to accommodate existing products that use the previously recommended international nonproprietary name on their label in accordance with national legislation.

If, after consideration of the proposal for substitution and the comments received in accordance with the procedure described above, the INN Expert Group, the original applicant or its successor and the person bringing the proposal for substitution do not agree that there are compelling reasons for substitution of a previously recommended international nonproprietary name, this name shall be retained (provided always that the original applicant or its successor shall not be entitled to withhold agreement to a proposal for substitution in the event that the original applicant or its successor has no demonstrable continuing interest in the recommended international nonproprietary name proposed to be substituted). In such an event, the Secretariat shall advise the person having proposed the substitution, as well as the original applicant or its successor (if not the same as the person proposing the substitution, and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations), Member States, national and regional pharmacopoeia commissions, other bodies designated by Member States, and any other persons known to be concerned by the proposed substitution that, despite a proposal for substitution, it has been decided to retain the previously recommended international nonproprietary name (with a description of the reason(s) why the proposal for substitution was not considered sufficiently compelling).

## ANNEX 2

### GENERAL PRINCIPLES FOR GUIDANCE IN DEVISING INTERNATIONAL NONPROPRIETARY NAMES FOR PHARMACEUTICAL SUBSTANCES<sup>1</sup>

1. International Nonproprietary Names (INN) should be distinctive in sound and spelling. They should not be inconveniently long and should not be liable to confusion with names in common use.

2. The INN for a substance belonging to a group of pharmacologically related substances should, where appropriate, show this relationship. Names that are likely to convey to a patient an anatomical, physiological, pathological or therapeutic suggestion should be avoided.

*These primary principles are to be implemented by using the following secondary principles:*

3. In devising the INN of the first substance in a new pharmacological group, consideration should be given to the possibility of devising suitable INN for related substances, belonging to the new group.

4. In devising INN for acids, one-word names are preferred; their salts should be named without modifying the acid name, e.g. "oxacillin" and "oxacillin sodium", "ibufenac" and "ibufenac sodium".

5. INN for substances which are used as salts should in general apply to the active base or the active acid. Names for different salts or esters of the same active substance should differ only in respect of the name of the inactive acid or the inactive base.

For quaternary ammonium substances, the cation and anion should be named appropriately as separate components of a quaternary substance and not in the amine-salt style.

6. The use of an isolated letter or number should be avoided; hyphenated construction is also undesirable.

7. To facilitate the translation and pronunciation of INN, "f" should be used instead of "ph", "t" instead of "th", "e" instead of "ae" or "oe", and "i" instead of "y"; the use of the letters "h" and "k" should be avoided.

---

<sup>1</sup> In its Twentieth report (WHO Technical Report Series, No. 581, 1975), the WHO Expert committee on Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances reviewed the general principles for devising, and the procedures for selecting, INN in the light of developments in pharmaceutical compounds in recent years. The most significant change has been the extension to the naming of synthetic chemical substances of the practice previously used for substances originating in or derived from natural products. This practice involves the use of a characteristic "stem" indicative of a common property of the members of a group. The reason for, and the implications of, the change are fully discussed.

The guiding principles were updated during the 13<sup>th</sup> Consultation on nonproprietary names for pharmaceutical substances (Geneva, 27-29 April 1983) (PHARM S/NOM 928 13 May 1983, revised 18 August 1983).

8. Provided that the names suggested are in accordance with these principles, names proposed by the person discovering or first developing and marketing a pharmaceutical preparation, or names already officially in use in any country, should receive preferential consideration.

9. Group relationship in INN (see General principle 2) should if possible be shown by using a common stem. The following list contains examples of stems for groups of substances, particularly for new groups. There are many other stems in active use.<sup>1</sup> Where a stem is shown without any hyphens it may be used anywhere in the name.

| <b>Latin</b> | <b>English</b> |                                                                                |
|--------------|----------------|--------------------------------------------------------------------------------|
| -acum        | -ac            | anti-inflammatory agents, ibufenac derivatives                                 |
| -adolum      | -adol }        | analgesics                                                                     |
| -adol-       | -adol-}        |                                                                                |
| -astum       | -ast           | antiasthmatic, antiallergic substances not acting primarily as antihistaminics |
| -astinum     | -astine        | antihistaminics                                                                |
| -azepamum    | -azepam        | diazepam derivatives                                                           |
| bol          | bol            | steroids, anabolic                                                             |
| -cain-       | -cain-         | class I antiarrhythmics, procainamide and lidocaine derivatives                |
| -cainum      | -caine         | local anaesthetics                                                             |
| cef-         | cef-           | antibiotics, cephalosporanic acid derivatives                                  |
| -cillinum    | -cillin        | antibiotics, 6-aminopenicillanic acid derivatives                              |
| -conazolium  | -conazole      | systemic antifungal agents, miconazole derivatives                             |
| cort         | cort           | corticosteroids, except prednisolone derivatives                               |
| -coxibum     | -coxib         | selective cyclo-oxygenase inhibitors                                           |
| -entanum     | -entan         | endothelin receptor antagonists                                                |
| gab          | gab            | gabamimetic agents                                                             |
| gado-        | gado-          | diagnostic agents, gadolinium derivatives                                      |
| -gatanum     | -gatan         | thrombin inhibitors, antithrombotic agents                                     |
| gest         | gest           | steroids, progestogens                                                         |
| gli          | gli            | antihyperglycaemics                                                            |
| io-          | io-            | iodine-containing contrast media                                               |
| -metacinum   | -metacin       | anti-inflammatory, indometacin derivatives                                     |
| -mycinum     | -mycin         | antibiotics, produced by <i>Streptomyces</i> strains                           |
| -nidazolium  | -nidazole      | antiprotozoal substances, metronidazole derivatives                            |
| -ololum      | -olol          | β-adrenoreceptor antagonists                                                   |
| -oxacinum    | -oxacin        | antibacterial agents, nalidixic acid derivatives                               |
| -platinum    | -platin        | antineoplastic agents, platinum derivatives                                    |
| -poetinum    | -poetin        | erythropoietin type blood factors                                              |
| -pril(at)um  | -pril(at)      | angiotensin-converting enzyme inhibitors                                       |
| -profenum    | -profen        | anti-inflammatory substances, ibuprofen derivatives                            |
| prost        | prost          | prostaglandins                                                                 |
| -relinum     | -relin         | pituitary hormone release-stimulating peptides                                 |
| -sartanum    | -sartan        | angiotensin II receptor antagonists, antihypertensive (non-peptidic)           |
| -vaptanum    | -vaptan        | vasopressin receptor antagonists                                               |
| vin-         | vin- }         | vinca-type alkaloids                                                           |
| -vin-        | -vin-}         |                                                                                |

<sup>1</sup> A more extensive listing of stems is contained in the working document WHO/EMP/RHT/TSN/2013.1 which is regularly updated and can be requested from the INN Programme, WHO, Geneva.

## ANNEXE 1

**PROCEDURE A SUIVRE EN VUE DU CHOIX DE DENOMINATIONS COMMUNES INTERNATIONALES RECOMMANDEES POUR LES SUBSTANCES PHARMACEUTIQUES<sup>1</sup>**

L'Organisation mondiale de la Santé (également désignée ci-après sous l'appellation « OMS ») observe la procédure exposée ci-dessous pour l'attribution de dénominations communes internationales recommandées pour les substances pharmaceutiques, conformément à la résolution WHA3.11 de l'Assemblée mondiale de la Santé, et pour le remplacement de telles dénominations.

**Article 1** - Les propositions de dénominations communes internationales recommandées et les propositions de remplacement de telles dénominations sont soumises à l'OMS sur la formule prévue à cet effet. L'examen de telles propositions est soumis au paiement d'une taxe administrative destinée uniquement à couvrir les coûts correspondants assumés par le Secrétariat de l'OMS (« le Secrétariat »). Le montant de cette taxe est déterminé par le Secrétariat et peut être modifié de temps à autre.

**Article 2** - Ces propositions sont soumises par le Secrétariat aux experts désignés à cette fin parmi les personnalités inscrites au Tableau d'experts de la Pharmacopée internationale et des Préparations pharmaceutiques, ci-après désignés sous l'appellation « le Groupe d'experts des DCI » ; elles sont examinées par les experts conformément aux « Directives générales pour la formation de dénominations communes internationales pour les substances pharmaceutiques » reproduites ci-après<sup>2</sup>. La dénomination acceptée est la dénomination employée par la personne qui découvre ou qui, la première, fabrique et lance sur le marché une substance pharmaceutique, à moins que des raisons majeures n'obligent à s'écarter de cette règle.

**Article 3** - Après l'examen prévu à l'article 2, le Secrétariat notifie qu'un projet de dénomination commune internationale est à l'étude.

a) Cette notification est faite par une insertion dans *WHO Drug Information*<sup>3</sup> et par l'envoi d'une lettre aux Etats Membres et aux commissions nationales et régionales de pharmacopée ou autres organismes désignés par les Etats Membres.

i) Notification est également faite à la personne qui a soumis la proposition (« le demandeur initial ») et à d'autres personnes portant à la dénomination mise à l'étude un intérêt notoire.

b) Cette notification contient les indications suivantes :

i) dénomination mise à l'étude;

ii) nom de l'auteur de la proposition tendant à attribuer une dénomination à la substance, si cette personne le demande ;

iii) définition de la substance dont la dénomination est mise à l'étude ;

iv) délai pendant lequel seront reçues les observations et les objections à l'égard de cette dénomination ; nom et adresse de la personne habilitée à recevoir ces observations et objections ;

v) mention des pouvoirs en vertu desquels agit l'OMS et référence au présent règlement.

<sup>1</sup> Voir annexe 1 dans OMS, Série de Rapports techniques, N° 581, 1975. Le texte original a été adopté par le Conseil exécutif dans sa résolution EB15.R7 et amendé dans ses résolutions EB43.R9 et EB115.R4.

<sup>2</sup> Voir annexe 2.

<sup>3</sup> Avant 1987, les listes de dénominations communes internationales étaient publiées dans la *Chronique de l'Organisation mondiale de la Santé*.

c) En envoyant cette notification, le Secrétariat demande aux Etats Membres de prendre les mesures nécessaires pour prévenir l'acquisition de droits de propriété sur la dénomination proposée pendant la période au cours de laquelle cette dénomination est mise à l'étude par l'OMS.

*Article 4* - Des observations sur la dénomination proposée peuvent être adressées à l'OMS par toute personne, dans les quatre mois qui suivent la date de publication de la dénomination dans *WHO Drug Information* (voir l'article 3).

*Article 5* - Toute personne intéressée peut formuler une objection formelle contre la dénomination proposée dans les quatre mois qui suivent la date de publication de la dénomination dans *WHO Drug Information* (voir l'article 3).

Cette objection doit s'accompagner des indications suivantes :

- i) nom de l'auteur de l'objection ;
- ii) intérêt qu'il ou elle porte à la dénomination en cause ;
- iii) raisons motivant l'objection contre la dénomination proposée.

*Article 6* - Lorsqu'une objection formelle est formulée en vertu de l'article 5, l'OMS peut soit soumettre la dénomination proposée à un nouvel examen, soit intervenir pour tenter d'obtenir le retrait de l'objection. Sans préjudice de l'examen par l'OMS d'une ou de plusieurs appellations de remplacement, l'OMS n'adopte pas d'appellation comme dénomination commune internationale recommandée tant qu'une objection formelle présentée conformément à l'article 5 n'est pas levée.

*Article 7* - Lorsqu'il n'est formulé aucune objection en vertu de l'article 5, ou que toutes les objections présentées ont été levées, le Secrétariat fait une notification conformément aux dispositions du paragraphe a) de l'article 3, en indiquant que la dénomination a été choisie par l'OMS en tant que dénomination commune internationale recommandée.

*Article 8* - En communiquant aux Etats Membres, conformément à l'article 7, une dénomination commune internationale recommandée, le Secrétariat :

- a) demande que cette dénomination soit reconnue comme dénomination commune de la substance considérée ; et
- b) demande aux Etats Membres de prendre les mesures nécessaires pour prévenir l'acquisition de droits de propriété sur cette dénomination et interdire le dépôt de cette dénomination comme marque ou appellation commerciale.

*Article 9* -

a) Dans le cas exceptionnel où une dénomination commune internationale déjà recommandée donne lieu à des erreurs de médication, de prescription ou de distribution ou en comporte un risque démontrable, en raison d'une similitude avec une autre appellation dans la pratique pharmaceutique et/ou de prescription, et où il apparaît que ces erreurs ou ces risques d'erreur ne peuvent être facilement évités par d'autres interventions que le remplacement éventuel d'une dénomination commune internationale déjà recommandée, ou dans le cas où une dénomination commune internationale déjà recommandée diffère sensiblement de la dénomination commune approuvée dans un nombre important d'Etats Membres, ou dans d'autres circonstances exceptionnelles qui justifient le remplacement d'une dénomination commune internationale recommandée, toute personne intéressée peut formuler une proposition dans ce sens. Cette proposition est présentée sur la formule prévue à cet effet et doit s'accompagner des indications suivantes :

- i) nom de l'auteur de la proposition ;
- ii) intérêt qu'il ou elle porte au remplacement proposé ;
- iii) raisons motivant la proposition ; et

- iv) description, faits à l'appui, des autres interventions entreprises pour tenter de régler le problème et exposé des raisons pour lesquelles ces interventions ont échoué.

Les propositions peuvent comprendre une proposition de nouvelle dénomination commune internationale de remplacement, établie conformément aux Directives générales, compte tenu de la substance pharmaceutique pour laquelle la nouvelle dénomination commune internationale de remplacement est proposée.

Le Secrétariat transmet une copie de la proposition pour examen, conformément à la procédure exposée plus loin au paragraphe b), au Groupe d'experts des DCI et au demandeur initial ou à son successeur (s'il s'agit d'une personne différente de celle qui a formulé la proposition de remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles).

De plus, le Secrétariat demande aux entités et personnes ci-après de formuler des observations sur la proposition :

- i) les Etats Membres et les commissions nationales et régionales de pharmacopée ou d'autres organismes désignés par les Etats Membres (en insérant une note à cet effet dans la lettre mentionnée à l'article 3.a), et

- ii) toutes autres personnes portant au remplacement proposé un intérêt notoire.

La demande d'observations contient les indications suivantes :

- i) dénomination commune internationale recommandée pour laquelle un remplacement est proposé (et la dénomination de remplacement proposée, si elle est fournie) ;

- ii) nom de l'auteur de la proposition de remplacement (si cette personne le demande) ;

- iii) définition de la substance faisant l'objet du remplacement proposé et raisons avancées pour le remplacement ;

- iv) délai pendant lequel seront reçus les commentaires et nom et adresse de la personne habilitée à recevoir ces commentaires ; et

- v) mention des pouvoirs en vertu desquels agit l'OMS et référence au présent règlement.

Des observations sur la proposition de remplacement peuvent être communiquées par toute personne à l'OMS dans les quatre mois qui suivent la date de la demande d'observations.

b) Une fois échu le délai prévu ci-dessus pour la communication d'observations, le Secrétariat transmet les observations reçues au Groupe d'experts des DCI, au demandeur initial ou à son successeur et à l'auteur de la proposition de remplacement. Si, après avoir examiné la proposition de remplacement et les observations reçues, le Groupe d'experts des DCI, l'auteur de la proposition de remplacement et le demandeur initial ou son successeur reconnaissent tous qu'il est nécessaire de remplacer la dénomination commune internationale déjà recommandée, le Secrétariat soumet la proposition de remplacement au Groupe d'experts des DCI pour qu'il y donne suite.

Nonobstant ce qui précède, le demandeur initial ou son successeur n'est pas habilité à refuser son accord à une proposition de remplacement au cas où il ne peut être démontré qu'il porte un intérêt durable à la dénomination commune internationale recommandée qu'il est proposé de remplacer.

Dans le cas où une proposition de remplacement est soumise au Groupe d'experts des DCI pour qu'il y donne suite, le Groupe choisit une nouvelle dénomination commune internationale conformément aux Directives générales mentionnées à l'article 2 et selon la procédure décrite dans les articles 3 à 8 inclus. La notification faite par le Secrétariat en vertu de l'article 3 et de l'article 7, respectivement, y compris au demandeur initial ou à son successeur (si ce n'est pas la même personne que celle qui a

proposé le remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles), doit dans un tel cas indiquer que la nouvelle dénomination remplace une dénomination commune internationale déjà recommandée et que les Etats Membres peuvent souhaiter prendre des mesures transitoires pour les produits existants qui utilisent la dénomination commune internationale déjà recommandée sur leur étiquette conformément à la législation nationale.

Si, après examen de la proposition de remplacement et des observations communiquées conformément à la procédure exposée plus haut, le Groupe d'experts des DCI, le demandeur initial ou son successeur et l'auteur de la proposition de remplacement ne s'accordent pas sur le fait qu'il y a des raisons impératives de remplacer une dénomination commune internationale déjà recommandée, cette dernière est conservée (étant entendu toujours que le demandeur initial ou son successeur n'est pas habilité à refuser son accord à une proposition de remplacement au cas où il ne peut être démontré qu'il porte un intérêt durable à la dénomination commune internationale recommandée qu'il est proposé de remplacer). Dans un tel cas, le Secrétariat informe l'auteur de la proposition de remplacement, ainsi que le demandeur initial ou son successeur (s'il s'agit d'une personne différente de celle qui a formulé la proposition de remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles), les Etats Membres, les commissions nationales et régionales de pharmacopée, les autres organismes désignés par les Etats Membres et toutes autres personnes portant un intérêt notoire au remplacement proposé que, malgré une proposition de remplacement, il a été décidé de conserver la dénomination commune internationale déjà recommandée (avec une brève description de la ou des raisons pour lesquelles la proposition de remplacement n'a pas été jugée suffisamment impérative).

## ANNEXE 2

### **DIRECTIVES GENERALES POUR LA FORMATION DE DENOMINATIONS COMMUNES INTERNATIONALES APPLICABLES AUX SUBSTANCES PHARMACEUTIQUES<sup>1</sup>**

1. Les dénominations communes internationales (DCI) devront se distinguer les unes des autres par leur consonance et leur orthographe. Elles ne devront pas être d'une longueur excessive, ni prêter à confusion avec des appellations déjà couramment employées.

2. La DCI de chaque substance devra, si possible, indiquer sa parenté pharmacologique. Les dénominations susceptibles d'évoquer pour les malades des considérations anatomiques, physiologiques, pathologiques ou thérapeutiques devront être évitées dans la mesure du possible.

*Outre ces deux principes fondamentaux, on respectera les principes secondaires suivants :*

3. Lorsqu'on formera la DCI de la première substance d'un nouveau groupe pharmacologique, on tiendra compte de la possibilité de former ultérieurement d'autres DCI appropriées pour les substances apparentées du même groupe.

4. Pour former des DCI des acides, on utilisera de préférence un seul mot. Leurs sels devront être désignés par un terme qui ne modifie pas le nom de l'acide d'origine : par exemple «oxacilline» et «oxacilline sodique», «ibufénac» et «ibufénac sodique».

5. Les DCI pour les substances utilisées sous forme de sels devront en général s'appliquer à la base active (ou à l'acide actif). Les dénominations pour différents sels ou esters d'une même substance active ne différeront que par le nom de l'acide inactif (ou de la base inactive).

<sup>1</sup> Dans son vingtième rapport (OMS, Série de Rapports techniques, N° 581, 1975), le Comité OMS d'experts des Dénominations communes pour les Substances pharmaceutiques a examiné les directives générales pour la formation des dénominations communes internationales et la procédure à suivre en vue de leur choix, compte tenu de l'évolution du secteur pharmaceutique au cours des dernières années. La modification la plus importante a été l'extension aux substances de synthèse de la pratique normalement suivie pour désigner les substances tirées ou dérivées de produits naturels. Cette pratique consiste à employer des syllabes communes ou groupes de syllabes communes (segments-clés) qui sont caractéristiques et indiquent une propriété commune aux membres du groupe des substances pour lequel ces segments-clés ont été retenus. Les raisons et les conséquences de cette modification ont fait l'objet de discussions approfondies.

Les directives ont été mises à jour lors de la treizième consultation sur les dénominations communes pour les substances pharmaceutiques (Genève, 27-29 avril 1983) (PHARM S/NOM 928, 13 mai 1983, révision en date du 18 août 1983).

En ce qui concerne les substances à base d'ammonium quaternaire, la dénomination s'appliquera de façon appropriée au cation et à l'anion en tant qu'éléments distincts d'une substance quaternaire. On évitera de choisir une désignation évoquant un sel aminé.

6. On évitera d'ajouter une lettre ou un chiffre isolé ; en outre, on renoncera de préférence au trait d'union.

7. Pour simplifier la traduction et la prononciation des DCI, la lettre « f » sera utilisée à la place de « ph », « t » à la place de « th », « e » à la place de « ae » ou « oe », et « i » à la place de « y » ; l'usage des lettres « h » et « k » sera aussi évité.

8. On retiendra de préférence, pour autant qu'elles respectent les principes énoncés ici, les dénominations proposées par les personnes qui ont découvert ou qui, les premières, ont fabriqué et lancé sur le marché les préparations pharmaceutiques considérées, ou les dénominations déjà officiellement adoptées par un pays.

9. La parenté entre substances d'un même groupe (voir Directive générale 2) sera si possible indiquée dans les DCI par l'emploi de segments-clés communs. La liste ci-après contient des exemples de segments-clés pour des groupes de substances, surtout pour des groupes récents. Il y a beaucoup d'autres segments-clés en utilisation active.<sup>1</sup> Les segments-clés indiqués sans trait d'union pourront être insérés n'importe où dans une dénomination.

| Latin       | Français   |                                                                                              |
|-------------|------------|----------------------------------------------------------------------------------------------|
| -acum       | -ac        | substances anti-inflammatoires du groupe de l'ibufénac<br>analgésiques                       |
| -adolum     | -adol }    |                                                                                              |
| -adol-      | -adol- }   |                                                                                              |
| -astum      | -ast       | antiasthmatiques, antiallergiques n'agissant pas principalement en tant qu'antihistaminiques |
| -astinum    | -astine    | antihistaminiques                                                                            |
| -azepamum   | -azépam    | substances du groupe du diazépam                                                             |
| bol         | bol        | stéroïdes anabolisants                                                                       |
| -cain-      | -caïn-     | antiarythmiques de classe I, dérivés du procaïnamide et de la lidocaïne                      |
| -cainum     | -caïne     | anesthésiques locaux                                                                         |
| cef-        | céf-       | antibiotiques, dérivés de l'acide céphalosporanique                                          |
| -cillinum   | -cilline   | antibiotiques, dérivés de l'acide 6-aminopénicillanique                                      |
| -conazolum  | -conazole  | agents antifongiques systémiques du groupe du miconazole                                     |
| cort        | cort       | corticostéroïdes, autres que les dérivés de la prednisolone                                  |
| -coxibum    | -coxib     | inhibiteurs sélectifs de la cyclo-oxygénase                                                  |
| -entanum    | -entan     | antagonistes du récepteur de l'endothéline                                                   |
| gab         | gab        | gabamimétiques                                                                               |
| gado-       | gado-      | agents diagnostiques, dérivés du gadolinium                                                  |
| -gatraneum  | -gatrane   | antithrombines, antithrombotiques                                                            |
| gest        | gest       | stéroïdes progestogènes                                                                      |
| gli         | gli        | antihyperglycémiant                                                                          |
| io-         | io-        | produits de contraste iodés                                                                  |
| -metacinum  | -métacine  | substances anti-inflammatoires du groupe de l'indométacine                                   |
| -mycinum    | -mycine    | antibiotiques produits par des souches de <i>Streptomyces</i>                                |
| -nidazolum  | -nidazole  | substances antiprotozoaires du groupe du métronidazole                                       |
| -ololum     | -olol      | antagonistes des récepteurs β-adrénérgiques                                                  |
| -oxacinum   | -oxacine   | substances antibactériennes du groupe de l'acide nalidixique                                 |
| -platinum   | -platine   | antinéoplasiques, dérivés du platine                                                         |
| -poetinum   | -poétine   | facteurs sanguins de type érythropoïétine                                                    |
| -pril(at)um | -pril(ate) | inhibiteurs de l'enzyme de conversion de l'angiotensine                                      |
| -profenum   | -profène   | substances anti-inflammatoires du groupe de l'ibuprofène                                     |
| prost       | prost      | prostaglandines                                                                              |

<sup>1</sup> Une liste plus complète de segments-clés est contenue dans le document de travail WHO/EMP/RHT/TSN/2013.1 qui est régulièrement mis à jour et qui peut être demandé auprès du programme des DCI, OMS, Genève.

|           |         |                                                                                          |
|-----------|---------|------------------------------------------------------------------------------------------|
| -relinum  | -réline | peptides stimulant la libération d'hormones hypophysaires                                |
| -sartanum | -sartan | antagonistes d'un récepteur de l'angiotensine II,<br>antihypertenseurs (non peptidiques) |
| -vaptanum | -vaptan | antagonistes du récepteur de la vasopressine                                             |
| vin-      | vin- }  | alcaloïdes du type vinca                                                                 |
| -vin-     | -vin- } |                                                                                          |

## ANEXO 1

**PROCEDIMIENTO DE SELECCIÓN DE DENOMINACIONES COMUNES INTERNACIONALES  
RECOMENDADAS PARA SUSTANCIAS FARMACÉUTICAS<sup>1</sup>**

La Organización Mundial de la Salud (OMS) seguirá el procedimiento que se expone a continuación tanto para seleccionar denominaciones comunes internacionales recomendadas para las sustancias farmacéuticas, de conformidad con lo dispuesto en la resolución WHA3.11, como para sustituir esas denominaciones.

*Artículo 1* - Las propuestas de denominaciones comunes internacionales recomendadas y las propuestas de sustitución de esas denominaciones se presentarán a la OMS en los formularios que se proporcionen a estos efectos. El estudio de estas propuestas estará sujeto al pago de una tasa destinada a sufragar los costos de administración que ello suponga para la Secretaría de la OMS («la Secretaría»). La Secretaría establecerá la cuantía de esa tasa y podrá ajustarla periódicamente.

*Artículo 2* - Estas propuestas serán sometidas por la Secretaría a los miembros del Cuadro de Expertos en Farmacopea Internacional y Preparaciones Farmacéuticas encargados de su estudio, en adelante designados como «el Grupo de Expertos en DCI», para que las examinen de conformidad con los «Principios generales de orientación para formar denominaciones comunes internacionales para sustancias farmacéuticas», anexos a este procedimiento.<sup>2</sup> A menos que haya poderosas razones en contra, la denominación aceptada será la empleada por la persona que haya descubierto o fabricado y comercializado por primera vez esa sustancia farmacéutica.

*Artículo 3* - Tras el examen al que se refiere el artículo 2, la Secretaría notificará que está en estudio un proyecto de denominación internacional.

a) Esa notificación se hará mediante una publicación en *Información Farmacéutica OMS*<sup>3</sup> y el envío de una carta a los Estados Miembros y a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas u otros organismos designados por los Estados Miembros.

i) La notificación será enviada también a la persona que haya presentado la propuesta («el solicitante inicial») y a otras personas que tengan un interés especial en una denominación objeto de estudio.

b) En esa notificación se incluirán los siguientes datos:

i) la denominación sometida a estudio;

ii) la identidad de la persona que ha presentado la propuesta de denominación de la sustancia, si lo pide esa persona;

iii) la identidad de la sustancia cuya denominación está en estudio;

<sup>1</sup> Véase el anexo 1 en OMS, Serie de Informes Técnicos, N° 581, 1975. El texto vigente fue adoptado por el Consejo Ejecutivo en su resolución EB15.R7 y modificado en las resoluciones EB43.R9 y EB115.R4.

<sup>2</sup> Véase el anexo 2.

<sup>3</sup> Hasta 1987 las listas de DCI se publicaban en la *Crónica de la Organización Mundial de la Salud*.

iv) el plazo fijado para recibir observaciones y objeciones, así como el nombre y la dirección de la persona a quien deban dirigirse; y

v) los poderes conferidos para el caso a la OMS y una referencia al presente procedimiento.

c) Al enviar esa notificación, la Secretaría solicitará de los Estados Miembros la adopción de todas las medidas necesarias para impedir la adquisición de derechos de patente sobre la denominación propuesta, durante el periodo en que la OMS la tenga en estudio.

**Artículo 4** - Toda persona puede formular a la OMS observaciones sobre la denominación propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a su publicación en *Información Farmacéutica OMS*, conforme a lo dispuesto en el artículo 3.

**Artículo 5** - Toda persona interesada puede presentar una objeción formal a una denominación propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a su publicación en *Información Farmacéutica OMS*, conforme a lo dispuesto en el artículo 3.

Esa objeción deberá acompañarse de los siguientes datos:

i) la identidad de la persona que formula la objeción;

ii) las causas que motivan su interés por la denominación; y

iii) las causas que motivan su objeción a la denominación propuesta.

**Artículo 6** - Cuando se haya presentado una objeción formal en la forma prevista en el artículo 5, la OMS podrá reconsiderar el nombre propuesto o utilizar sus buenos oficios para intentar lograr que se retire la objeción. La OMS no seleccionará como denominación común internacional una denominación a la que se haya hecho una objeción formal, presentada según lo previsto en el artículo 5, que no haya sido retirada, todo ello sin perjuicio de que la Organización examine otra denominación o denominaciones sustitutivas.

**Artículo 7** - Cuando no se haya formulado ninguna objeción en la forma prevista en el artículo 5, o cuando todas las objeciones presentadas hayan sido retiradas, la Secretaría notificará, conforme a lo dispuesto en el párrafo a) del artículo 3, que la denominación ha sido seleccionada por la OMS como denominación común internacional recomendada.

**Artículo 8** - Al comunicar a los Estados Miembros una denominación común internacional, conforme a lo previsto en el artículo 7, la Secretaría:

a) solicitará que esta denominación sea reconocida como denominación común para la sustancia de que se trate; y

b) solicitará a los Estados Miembros que adopten todas las medidas necesarias para impedir la adquisición de derechos de patente sobre la denominación, y prohíban que sea registrada como marca de fábrica o como nombre comercial.

#### **Artículo 9**

a) En el caso excepcional de que, debido a su semejanza con otra denominación utilizada en las prácticas farmacéuticas y/o de prescripción, una denominación común internacional recomendada anteriormente ocasione errores de medicación, prescripción o distribución, o suponga un riesgo manifiesto de que esto ocurra, y parezca que tales errores o potenciales errores no sean fácilmente subsanables con otras medidas que no sean la posible sustitución de esa denominación común internacional recomendada anteriormente; en el caso de que una denominación común internacional recomendada anteriormente difiera considerablemente de la denominación común aprobada en un número importante de Estados Miembros, o en otras circunstancias excepcionales que justifiquen el cambio de una denominación común internacional recomendada, cualquier persona interesada puede presentar propuestas en este sentido. Esas propuestas se presentarán en los formularios que se proporcionen a estos efectos e incluirán los siguientes datos:

- i) la identidad de la persona que presenta la propuesta;
- ii) las causas que motivan su interés en la sustitución propuesta;
- iii) las causas que motivan la propuesta; y
- iv) una descripción, acompañada de pruebas documentales, de las otras medidas que se hayan adoptado con el fin de resolver la situación y de los motivos por los cuales dichas medidas no han sido suficientes.

Entre esas propuestas podrá figurar una relativa a una nueva denominación común internacional sustitutiva, formulada con arreglo a los Principios generales y que tenga en cuenta la sustancia farmacéutica para la que se proponga la nueva denominación común internacional sustitutiva.

La Secretaría enviará al Grupo de Expertos en DCI y al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que sea una persona diferente de la que ha presentado la propuesta de sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales) una copia de la propuesta, para que sea examinada de conformidad con el procedimiento descrito en el párrafo *b) infra*.

Además, la Secretaría solicitará observaciones sobre la propuesta:

- i) a los Estados Miembros y a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas u otros organismos designados por los Estados Miembros (ello se hará incluyendo una notificación a tal efecto en la carta a la que se refiere el párrafo a) del artículo 3), y
- ii) a cualquier persona que tenga un interés especial en la sustitución propuesta.

Al solicitar que se formulen estas observaciones se facilitarán los siguientes datos:

- i) la denominación común internacional recomendada que se propone sustituir (y la denominación sustitutiva propuesta, si se ha facilitado);
- ii) la identidad de la persona que ha presentado la propuesta de sustitución (si lo pide esa persona);
- iii) la identidad de la sustancia a la que se refiere la sustitución propuesta y las razones para presentar la propuesta de sustitución;
- iv) el plazo fijado para recibir observaciones, así como el nombre y la dirección de la persona a quien deban dirigirse; y
- v) los poderes conferidos para el caso a la OMS y una referencia al presente procedimiento.

Toda persona puede formular a la OMS observaciones sobre la sustitución propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a la fecha en que se realizó la solicitud de observaciones.

b) Una vez agotado el mencionado plazo para la formulación de observaciones, la Secretaría enviará todos los comentarios recibidos al Grupo de Expertos en DCI, al solicitante inicial o a su sucesor, y a la persona que haya presentado la propuesta de sustitución. Si después de examinar la propuesta de sustitución y las observaciones recibidas, el Grupo de Expertos en DCI, la persona que haya presentado la propuesta de sustitución y el solicitante inicial, o su sucesor, están de acuerdo en la necesidad de sustituir la denominación común internacional recomendada anteriormente, la Secretaría remitirá la propuesta de sustitución al Grupo de Expertos en DCI para que la tramite.

No obstante lo anterior, el solicitante inicial o su sucesor no tendrán derecho a impedir el acuerdo sobre una propuesta de sustitución en el caso de que hayan dejado de tener un interés demostrable en la denominación común internacional cuya sustitución se propone.

En caso de que la propuesta de sustitución sea presentada al Grupo de Expertos en DCI para que la tramite, este grupo seleccionará una nueva denominación común internacional de conformidad con los Principios generales a los que se refiere el artículo 2 y al procedimiento establecido en los artículos 3 a 8 inclusive. En ese caso, en las notificaciones que la Secretaría ha de enviar con arreglo a los artículos 3 y 7, respectivamente, incluida la notificación al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que no sea la misma persona que propuso la sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales), se indicará que la nueva denominación sustituye a una denominación común internacional recomendada anteriormente y que los Estados Miembros podrán, si lo estiman oportuno, adoptar disposiciones transitorias aplicables a los productos existentes en cuya etiqueta se utilice, con arreglo a la legislación nacional, la denominación común internacional recomendada anteriormente que se haya sustituido.

En caso de que, después de haber estudiado la propuesta de sustitución y los comentarios recibidos de conformidad con el procedimiento descrito anteriormente, el Grupo de Expertos en DCI, el solicitante inicial o su sucesor y la persona que haya presentado la propuesta de sustitución no lleguen a un acuerdo sobre la existencia de razones poderosas para sustituir una denominación común internacional recomendada anteriormente, esta denominación se mantendrá (siempre en el entendimiento de que el solicitante inicial o su sucesor no tendrán derecho a impedir el acuerdo sobre una propuesta de sustitución en el caso de que hayan dejado de tener un interés demostrable en la denominación común internacional cuya sustitución se propone). En ese caso, la Secretaría comunicará a la persona que haya propuesto la sustitución, así como al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que no sea la misma persona que propuso la sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales), a los Estados Miembros, a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas o a otros organismos designados por los Estados Miembros y a cualquier otra persona que tenga interés en la sustitución propuesta, que, pese a la presentación de una propuesta de sustitución, se ha decidido mantener la denominación común internacional recomendada anteriormente (con una descripción de la o las razones por las que se ha considerado que la propuesta de sustitución no estaba respaldada por razones suficientemente poderosas).

## ANEXO 2

### PRINCIPIOS GENERALES DE ORIENTACIÓN PARA FORMAR DENOMINACIONES COMUNES INTERNACIONALES PARA SUSTANCIAS FARMACÉUTICAS<sup>1</sup>

1. Las denominaciones comunes internacionales (DCI) deberán diferenciarse tanto fonética como ortográficamente. No deberán ser incómodamente largas, ni dar lugar a confusión con denominaciones de uso común.

2. La DCI de una sustancia que pertenezca a un grupo de sustancias farmacológicamente emparentadas deberá mostrar apropiadamente este parentesco. Deberán evitarse las denominaciones que puedan tener connotaciones anatómicas, fisiológicas, patológicas o terapéuticas para el paciente.

*Estos principios primarios se pondrán en práctica utilizando los siguientes principios secundarios:*

3. Al idear la DCI de la primera sustancia de un nuevo grupo farmacológico, deberá tenerse en cuenta la posibilidad de poder formar DCI convenientes para las sustancias emparentadas que se agreguen al nuevo grupo.

4. Al idear DCI para ácidos, se preferirán las de una sola palabra; sus sales deberán denominarse sin modificar el nombre del ácido: p. ej. «oxacilina» y «oxacilina sódica», «ibufenaco» y «ibufenaco sódico».

<sup>1</sup> En su 20º informe (OMS, Serie de Informes Técnicos, Nº 581, 1975), el Comité de Expertos de la OMS en Denominaciones Comunes para las Sustancias Farmacéuticas revisó los Principios generales para formar denominaciones comunes internacionales (DCI), y su procedimiento de selección, a la luz de las novedades registradas en los últimos años en materia de compuestos farmacéuticos. El cambio más importante había consistido en hacer extensivo a la denominación de sustancias químicas sintéticas el método utilizado hasta entonces para las sustancias originadas en productos naturales o derivadas de éstos. Dicho método conlleva la utilización de una «partícula» característica que indica una propiedad común a los miembros de un grupo. En el citado informe se examinan en detalle las razones y consecuencias de este cambio.

Los Principios generales de orientación se actualizaron durante la 13ª consulta sobre denominaciones comunes para sustancias farmacéuticas (Ginebra, 27 a 29 de abril de 1983) (PHARM S/NOM 928, 13 de mayo de 1983, revisado el 18 de agosto de 1983).

5. Las DCI para las sustancias que se usan en forma de sal deberán en general aplicarse a la base activa o al ácido activo. Las denominaciones para diferentes sales o ésteres de la misma sustancia activa solamente deberán diferir en el nombre del ácido o de la base inactivos.

En los compuestos de amonio cuaternario, el catión y el anión deberán denominarse adecuadamente por separado, como componentes independientes de una sustancia cuaternaria y no como sales de una amina.

6. Deberá evitarse el empleo de letras o números aislados; también es indeseable el empleo de guiones.

7. Para facilitar la traducción y la pronunciación, se emplearán de preferencia las letras «f» en lugar de «ph», «t» en lugar de «th», «e» en lugar de «ae» u «oe», e «i» en lugar de «y»; se deberá evitar el empleo de las letras «h» y «k».

8. Siempre que las denominaciones propuestas estén de acuerdo con estos principios, recibirán una consideración preferente las denominaciones propuestas por la persona que haya descubierto las sustancias, o que fabrique y comercialice por primera vez una sustancia farmacéutica, así como las denominaciones ya adoptadas oficialmente en cualquier país.

9. El parentesco entre sustancias del mismo grupo se pondrá de manifiesto en las DCI (véase el Principio 2) utilizando una partícula común. En la lista que figura a continuación se indican ejemplos de partículas para grupos de sustancias, en particular para grupos nuevos. Existen muchas otras partículas que se usan habitualmente.<sup>1</sup> Cuando una partícula aparece sin guión alguno, puede utilizarse en cualquier lugar de la palabra.

| Latín              | Español           |                                                                                        |
|--------------------|-------------------|----------------------------------------------------------------------------------------|
| - <i>acum</i>      | - <i>aco</i>      | antiinflamatorios derivados del ibufenaco                                              |
| - <i>adolum</i>    | - <i>adol</i> )   | analgésicos                                                                            |
| - <i>adol-</i>     | - <i>adol-</i> )  |                                                                                        |
| - <i>astum</i>     | - <i>ast</i>      | antiasmáticos, sustancias antialérgicas cuya acción principal no es la antihistamínica |
| - <i>astinum</i>   | - <i>astina</i>   | antihistamínicos                                                                       |
| - <i>azepamum</i>  | - <i>azepam</i>   | derivados del diazepam                                                                 |
| <i>bol</i>         | <i>bol</i>        | esteroides anabolizantes                                                               |
| - <i>cain-</i>     | - <i>caína-</i>   | antiarrítmicos de clase I, derivados de procainamida y lidocaína                       |
| - <i>cainum</i>    | - <i>caína-</i>   | anestésicos locales                                                                    |
| <i>cef-</i>        | <i>cef-</i>       | antibióticos, derivados del ácido cefalosporánico                                      |
| - <i>cillinum</i>  | - <i>cilina</i>   | antibióticos derivados del ácido 6-aminopenicilánico                                   |
| - <i>conazolum</i> | - <i>conazol</i>  | antifúngicos sistémicos derivados del miconazol                                        |
| <i>cort</i>        | <i>cort</i>       | corticosteroides, excepto derivados de prednisolona                                    |
| - <i>coxibum</i>   | - <i>coxib</i>    | inhibidores selectivos de ciclooxigenasa                                               |
| - <i>entanum</i>   | - <i>entán</i>    | antagonistas del receptor de endotelina                                                |
| <i>gab</i>         | <i>gab</i>        | gabamiméticos                                                                          |
| <i>gado-</i>       | <i>gado-</i>      | agentes para diagnóstico derivados de gadolinio                                        |
| - <i>gartranum</i> | - <i>gatrán</i>   | inhibidores de la trombina antitrombóticos                                             |
| <i>gest</i>        | <i>gest</i>       | esteroides progestágenos                                                               |
| <i>gli</i>         | <i>gli</i>        | hipoglucemiantes, antihiper glucémicos                                                 |
| <i>io-</i>         | <i>io-</i>        | medios de contraste iodados                                                            |
| - <i>metacinum</i> | - <i>metacina</i> | antiinflamatorios derivados de indometacina                                            |
| - <i>mycinum</i>   | - <i>micina</i>   | antibióticos producidos por cepas de <i>Streptomyces</i>                               |
| - <i>nidazolum</i> | - <i>nidazol</i>  | antiprotozoarios derivados de metronidazol                                             |
| - <i>ololum</i>    | - <i>olol</i>     | antagonistas de receptores $\beta$ -adrenérgicos                                       |
| - <i>oxacinum</i>  | - <i>oxacino</i>  | antibacterianos derivados del ácido nalidíxico                                         |
| - <i>platinum</i>  | - <i>platino</i>  | antineoplásicos derivados del platino                                                  |

<sup>1</sup> En el documento de trabajo WHO/EMP/RHT/TSN/2013.1, que se actualiza periódicamente y puede solicitarse al Programa sobre Denominaciones Comunes Internacionales, OMS, Ginebra, figura una lista más amplia de partículas.

---

|                    |                  |                                                                                |
|--------------------|------------------|--------------------------------------------------------------------------------|
| <i>-poetinum</i>   | <i>-poetina</i>  | factores sanguíneos similares a la eritropoyetina                              |
| <i>-pril(at)um</i> | <i>-pril(at)</i> | inhibidores de la enzima conversora de la angiotensina                         |
| <i>-profenum</i>   | <i>-profeno</i>  | antiinflamatorios derivados del ibuprofeno                                     |
| <i>prost</i>       | <i>prost</i>     | prostaglandinas                                                                |
| <i>-relinum</i>    | <i>-relina</i>   | péptidos estimulantes de la liberación de hormonas hipofisarias                |
| <i>-sartanum</i>   | <i>-sartán</i>   | antihipertensivos (no peptídicos) antagonistas del receptor de angiotensina II |
| <i>-vaptanum</i>   | <i>-vaptán</i>   | antagonistas del receptor de vasopresina                                       |
| <i>vin-</i>        | <i>vin-</i> )    | alcaloides de la vinca                                                         |
| <i>-vin-</i>       | <i>-vin-</i> )   |                                                                                |