

International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances (INN)

Notice is hereby given that, in accordance with article 3 of the Procedure for the Selection of Recommended International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances, the names given in the list on the following pages are under consideration by the World Health Organization as Proposed International Nonproprietary Names. The inclusion of a name in the lists of Proposed International Nonproprietary Names does not imply any recommendation of the use of the substance in medicine or pharmacy.

Lists of Proposed (1–117) and Recommended (1–78) International Nonproprietary Names can be found in *Cumulative List No. 17, 2017* (available in CD-ROM only). The statements indicating action and use are based largely on information supplied by the manufacturer. **This information is merely meant to provide an indication of the potential use of new substances at the time they are accorded Proposed International Nonproprietary Names.** WHO is not in a position either to uphold these statements or to comment on the efficacy of the action claimed. Because of their provisional nature, these descriptors will neither be revised **nor included in the Cumulative Lists of INNs.**

Dénominations communes internationales des Substances pharmaceutiques (DCI)

Il est notifié que, conformément aux dispositions de l'article 3 de la Procédure à suivre en vue du choix de Dénominations communes internationales recommandées pour les Substances pharmaceutiques les dénominations ci-dessous sont mises à l'étude par l'Organisation mondiale de la Santé en tant que dénominations communes internationales proposées. L'inclusion d'une dénomination dans les listes de DCI proposées n'implique aucune recommandation en vue de l'utilisation de la substance correspondante en médecine ou en pharmacie.

On trouvera d'autres listes de Dénominations communes internationales proposées (1–117) et recommandées (1–78) dans la *Liste récapitulative No. 17, 2017* (disponible sur CD-ROM seulement). Les mentions indiquant les propriétés et les indications des substances sont fondées sur les renseignements communiqués par le fabricant. **Elles ne visent qu'à donner une idée de l'utilisation potentielle des nouvelles substances au moment où elles sont l'objet de propositions de DCI.** L'OMS n'est pas en mesure de confirmer ces déclarations ni de faire de commentaires sur l'efficacité du mode d'action ainsi décrit. En raison de leur caractère provisoire, ces informations **ne figureront pas dans les listes récapitulatives de DCI.**

Denominaciones Comunes Internacionales para las Sustancias Farmacéuticas (DCI)

De conformidad con lo que dispone el párrafo 3 del "Procedimiento de Selección de Denominaciones Comunes Internacionales Recomendadas para las Sustancias Farmacéuticas", se comunica por el presente anuncio que las denominaciones detalladas en las páginas siguientes están sometidas a estudio por la Organización Mundial de La Salud como Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas. La inclusión de una denominación en las listas de las DCI Propuestas no supone recomendación alguna en favor del empleo de la sustancia respectiva en medicina o en farmacia.

Las listas de Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (1–117) y Recomendadas (1–78) se encuentran reunidas en *Cumulative List No. 17, 2017* (disponible sólo en CD-ROM). Las indicaciones sobre acción y uso que aparecen se basan principalmente en la información facilitada por los fabricantes. **Esta información tiene por objeto dar una idea únicamente de las posibilidades de aplicación de las nuevas sustancias a las que se asigna una DCI Propuesta.** La OMS no está facultada para respaldar esas indicaciones ni para formular comentarios sobre la eficacia de la acción que se atribuye al producto. Debido a su carácter provisional, esos datos descriptivos **no deben incluirse en las listas reCAPITULATIVAS de DCI.**

Proposed International Nonproprietary Names: List 120

Comments on, or formal objections to, the proposed names may be forwarded by any person to the INN Programme of the World Health Organization within four months of the date of their publication in *WHO Drug Information*, i.e., for **List 120 Proposed INN not later than 14 June 2019**.

Publication date: 15 February 2019

Dénominations communes internationales proposées: Liste 120

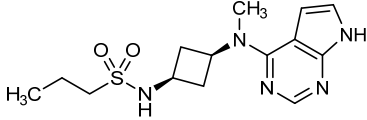
Des observations ou des objections formelles à l'égard des dénominations proposées peuvent être adressées par toute personne au Programme des Dénominations communes internationales de l'Organisation mondiale de la Santé dans un délai de quatre mois à compter de la date de leur publication dans *WHO Drug Information*, c'est à dire pour la **Liste 120 de DCI Proposées le 14 juin 2019 au plus tard**.

Date de publication : 15 février 2019

Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas: Lista 120

Cualquier persona puede dirigir observaciones u objeciones respecto de las denominaciones propuestas, al Programa de Denominaciones Comunes Internacionales de la Organización Mundial de la Salud, en un plazo de cuatro meses, contados desde la fecha de su publicación en *WHO Drug Information*, es decir, para la **Lista 120 de DCI Propuestas el 14 de junio de 2019 a más tardar**.

Fecha de publicación: le 15 de febrero de 2019

<i>Proposed INN (Latin, English, French, Spanish)</i>	<i>Chemical name or description: Action and use: Molecular formula Chemical Abstracts Service (CAS) registry number: Graphic formula</i>
<i>DCI Proposée</i>	<i>Nom chimique ou description: Propriétés et indications: Formule brute</i>
<i>DCI Propuesta</i>	<i>Numéro dans le registre du CAS: Formule développée</i>
	<i>Nombre químico o descripción: Acción y uso: Fórmula molecular Número de registro del CAS: Fórmula desarrollada</i>
abrocitinibum	
abrocitinib	<i>N-[cis-3-[methyl(7H-pyrrolo[2,3-d]pyrimidin-4-yl)amino]cyclobutyl]propane-1-sulfonamide tyrosine kinase inhibitor</i>
abrocitinib	<i>N-[cis-3-[méthyl(7H-pyrrolo[2,3-d]pyrimidin-4-yl)amino]cyclobutyl]propane-1-sulfonamide inhibiteur de la tyrosine kinase</i>
abrocitinib	<i>N-[cis-3-[metil(7H-pirrolo[2,3-d]pirimidin-4-il)amino]ciclobutil]propano-1-sulfonamida inhibidor de la tirosina kinasa</i>
	C ₁₄ H ₂₁ N ₅ O ₂ S 1622902-68-4
	

aclimostat

aclimostat

(3*R*,4*S*,5*S*,6*R*)-5-methoxy-4-[(2*R*,3*R*)-2-methyl-3-(3-methylbut-2-en-1-yl)oxiran-2-yl]-1-oxaspiro[2.5]octan-6-yl 3-[2-(morpholin-4-yl)ethyl]azetidine-1-carboxylate
methionine aminopeptidase 2 (MetAP2) inhibitor

aclimostat

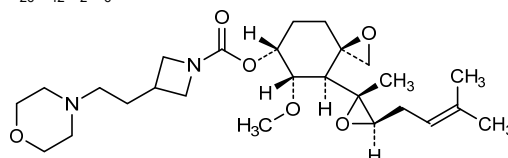
3-[2-(morpholin-4-yl)éthyl]azétidine-1-carboxylate de (3*R*,4*S*,5*S*,6*R*)-5-méthoxy-4-[(2*R*,3*R*)-2-méthyl-3-(3-méthylbut-2-én-1-yl)oxiran-2-yl]-1-oxaspiro[2.5]octan-6-yle
inhibiteur de la méthionine aminopeptidase 2 (MetAP2)

aclimostat

3-[2-(morfolin-4-il)etil]azetidina-1-carboxilato de (3*R*,4*S*,5*S*,6*R*)-5-metoxi-4-[(2*R*,3*R*)-2-metil-3-(3-metilbut-2-en-1-il)oxiran-2-il]-1-oxaspiro[2.5]octan-6-ilo
inhibidor de la metionina aminopeptidasa 2 (MetAP2)

C₂₆H₄₂N₂O₆

2082752-83-6

**adlinacogenum civaparvovecum #**

adlinacogene civaparvovec

a recombinant non-replicating adeno-associated virus type 2/6 (rAAV Rep2-Cap6) vector, which contains a promoter-less human coagulation factor IX (hF9, Factor IX or FIX) transgene cassette, encoding exons 2-8 and splice acceptor site sequence (SA) from hF9 exon 2, flanked by a sequence homologous to the zinc-finger nuclease (ZFN) cleavage site of the human albumin (hALB) intron 1
gene therapy substance (hemophilia)

adlinacogène civaparvovec

vecteur viral adéno-associé de type 2/6 recombinant (rAAV Rep2-Cap6), non-répliquant, contenant la cassette avec le transgène du facteur de coagulation IX humain (hF9, Facteur IX, FIX) sans promoteur, codant pour les exons 2-8 et la séquence du site accepteur (SA) d'épissage de l'exon 2 de hF9, flanqué par une séquence homologue au site de clivage de la nucléase à doigts de zinc (ZFN) de l'intron 1 l'albumine humaine (hALB).
substance de thérapie génique (hémophilie)

adlinacogén civaparvovec

un vector de virus adeno asociado tipo 2/6 recombinante (rAAV Rep2-Cap6), no replicativo, que contiene un casete con el transgen del factor de coagulación IX (hF9, Factor IX o FIX) humano sin promotor, que codifica para los exones 2-8 y la secuencia del sitio aceptor (SA) del splicing del exon 2 de hf9, flanqueado por una secuencia homóloga al sitio de rotura por la nucleasa con dedos de zinc (ZFN) del intron 1 de la albúmina humana (hALB)
sustancia de terapia génica (hemofilia)

2143579-02-4

afizagabarum
afizagabar

5-(4-fluoro-1-benzothiophen-2-yl)-8-methyl-1,9-dihydro-2H-[1,3]oxazolo[4,5-*h*][2,3]benzodiazepin-2-one
GABA receptor antagonist

afizagabar

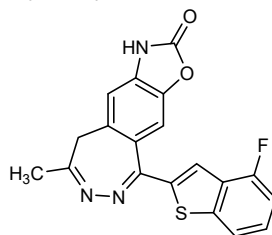
5-(4-fluoro-1-benzothiophén-2-yl)-8-méthyl-1,9-dihydro-2H-[1,3]oxazolo[4,5-*h*][2,3]benzodiazépin-2-one
antagoniste des récepteurs GABA

afizagabar

5-(4-fluoro-1-benzotiofen-2-il)-8-metil-1,9-dihidro-2H-[1,3]oxazolo[4,5-*h*][2,3]benzodiazepin-2-ona
antagonista de los receptores GABA

C₁₉H₁₂FN₃O₂S

1398496-82-6



aldaferminum #
aldafermin

[Phe⁵>Met,Ser⁶>Arg,Ala⁸>Ser,Gly⁹>Ser,His¹¹>Leu]
fibroblast growth factor 19 (human FGF19) (5-194)-
peptide, produced in *Escherichia coli*
fibroblast growth factor

aldafermine

[Phe⁵>Met,Ser⁶>Arg,Ala⁸>Ser,Gly⁹>Ser,His¹¹>Leu] facteur
de croissance des fibroblastes 19 (FGF19 humain)
(5-194)-peptide, produit par *Escherichia coli*
facteur de croissance des fibroblastes

aldafermina

[Phe⁵>Met,Ser⁶>Arg,Ala⁸>Ser,Gly⁹>Ser,His¹¹>Leu] factor
de crecimiento de fibroblastos 19 (FGF19 humano)
(5-194)-péptido, producido por *Escherichia coli*
factor de crecimiento de los fibroblastos

1616639-03-2

```
5   MRDSSP LVHYGWDPI RLRHLYTSGP HGLSSCFLRI RADGVVDCAR   50
GQSAHSLEI KAVALRTVAI KGVHVSRYLC MGADGKMQL LQYSEEDCAF   100
EEEIRPDGYN VYRSEKHLRP VSLSSAKQRQ LYKNRGFLPL SHFLPMLPMV   150
PEEPEDLRGH LESDMFSSPL ETDSMDPFGL VTGLEAVRSP SFEK       194
```

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
36-48, 80-98

amcipatricinum

amcipatricin

*N*³-[(dimethylamino)acetyl]partricin-A 2-(dimethylamino)ethylamide:
(1*R*,3*S*,5*S*,7*R*,9*R*,13*R*,17*R*,18*S*,19*E*,21*E*,23*Z*,25*Z*,27*E*,29*E*,31*E*,33*R*,
35*S*,36*R*,37*S*)-33-({3,6-dideoxy-3-[2-(dimethylamino)acetamido]-β-D-
mannopyranosyl}oxy)-*N*-[2-(dimethylamino)ethyl]-1,3,5,7,9,13,37-
heptahydroxy-17-[(2*S*,5*E*)-5-hydroxy-7-[4-(methylamino)phenyl]-7-
oxoheptan-2-yl]-18-methyl-11,15-dioxo-16,39-
dioxabicyclo[33.3.1]nonatriaconta-19,21,23,25,27,29,31-heptaene-36-
carboxamide
antifungal

amcipatricine

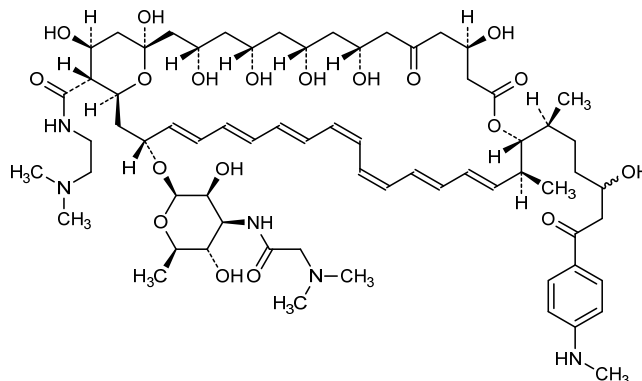
*N*³-[(diméthylamino)acétyl]partricin-A 2-(diméthylamino)éthylamide:
(1*R*,3*S*,5*S*,7*R*,9*R*,13*R*,17*R*,18*S*,19*E*,21*E*,23*Z*,25*Z*,27*E*,29*E*,31*E*,33*R*,
35*S*,36*R*,37*S*)-33-({3,6-didésoxy-3-[2-(diméthylamino)acétamido]-β-D-
mannopyranosyl}oxy)-*N*-[2-(diméthylamino)éthyl]-1,3,5,7,9,13,37-
heptahydroxy-17-[(2*S*,5*E*)-5-hydroxy-7-[4-(méthylamino)phényl]-7-
oxoheptan-2-yl]-18-méthyl-11,15-dioxo-16,39-
dioxabicyclo[33.3.1]nonatriaconta-19,21,23,25,27,29,31-heptaène-36-
carboxamide
antifongique

amcipatricina

*N*³-[(dimetilamino)acetil]partricin-A 2-(dimetilamino)etilamida:
(1*R*,3*S*,5*S*,7*R*,9*R*,13*R*,17*R*,18*S*,19*E*,21*E*,23*Z*,25*Z*,27*E*,29*E*,31*E*,33*R*,
35*S*,36*R*,37*S*)-33-({3,6-didesoxi-3-[2-(dimetilamino)acetamido]-β-D-
manopiranosil}oxi)-*N*-[2-(dimetilamino)etil]-1,3,5,7,9,13,37-
heptahidroxi-17-[(2*S*,5*E*)-5-hidroxi-7-[4-(metilamino)fenil]-7-
oxoheptan-2-il]-18-metil-11,15-dioxo-16,39-
dioxabíciclo[33.3.1]nonatriaconta-19,21,23,25,27,29,31-heptaeno-36-
carboxamida
antifúngico

C₆₇H₁₀₃N₅O₁₉

143483-67-4

**aspacytarabinum**

aspacytarabine

*N*⁴-(1-β-D-arabinofuranosyl-2-oxo-1,2-dihydropyrimidin-4-yl)-
L-asparagine
antimetabolite, antineoplastic

aspcytarabine

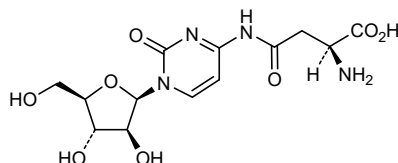
N^4 -(1- β -D-arabinofuranosyl-2-oxo-1,2-dihydropyrimidin-4-yl)-L-asparagine
antimétabolite, antinéoplasique

aspacitarabina

N^4 -(1- β -D-arabinofuranosil-2-oxo-1,2-dihidropirimidin-4-il)-L-asparagina
antimetabolito, antineoplásico

C₁₃H₁₈N₄O₈

2098942-53-9



atoltivimabum #
 atoltivimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Zaire ebolavirus* (Zaire Ebola virus (EBOV)) envelope glycoprotein (GP)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (94.9%) -IGHD) -IGHJ4*01 (100%)] [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (213) (117-214), hinge (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-215')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (94.7%) -IGKJ2*01 (100%)] [6.3.10] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimer (225-225":228-228")-bisdisulfide
immunomodulator, antiviral

atoltivimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[glycoprotéine d'enveloppe (GP) de *Zaire ebolavirus* (virus Ebola Zaïre (EBOV))], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (94.9%) -IGHD) -IGHJ4*01 (100%)] [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (213) (117-214), charnière (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (94.7%) -IGKJ2*01 (100%)] [6.3.10] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure
immunomodulateur, antiviral

atoltivimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[glicoproteína de la envoltura (GP) de *Zaire ebolavirus* (virus Ebola Zaïre (EBOV))], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;

cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (213) (117-214), bisagra (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (94.7%) -IGKJ2*01 (100%)) [6.3.10] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dímero (225-225'':228-228'')-bisdisulfuro
inmunomodulador, antiviral

2135632-29-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVESGGG VVQPGRSRLR SCAASGFTFN NYGMHWVRQA PGMGLEWVAV 50
IWHDGSDKYY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARNW 100
NLFDYWGGGT LVTVSSASTK GPSVFPLAPS SKSTSGGTAA LGCLVKDYFP 150
EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVVTVPSS SLGTQTYICN 200
VNHKPSNTKV DKKVEPKSCD KHTTCFPCPA PELLGGPSVF LFPPEKDTL 250
MISRTPEVTC VVVDVSHEDF EVKFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR 300
VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNAKLPAP IEKTISKAKG QPREPQVYTL 350
PPSRDELTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTTTPVLDSD 400
GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCVMHEA LHNHYTQKSL SLSPGK 446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS LSASVGDRIIT ITCRASQSI TYLHWYQQKPKAPKLLIYA 50
ASTLQSGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ SFSTPPINFG 100
QGTKLEIKRT VAAPSFIFF PSDEQLKSGT ASVVCILNNF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYSLSTL TSKADYEKH KVAACEVTHQ 200
GLSSPFTKSF NRGE 215

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 143"-199" 260"-320" 366"-424"
22"-96" 143"-199" 260"-320" 366"-424"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 135"-195"
23"-88" 135"-195"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 219"-215" 219"-215"

Inter-H-H (h 11, h 14) 225"-225" 228"-228"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

296, 296"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires

complexes fucosylés / glicanes de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping:

H CHS K2:

446, 446"

avanbulinum

avanbulin

3-[(4-{1-[2-(4-aminophenyl)-2-oxoethyl]-1*H*-benzimidazol-2-yl}-1,2,5-oxadiazol-3-yl)amino]propanenitrile
β-tubulin polymerization inhibitor, antineoplastic

avanbuline

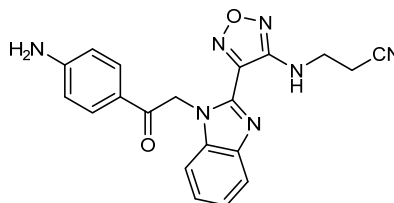
3-[(4-{1-[2-(4-aminophényl)-2-oxoéthyl]-1*H*-benzimidazol-2-yl}-1,2,5-oxadiazol-3-yl)amino]propanenitrile
inhibiteur de la polymérisation de la β-tubuline, antinéoplasique

avanbulina

3-[(4-{1-[2-(4-aminofenil)-2-oxoetil]-1*H*-benzimidazol-2-il}-1,2,5-oxadiazol-3-il)amino]propanonitrilo
inhibidor de la polimerización de la β-tubulina, antineoplásico

C₂₀H₁₇N₇O₂

798577-91-0



avexitidum
avexitide

exendin 3 [*Heloderma horridum horridum* (Mexican beaded lizard)] (9-39)-peptide 39-amide:

L-α-aspartyl-L-leucyl-L-seryl-L-lysyl-L-glutamyl-L-methionyl-L-α-glutamyl-L-α-glutamyl-L-α-glutamyl-L-alanyl-L-valyl-L-arginyl-L-leucyl-L-phenylalanyl-L-isoleucyl-L-α-glutamyl-L-tryptophyl-L-leucyl-L-lysyl-L-asparaginylglycylglycyl-L-prolyl-L-seryl-L-serylglycyl-L-alanyl-L-prolyl-L-prolyl-L-prolyl-L-serinamide
glucagon-like peptide-1 (GLP-1) receptor antagonist

avexitide

exendine 3 [*Heloderma horridum horridum* (lézard perlé mexicain)] (9-39)-peptide 39-amide:

L-α-aspartyl-L-leucyl-L-séryl-L-lysyl-L-glutamyl-L-méthionyl-L-α-glutamyl-L-α-glutamyl-L-α-glutamyl-L-alanyl-L-valyl-L-arginyl-L-leucyl-L-phénylalanyl-L-isoleucyl-L-α-glutamyl-L-tryptophyl-L-leucyl-L-lysyl-L-asparaginylglycylglycyl-L-prolyl-L-séryl-L-sérylglycyl-L-alanyl-L-prolyl-L-prolyl-L-prolyl-L-sérinamide
antagoniste du récepteur au peptide-1 d'action type glucagon

avexitida

exendina 3 [*Heloderma horridum horridum* (lagarto moteado mexicano)] (9-39)-péptido 39-amida:

L-α-aspartil-L-leucil-L-seril-L-lisil-L-glutaminil-L-metionil-L-α-glutamil-L-α-glutamil-L-α-glutamil-L-alanil-L-valil-L-arginil-L-leucil-L-fenilalanil-L-isoleucil-L-α-glutamil-L-triptofil-L-leucil-L-lisil-L-asparaginilglicilglicil-L-prolil-L-seril-L-serilglicil-L-alanil-L-prolil-L-prolil-L-prolil-L-serinamida
antagonista del receptor del péptido similar al glucagón (GLP-1)

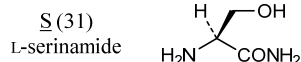
C₁₄₉H₂₃₄N₄₀O₄₇S

133514-43-9

Sequence / Séquence / Secuencia

DLSKQMEEEA VRLFIEWLKN GGPSSGAPPP S 31

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados



baloramotidum #

baloramotide

glycyl-L-prolyl-human cancer/testis antigen 1 (autoimmunogenic cancer/testis antigen NY-ESO-1, L antigen family member 2 (LAGE-2), cancer/testis antigen 6.1, CT6.1), produced by *Escherichia coli* immunological agent for active immunization (antineoplastic)

baloramotide

glycyl-L-prolyl-antigène 1 humain associé au cancer du testicule (antigène autoimmunogénique associé au cancer du testicule NY-ESO-1, membre 2 de la famille de l'antigène L (LAGE-2), antigène 6.1 associé au cancer du testicule, CT6.1), produit par *Escherichia coli*
agent immunologique d'immunisation active (antinéoplasique)

baloramotida

glicil-L-prolil-antígeno 1 humano asociado al cáncer de testículo (antígeno autoinmunogénico asociado al cáncer de testículo NY-ESO-1, miembro 2 de la familia del antígeno L (LAGE-2), antígeno 6.1 asociado al cáncer de testículo, CT6.1), producido por *Escherichia coli*
agente inmunológico para la inmunización activa (antineoplásico)

2207581-19-7

GP (N-terminal fused dipeptide)
MQAEGRTGG STGDADGPGG PGIPDGPGGN AGGPGEAGAT GGRGPRGAGA 50
ARASGPGGGA PRGPHGGAAS GLNGCCRCGA RGPESRLLEF YLAMPFATPM 100
EAELARRSLA QDAPLPVPG VLLKEFTVSG NLTIRLTAA DHRQLQLSIS 150
SCLQQLSLIM WITQCFLPVF LAQPPSGQRR 180

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
potential intermolecular disulfide bonds (5 Cys: 75, 76, 78, 152, 165), preferred positions in the oligomers unknown

balstilimabum #

balstilimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-440) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-33*01 (100%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) [8.8.6] (1-113) -*Homo sapiens*IGHG4*01 (CH1 (114-211), hinge S10>P (221) (212-223), CH2 (224-333), CH3 (334-438), CHS (439-440)) (114-440)], (127-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-15*01 (100%) -IGKJ1*01 (100.0%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (219-219":222-222")-bisdisulfide
antineoplastic

balstilimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde gamma4 *Homo sapiens* (1-440) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-33*01 (100%) -(IGHD) -IGHJ1*01 IGHJ1*01 (100%)) [8.8.6] (1-113) -*Homo sapiens*IGHG4*01 (CH1 (114-211), charnière S10>P (221) (212-223), CH2 (224-333), CH3 (334-438), CHS (439-440)) (114-440)], (127-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-15*01 (100%) -IGKJ1*01 (100.0%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (219-219":222-222")-bisdisulfure
antineoplasique

balstilimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada gamma4 *Homo sapiens* (1-440) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (100%) -(IGHD) -IGHJ1*01 IGHJ1*01 (100%)) [8.8.6] (1-113) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (114-211), bisagra S10>P (221) (212-223), CH2 (224-333), CH3 (334-438), CHS (439-440)) (114-440)], (127-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (100%) -IGKJ1*01 (100.0%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (219-219":222-222")-bisdisulfuro antineoplásico

2148321-77-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

QVQLVESGGG VVQPGRLRL SCAASGTFSS SYGMHWVRQA PGKGLEWVAV 50
IWYDGSNKYY ADSVKGRTI SRDNSKNTLY LQMSLRAD TAVYYCASNG 100
DHWGGGLVT VSSASTKGPS VFPLAPCSRS TSESTAALGC LVKDYFPEPV 150
TVSWNSGALT SGVHTFFAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG TKTYTCNVDH 200
KPSNTKVDKR VESKYGPCCP PCPAPFLGG PSVFLFPPKP KDTLMISRT 250
EVTGVVDVS QEDPEVQFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQFN STYRVVSVLT 300
VLHQDWLNGK EYCKVSNKG LPSSIEKTIS KAKGPPEPQ VYTLPPSQEE 350
MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTFPV LDSDGSFFLY 400
SRLTVDKSRW QEGNVFSCSV MHEALHNYT QKSLSLSLGK 440

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

EIVMTQSPAT LSVSPGERAT LSCRAQSQSV SNLAWYQKPK GQAPRLLIY 50
ASTRATGIPA RFGSGSGSTE FTLTISLQS EDFAVYYCQ YNNWPRTFG 100
GTRKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNFFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQ 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 140"-196" 254"-314" 360"-418"
 22"-96" 140"-196" 254"-314" 360"-418"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
 23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 127"-214" 127"-214"
 Inter-H-H (h 8, h 11) 219-219" 222-222"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

HCH2 N84.4:

290, 290"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

bedinvetmabum

bedinvetmab

immunoglobulin G2-lambda, anti-[*Canis lupus familiaris* NGF (nerve growth factor beta polypeptide, NGFB)], *Canis lupus familiaris* monoclonal antibody; gamma2 heavy chain *Canis lupus familiaris* (1-460) [VH (Canlupfam IGHV3-19*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%)) [8.8.18] (1-125) -Canlupfam IGHG2*02 (CH1 (126-222), hinge 1-19 (223-241), CH2 M1.3>A (245), L1.2>A (246), G1>A (248) (242-351), CH3 (352-458), CHS (459-460)) (126-460)], (140-215')-disulfide with lambda light chain *Canis lupus familiaris* (1'-216') [V-LAMBDA (Canlupfam IGLV1-141*01 (89.8%) -IGLJ3*01 (100%)) [6.5.14] (1'-108') -Canlupfam C-LAMBDA IGLC3*01 (109'-216')]; dimer (237-237":240-240")-bisdisulfide immunomodulator (veterinary use)

bédinvetmab	immunoglobuline G2-lambda, anti-[<i>Canis familiaris</i> NGF (facteur de croissance du nerf polypeptide bêta)], anticorps monoclonal <i>Canis lupus familiaris</i> ; chaîne lourde gamma2 <i>Canis lupus familiaris</i> (1-460) [VH (Canlupfam IGHV3-19*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%)) [8.8.18] (1-125) -Canlupfam IGHG2*02 (CH1 (126-222), charnière 1-19 (223-241), CH2 M1.3>A (245), L1.2>A (246), G1>A (248) (242-351), CH3 (352-458), CHS (459-460)) (126-460)], (140-215')-disulfure avec la chaîne légère lambda <i>Canis lupus familiaris</i> (1'-216') [V-LAMBDA (Canlupfam IGLV1-141*01 (89.8%) -IGLJ3*01 (100%)) [6.5.14] (1'-108') -Canlupfam C-LAMBDA IGLC3*01 (109'-216')]; dimère (237-237":240-240")-bisdisulfure <i>immunomodulateur (usage vétérinaire)</i>
bedinvetmab	inmunoglobulina G2-lambda, anti-[<i>Canis familiaris</i> NGF (factor de crecimiento del nervio polipéptido beta)], anticuerpo monoclonal <i>Canis lupus familiaris</i> ; cadena pesada gamma2 <i>Canis lupus familiaris</i> (1-460) [VH (Canlupfam IGHV3-19*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%)) [8.8.18] (1-125) -Canlupfam IGHG2*02 (CH1 (126-222), bisagra 1-19 (223-241), CH2 M1.3>A (245), L1.2>A (246), G1>A (248) (242-351), CH3 (352-458), CHS (459-460)) (126-460)], (140-215')-disulfuro con la cadena ligera lambda <i>Canis lupus familiaris</i> (1'-216') [V-LAMBDA (Canlupfam IGLV1-141*01 (89.8%) -IGLJ3*01 (100%)) [6.5.14] (1'-108') -Canlupfam C-LAMBDA IGLC3*01 (109'-216')]; dímero (237-237":240-240")-bisdisulfuro <i>immunomodulador (uso veterinario)</i>

2171034-69-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

EVQLVESGGD LVKPGGSLRL SCVASGFTFS SHGMHWVRQS PGKGLQWVAV 50
INSGGSSTYY TDAVKGRFTI SRDIAKNTVY LQMNSLRAED TAMYYCAKES 100
VGGWEQLVGP HFDYWGQGTLL VIVSSASTTA PSVFPLAPSC GSTSGSTVAL 150
ACLVSGYFPE PVTVSWNSSG LTSGVHTFPS VLQSSGLYSL SSMVTVPSSR 200
WPSETFTCNV AHPASKTKVD KPVPKRENGR VPRPPDCPKC PAPEAAGAPS 250
VFIFPPKPKD TLLIARTPEV TCVVVDLDFE DPEVQISWV DGKQMKTAKT 300
QPREEQFNGT YRVVSVLPFG HQDWLKGKQF TCKVNNKALP SPIERTISKA 350
RGQAHQPSVY VLPSPREELS KNTVSLTCLI KDFPPPDIDV EWQSNQQQEP 400
ESKYRTTPPQ LDEDEGSYFLY SKLSVDKSRW QRGDTFICAV MHEALHNHYT 450
QESLSHSPGK 460

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

QSVLTQPTSV SGSLGQRVTI SCSSGSTNNIG ILGASWYQLF PGKAPKLLVY 50
GNGNRPSPGV DRFSGADSGD SVTLTITGLQ AEDEADYYCQ SFDITLGAHV 100
FGGGTHLTVL GQPKASPSVT LFPPSSEELG ANKATLVCLI SDFYPSGVTV 150
ANKADGSPVT QGVETTKPSK QSNKYYAASS YLSLTPDKWK SHSSFSCLVT 200
HEGSTVEKKV APAECS 216

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 152-208 272-332 378-438
22"-96" 152"-208" 272"-332" 378"-438"

Intra-L (C23-C104) 22'-89' 138'-197'
22"-89" 138"-197"

Inter-H-L (CH1 11-CL 126) 140-215' 140"-215"

Inter-H-H (h 15, h 18) 237-237" 240-240"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

308, 308"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping:

H CHS K2:

460, 460"

bermekimabum #
bermekimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL1A (interleukin 1 alpha)], monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*03 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (91.7%)) [8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (219) (123-220), hinge (221-235), CH2 (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (92.6%) -IGKJ4*01 (83.3%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (231-231":234-234")-bisdisulfide
immunomodulator

bermekimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL1A (interleukine 1 alpha)], anticorps monoclonal;
chaîne lourde gamma1 (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*03 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (91.7%)) [8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (219) (123-220), charnière (221-235), CH2 (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (92.6%) -IGKJ4*01 (83.3%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (231-231":234-234")-bisdisulfure
immunomodulateur

bermekimab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL1A (interleukina 1 alfa)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma1 (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*03 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (91.7%)) [8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (219) (123-220), bisagra (221-235), CH2 (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (92.6%) -IGKJ4*01 (83.3%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (231-231":234-234")-bisdisulfuro
inmunomodulador

1401965-15-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVESGGG VVQPGRLRL SCTASGFTFS MFGVHWVRQA PGKLEWVAA 50
 VSYDGSNKYY AESVKGRFTI SRDNSKNILF LQMSLRLED TAVYYCARGR 100
 PKVVIAPLA HWGGTLVTF SSASTKGPSV FPLAPSSKST SGGTAALGCL 150
 VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTPVSSSLGT 200
 QTYICNVNHK PSNTKVDKRV EPKSCDKTHT CPFCPAPELL GGPVFLFPP 250
 KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
 YNSTYRVVSV LTVLHQDWLN GKEYCKVSN KALPAPIEKT ISKAKGQPRE 350
 PQVYTLPPSR EEMTKNQVSL TCLVKGFYPS DIAVEWESNG QPENNYKTP 400
 PVLDSGSEFF LYSKLTVDKS RWQQGNVFSC SVMHEALHNNH YTKQSLSLSP 450
 GK 452

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS VSASVGRVIT ITCRASQGIS SWLAWYQQK GKAPKLLIYE 50
 ASNLETGVPS RFSGSGSGSD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ TSSFLLSFGG 100
 GTKVEHKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNFFY PREAKVQWKV 150
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
 LSSPVTKSFN RGECC 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 149-205 266-326 372-430
 22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
 23""-88"" 134""-194""

Inter-H-L (h 5-CL 126) 225-214' 225"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 231-231" 234-234"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

302, 302"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
 complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados

berotralstatum

berotralstat

1-[3-(aminomethyl)phenyl]-N-(5-((R)-(3-cyanophenyl)[(cyclopropylmethyl)amino]methyl)-2-fluorophenyl)-3-(trifluoromethyl)-1H-pyrazole-5-carboxamide
kallikrein inhibitor

bérotralstat

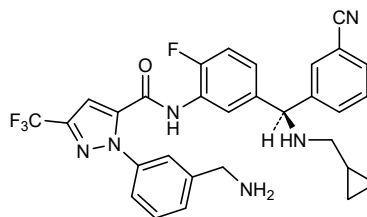
1-[3-(aminométhyl)phényl]-N-(5-((R)-(3-cyanophényl)[(cyclopropylméthyl)amino]méthyl)-2-fluorophényl)-3-(trifluorométhyl)-1H-pyrazole-5-carboxamide
inhibiteur de la kallikréine

berotralstat

1-[3-(aminometil)fenil]-N-(5-((R)-(3-cianofenil)[(ciclopropilmetil)amino]metil)-2-fluorofenil)-3-(trifluorometil)-1H-pirazol-5-carboxamida
inhibidor de la caliceína

C₃₀H₂₆F₄N₆O

1809010-50-1



blarcamesinum

blarcamesine

rac-1-[(3*R*)-2,2-diphenyloxolan-3-yl]-*N,N*-dimethylmethanamine
σ receptor ligand

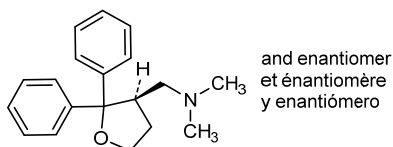
blarcamésine

rac-1-[(3*R*)-2,2-diphényloxolan-3-yl]-*N,N*-diméthylméthanamine
ligand du récepteur *σ*

blarcamesina

rac-1-[(3*R*)-2,2-difeniloxolan-3-il]-*N,N*-dimetilmetanamina
ligando del receptor *σ*C₁₉H₂₃NO

195615-83-9

**cadalimogenum ixalentivecum #**

cadalimogene ixalentivec

a recombinant dendritic cell-targeting, non-replicating and integration-deficient lentiviral vector, encoding the cancer testis (CT) antigen NY-ESO-1, under the control of an eukaryotic ubiquitin intron-deleted promoter
gene therapy substance (antineoplastic)

cadalimogène ixalentivec

vecteur lentiviral recombinant dirigé contre les cellules dendritiques, non-répliquant et dont la capacité d'intégration est diminuée, codant pour l'antigène NY-ESO-1 du cancer du testicule (CT), sous le contrôle d'un promoteur eucaryotique de l'ubiquitine dont l'intron a été supprimé
substance de thérapie génique (antineoplasique)

cadalimogén ixalentivec

un vector lentiviral recombinante dirigido a células dendríticas, no replicativo y con capacidad de integración disminuida, que codifica para el antígeno de cáncer de testículo (CT) NY-ESO-1 bajo el control de un promotor eucariótico de ubiquitina con el intron delecionado
sustancia de terapia génica (antineoplásico)

2137091-21-3

cendakimabum #

cendakimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL-13 (interleukin 13, IL-13)], humanized monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain humanized (1-453) [VH (*Homo sapiens*IGHV2-5*08 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [10.7.15] (1-123) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (220) (124-221), hinge (222-236), CH2 L1.3>A (240), L1.2>A (241) (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-33*01 (85.3%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (232-232":235-235")-bisdisulfide
immunomodulator

cendakimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL-13 (interleukine 13, IL-13)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde gamma1 humanisée (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-5*08 (80.6%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) [10.7.15] (1-123) - *Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (220) (124-221), charnière (222-236), CH2 L1.3>A (240), L1.2>A (241) (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (85.3%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (232-232"-235-235")-bisdisulfure
immunomodulateur

cendakimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL-13 (interleukina 13, IL-13)], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada gamma1 humanizada (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-5*08 (80.6%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) [10.7.15] (1-123) - *Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (220) (124-221), bisagra (222-236), CH2 L1.3>A (240), L1.2>A (241) (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (85.3%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (232-232"-235-235")-bisdisulfuro
immunomodulador

2151032-62-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

EVTLRSGPG LVKPTQTLTL TCTLYGFSLS TSDMGVDWIR QPPGKGLEWL 50
AHIWDDVKR YNPALKSRLT ISKDTSKNQV VLKLTSDVPV DTATYYCART 100
VSSGYIYYAM DYWGQGLTIV VSSASTKGPS VFPLAPSSKS TSGGTAALGC 150
LVKDYFFPEPV TVSWNSGALT SGVHTFFPAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG 200
TQTYICNVNH KPSNTKVDDK VEPKSCDKTH TCPPCPAPEA AGGPSVFLFP 250
PKPKDTLMIS RTEPTCVVV DVSHEDPEVK FNWYVDGVEV HNAKTKPREE 300
QYNSTYRVVS VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKALPAPIEK TISKAGQPR 350
EPQVYTLPPS REEMTKNQVS LTCLVKGFPY SDIAVEWESN GPENNYKTT 400
PPVLDSGGSF FLYSKLTVDK SRWQGNVFS CSVMHEALHN HYTKSLSL 450
PGK 453

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

DIQMTQSPSS LSASVGRDVT ISCRASQDIR NYLNWYQQKP GKAPKLLIFY 50
TSKLHSGVPS RFGSGSGSTD YTLTISSLQP EDIATYYCQQ GNTLPLTFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVEIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWVK 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-97 150-206 267-327 373-431
22"-97" 150"-206" 267"-327" 373"-431"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 226-214' 226"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 232-232" 235-235"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

303, 303"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires

complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping:

H CHS K2:

453, 453"

cetuximabum sarotalocanum #
cetuximab sarotalocan

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EGFR (epidermal growth factor receptor, avian erythroblastic leukemia viral (v-erb-b) oncogene homolog, ERBB)], chimeric monoclonal antibody conjugated to IRDye 700DX (IR700) near-infrared photosensitizing dye; gamma1 heavy chain chimeric (1-449) [VH (*Mus musculus* IGHV2-2*03 (93.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (100%)) [8.7.13] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (216) (120-217), hinge (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfide with kappa light chain chimeric (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV5-48*01 (95.8%) -IGKJ5*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide; conjugated on an average of 2 or 3 lysyl to photosensitizing dye IRDye 700DX
immunomodulator, antineoplastic

cétuximab sarotalocan

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EGFR (récepteur du facteur de croissance épidermique, leucémie érythroblastique aviaire virale (v-erb-b) homologue d'oncogène, ERBB)], anticorps monoclonal chimérique conjugué au photosensibilisateur proche infrarouge IRDye 700DX (IR700); chaîne lourde gamma1 chimérique (1-449) [VH (*Mus musculus* IGHV2-2*03 (93.8%) -(IGHD) - IGHJ3*01 (100%)) [8.7.13] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (216) (120-217), charnière ((218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa chimérique (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV5-48*01 (95.8%) -IGKJ5*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure; conjugué sur 2 ou 3 lysyl en moyenne au photosensibilisateur IRDye 700DX
mmunomodulateur, antinéoplasique

cetuximab sarotalocán

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EGFR (receptor del factor de crecimiento epidérmico leucemia eritroblástica aviar viral (v-erb-b) homólogo del oncogen, ERBB)], anticuerpo monoclonal quimérico conjugado con el infrarrojo cercano fotosensibilizante IRDye 700DX (IR700); cadena pesada gamma1 quimérico (1-449) [VH (*Mus musculus* IGHV2-2*03 (93.8%) -(IGHD) - IGHJ3*01 (100%)) [8.7.13] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (216) (120-217), bisagra ((218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa quimérica (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV5-48*01 (95.8%) -IGKJ5*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro; conjugado con 2 o 3 restos lisil por término medio al fotosensibilizante IRDye 700DX
immunomodulador, antineoplásico

2166339-33-7

Heavy chain / chaîne lourde / cadena pesada

QVQLKQSGPG LVQPSQSLSI TCTVSGFSLT NYGVHWVRQS PGKGLEWLGV 50
 IWSGGNTDYN TPFTSRLSIN KDNSKSQVFF KMNSLQSNLT AIYYCARALT 100
 YYDYEFAYWG QGTLVTVSAA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
 YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPVQLQSSG LYSLSVVTV PSSSLGTQTY 200
 ICNVNHKPSN TKVDKRVFEPK SCDKTHTCP CPAPPELLGGP SVFLFPPKPK 250
 DTLMISRTPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
 TYRVVSVLT LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
 YTLPPSREEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
 DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVN HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449

Light chain / chaîne légère / cadena ligera

DILLTQSPVI LSVSPGERVS FSCRASQSIG TNIHWYQQRT NGSPRLLIKY 50
 ASESISGIPS RFSGSGSGTD FTLSINSVES EDIADYYCQQ NNNWPTTFGA 100
 GTKLELKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
 LSSPVTKSFN RGEC 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location

Intra-H (C23-C104) 22-95 146-202 263-323 369-427
 22"-95" 146"-202" 263"-323" 369"-427"
 Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
 23'''-88''' 134'''-194'''
 Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-214' 222"-214"
 Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228" 231-231"

N-glycosylation sites

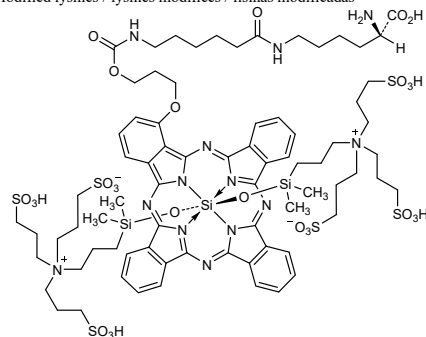
H CH2 N84.4:

88, 88",

299, 299"

Fucosylated complex bi-antennary Sp2/0-type glycans

Modified lysines / lysines modifiées / lisinas modificadas

**choriogonadotropinum beta #**

choriogonadotropin beta

human chorionic gonadotropin, alpha and beta chains,
 non-covalent heterodimer, produced in recombinant
 human retinal cells containing an inserted sialyltransferase
 gene, glycoform beta
hormone

choriogonadotropine bêta

gonadotrophine chorionique humaine, chaînes alpha et
 bêta, hétérodimère non-covalent, produit dans des cellules
 rétinales humaines recombinantes contenant un gène de
 sialyltransférase, glycoforme bêta
hormone

coriogonadotropina beta

gonadotropina coriónica humana, cadenas alfa y beta, heterodímero no covalente, producido en las células retinales humanas recombinantes que contienen un gen de sialiltransferasa, glicofoma beta
hormona

2170458-11-2

non-covalent heterodimer:

 α -subunit

APDVQDCPEC TLQENFFFSQ PGAPILQCMG CCFSTRAYTP LRSKKTMLVQ 50
KNVTSESTCC VAKSYNRVTV MGGFKVENHT ACHCSTCYH KS 92

 β -subunit

SKEPLRPRCR PINATLAVEK EGCPVCITVN TTICAGYCPT MTRVLQGVLP 50
ALPQVVCNRY DVRFESIRLP GCPRGVNEPV SYAVALSQCQ ALCRRSTTDC 100
GGPKDHPLTC DDPFQDSSS SKAPPPSLPS PSRLPGPST PILPQ 145

Disulfide bridge location / Position de la pont disulfure / Posición del puente disulfuro

 α : 7-31, 10-60, 28-82, 32-84, 59-87; β : 9-57, 23-72, 26-110, 34-88, 38-90, 93-100

N-Glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

 α : Asn52, Asn78; β : Asn13, Asn30

(highly sialylated glycans)

O-Glycosylation sites / Sites de O-glycosylation / Posiciones de O-glicosilación

 β : Ser121, Ser127, Ser132, Ser138

cinpanemabum #
cinpanemab

immunoglobulin G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* SNCA (synuclein alpha, alpha-synuclein, PARK1, PARK4, Parkinson disease (autosomal dominant, Lewy body) 4, non A4 component of amyloid precursor, NACP)], monoclonal antibody;

gamma1 heavy chain (1-442) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-15*01 (84.0%) -IGHD) -IGHJ1*01 (100%)] [8.10.4] (1-113) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (210) (114-211), hinge (212-226), CH2 (227-336), CH3 E12 (352), M14 (354) (337-441), CHS K2>del (442)) (114-442)], (216-213')-disulfide with lambda light chain (1'-214') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-25*02 (85.4%) -IGLJ2*01 (100%)] [6.3.11] (1'-108') -*Homo sapiens* IGLC2*01 G1.5>S (109') (109'-214')]; dimer (222-222'':225-225'')-bisdisulfide

immunomodulator, antiparkinsonian

cinpanémab

immunoglobuline G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* SNCA (synucléine alpha, alpha-synucléine, PARK1, PARK4, maladie de Parkinson (autosomique dominante, corps de Lewy) 4, composant non A4 du précurseur amyloïde, NACP)], anticorps monoclonal;

chaîne lourde gamma1 (1-442) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-15*01 (84.0%) -IGHD) -IGHJ1*01 (100%)] [8.10.4] (1-113) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (210) (114-211), charnière (212-226), CH2 (227-336), CH3 E12 (352), M14 (354) (337-441), CHS K2>del (442)) (114-442)], (216-213')-disulfure avec la chaîne légère lambda (1'-214') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-25*02 (85.4%) -IGLJ2*01 (100%)] [6.3.11] (1'-108') -*Homo sapiens* IGLC2*01 G1.5>S (109') (109'-214')]; dimère (222-222'':225-225'')-bisdisulfure

immunomodulateur, antiparkinsonien

cinpanemab

inmunoglobulina G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* SNCA (sinucleína alfa, alfa-sinucleína, PARK1, PARK4, enfermedad del Parkinson (autosómica dominante, cuerpos de Lewy) 4, componente no A4 del precursor amiloide, NACP)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-442) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-15*01 (84.0%) - (IGHD) - IGHJ1*01 (100%)) [8.10.4] (1-113) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (210) (114-211), bisagra (212-226), CH2 (227-336), CH3 E12 (352), M14 (354) (337-441), CHS K2>del (442)) (114-442)], (216-213')-disulfuro con la cadena ligera lambda (1'-214') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-25*02 (85.4%) - IGLJ2*01 (100%)) [6.3.11] (1'-108') -*Homo sapiens* IGLC2*01 G1.5>S (109') (109'-214')]]; dímero (222-222":225-225")-bisdisulfuro
inmunomodulador, antiparkinsoniano

2094516-02-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVEPGGSLRL SCAVSGFDFE KAWMSWVRQA PGQGLQWVAR 50
IKSTADGGTT SYAAPVEGRF IISRDDSRNM LYLQMNLSKT EDTAVYYCTS 100
AHWGQGTLLV VSSASTKGPS VFPLAPSSKS TSGGTAALGC LVKDYFPEPV 150
TVSWNSGALT SGVHTFFPAVL QSSGLYSLSV VVTVFSSSLG TQTYICNVNH 200
KPSNTRVDKR VEPKSCDKTH TCFPCPAPEL LGGPSVFLFP PKPKDTLMIS 250
RTPEVTCVVV DVSHEDPEVK FNWYVDGVEV HNAKTKPREE QYNSTYRVVS 300
VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKALPAPIEK TISKAKGQPR EPQVYTLPPS 350
REEMTKNQVS LTCLVKGFPY SDIAVEWESN GQPENNYKTT PPVLDSDGSF 400
FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSVMREALHN HYTKSLSLS PG 442
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
SYELTQPPSV SVSPGQTARI TCSGEALPMQ FAHWYQQRPG KAPVIVVYKD 50
SERPSGVPER FSGSSSGTTA TLTITGVQAE DEADYYCQSP DSTNTYEVFG 100
GGTKLTVLSQ PKAAPSVTLF PPSSEELQAN KATLVCLISD FYPGAVTVAW 150
KADSSPVKAG VETTTPSKQS NNKYAASSYL SLTPEQWKSH RSYSCQVTHE 200
GSTVEKTVAP TECS 214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-98 140-196 257-317 363-421
22"-98" 140"-196" 257"-317" 363"-421"

Intra-L (C23-C104) 22'-87' 136'-195'
22"'-87'" 136'"-195'"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 216-213' 216"-213"

Inter-H-H (h 11, h 14) 222-222" 225-225"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

293, 293"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

clascoteronum

clascoterone

21-hydroxy-3,20-dioxopregn-4-en-17-yl propanoate
antiandrogen

clascotérone

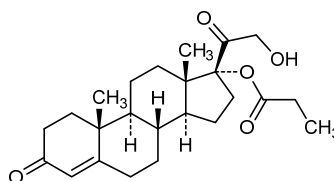
propanoate de 21-hidroxi-3,20-dioxoprégn-4-én-17-yle
antiandrogène

clascoterona

propanoato de 21-hidroxi-3,20-dioxopregn-4-en-17-ilo
antiandrógeno

C₂₄H₃₄O₅

19608-29-8



clervonafuspum alfa #
clervonafusp alfa

immunoglobulin G1-kappa, cell-penetrating humanized Fab fragment targeting the equilibrative nucleoside transporter 2 (ENT2), fused with a human lysosomal α -glucosidase fragment, glycoform alfa: gamma1 heavy chain VH-CH1 [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV3-48*01 -(IGHD)-IGHJ4*01) [CDRKabatH1: NYGMH (31-35), CDRKabatH2: YISSGSSTIYYADSVKG (50-66), CDRKabatH3: RGLLLDY (99-105)] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (CH1 (117-214), hinge (215-224)) (117-224)] (1-224) fused by a G₂SG₃SG₃SG₂ linker (225-237) with human lysosomal α -glucosidase (acid α -glucosidase, GAA) pro-protein (67-952)-peptide (238-1123), (219-218')-disulfide with kappa light chain (1'-218') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 -IGKJ2*02) [CDRKabatL1: RASKSVSTSSYSYMH (24-38), CDRKabatL2: YASYLQS (54-60), CDRKabatL3: QHSREFPWT (93-101)] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (112'-218')], produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, enzyme

clervonafusp alfa

immunoglobuline G1-kappa, fragment Fab humanisé pénétrant les cellules et ciblant le transporteur équilibrant de type 2 de nucléosides (ENT2), fusionné avec un fragment de l' α -glucosidase lysosomale humaine, glycoforme alfa: chaîne lourde gamma1 VH-CH1 [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-48*01 -(IGHD)-IGHJ4*01) [CDRKabatH1: NYGMH (31-35), CDRKabatH2: YISSGSSTIYYADSVKG (50-66), CDRKabatH3: RGLLLDY (99-105)] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (CH1 (117-214), charnière (215-224)) (117-224)] (1-224) fusionné via un linker G₂SG₃SG₃SG₂ (225-237) avec le précurseur de l' α -glucosidase lysosomale humaine (α -glucosidase acide, GAA) (67-952)-peptide (238-1123), (219-218')-disulfure avec la chaîne kappa légère (1'-218') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 -IGKJ2*02) [CDRKabatL1: RASKSVSTSSYSYMH (24-38), CDRKabatL2: YASYLQS (54-60), CDRKabatL3: QHSREFPWT (93-101)] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (112'-218')], produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, enzyme

clervonafusp alfa

inmunoglobulina G1-kappa, fragmento Fab humanizado que penetra las células y cuya diana es el transportador que equilibra los nucleósidos de tipo 2 (ENT2), fusionado con un fragmento de la α -glucosidasa lisosomal humana, glicoforma alfa:

cadena pesada gamma1 VH-CH1 [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV3-48*01 -(IGHD)-IGHJ4*01) [CDRKabatH1: NYGMH (31-35), CDRKabatH2: YISSGSSTIYYADSVKG (50-66), CDRKabatH3: RGLLLDY (99-105)] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (CH1 (117-214), bisagra (215-224)) (117-224)] (1-224) fusionada mediante un conector $G_2SG_3SG_3SG_2$ (225-237) con el precursor de la α -glucosidasa lisosomal humana (α -glucosidasa ácida, GAA) (67-952)-péptido (238-1123), (219-218')-disulfuro con la cadena kappa ligera (1'-218') [V-KAPPA humanizada (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 -IGKJ2*02) [CDRKabatL1: RASKSVSTSSYSYMH (24-38), CDRKabatL2: YASYLQS (54-60), CDRKabatL3: QHSREFPWT (93-101)] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (112'-218')], producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicoforma alfa
inmunomodulador, enzima

2145123-44-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

EVQLQESGGG VQPPGSSLR LSCAASGFTFS NYGMHWIRQA PGKGLEWVS Y 50
ISSGSSTIYY ADSVKG RFTI SRDNSKNTLY LQMNLSRSED TAVYYCARRG 100
LLLDYWGQGT LVTSSASTK GPSVFPLAPS SKSTSGGTAA LGCLVKDYFP 150
EPTVTSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVTVTPSS SLGTQTYICN 200
VNHKPSNTKV DKKVEPKSCD KTHTGSGSGG SGGSGGGDAQ AHPGRPRAPV 250
TQCDVPFNSR FDCAPDKAIT QECCARGCC YIPAKGLQG AQMGQPWCFF 300
PPSYPSYKLE NLSSSEMGYT ATLTRTPTF FPKDILTLRL DVMETENRL 350
HFTIKDPANR RYEVPLETPH VHSRAPSPLY SVEFSEEPFG VIVRRQLDGR 400
VLLNTTVAPL FFADQFLQLS TSLPSQYITG LAEHLSPML STSWTRITLW 450
NRDLAPTPGA NLYGSHPFYL ALEDGGSAGH VFLNLSNAMD VVLQSPSALS 500
WRSTGGILDV YIFLGPEPKS VVQYLDVVG YPFMPYWG LGFHLCRWGYS 550
STAITRQVVE NMTRAHFPLD VQWNLDDYMD SRRDFTFNK GFRDFPAMVQ 600
ELHQCGRRYM MIVDPAISSS GPAGSYRPYD EGLRRGVFIT NETGQPLIGK 650
VWPGSTAFPD FTNPTALAWW EDMVAEFHDQ VPFDMGMWID NEPSNFIRGS 700
EDGCPNNELE NPPYVPGVVG GTLQAATICA SSHQFLSTHY NLHNLGLTE 750
AIASHRALVK ARGTRPFVIS RSTFAGHGRI AGHWTDVWS SWEQLASSVP 800
EILQFNLLGV PLVGADVCGF LGNTSEELCV RWTQLGAFYP FMRNHNLSLS 850
LPQEPYSFSE PAQAMRKAL TLRYALLPHL YTLFHQAQVA GETVARPLFL 900
EFPKDSSTWT VDHQLLWGEA LLITPVLQAG KAEVTGYFPL GTWYDLQTPV 950
VEALGSLPPP PAAPREPAIH SEGQWVTLPA PLDTINVHLR AGYIIPLQGP 1000
GLTTTESRQQ PMALAVALTK GGEARGELFW DDGESLEVLE RGAYTQVIFL 1050
ARNNTIVNEL VRVTSEGAGL QLQKVTVLGV ATAPQVLSN GVPVSNFTYS 1100
PDTKVLDICV SLLMGEQFLV SWC 1123

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ISCRASKSVS TSSYSYMHY QQKPEKAPKL 50
LIKYASYLQS GVPSRFSGSG SGTDFLTIS SLQPEDVATY YCQHSREFPW 100
TFGAGTKLEL KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVCLL NNFYPREKAV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYLSL STLTLSKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGEC 218

```

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

intra-H: IgG1: 22-96, 143-199,
GAA: 253-280, 263-279, 274-298,
704-729, 818-829, 1109-1123
intra-L: 23'-92', 138'-198'
inter-H-L: 219-218'

N-Glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
Asn311, Asn404, Asn561, Asn641, Asn823, Asn1053, Asn1096

cobolimabum #

cobolimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* HAVCR2 (hepatitis A virus cellular receptor 2, T-cell immunoglobulin mucin family member 3, Tim-3, TIM3, TIMD3, CD366)], humanized monoclonal antibody; gamma4 heavy chain humanized (1-440) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 25^26>ins^A (25) (92.8%) -(IGHD) - IGHJ6*01 (92.9%)) [8.8.5] (1-113) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (114-211), hinge S10>P (221) (212-223), CH2 (224-333), CH3 (334-438), CHS (439-440)) (114-440)], (127-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (90.5%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (219-219":222-222")-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

cobolimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* HAVCR2 (récepteur cellulaire 2 du virus de l'hépatite A, CD366, membre 3 de la famille mucine immunoglobuline des cellules T, Tim-3, TIM3, TIMD3, CD366)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma4 humanisée (1-440) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 25^26>ins^A (25) (92.8%) -(IGHD) - IGHJ6*01 (92.9%)) [8.8.5] (1-113) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (114-211), charnière S10>P (221) (212-223), CH2 (224-333), CH3 (334-438), CHS (439-440)) (114-440)], (127-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (90.5%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191), (108')-214')]; dimère (219-219":222-222")-bisdisulfure
immunomodulateur, antinéoplasique

cobolimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* HAVCR2 (receptor celular 2 del virus de la hepatitis A, CD366, miembro 3 de la familia mucina inmunoglobulina de las células T, Tim-3, TIM3, TIMD3, CD366)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma4 humanizada(1-440) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 25^26>ins^A (25) (92.8%) -(IGHD) - IGHJ6*01 (92.9%)) [8.8.5] (1-113) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (114-211), bisagra S10>P (221) (212-223), CH2 (224-333), CH3 (334-438), CHS (439-440)) (114-440)], (127-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (90.5%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191), (108')-214')]; dímero (219-219":222-222")-bisdisulfuro
immunomodulador, antineoplásico

2022215-65-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
 EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAMASGFTF SSYDMSWVRQ APGKGLDWVS 50
 TISGGGTYTY YQDSVKGRFT ISRDNSKNTL YLQMNSLRAE DTAVYYCASM 100
 DYWGQGTITVT VSSASTKGFS VFPLAPCSRS TSESTAALGC LKDYFFPEPV 150
 TVSWNSGALT SGVHTFFAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG TKTYTCNVDH 200
 KPSNTKVDKR VESKYGPFCP PCPAPEFLGG PSVFLFPKP KDTLMISRT 250
 EVTCVVVDVS QEDPEVQFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQFN STYRVSVLT 300
 VLHQDWLNGK EYKCKVSNKG LPSSIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSQEE 350
 MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPEV LDSDGSFFLY 400
 SRLTVDKSRW QEGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSLGG 440

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
 DIQMTQSPSS LSASVGRVT ITCRASQIR RYLNWYHQP GKAPKLLIYG 50
 ASTLQSGVPS RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFAVYYCQ SHSAPLTFGG 100
 GTKVEIKRTV AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNFF PREAKVQMKV 150
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYERHK VIACEVTHQG 200
 LSSFTVKSFN RGECC 214

Post-translational modifications
 Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
 Intra-H (C23-C104) 22"-97" 140"-196" 254"-314" 360"-418"
 22"-97" 140"-196" 254"-314" 360"-418"
 Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
 23"-88" 134"-194"
 Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 127"-214" 127"-214"
 Inter-H-H (h 8, h 11) 219-219" 222-222"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
 H CH2 N84.4:
 290, 290"
 Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
 complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenariós complejos fucosilados.

crinecerfontum
 crinecerfont

4-(2-chloro-4-methoxy-5-methylphenyl)-N-[(1S)-2-cyclopropyl-1-(3-fluoro-4-methylphenyl)ethyl]-5-methyl-N-(prop-2-yn-1-yl)-1,3-thiazol-2-amine
corticotropin releasing factor (CRF) antagonist

crinécerfont

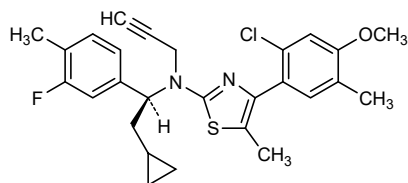
4-(2-chloro-4-méthoxy-5-méthylphényl)-N-[(1S)-2-cyclopropyl-1-(3-fluoro-4-méthylphényl)éthyl]-5-méthyl-N-(prop-2-yn-1-yl)-1,3-thiazol-2-amine
antagoniste du facteur de libération de la corticotropine (CRF)

crinecerfont

4-(2-cloro-4-metoxi-5-metilfenil)-N-[(1S)-2-ciclopropil-1-(3-fluoro-4-metilfenil)etil]-5-metil-N-(prop-2-in-1-il)-1,3-tiazol-2-amino
antagonista del factor de liberación de la corticotropina (CRF)

C₂₇H₂₈ClFN₂OS

752253-39-7



crisdesalazinum
 crisdesalazine

2-hydroxy-5-({2-[4-(trifluoromethyl)phenyl]ethyl}amino)benzoic acid
neuroprotectant

crisdésalazine

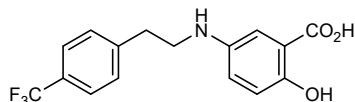
acide 2-hydroxy-5-({2-[4-(trifluorométhyl)phényl]éthyl}amino)benzoïque
neuroprotecteur

crisdesalazina

ácido 2-hidroxi-5-({2-[4-(trifluorometil)fenil]etil}amino)benzoico
neuroprotector

C₁₆H₁₄F₃NO₃

927685-43-6

**cytisiniclinum**

cytisinicline

(1*R*,5*S*)-1,2,3,4,5,6-hexahydro-8*H*-1,5-methanopyrido[1,2-*a*][1,5]diazocin-8-one (cytisine)
nicotinic acetylcholine receptor partial agonist

cytisinicline

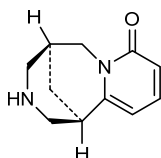
(1*R*,5*S*)-1,2,3,4,5,6-hexahydro-8*H*-1,5-méthanopyrido[1,2-*a*][1,5]diazocin-8-one (cytisine)
agoniste partiel du récepteur nicotinique à l'acétylcholine

citisiniclina

(1*R*,5*S*)-1,2,3,4,5,6-hexahidro-8*H*-1,5-metanopirido[1,2-*a*][1,5]diazocin-8-ona (citisina)
agonista parcial del receptor nicotínico de la acetilcolina

C₁₁H₁₄N₂O

485-35-8

**danicamtivum**

danicamtiv

4-((1*R*)-1-[3-(difluorometil)-1-metil-1*H*-pirazol-4-sulfonil]-1-fluoroetil)-*N*-(1,2-oxazol-3-yl)piperidine-1-carboxamide
positive inotropic agent

danicamtiv

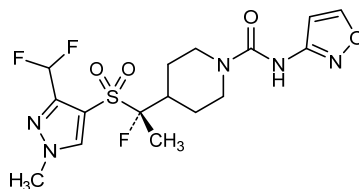
4-((1*R*)-1-[3-(difluorométhyl)-1-méthyl-1*H*-pirazole-4-sulfonil]-1-fluoroéthyl)-*N*-(1,2-oxazol-3-yl)pipéridine-1-carboxamide
agent inotrope positif

danicamtiv

4-((1*R*)-1-[3-(difluorometil)-1-metil-1*H*-pirazol-4-sulfonil]-1-fluoroetil)-*N*-(1,2-oxazol-3-il)piperidina-1-carboxamida
agente inotrópico positivo

C₁₆H₂₀F₃N₅O₄S

1970972-74-7



devafidugenum civaparvovec #
devafidugene civaparvovec

a recombinant non-replicating adeno-associated virus type 2/6 (rAAV Rep2-Cap6) vector, which contains a promoter-less human alpha-L-iduronidase (hIDUA) transgene cassette, encoding partial exon 1 and full exons 2-14 with the first 28 amino acids removed, and splice acceptor site sequence (SA) from hIDUA exon 2, flanked by a sequence homologous to the zinc-finger nuclease (ZFN) cleavage site of the human albumin (hALB) intron 1
gene therapy substance (mucopolysaccharidosis I)

devafidugène civaparvovec

vecteur viral adéno-associé de type 2/6 recombinant (rAAV Rep2-Cap6), non-répliquant, contenant la cassette du transgène de l'alpha-L-iduronidase humaine (hIDUA) sans promoteur, codant partiellement l'exon 1 et entièrement les exons 2-14 dont la partie correspondant aux 28 premiers acides aminés a été retirée, et la séquence du site accepteur (SA) d'épissage de l'exon 2 de l'hIDUA, flanqué d'une séquence homologue au site de clivage de la nucléase à doigts de zinc (ZFN) de l'intron 1 de l'albumine humaine (hALB)
substance de thérapie génique (mucopolysaccharidose I)

devafidugén civaparvovec

un vector de virus adeno asociado tipo 2/6 recombinante (rAAV Rep2-Cap6), no replicativo, que contiene un casete con el transgen de la alfa-L-iduronidasa humana (hIDUA) sin promotor, que codifica para el exón 1 parcial y los exones 2-14 completos con los primeros 28 amino ácidos eliminados, y la secuencia del sitio acceptor (SA) del splicing del exón 2 de hIDUA, flanqueado por una secuencia homóloga al sitio de rotura por la nucleasa con dedos de zinc (ZFN) del intron 1 de la albúmina humana (hALB)
sustancia de terapia génica (mucopolisacaridosis I)

2143580-11-2

devimistatum
devimistat

rac-(6*R*)-6,8-bis(benzylsulfanyl)octanoic acid
antineoplastic

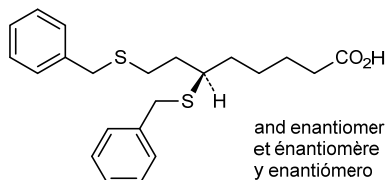
dévimistat

acide *rac*-(6*R*)-6,8-bis(benzylsulfanyl)octanoïque
antinéoplasique

devimistat

ácido *rac*-(6*R*)-6,8-bis(bencilsulfanil)octanoico
*antineoplásico*C₂₂H₂₈S₂O₂

95809-78-2

disitamabum #
disitamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (epidermal growth factor receptor 2, receptor tyrosine-protein kinase erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], humanized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain humanized (1-445) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-69-2*01 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (92.9%)) [8.8.8] (1-115) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (212) (116-213), hinge (214-228), CH2 (229-338), CH3 E12 (354), M14 (357) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)] (218-212')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-212') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (83.3%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.7] (1'-105') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (151), V101 (189) (106'-212')]; dimer (224-224'':227-227'')-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

disitamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (récepteur 2 du facteur de croissance épidermique, récepteur tyrosine-protéine kinase erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma1 humanisée (1-445) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-69-2*01 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (92.9%)) [8.8.8] (1-115) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (212) (116-213), charnière (214-228), CH2 (229-338), CH3 E12 (354), M14 (357) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)] (218-212')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-212') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (83.3%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.7] (1'-105') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (151), V101 (189) (106'-212')]; dimère (224-224'':227-227'')-bisdisulfure
immunomodulateur, antinéoplasique

disitamab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (receptor 2 del factor de crecimiento epidérmico, receptor tirosina-proteína kinasa erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticuerpo monoclonal humanizado;

cadena pesada gamma1 humanizada (1-445) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-69-2*01 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (92.9%)) [8.8.8] (1-115) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (212) (116-213), bisagra (214-228), CH2 (229-338), CH3 E12 (354), M14 (357) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)] (218-212')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-212') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (83.3%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.7] (1'-105') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (151), V101 (189) (106'-212')]; dímero (224-224':227-227')-bisdisulfuro
inmunomodulador, antineoplásico

2185868-98-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVQSGAE VKKPGATVKI SCVSGYTFY DYYIHVVQQA PGKGLEWMGR 50
VNPDHGDSYY NQKFKDKATI TADKSTDTAY MELSSSLRSED TAVYFCARNY 100
LFDHWGQGTLL VTVSSASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAAL GCLVKDYFPE 150
PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSLL SSVVTVPSSS LGTQTYICNV 200
NHKPSNTKVD KKVEPKSCDK THTCPPCPAP ELLGGPSVFL FPPKPKDTLM 250
ISRTPEVTCV VVDVSHEDPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQYNSTYRV 300
VSVLTVLHQD WLNGKEYKCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ PREPQVYTLF 350
PSREEMTKNQ VSLTCLVKGK YFSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPFVLDSDG 400
SFFLYSKLTV DKSRWQQGNV FSCSVMEAL HNHYTQKSL LSPGK 445
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS VSASVGDRTV ITCKASQDVG TAVAWYQKPK GKAPKLLIYW 50
ASIRHTGVPS RFGSGSGGTD FTLTISLQPE EDFATYYCHQ FATYTFGGGT 100
KVEIKRTVAA PSVFIFPPSD EQLKSGTASV VCLLNNFYPR EAKVQWKVDN 150
ALQSGNSQES VTEQDSKDSY YSLSTLTLS KADYKHKVY ACEVTHQGLS 200
SPVTKSFNRG EC 212
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 142-198 259-319 365-423
22'-96" 142"-198" 259"-319" 365"-423"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 132'-192'
23'''-88''' 132'''-192'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 218-212' 218"-212"

Inter-H-H (h 11, h 14) 224-224" 227-227"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

295, 295"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.

disitamabum vedotinum #
disitamab vedotin

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (epidermal growth factor receptor 2, receptor tyrosine-protein kinase erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], humanized monoclonal antibody conjugated to auristatin E;
gamma1 heavy chain humanized (1-445) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-69-2*01 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (92.9%)) [8.8.8] (1-115) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (212) (116-213), hinge (214-228), CH2 (229-338), CH3 E12 (354), M14 (357) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)] (218-212')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-212') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (83.3%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.7] (1'-105') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (151), V101 (189) (106'-212')]; dimer (224-224':227-227')-bisdisulfide; conjugated on an average of 4 cysteinyl to monomethylauristatin E (MMAE), via a cleavable maleimidocaproyl-valyl-citrullinyl-*p*-aminobenzyloxycarbonyl (mc-val-cit-PABC) type linker
For the vedotin part, please refer to the document "INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others".
antineoplastic

disitamab védotine

immunoglobuline G1-kappa, anti-*[Homo sapiens* ERBB2 (récepteur 2 du facteur de croissance épidermique, récepteur tyrosine-protéine kinase erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticorps monoclonal humanisé conjugué à l'auristatine E; chaîne lourde gamma1 humanisée (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (92.9%)) [8.8.8] (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (212) (116-213), charnière (214-228), CH2 (229-338), CH3 E12 (354), M14 (357) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)] (218-212')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-212') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (83.3%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.7] (1'-105') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (151), V101 (189) (106'-212')]; dimère (224-224":227-227")-bisdisulfure; conjugué, sur 4 cystéinyl en moyenne, au monométhylauristatine E (MMAE), via un linker clivable de type maléimidocaproyl-valyl-citrullinyl-*p*-aminobenzoyloxycarbonyl (mc-val-cit-PABC)

Pour la partie védotine veuillez-vous référer au document "INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others".
antineoplasique

disitamab vedotina

immunoglobulina G1-kappa, anti-*[Homo sapiens* ERBB2 (receptor 2 del factor de crecimiento epidérmico receptor tirosina-proteína kinasa erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticuerpo monoclonal humanizado conjugado con la auristatina E; cadena pesada gamma1 humanizada (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (92.9%)) [8.8.8] (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (212) (116-213), bisagra (214-228), CH2 (229-338), CH3 E12 (354), M14 (357) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)] (218-212')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-212') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (83.3%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.7] (1'-105') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (151), V101 (189) (106'-212')]; dímero (224-224":227-227")-bisdisulfuro; conjugado con 4 restos cisteinil, por término medio, con monometilauristatina E (MMAE), mediante un conector escindible del tipo maleimidocaproil-valil-citrulinil-*p*-aminobenciloxycarbonil (mc-val-cit-PABC)

Para la fracción vedotina se pueden dirigir al documento "INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others".
antineoplásico

2136633-23-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVQLVQSGAE VKKPGATVKI SKVSGYTFT DYYIHWVQQA PGKLEWMGR 50
VNPDHGDSYY NQKFKDKATI TADKSTDTAY MELSSSLRSED TAVYFCARNY 100
LFDHWGQGTI VTVSSASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAL GCLVKDYFPE 150
PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVFSSS LGTQTYICNV 200
NHKPSNTKVD KKEVPKSCDK THTCPPCPAP ELGGPSVFL FPPKPKDTLM 250
ISRTPEVTCV VVDVSHEDPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQYNSTYRV 300
VSVLTVLHQD WLNKGKEYCK VSNKALFAP EKTISKAKGQ PREPQVYTL 350
PSREEMTKNQ VSLTCLVKG FPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400
SFFLYSKLT VDKSRWQGNV FSCSVMEAL HNHYTQKSL LSPGK 445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS VSASVGDRVT ITCKASQDVG TAVAWYQKP GKAPKLLIYW 50
ASIRHTGVPS RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCHQ FATYTFGGGT 100
KVEIKRTVAA PSVFIFPPSD EQLKSGTASV VCLLNNFYPR EAKVQWKVDN 150
ALQSGNSQES VTEQDSKDSY YSLSSITLTL KADYEKKVY ACEVTHQGLS 200
SPVTKSFNRG EC 212

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 142-198 259-319 365-423
22"-96" 142"-198" 259"-319" 365"-423"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 132"-192"
23"-88" 132"-192"

Inter-H-L (h 5-CL 126)* 218-212' 218"-212"

Inter-H-H (h 11, h 14)* 224-224" 227-227"

*At least two of the four inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 4 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

*Au moins deux des quatre ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 4 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

*Al menos dos de los cuatro puentes disulfuro inter-catenarios no están presentes, una media de 4 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

295, 295*

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

donanemabum #
donanemab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* APP (amyloid beta A4 precursor protein) A beta 3-pyroglutamyl peptides, Aβ 3 (3-x)], humanized monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain humanized (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (91.7%)) [8.8.8] (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (212) (116-213), hinge (214-228), CH2 (229-338), CH3 D12 (354), L14 (356) (339-443), CHS K2>del (444)) (116-444)], (218-219')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-29*02 (89.0%) -IGKJ2*02 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (224-224":227-227")-bisdisulfide
amyloid beta A4 precursor protein inhibitor

donanéma

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* APP (précurseur de la protéine amyloïde bêta A4) peptides A bêta3-pyroglutamyl, Aβ 3 (3-X)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde gamma1 humanisée (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (91.7%)) [8.8.8] (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (212) (116-213), charnière (214-228), CH2 (229-338), CH3 D12 (354), L14 (356) (339-443), CHS K2>del (444)) (116-444)], (218-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-29*02 (89.0%) -IGKJ2*02 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (224-224":227-227")-bisdisulfure
inhibiteur du précurseur de la protéine amyloïde bêta A4

donanemab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* APP (precursor de la proteína amiloide beta A4) péptidos A beta3-piroglutamil, Aβ 3 (3-X)], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada gamma1 humanizada (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (91.7%)) [8.8.8] (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (212) (116-213), bisagra (214-228), CH2 (229-338), CH3 D12 (354), L14 (356) (339-443), CHS K2>del (444)) (116-444)], (218-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-29*02 (89.0%) -IGKJ2*02 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (224-224":227-227")-bisdisulfuro *inhibidor del precursor de la proteína amiloide beta A4*

1931944-80-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SKKASGYDFT RYYINWVRQA PGQGLEWMGW 50
INPGSGNTKY NEKFKGRVTI TADESTSTAY MELSSLRSED TAVYYCAREG 100
ITVYWGQGTI TVTSSASTKG PSVEPLAPSS KSTSGGTAAL GCLVKDYFPE 150
PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSI SSVTVTPSSS LGTQTYICNV 200
NHKPSNTKVD KKEVEPKSCDK THTCPPECAP ELLGGPSVFL FPPKPKDTLM 250
ISRTPEVTCV VVDVSHEDPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQYNSTYRV 300
VSVLTVLHQD WLNKGKEYCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ PREPQVYTL 350
PSRDELTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400
SFFLYSKLTV DKSRWQQGNV FSCSVMEAL HNHYTQKSL LSPG 444

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIVMTQTPLS LSVTPGQPAS ISCKSSQSLL YSRGKTYLWN LLQKPGQSPQ 50
LLIYAVSKLD SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDGVV YYCVQGTTHY 100
FTFGQGTKLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCV LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNQESVTE QDSKDSYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNRGEC 219

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 142-198 259-319 365-423
22"-96" 142"-198" 259"-319" 365"-423"
Intra-L (C23-C104) 23-93 139-199
23"-93" 139"-199"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 218-219 218"-219"
Inter-H-H (h 11, h 14) 224-224 227-227"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
295, 295"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

dubermatinibum
dubermatinib

3⁵-chloro-*N,N*,7⁴-trimethyl-2,4-diaza-3(4,2)-pyrimidina-7(1)-
piperazina-1(1),5(1,4)-dibenzenaheptaphane-1²-
sulfonamide
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

dubermatinib

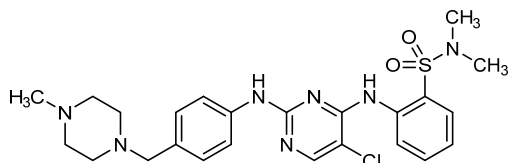
3⁵-chloro-*N,N*,7⁴-triméthyl-2,4-diaza-3(4,2)-pyrimidina-7(1)-
piperazina-1(1),5(1,4)-dibenzenaheptaphane-1²-
sulfonamide
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

dubermatinib

3⁵-cloro-*N,N*,7⁴-trimetil-2,4-diaza-3(4,2)-pirimidina-7(1)-
piperazina-1(1),5(1,4)-dibencenaheptafano-1²-sulfonamida
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₂₄H₃₀ClN₇O₂S

1341200-45-0



efaprinerminum alfa #
efaprinermin alfa

tumor necrosis factor ligand superfamily protein TNFSF18 (human) extracellular (71-199)-peptide trimer [three fused copies (1-129, 130-258, 259-387)] fusion protein with immunoglobulin G1 (human) Fc fragment (227 C-terminal residues) (388-614), natural [D⁵²³>E, L⁵²⁵>M] variant [*Homo sapiens*IGHG1*03, hinge (388-397), CH2 (398-507), CH3 (508-612), CHS (613-614)], (393-393', 396-396')-bisdisulfide dimer, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
antineoplastic

éfaprinermine alfa

membre 18 de la superfamille des ligands du facteur de nécrose tumorale humain TNFSF18, domaine extracellulaire (71-199)-trimère de peptides [trois copies fusionnées (1-129, 130-258, 259-387)], protéine de fusion avec le fragment Fc de l'immunoglobuline G1 humaine (227 résidus C-terminaux), (388-614), variant [D⁵²³>E, L⁵²⁵>M] naturel [*Homo sapiens*IGHG1*03, charnière (388-397), CH2 (398-507), CH3 (508-612), CHS (613-614)], (393-393', 396-396')- dimère bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
antinéoplasique

efaprinermina alfa

miembro 18 de la superfamilia de los ligandos del factor de necrosis tumoral humano TNFSF18 dominio extracelular (71-199)-trímero de péptidos [tres copias fusionadas (1-129, 130-258, 259-387)], proteína de fusión con el fragmento Fc de la inmunoglobulina G1 humana (227 residuo C-terminal), (388-614), variante [D⁵²³>E, L⁵²⁵>M] naturel [*Homo sapiens*IGHG1*03, bisagra (388-397), CH2 (398-507), CH3 (508-612), CHS (613-614)], (393-393', 396-396')- dímero bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicoforma alfa
antineoplásico

2102200-64-4

```

LQLETAKEPC MAKFGPLPSK WQMASSEPPC VNKVSDWKLE ILQNGLYLIY 50
GOVAPNANYN DVAPFEVRLY KNKDMIQTLT NKSKIQNVGG TYELHVGDTI 100
DLIFNSEHQV LKNNTYWGII LLANPQFISL QLETAKEPCM AKFCPLPSKW 150
QMASSEPPCV NKVSDWKLEI LQNGLYLIYG QVAPNANYND VAPFEVRLYK 200
NKDMIQTLTN KSKIQNVGGT YELHVGDTID LIFNSEHQVL KNNTYWGII 250
LANPQFISLQ LETAKEPCMA KFGPLPSKWQ MASSEPPCVN KVSQWKLEIL 300
QNGLYLIYGQ VAPNANYNDV APFEVRLYKN KDMIQTLTNK SKIQNVGGTY 350
ELHVGDTIDL IFNSEHQVLK NNTYWGII LLANPQFISDKT HTPCPCPAP 400
LLGGPSVFLF PPKPKDTLMI SRTPEVTCVV VDVSHEDPEV KFNWYVDGVE 450
VHNKTKPRE EQYNSTYRVV SVLTVLHQDW LNKKEYKCKV SNKALPAP 500
KTISKAKGP REPOVYTLPP SREEMKTNQV SLTCLVKGFY PSDIAVEWES 550
NGQPENNYKT TPEVLDSDGS FFLYSKLTVD KSRWQQGNVF SCSVMHEALH 600
NHYTQKSLSL SPGK 614

```

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
intra-chain: 10-30, 139-159, 268-288, 428-488, 534-592,
10'-30', 139'-159', 268'-288', 428'-488', 534'-592'
inter-chain: 393-393', 396-396'

N-Glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
81, 113, 210, 242, 339, 371, 464

efgivanerminum alfa #
efgivanermin alfa

immunoglobulin γ 1 chain Fc fragment [*Homo sapiens*IGHG1*03 {hinge 1,4-del, C⁵>L(1), CH2 (12-121), CH3 (122-226), CHS (227-228)}-(1-228)] fusion protein with pentakis(tetraglycyl-L-seryl)[*Homo sapiens* coronin-1A precursor (tryptophan aspartate-containing coat protein, TACO) fragment 430-461 (254-285)]-(229-285) fusion protein with tetraglycyl[*Homo sapiens* tumor necrosis factor ligand superfamily member 18 (glucocorticoid-induced TNF-related ligand) [N¹⁸³>D(401)]precursor fragment 72-199 (290-417)]-(286-417); hexamer stabilized with hexakisdisulfide bridges between 12 cysteines at position 7 and 10; produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

efgivanermin alfa

fragment Fc de l'immunoglobuline G1 [*Homo sapiens*IGHG1*03 {charnière 1,4-del, C⁵>L(1), CH2 (12-121), CH3 (122-226), CHS (227-228)}-(1-228)] protéine de fusion avec le pentakis(tétraglycyl-L-séryl)[précurseur de la coronine-1A (protéine manteau contenant du tryptophane aspartate, TACO) *Homo sapiens* fragment 430-461 (254-285)]-(229-285) protéine de fusion avec le tétraglycyl[membre 18 de la superfamille des ligands du facteur de nécrose tumorale *Homo sapiens* (ligand apparenté au TNF induit par les glucocorticoïdes) [N¹⁸³>D(401)]précurseur fragment 72-199 (290-417)]-(286-417); hexamère stabilisé par des ponts hexakisdisulfure entre les 12 cystéines des positions 7 et 10, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

efgivanermina alfa

fragmento Fc de la inmunoglobulina G1 [*Homo sapiens*IGHG1*03 {bisagra 1,4-del, C⁵>L(1), CH2 (12-121), CH3 (122-226), CHS (227-228)}-(1-228)] proteína de fusión con pentakis(tetraglicil-L-seril)[precursor de la coronina-1A (proteína manteau que contiene triptófano aspartato, TACO) *Homo sapiens* fragmento 430-461 (254-285)]-(229-285) proteína de fusión con tetraglicil[miembro 18 de la superfamilia de los ligandos del factor de necrosis tumoral *Homo sapiens* (ligando relacionado con TNF inducido por los glucocorticoides) [N¹⁸³>D(401)]precursor fragmento 72-199 (290-417)]-(286-417); hexámero estabilizado por los puentes hexakisdisulfuro entre las 12 cisteínas de las posiciones 7 y 10, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofoma alfa
inmunomodulador, antineoplásico

1807864-13-6

```
LDKTHTCPPC PAPELLGGPS VFLFPPKPKD TLMISRTPEV TCVVVDVSHE 50
DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY 100
KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY TLPPSREEMT KNQVSLTCLV 150
KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPVLD SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ 200
GNVFSCSVMH EALHNNHYTQK SLSLSPGKGG GSGGGGSGGG GSGGGGSGGG 250
GGSVSRLEEE MRKLQATVQE LQKRLDRLEE TVQAKGGGGQ LETAKEPCMA 300
KFGPLPSKWQ MASSEPPCVN KVDNWKLEIL QNGLYLIYQV VAPNANYNDV 350
APFEVRLYKN KDMIQTLTNK SKIQNVGGTY ELHVGDITDL IFNSEHQVLK 400
DNTYWGIIIL ANPQFIS 417
```

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
intra-chain: 42-102 148-206 298-318 (in each chain of the hexamer)
inter-chain: 7-7' 10-10' (in each of the three dimeric subunits)

N-Glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
Asn-78

elipovimabum #

elipovimab

immunoglobulin G1-lambda, anti-[human immunodeficiency virus type 1 (HIV-1) gp120 envelope glycoprotein (HIV-1 gp120)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-462) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (78.4%) -(IGHD) -IGHJ3*01(84.6%)) [8.7.26] (1-132) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (229) (133-230), hinge (231-245), CH2 G1.1>A (251), S3>D (254), A115>L (345), I117>E (347) (246-355), CH3 E12 (371), M14 (373), M107>L (443), N114>S (449) (356-460), CHS (461-462)) (133-462)], (235-210')-disulfide with lambda light chain *Homo sapiens* (1'-211') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21*01 (67.4%) -IGLJ3*02 (91.7%)) [6.3.13] (1'-105') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (106'-211')]; dimer (241-241":244-244")-bisdisulfide
antiviral

élipovimab

immunoglobuline G1-lambda, anti-[virus de l'immunodéficience humaine de type 1 (HIV-1) protéine d'enveloppe gp120 (HIV-1 gp120)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
 chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-462) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (78.4%) -(IGHD) -IGHJ3*01(84.6%)) [8.7.26] (1-132) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (229) (133-230), charnière (231-245), CH2 G1.1>A (251), S3>D (254), A115>L (345), I117>E (347) (246-355), CH3 E12 (371), M14 (373), M107>L (443), N114>S (449) (356-460), CHS (461-462)) (133-462)], (235-210')-disulfure avec la chaîne légère lambda *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21*01 (67.4%) -IGLJ3*02 (91.7%)) [6.3.13] (1'-105') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (106'-211')]; dimère (241-241":244-244")-bisdisulfure
antiviral

elipovimab

inmunoglobulina G1-lambda, anti-[virus de la inmunodeficiencia humana de tipo 1 (HIV-1) proteína de la envoltura gp120 (HIV-1 gp120)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
 cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-462) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (78.4%) -(IGHD) -IGHJ3*01(84.6%)) [8.7.26] (1-132) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (229) (133-230), bisagra (231-245), CH2 G1.1>A (251), S3>D (254), A115>L (345), I117>E (347) (246-355), CH3 E12 (371), M14 (373), M107>L (443), N114>S (449) (356-460), CHS (461-462)) (133-462)], (235-210')-disulfuro con la cadena ligera lambda *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21*01 (67.4%) -IGLJ3*02 (91.7%)) [6.3.13] (1'-105') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (106'-211')]; dímero (241-241":244-244")-bisdisulfuro
antiviral

2101210-43-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QMQLQESGPG LVKPSSETLSL TCSVSGASIS DSYWSWIRRS PGKGLEWIGY 50
VHKSGDTNYN PSLKSRVHLS LDTSKNQVSL SLTGVTAAAS GKYYCARTLH 100
GRRYIGIVAF NEWFTYFYMD VWGTGTQVTV SSASTKGPSV FPLAPSSKST 150
SGGTAAAGCL VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV 200
VTVPSSSLGT QTYICNVNHN PSNTKVDKVK EPKSCDKRHT CPPCPAPELL 250
AGPDVFLFPP KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH 300
NAKTKPREEQ YNSTYRVVSV LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KALPLPEEKT 350
ISKAKGQPRE PQVYTLPPSR EEMTKNQVSL TCLVKGFYPS DIAVEWESNG 400
QPENNYKTPP PVLDSGDSFF LYSKLTVDKS RWQQGNVFSC SVLHEALHSH 450
YTKSLSLSP GK 462

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
SDISVAPGET ARISCGEKS LGSRAVQWYQH RAGQAPSLII YNNQDRPSGI 50
PERFSGSPDS RPTGTATLTI TSVEAGDEAD YYCHIWDNRV PTKWVFGGGT 100
TLTVLGQPKA APSVTLPFPP SEELQANKAT LVCLISDFYP GAVTVAWKAD 150
SSPVKAGVET TTPSKQSNK YAASSYLSLT PEQWKSRRSY SCQVTHEGST 200
VEKTVAPTEC S 211

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-95 159-215 276-336 382-440
22"-95" 159"-215" 276"-336" 382"-440"
Intra-L (C23-C104) 15'-83' 133'-192'
15"-83" 133"-192"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 235-210' 235"-210"
Inter-H-H (h 11, h 14) 241-241" 244-244"

N-terminal glutamine cyclization to pyroglutamate (pE, 5-oxoproline)
H VH Q1:
I, I"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
312, 312"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.
C-terminal lysine clipping:
H CHS K2:
462, 462"

envafolimabum #
envafolimab

immunoglobulin VH-h-CH2-CH3 gamma1 chain dimer,
anti-[*Homo sapiens* CD274 (programmed death ligand 1,
PDL1, PD-L1, B7 homolog 1, B7H1)], monoclonal
antibody;
gamma1 heavy chain VH-h-CH2-CH3 (1-360) [VH
(*Vicugna pacos* IGHV3-3*01 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ5*01
(92.3%)/*Homo sapiens* IGHV3-64*04 (78.4%) -(IGHD) -
IGHJ1*01 (92.3%)) [8.8.21] (1-128) -*Homo sapiens*
IGHG1*01 G1m1 (hinge 1-15, C5>S (133) (129-143), CH2
(144-253) D27>A (178), P116>G (244), CH3 D12 (269)
L14 (271) (254-358), CHS (359-360)) (129-360)]; dimer
(139-139":142-142")-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

envafolimab

immunoglobuline dimère de chaînes gamma1 VH-h-CH2-
CH3, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligand 1 de mort
programmée, PDL1, PD-L1, homologue 1 de B7, B7H1)],
anticorps monoclonal;
chaîne lourde gamma1 VH-h-CH2-CH3 (1-360) [VH
(*Vicugna pacos* IGHV3-3*01 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ5*01
(92.3%)/*Homo sapiens* IGHV3-64*04 (78.4%) -(IGHD) -
IGHJ1*01 (92.3%)) [8.8.21] (1-128) -*Homo sapiens*
IGHG1*01 G1m1 (charnière 1-15, C5>S (133) (129-143),
CH2 (144-253) D27>A (178), P116>G (244), CH3 D12
(269) L14 (271) (254-358), CHS (359-360)) (129-360)];
dimère (139-139":142-142")-bisdisulfure
immunomodulateur, antinéoplasique

envafolimab

inmunoglobulina dímero de cadenas gamma1 VH-h-CH2-CH3, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligando 1 de muerte programada, PDL1, PD-L1, homólogo 1 de B7, B7H1)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma1 VH-h-CH2-CH3 (1-360) [VH (*Vicugna pacos* IGHV3-3*01 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (92.3%)/*Homo sapiens* IGHV3-64*04 (78.4%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (92.3%)) [8.8.21] (1-128) -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m1 (bisagra 1-15, C5>S (133) (129-143), CH2 (144-253) D27>A (178), P116>G (244), CH3 D12 (269) L14 (271) (254-358), CHS (359-360)) (129-360)]; dímero (139-139":142-142")-bisdisulfuro
inmunomodulador, antineoplásico

2102192-68-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGKMSS RRCMAWFRQA PGKERERVAK 50
LLTTSGSTYL ADSVKGRFTI SRDNSKNTYV LQMNSLRAED TAVYYCAADS 100
FEDPTCTLTVT SSGAFQYWGQ GTLVTVSSEP KSSDKTHTCP PCPAPPELLGG 150
PSVFLFPPKP KDTLMISRTF EVTCVVVAVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA 200
KTKPREEQYN STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAGIEKTIIS 250
KAKGQPREPQ VYTLPPSRDE LTKNQVSLTLC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP 300
ENNYKTTTPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT 350
QKSLSLSPGK 360

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22°-96" 33°-106" 174°-234" 280°-338"
22°-96" 33°-106" 174°-234" 280°-338"
Inter-H-H (h 11, h 14) 139°-139" 142°-142"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
210, 210"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados.

esafoxolanerum
esafoxolaner

4-[(5*S*)-5-[3-chloro-5-(trifluoromethyl)phenyl]-5-(trifluoromethyl)-4,5-dihydro-1,2-oxazol-3-yl]-*N*-{2-oxo-2-[(2,2,2-trifluoroethyl)amino]ethyl}naphthalene-1-carboxamide
antiparasitic (veterinary use)

ésafoxolaner

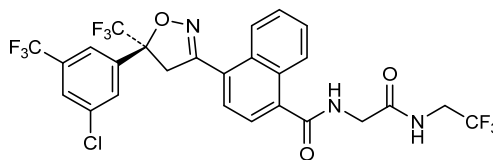
4-[(5*S*)-5-[3-chloro-5-(trifluorométhyl)phényl]-5-(trifluorométhyl)-4,5-dihydro-1,2-oxazol-3-yl]-*N*-{2-oxo-2-[(2,2,2-trifluoroéthyl)amino]éthyl}naphtalène-1-carboxamide
antiparasitaire (usage vétérinaire)

esafoxolaner

4-[(5*S*)-5-[3-cloro-5-(trifluorometil)fenil]-5-(trifluorometil)-4,5-dihidro-1,2-oxazol-3-il]-*N*-{2-oxo-2-[(2,2,2-trifluoroetil)amino]etil}naftaleno-1-carboxamida
antiparasitario (uso veterinario)

C₂₆H₁₇ClF₉N₃O₃

1096103-99-9



etokimabum #

etokimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL33 (interleukin 33, interleukin-1 family member 11, IL1F11, nuclear factor for high endothelial venules, NF-HEV)], humanized monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain humanized (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) [8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%)) G1m17,1 (CH1 K120 (219) (123-220), hinge (221-235), CH2 D12 (361), L14 (363) (236-345), CH3 (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-9*01 (85.3%) -IGKJ2*02 (90.9%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214'')]; dimer (231-231'':234-234'')-bisdisulfide
immunomodulator

étokimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL33 (interleukine 33, membre 11 de la famille 1 d'interleukines, IL1F11, facteur nucléaire des veinules à haut endothélium, NF-HEV)], anticorps monoclonal humanisé;
 chaîne lourde gamma1 humanisée (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) [8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%)) G1m17,1 (CH1 K120 (219) (123-220), charnière (221-235), CH2 D12 (361), L14 (363) (236-345), CH3 (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-9*01 (85.3%) -IGKJ2*02 (90.9%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214'')]; dimère (231-231'':234-234'')-bisdisulfure
immunomodulateur

etokimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL33 (interleukina 33, miembro 11 de la familia 1 de interleukinas, IL1F11, factor nuclear de las vénulas del endotelio alto NF-HEV)], anticuerpo monoclonal humanizado;
 cadena pesada gamma1 humanizada (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) [8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%)) G1m17,1 (CH1 K120 (219) (123-220), bisagra (221-235), CH2 D12 (361), L14 (363) (236-345), CH3 (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-9*01 (85.3%) -IGKJ2*02 (90.9%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214'')]; dímero (231-231'':234-234'')-bisdisulfuro
inmunomodulador

2022981-44-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLMQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT SYWMHWVRQA PGQGLEWMGT 50
 IYPRNSNTDY NQKFKARVTM TRDTSTSTVY MELSSLRSED TAVYYCARPL 100
 YYLTSPTTL FWQGTTLVTW SSASTKGPSV FPLAPSSKST SGGTAALGCL 150
 VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTFPSSSLGT 200
 QTYICNVNHK PSNTKVDKVK EPKSCDKTHT CPPCPAPELL GGPSVFLFPP 250
 KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
 YNSTYRVVSV LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KALPAPIEKT ISKAKQPRE 350
 PQVYTLPPSR DELTKNQVSL TCLVKGFYPS DIAVEWESNG QPENNYKTP 400
 PVLDSGGSFF LYSKLTVDKS RWQQGNVFSC SVMHEALHNN YTQKSLSLSP 450
 GK 452

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQLTQSPSF LSASVGDRVT ITCKASQDVG TAVAWYQQK GKAPKLLIYW 50
 ASTRHTGVPS RFGSGSGSTE FTLTISLQF EDFATYYCQ AKTYPFTEGS 100
 GTKLEIKRTV AAPSVFIIPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
 LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"

22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"

23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 225"-214" 225"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 231"-231" 234"-234"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

302, 302"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires

complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping:

H CHS K2:

452, 452"

etranacogenum dezaparvovecum #

etranacogene dezaparvovec

a recombinant non-replicating adeno-associated virus serotype 5 (AAV5) expressing the Padua variant (R338L) of human coagulation factor IX (F9, Factor IX, or FIX), under the control of the liver-specific promoter (LP1); the genomic inverted terminal repeats (ITR) are derived from AAV serotype 2 (AAV2) ITR while the vector is encapsidated in a serotype 5 AAV protein capsid.
gene therapy substance (hemophilia)

étranacogène dezaparvovec

vecteur viral adéno-associé de sérotype 5 (AAV5) recombinant, non-répliquant, exprimant le variant Padua (R338L) du facteur de coagulation IX humain (F9, Facteur IX, FIX), sous le contrôle du promoteur spécifique du foie (LP1); les séquences inverses terminales répétées (ITR) dérivent des ITR de l'AAV de sérotype 2 (AAV2) alors que le vecteur est encapsulé dans la capside protéique d'un AAV de sérotype 5.
substance de thérapie génique (hémophilie)

etranacogén dezaparvovec

un virus adeno asociado serotipo 5 (AAV5) recombinante, no replicativo, que expresa la variante Padua (R338L) del factor de coagulación IX (F9, Factor IX, o FIX) humano, bajo el control del promotor específico de hígado (LP1); las secuencias terminales invertidas (ITR) derivan de las ITR del AAV serotipo 2 (AAV2) mientras que el vector está encapsulado en la cápside proteica de AAV serotipo 5
sustancia de terapia génica (hemofilia)

2156583-26-3

fadaltranum

fadaltran

[4-(3,4-dihydroisoquinolin-2(1*H*)-yl)piperidin-1-yl][2-(2-oxa-6-azaspiro[3.3]heptan-6-yl)pyrimidin-5-yl]methanone
α₂-adrenoreceptor antagonist

fadaltran

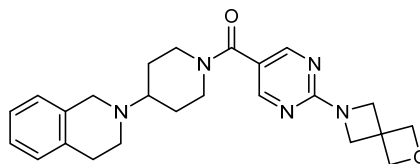
[4-(3,4-dihydroisoquinoléin-2(1*H*)-yl)pipéridin-1-yl][2-(2-oxa-6-azaspiro[3.3]heptan-6-yl)pyrimidin-5-yl]méthanone
antagoniste des récepteurs α₂-adrénergiques

fadaltran

[4-(3,4-dihidroisoquinolein-2(1*H*)-il)piperidin-1-il][2-(2-oxa-6-azaspiro[3.3]heptan-6-il)pirimidin-5-il]metanona
antagonista de los receptores α₂-adrenergicos

C₂₄H₂₉N₅O₂

1799809-36-1

**fisogatinibum**

fisogatinib

N-[(3*S*,4*S*)-3-[[6-(2,6-dichloro-3,5-dimethoxyphenyl)quinazolin-2-yl]amino]oxan-4-yl]prop-2-enamide
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

fisogatinib

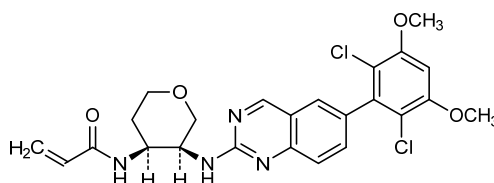
N-[(3*S*,4*S*)-3-[[6-(2,6-dichloro-3,5-diméthoxyphényl)quinazolin-2-yl]amino]oxan-4-yl]prop-2-énamide
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

fisogatinib

N-[(3*S*,4*S*)-3-[[6-(2,6-dicloro-3,5-dimetoxifenil)quinazolin-2-il]amino]oxan-4-il]prop-2-enamida
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₂₄H₂₄Cl₂N₄O₄

1707289-21-1

**foscarbidopum**

foscarbidopa

(2*S*)-2-hydrazinyl-3-[3-hydroxy-4-(phosphonooxy)phenyl]-2-methylpropanoic acid
dopamine receptor agonist

foscarbidopa

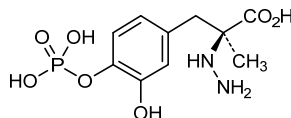
acide (2*S*)-2-hydrazinyl-3-[3-hydroxy-4-(phosphonooxy)phényl]-2-méthylpropanoïque
agoniste des récepteurs dopaminergiques

foscarbidopa

ácido (2S)-2-hidrazinil-3-[3-hidroxi-4-(fosfonooxi)fenil]-
2-metilpropanoico
agonista de los receptores dopaminérgicos

C₁₀H₁₅N₂O₇P

1907685-81-7

**foslevodopum**

foslevodopa

3-hydroxy-O-phosphono-L-tyrosine
dopamine receptor agonist

foslévodopa

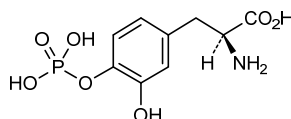
3-hydroxy-O-phosphono-L-tyrosine
agoniste des récepteurs dopaminergiques

foslevodopa

3-hidroxi-O-fosfono-L-tirosina
agonista de los receptores dopaminérgicos

C₉H₁₂NO₇P

97321-87-4

**fuzapladibum**

fuzapladib

N-[2-(ethanesulfonamido)-5-(trifluoromethyl)pyridin-
3-yl]cyclohexanecarboxamide
phospholipase A2 inhibitor (veterinary use)

fuzapladib

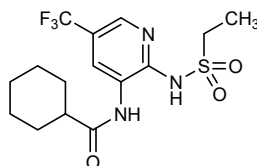
N-[2-(éthanesulfonamido)-5-(trifluorométhyl)pyridin-
3-yl]cyclohexanecarboxamide
inhibiteur de la phospholipase A2 (usage vétérinaire)

fuzapladib

N-[2-(etanosulfonamido)-5-(trifluorometil)piridin-
3-il]ciclohexanocarboxamida
inhibitor de la fosfolipasa A2 (uso veterinario)

C₁₅H₂₀F₃N₃O₃S

141283-87-6



garadacimabum #**garadacimab**

immunoglobulin G4-lambda, anti-[*Homo sapiens* F12 (coagulation factor XII, Hageman factor) activated (F12a, FXIIa)], monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-456) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*01 (87.8%) - (IGHD) - IGHJ1*01 (90.0%)) [8.8.22] (1-128) -1-mer seryl linker (129) -*Homo sapiens*IGHG4*01 (CH1 (130-227), hinge S10>P (237) (228-239), CH2 (240-349), CH3 (350-454), CHS (455-456)) (130-456)], (143-214')-disulfide with lambda light chain (1'-215') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-47*02 (96.9%) - IGLJ2*01 (100%)) [8.3.10] (1'-109') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (110'-215')]; dimer (235-235":238-238")-bisdisulfide
blood coagulation factor XIIa inhibitor

garadacimab

immunoglobuline G4-lambda, anti-[*Homo sapiens* F12 (facteur de coagulation XII, Facteur Hageman) activé (F12a, FXIIa)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-456) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*01 (87.8%) (IGHD) - IGHJ1*01 (90.0%)) [8.8.22] (1-128) -1-mer séryl linker (129) -*Homo sapiens*IGHG4*01 (CH1 (130-227), charnière S10>P (237) (228-239), CH2 (240-349), CH3 (350-454), CHS (455-456)) (130-456)], (143-214')-disulfure avec la chaîne légère lambda (1'-215') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-47*02 (96.9%) - IGLJ2*01(100%)) [8.3.10] (1'-109') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (110'-215')]; dimère (235-235":238-238")-bisdisulfure
inhibiteur du facteur XIIa de coagulation sanguine

garadacimab

immunoglobulina G4-lambda, anti-[*Homo sapiens* F12 (factor de coagulación XII, Factor Hageman) activado (F12a, FXIIa)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-456) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*01 (87.8%) (IGHD) - IGHJ1*01 (90.0%)) [8.8.22] (1-128) -1-mer seril conector (129) -*Homo sapiens*IGHG4*01 (CH1 (130-227), bisagra S10>P (237) (228-239), CH2 (240-349), CH3 (350-454), CHS (455-456)) (130-456)], (143-214')-disulfuro con la cadena ligera lambda (1'-215') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-47*02 (96.9%) - IGLJ2*01(100%)) [8.3.10] (1'-109') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (110'-215')]; dímero (235-235":238-238")-bisdisulfuro
inhibidor del factor XIIa de coagulación sanguínea

2162134-62-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGETFS KYIMQWVRQA PGKLEWVSG 50
IDIPTKGTVY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARAL 100
PRSGYLISPH YYYALDVMWG QGTTVTYVSSA STKGPSVFPF APCSRSTSES 150
TAALGCLVKD YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TTPAVLQSSG LYSLSSTVTV 200
PSSSLGRTKY TCNVDPKPSN TKVDKRVESK YGPCCPCPA PEFLLGGPSVF 250
LFPFKPKDTL MISRTPEVTC VVVDVSQEDP EVQFNWYVDG VEVHNAKTKP 300
REEQFNSTYR VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNGKLPSS IEKTISKAKG 350
QPREPQVYTL PPSQEEMTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNGQPENNY 400
KTPPVLDSG GSFFLYSRLT VDKSRWQEGN VFSCSVMHFA LHNHYTQKSL 450
SLSLGK 456
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
QSVLTQPPSA SGTTPGQRTI SCSGSSSNIG RNYVYWYQQL PGTAPKLLIY 50
SNNQRPSGVP DRFSGSKSGT SASLAISGLR SEDEADYYCA AWDASLRGVF 100
GGGKLTVLG QPKAAPSVTL FPPSSEELQA NKATLVCLIS DFYPGAVTVA 150
WKADSSPVKA GVETTTFSKQ SNNKYAASSY LSLTPEQWKS HRSYSCQVTH 200
EGSTVEKTV PTECS 215
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 156-212 270-330 376-434
22"-96" 156"-212" 270"-330" 376"-434"

Intra-L (C23-C104) 22'-89' 137'-196'
22"'-89"" 137""-196""

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 143-214' 143"-214"

Inter-H-H (h 8, h 11) 235-235" 238-238"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

306, 306"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

garetosmabum #

garetosmab immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* INHBA (inhibin subunit beta A, activin A (INHBA homodimer), activin AB (INHBA/INHBB dimer) and activin AC (INHBA/INHBC dimer)], monoclonal antibody; gamma4 heavy chain (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (88.7%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (93.3%)) [8.7.20] (1-126) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (127-224), hinge S10>P (234) (225-236), CH2 (237-346), CH3 (347-451), CHS (452-453)) (127-453)], (140-215')-disulfide with kappa light chain (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%)) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V (192) (109'-215')]; dimer (232-232":235-235")-bisdisulfide
immunomodulator

garétosmab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* INHBA (sous-unité inhibine bêta A, activine A (homodimère INHBA), activine AB (dimère INHBA/INHBB) et activine AC (dimère INHBA/INHBC)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma4 (1-453) [*Homo sapiens* VH (IGHV4-59*01 (88.7%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (93.3%)) [8.7.20] (1-126) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (127-224), charnière S10>P (234) (225-236), CH2 (237-346), CH3 (347-451), CHS (452-453)) (127-453)], (140-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%)) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V (192) (109'-215')]; dimère (232-232":235-235")-bisdisulfure
immunomodulateur

garetosmab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* INHBA (subunidad inhibina beta A, activina A (homodímero INHBA), activina AB (dímero INHBA/INHBB) y activina AC (dímero INHBA/INHBC)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma4 (1-453) [*Homo sapiens* VH (IGHV4-59*01 (88.7%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (93.3%)) [8.7.20] (1-126) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (127-224), bisagra S10>P (234) (225-236), CH2 (237-346), CH3 (347-451), CHS (452-453)) (127-453)], (140-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%)) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V (192) (109'-215')]; dímero (232-232":235-235")-bisdisulfuro
inmunomodulador

2097125-54-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLQESGPG LVKPSSETLSL TCTVSGGSFS SHFWSNIRQP PGKGLEWIGY 50
ILYFTGTSFN PSLKSRVMS VGTSSKQFSL KLSVTAADT AVYYCARARS 100
GITFTGLIIV GSFDIWGGT MVTSSASTK GPSVFPLAPC SRSTSESTAA 150
LGCLVKDYFP EPFTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVTVFPSS 200
SLGKTKYTCN VDHKPSNTKV DKRVESKYGP PCPPCPAPEF LGGSPVFLFP 250
PKPKDTLMIS RTEPVTCVVV DVSQEDPEVQ FNWYVDGVEV HNAKTKPREE 300
QFNSTYRVVS VLTVLHQDL NGREYKCKVS NKGLPSSIEK TISKAKGQPR 350
EPQVYTLFPS QEEMTKNQVS LTCLVKGFYP SDIAVEWESN GQPENNYKTT 400
FPVLDSDGSF FLYSRLTVDK SRWQEGVFS CSVMHEALHN HTQKSLSL 450
LGK 453

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRASQSVS SSYLAWYQQK PGQAPRLLIY 50
GASSRATGIP DRFSGSGSGT DFTLTISRL PEDFAVYYCQ QYSSPWTFG 100
QGTRVEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVCLLNFF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYLSSTL TISKADYEKH KYACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGEK 215

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-95 153-209 267-327 373-431
22"-95" 153"-209" 267"-327" 373"-431"

Intra-L (C23-C104) 23"-89" 135"-195"

23"-89" 135"-195"

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 140-215' 140"-215"

Inter-H-H (h 8, h 11) 232-232" 235-235"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

HCH2N84.4:

303, 303"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires

complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping:

HCHSK2:

453, 453"

glenzocimabum #
glenzocimab

immunoglobulin Fab G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* GP6 (glycoprotein VI platelet, glycoprotein VI (platelet), GPVI, platelet glycoprotein VI)], humanized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain VH-CH1 humanized (1-227) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17 (CH1 K120 (217) (121-218), hinge 1-9 (219-227)) (121-227)], (223-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (80.0%) -IGKJ1*01 (100%)) [11.3.9] (1'-111') -1-mer (112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]]
immunomodulator, platelet aggregation inhibitor

glenzocimab

immunoglobuline Fab G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* GP6 (glycoprotéine VI de la plaquette, glycoprotéine VI (plaquette), GPVI, glycoprotéine plaquettaire VI)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma1 VH-CH1 humanisée (1-227) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17 (CH1 K120 (217) (121-218), charnière 1-9 (219-227)) (121-227)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (80.0%) -IGKJ1*01 (100%)) [11.3.9] (1'-111') -1-mer (112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3, A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]]
immunomodulateur, antiagrégant plaquettaire

glenzocimab

inmunoglobulina Fab G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* GP6 (glicoproteína VI de la plaqueta, glicoproteína VI (plaqueta), GPVI, glicoproteína plaquetaria VI)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 VH-CH1 humanizada (1-227) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17 (CH1 K120 (217) (121-218), bisagra 1-9 (219-227)) (121-227)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (80.0%) -IGKJ1*01 (100%)) [11.3.9] (1'-111') -1-mer (112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3, A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]]
inmunomodulador, inhibidor de la agregación plaquetaria

2101829-58-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SKASGYTFT SYNMHWVRQA PGQGLEWMGG 50
IYPGNGDTSY NQKFGGRVTM TRDTSTSTVY MELSSLRSED TAVYYCARGT 100
VVGDWYFDVW GQGTLIVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPTVTS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHRKPS NTKVDKKVEP KSCDKTH 227
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCRSSQSLE NSNGNTYLNW YQKPKGKAPK 50
LLIYRVSNRF SGVPSRFSGS GSGTDFFTI SSLQPEDIAI YYCLQLTHVP 100
WTFGGQGTKVE ITRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203

Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-219'

No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación

gusacitinibum

gusacitinib

(1-{4-[4-(4-hydroxypiperidin-1-yl)anilino]-5-oxo-5,6-dihydropyrimido[4,5-*d*]pyridazin-2-yl}piperidin-4-yl)acetonitrile
tyrosine kinase inhibitor

gusacitinib

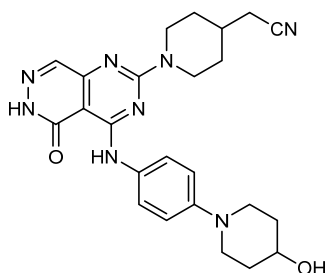
(1-{4-[4-(4-hydroxypipéridin-1-yl)anilino]-5-oxo-5,6-dihydropyrimido[4,5-*d*]pyridazin-2-yl}pipéridin-4-yl)acétonitrile
inhibiteur de la tyrosine kinase

gusacitinib

(1-{4-[4-(4-hidroxipiperidin-1-il)anilino]-5-oxo-5,6-dihidropirimido[4,5-*d*]piridazin-2-il}piperidin-4-il)acetonitrilo
inhibidor de la tirosina kinasa

C₂₄H₂₈N₈O₂

1425381-60-7

**ieramilimabum #**

ieramilimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* LAG3 (lymphocyte activating 3, lymphocyte-activation 3, CD223)], humanized monoclonal antibody;
gamma4 heavy chain humanized (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV7-4-1*02 (85.7%) - (IGHD) - IGHJ4*01 (92.3%)) [8.8.18] (1-125)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (126-223), hinge S10>P (233) (224-235), CH2 (236-345), CH3 (346-450), CHS K2>del (451)) (126-451)], (139-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGVK1-33*01 (83.2%) - IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (231-231":234-234")-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

iéramilimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* LAG3 (activateur 3 des lymphocytes, lymphocyte-activation 3, CD223)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde gamma4 humanisée (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV7-4-1*02 (85.7%) - (IGHD) - IGHJ4*01 (92.3%)) [8.8.18] (1-125)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (126-223), charnière S10>P (233) (224-235), CH2 (236-345), CH3 (346-450), CHS K2>del (451)) (126-451)], (139-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGVK1-33*01 (83.2%) - IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (231-231":234-234")-bisdisulfure
immunomodulateur, antinéoplasique

ieramilimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* LAG3 (activador 3 de los linfocitos, linfocito-activación 3, CD223)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma4 humanizada (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV7-4-1*02 (85.7%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (92.3%)) [8.8.18] (1-125)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (126-223), bisagra S10>P (233) (224-235), CH2 (236-345), CH3 (346-450), CHS K2>del (451)) (126-451)], (139-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGVK1-33*01 (83.2%) - IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (231-231"-234-234")-bisdisulfuro
immunomodulador, antineoplásico

2137049-37-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGFTLT NYGMNWRQA RGRLEWIGW 50
INTDTGEPTY ADDEKGRFVF SLDTSVSTAY LQISSLKAED TAVYYCARNP 100
PYYGTNNAE AMDYWGQGT VTVSSASTKG PSVFPLAPCS RSTSESTAAL 150
GCLVKDYFPE PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVTVFPSSS 200
LGTKYTCNV DHKPSNTRVD KRVESKYGPP CPPCPAPEFL GGPSVFLFPP 250
KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSQEDPEVQF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
FNSTYRVVSV LTVLHQDWLN GREYKCKVSN KGLPSSIEKT ISKAKGQPRE 350
PQVYTLPPSQ EEMTKNQVSL TCLVKGFYPS DIAVEWESNG QPENNYKTPP 400
PVLDSGSGFF LYSRLTVDKS RWQEGNVFSC SVMHEALHNN YTSKSLSLSL 450
G 451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGRVIT ITCSSQDIS NYLNWYLQKP GQSPQLLIYY 50
TSTLHLGVPS RFGSGSGSTE FTLTISSLQF DDFATYYCQQ YYNLPWTFGQ 100
GTRVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNFFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22"-96" 152"-208" 266"-326" 372"-430"
22"-96" 152"-208" 266"-326" 372"-420"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 139-214' 139"-214"
Inter-H-H (h 8, h 11) 231-231" 234-234"

N-terminal glutamine cyclization to pyroglutamate (pE, 5-oxoproline)
H V H Q I:
I, I"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
HCH2N84.4:
302, 302"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

inbakiceptum #
inbakicept

interleukin 15 receptor subunit alpha (human IL15Rα) (1-65)-peptide (sushi domain-containing) fusion protein with human immunoglobulin G1 Fc fragment (232 C-terminal residues) (66-297) [*Homo sapiens* IGHG1*01, hinge (71-80), CH2 (81-190), CH3 (191-295), CHS (296-297)], (76-76':79-79')-bisdisulfide dimer, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells
immunomodulator

inbakicept	sous-unité alpha du recepteur de l'interleukine 15 (1-65)-peptide (IL15R α) humain (contenant le domaine sushi) fusionné à un fragment Fc de l'immunoglobuline G1 humaine (232 résidus C-terminaux) (66-297) [<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, charnière (71-80), CH2 (81-190), CH3 (191-295), CHS (296-297)], dimère (76-76':79-79')-bisdisulfure, produit par des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO) <i>immunomodulateur</i>
inbakicept	(1-65)-péptido de la subunidad alfa del receptor de interleukina 15 (IL15R α humana) (que contiene el dominio sushi) fusionado a un fragmento Fc de la inmunoglobulina G1 humana (232 restos C-terminales) (66-297) [<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, bisagra (71-80), CH2 (81-190), CH3 (191-295), CHS (296-297)], dímero (76-76':79-79')-bisdisulfuro, producido por las células ováricas de hamsters chinos (CHO) <i>inmunomodulador</i>
2135939-52-3	
ITCPPPMSVE HADIWVKSYS LYSRERYICN SGFKRKAGTS SLTECVLNKA 50 TNVAHWTTPS LKCIREPKSC DKHTCPCPCP APELLGGPSV FLFPKPKD 100 LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNATK PREEQYNSTY 150 RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK GQPREPQVYT 200 LPPSRDELTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPVLDS 250 DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVME ALHNHYTQKS LSLSPGK 297 Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro intra: 3-45, 29-63, 111-171, 217-275 3'-45', 29'-63', 111'-171', 217'-275' inter: 76-76', 79-79' N-Glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación Asn147, Asn147' O-Glycosylation sites / Sites de O-glycosylation / Posiciones de O-glicosilación Thr2, Thr2' C-terminal lysine (K) clipping Lys297, Lys297'	
inlezifigenum civaparvovec # inlezifigene civaparvovec	a recombinant non-replicating adeno-associated virus type 2/6 (rAAV Rep2-Cap6) vector, expressing a cDNA that targets 447-461 bp of the albumin locus (relative to the transcription initiation site), fused to the obligate heterodimeric FokI nuclease domain ELD, under the control of an apolipoprotein E hepatic control region and human alpha-1-antitrypsin promoter (ApoE/hAAT) <i>gene therapy substance</i>
inlezifigène civaparvovec	vecteur viral adéno-associé de type 2/6 recombinant (rAAV Rep2-Cap6), non-répliquant, exprimant un ADNc ciblant les paires de bases 447-461 du locus de l'albumine (en relation avec le site initial de transcription), fusionné au domaine hétérodimérique ELD de la nucléase FokI, sous le contrôle d'une région de contrôle de l'apolipoprotéine E (ApoE) spécifique du foie et du promoteur de l'alpha1-antitrypsine humaine (ApoE/hAAT) <i>substance de thérapie génique</i>

inlezifigén civaparovvec

un vector de virus adeno asociado tipo 2/6 recombinante (rAAV Rep2-Cap6), no replicativo, que expresa un cDNA dirigido a unirse a los pares de bases 447-461 (en relación al sitio de iniciación de la transcripción) del locus de la albúmina, fusionado al dominio heterodimérico ELD de la nucleasa FokI, bajo el control de una región de control hepático de la apolipoproteína E y el promotor de la alfa 1 antitripsina humana (ApoE/hAAT)
sustancia de terapia génica

2143578-31-6

inodiftagenum vixteplasmidum #
 inodiftagene vixteplasmid

plasmid DNA vector encoding the diphtheria toxin A (DT-A) gene under transcriptional regulation of the promoter region of the human H19 gene (an imprinted maternally expressed non-protein coding gene)
gene therapy substance (antineoplastic)

inodiftagène vixteplasmide

vecteur d'ADN plasmidique contenant le gène de la toxine diphtérique A (DT-A) sous la régulation transcriptionnelle d'un promoteur du gène humain H19 (gène d'empreinte maternelle ne codant pas de protéine)
substance de thérapie génique (antineoplasique)

inodiftagén vixteplasmida

vector de DNA plasmídico que codifica para el gen de la toxina diftérica A (DT-A) bajo la regulación transcripcional de la región promotora del gen H19 humano (un gen no codificante de proteína expresado con impronta materna)
sustancia de terapia génica (antineoplásico)

2166100-08-7

islatravirum
 islatravir

2'-deoxy-4'-C-ethynyl-2-fluoroadenosine
antiviral

islatravir

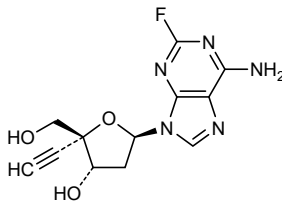
2'-désoxy-4'-C-éthynyl-2-fluoroadénosine
antiviral

islatravir

2'-desoxi-4'-C-etinil-2-fluoroadenosina
antiviral

C₁₂H₁₂FN₅O₃

865363-93-5



lacutamabum #

lacutamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* KIR3DL2 (killer cell immunoglobulin-like receptor, three Ig domains, long cytoplasmic tail 2)], monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-448) [VH (*Homo sapiens*IGHV7-4-1*02 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (92.9%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens*IGHG1*03 (G1v7) (CH1 R120 (215) (119-216), hinge (217-231), CH2 S3>D (240), I117>E (333) (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV6-25*01 (87.4%) -IGKJ1*01 (91.7%))/*Homo sapiens*IGKV1-NL1*01 (77.9%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.6] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (227-227'':230-230'')-bisdisulfide
antineoplastico

lacutamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* KIR3DL2 (récepteur 2 des cellules tueuses à trois domaines Ig-like et longue région cytoplasmique)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-448) [VH (*Homo sapiens*IGHV7-4-1*02 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (92.9%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens*IGHG1*03 (G1v7) (CH1 R120 (215) (119-216), charnière (217-231), CH2 S3>D (240), I117>E (333) (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV6-25*01 (87.4%) -IGKJ1*01 (91.7%))/*Homo sapiens*IGKV1-NL1*01 (77.9%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.6] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (227-227'':230-230'')-bisdisulfure
antineoplasique

lacutamab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* KIR3DL2 (receptor 2 de las células asesinas de los tres dominios Ig-like y región larga citoplasmática)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-448) [VH (*Homo sapiens*IGHV7-4-1*02 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (92.9%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens*IGHG1*03 (G1v7) (CH1 R120 (215) (119-216), bisagra (217-231), CH2 S3>D (240), I117>E (333) (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV6-25*01 (87.4%) -IGKJ1*01 (91.7%))/*Homo sapiens*IGKV1-NL1*01 (77.9%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.6] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (227-227'':230-230'')-bisdisulfuro
antineoplásico

1879925-92-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QIQLVQSGSE LKPGASVKV SCKASGYTFT TAGMQWVRQA PGQGLEWIGW 50
INSHSGVPKY AEDFKGRFVF SLDTSVSTAY LQISSLKAED TAVYFCARGG 100
DEGVMDYWGQ GTTIVTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKRVEPKS CDKHTCPPEC PAPELLGGPD VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APEEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSREEMT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPPVL 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSF LSASVGRVT ITCKASQDVS TAVAWYQQKP GQPPKLLIYW 50
TSTRHTGVPD RFSGSGSGTD YTLTISSLQA EDVAVYYCQQ HYSTPWTFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVEIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNFFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22°-96° 145°-201° 262°-322° 368°-426°
22°-96° 145°-201° 262°-322° 368°-426°
Intra-L (C23-C104) 23°-88° 134°-194°
23°-88° 134°-194°
Inter-H-L (h 5-CL 126) 221°-214° 221°-214°
Inter-H-H (h 11, h 14) 227°-227° 230°-230°

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
HCH2 N84.4:
298, 298°
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.

lademirsenum
lademirsen

all-P-ambo-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-P-thiocytidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-P-thiocytidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)adenosine micro RNA-21 inhibitor

lademirsen

tout-P-ambo-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]-P-thiocytidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]-P-thiocytidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)adénosine inhibiteur de micro-ARN 21

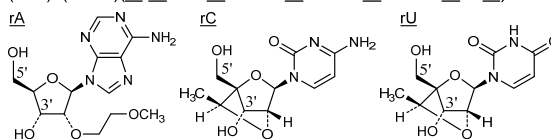
lademirsén

todo-P-ambo-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-P-tiocitidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-P-tiocitidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)adenosina
inhibidor de micro ARN 21

C₂₀₁H₂₅₄N₇₂O₁₀₁P₁₈S₁₈

1404019-95-9

(3'-5')d(P-thio)(rA-rC-A-T-rC-A-G-T-rC-T-G-A-rU-A-A-G-rC-T-rA)



lapretolimodum

lapretolimod

2-deoxy-6-O-{2-deoxy-4-O-phosphono-2-[(3R)-3-(tetradecanoyloxy)tetradecanamido]-3-O-[(3R)-3-(tetradecanoyloxy)tetradecanoyl]-β-D-glucopyranosyl}-2-[(3R)-3-hydroxytetradecanamido]-α-D-glucopyranose 3-[(3R)-3-hydroxytetradecanoate]
immunomodulator, antineoplastic

laprétolimod

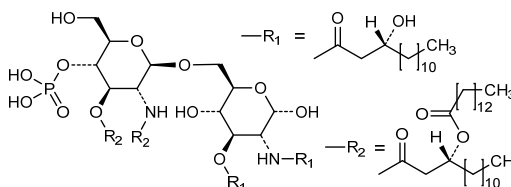
3-[(3R)-3-hydroxytétradécanoate] de 2-désoxy-6-O-{2-désoxy-4-O-phosphono-2-[(3R)-3-(tétradécanyloxy)tétradécanamido]-3-O-[(3R)-3-(tétradécanyloxy)tétradécanyloxy]-β-D-glucopyranosyl}-2-[(3R)-3-hydroxytétradécanamido]-α-D-glucopyranose
immunomodulateur, antinéoplasique

lapretolimod

3-[(3R)-3-hidroxitetradecanoato] de 2-desoxi-6-O-{2-desoxi-4-O-fosfono-2-[(3R)-3-(tetradecanoiloxi)tetradecanamido]-3-O-[(3R)-3-(tetradecanoiloxi)tetradecanoil]-β-D-glucopiranosil}-2-[(3R)-3-hidroxitetradecanamido]-α-D-glucopiranososa
inmunomodulador, antineoplásico

C₉₆H₁₈₁N₂O₂₂P

960324-04-3



lerociclibum

lerociclib

2'-({5-[4-(propan-2-yl)piperazin-1-yl]pyridin-2-yl}amino)-
7',8'-dihydro-6'*H*-spiro[cyclohexane-1,9'-
pyrazino[1',2':1,5]pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin]-6'-one
antineoplastic

lérociclib

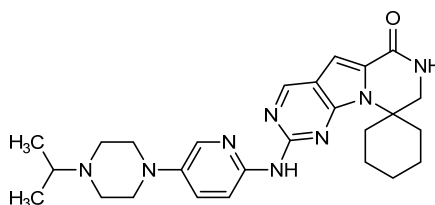
2'-({5-[4-(propan-2-yl)pipérazin-1-yl]pyridin-2-yl}amino)-
7',8'-dihydro-6'*H*-spiro[cyclohexane-1,9'-
pyrazino[1',2':1,5]pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin]-6'-one
antinéoplasique

lerociclib

2'-({5-[4-(propan-2-il)piperazin-1-il]piridin-2-il}amino)-7',8'-
dihidro-6'*H*-spiro[ciclohexano-1,9'-
pirazino[1',2':1,5]pirrolo[2,3-*d*]pirimidin]-6'-ona
antineoplásico

C₂₆H₃₄N₈O

1628256-23-4

**levilimabum #**

levilimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL6R
(interleukin 6 receptor, IL-6R, CD126)], monoclonal
antibody;
gamma1 heavy chain (1-450) [VH (*Camelus dromedarius*
IGHV1S4*01(91.6%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*02 (85.7%)
-(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)] [8.7.14] (1-120) -*Homo*
sapiens IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-
218), hinge (219-233), CH2 E1.4>P (236), L1.3>V (237),
L1.2>A (238), M13>Y (255), S16>T (257), T18>E (259)
(234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS
(449-450)) (121-450)], (223-218')-disulfide with kappa light
chain (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01
(79.2%) -IGKJ2*01 (100%)] [10.3.9] (1'-111') -*Homo*
sapiens IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (157), V101 (195)
(112'-218')]; dimer (229-229':232-232'')-bisdisulfide
immunomodulator

lévilimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL6R
(récepteur de l'interleukine 6, IL-6R, CD126)], anticorps
monoclonal;

levilimab

chaîne lourde gamma1 (1-450) [VH (*Camelus dromedarius* IGHV1S4*01(91.6%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*02 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%))] [8.7.14] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), charnière (219-233), CH2 E1.4>P (236), L1.3>V (237), L1.2>A (238), M13>Y (255), S16>T (257), T18>E (259) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (79.2%) -IGKJ2*01 (100%))] [10.3.9] (1'-111') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218''); dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure immunomodulateur

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL6R (receptor de la interleukina 6, IL-6R, CD126)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma1 (1-450) [VH (*Camelus dromedarius* IGHV1S4*01(91.6%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*02 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%))] [8.7.14] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), bisagra (219-233), CH2 E1.4>P (236), L1.3>V (237), L1.2>A (238), M13>Y (255), S16>T (257), T18>E (259) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (79.2%) -IGKJ2*01 (100%))] [10.3.9] (1'-111') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218''); dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro inmunomodulador

2035008-70-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

QVQLVQSGGG LVQGGGLRL SCAASGFTFS SYMSWVRQA PGKGLEWVSG 50
IYSDGTHYGS DSVKGRFTIS RDNAKNTVYL QLNLRADDT AMYYCARGAG 100
PTWVYALDAW GQGLTIVTSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKRVET KSCDKHTCTP PCPAPPVAGG PSVFLFPPKP 250
KDTLYITREP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLTLC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
LSDGSEFFLY SKLTVDKSRW QGQNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

DIQLTQSPSS VSVSVGERVT IDCKSSQSVL SASNTYLNWY QKPGQAPQL 50
LIYYASTRES GVPDRFSGSG SGDTFTLTIS SLQAEDAAVY YCQAYRAPV 100
TFGGGTGLEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFPYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYLSL STLTLSKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSPVPT KSFNRGEC 218

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-95 147-203 264-324 370-428
22"-95" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23'-92' 138"-198'
23'''-92''' 138'''-198'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-218' 223"-218"

Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados.

lorukafuspum alfa #

lorukafusp alfa

immunoglobulin G1-kappa, anti-(human ganglioside GD2) chimeric monoclonal antibody, fused with interleukin 2, glycoform alfa:
 gamma1 heavy chain [*Mus musculus* VH (*Mus musculus*IGHV1S135*01 (79.2%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (92.9%)) [CDRKabatH1: GYNMN (31-35); CDRKabatH2: AIDPYYGGTSYNQKFKG (50-66); CDRKabatH3: GMEY (99-102)] (1-113) - *Homo sapiens* IGHG1*03 (CH1 (114-211), hinge (212-226), CH2 (227-336), CH3 (337-441), CHS (442-443))] (1-443) fused with interleukin 2 (IL2, human) (444-576), (216-220')-disulfide with kappa light chain [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-110*01 (94.0%) -IGKJ5*01 (100.0%)) [CDRKabatL1: RSSQSLVHRNGNTYLH (24-39); CDRKabatL2: KVSNRFS (55-61); CDRKabatL3: SQSTHVPPLT (94-103)] (1'-113') - *Homo sapiens* IGKC*01 (114'-220')] (1'-220'), (222-222":225-225")-bisdisulfide dimer, produced in mouse myeloma NS0 cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

lorukafusp alfa

immunoglobuline G1-kappa, anticorps monoclonal chimérique anti-(ganglioside GD2 humain), fusionné avec l'interleukine 2, glycoforme alfa:
 chaîne lourde gamma1 [*Mus musculus* VH (*Mus musculus*IGHV1S135*01 (79.2%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (92.9%)) [CDRKabatH1: GYNMN (31-35); CDRKabatH2: AIDPYYGGTSYNQKFKG (50-66); CDRKabatH3: GMEY (99-102)] (1-113) - *Homo sapiens* IGHG1*03 (CH1 (114-211), charnière (212-226), CH2 (227-336), CH3 (337-441), CHS (442-443))] (1-443) fusionné avec l'interleukine 2 (IL2, humaine) (444-576), (216-220')-disulfure avec la chaîne kappa légère [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-110*01 (94.0%) -IGKJ5*01 (100.0%)) [CDRKabatL1: RSSQSLVHRNGNTYLH (24-39); CDRKabatL2: KVSNRFS (55-61); CDRKabatL3: SQSTHVPPLT (94-103)] (1'-113') - *Homo sapiens* IGKC*01 (114'-220')] (1'-220'), (222-222":225-225")- dimère bisdisulfure, produit dans des cellules du myélome murin NS0, glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

lorukafusp alfa

inmunoglobulina G1-kappa, anticuerpo monoclonal quimérico anti-(gangliósido GD2 humano), fusionado con la interleukina 2, glicoforma alfa:
 cadena pesada gamma1 [*Mus musculus* VH (*Mus musculus*IGHV1S135*01 (79.2%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (92.9%)) [CDRKabatH1: GYNMN (31-35); CDRKabatH2: AIDPYYGGTSYNQKFKG (50-66); CDRKabatH3: GMEY (99-102)] (1-113) - *Homo sapiens* IGHG1*03 (CH1 (114-211), bisagra (212-226), CH2 (227-336), CH3 (337-441), CHS (442-443))] (1-443) fusionado con la interleukina 2 (IL2, humana) (444-576), (216-220')-disulfuro con la cadena kappa ligera [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-110*01 (94.0%) -IGKJ5*01 (100.0%)) [CDRKabatL1: RSSQSLVHRNGNTYLH (24-39); CDRKabatL2: KVSNRFS (55-61); CDRKabatL3: SQSTHVPPLT (94-103)] (1'-113') - *Homo sapiens* IGKC*01 (114'-220')] (1'-220'), (222-222":225-225")- dímero bisdisulfuro, producido en las células del mieloma murino NS0, glicoforma alfa
immunomodulador, antineoplásico

2131168-99-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVQLVQSGAE VEKFGASVKI SCKASGSSFT GYNMNVWRQN IGKSLIEWIGA 50
IDPYYGGTSY NQKFKGRATL TVDKSTSTAY MHLKSLRSED TAVYYCVSGM 100
EYWGQGTSTV VSSASTKGPS VFPLAPSSKS TSGGTAALGC LVKDYFPPEPV 250
TVSWNSGALT SGVHTFFAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG TQTYICNVNH 200
KPSNTEKVDKR VEPKSCDKTH TCFPCPAPEL LGGSPSVFLFP PKPKDTLMIS 250
RTPEVTCVVV DVSHEDPEVK FNWYVDGVEV HNAKTKPREE QYNSTYRVVS 300
VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKALPAPIEK TISKAKGQPR EPQVYTLPPS 350
REEMTKNQVS LTCLVKGFPV SDIAVEWESN GQPENNYKTT PPVLDSDGSF 400
FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSVMHEALHN HYTKSLSLSS PGKAPTSSTT 450
KKTQLQLLEH LLDLQMIILN INNYKNPKLT RMLTFKFFMP KKATELKHLL 500
CLEELKPLE EVLNLAQSKN FHLRPRDLIS NINVIVLELK GSETTFMCEY 550
ADETATIEVF LNRWITFCQS IISTLT 576

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DVVMVTQTPLS LPVTPGEPAS ISCRSSQSLV HRNGNTYLHW YLQKPGQSPK 50
LLIHKVSNRF SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDLVY YFCQSSTHVP 100
PLTFAGATKL ELKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 150
KVQWKVDNAL QSGNSQESVTE EQDSKSTYS LSSTLTLSKA DYEKHKVYAC 200
EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC 220

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

intra-H: IgG1: 22-96, 140-196, 257-317, 363-421,
22"-96", 140"-196", 257"-317", 363"-421"
IL2: 501-548, 501"-548" (structure A, natural, 80 %)
548-568, 548"-568" (structure B, 20 %)
intra-L: 23'-93', 140'-200', 23"-93", 140"-200"
inter-H-L: 216-220', 216"-220"
inter-H-H: 222-222", 225-225"

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación

Asn293, Asn293": complex biantennary core-fucosylated glycans
Thr446, Thr446": no O-glycosylation

maftivimabum #
maftivimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Zaire ebolavirus* (*Zaire Ebola virus* (EBOV)) glycoprotein], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-448) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*04 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ3*02(93.3%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens*IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (215) (119-216), hinge (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-213')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (98.9%) -IGKJ5*01(91.7%)) [6.3.8] (1'-106') - *Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (106'-213')]; dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide immunomodulator, antiviral

maftivimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[glycoprotéine de *Zaire ebolavirus* (virus Ebola Zaïre (EBOV))], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-448) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*04 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ3*02(93.3%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens*IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (215) (119-216), charnière (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-213')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (98.9%) -IGKJ5*01(91.7%)) [6.3.8] (1'-106') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (106'-213')]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure immunomodulateur, antiviral

maftivimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[glicoproteína de *Zaire ebolavirus* (virus Ebola Zaïre (EBOV))], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
 cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ3*02(93.3%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (215) (119-216), bisagra (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (98.9%) -IGKJ5*01(91.7%)) [6.3.8] (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (106'-213')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro
immunomodulator, antiviral

2135632-36-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTSS SYAMNWRQA PGKLEWVST 50
ISGMGGSTYY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAKRG 100
YPHSFDIWGQ GTMVTVSSAS TKGPSVFPLA PSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPFPTVSWN SGALTSQVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKKVEPKS CDKTHTCPCP PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGEVHNNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSRDELT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPPVL 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK 448
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSI SFLNYYQQKP GKAPKLLIYA 50
ASSLQSGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ SYSTLTFGQG 100
TRLEIKRTVA APSVFIFPPS DEQLKSGTAS VVCLLNNFYP REAKVQWKVD 150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYSLSSLTTL SKADYEKHKV YACEVTHQGL 200
SSPVTKSFNR GEC 213
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426
 22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 133'-193'
 23"'-88"' 135"'-193"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-213' 221"-213"

Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

298, 298"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

magrolimabum #
 magrolimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD47 (integrin associated protein, IAP, MER6, OA3)], monoclonal antibody;
 gamma4 heavy chain (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (118-215), hinge S10>P (225) (216-227), CH2 (228-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (118-444)], (131-219')-disulfide with kappa light chain (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (89.0%) -IGKJ2*03 (91.7%))/*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (86%) -IGKJ2*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (223-223":226-226")-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

magrolimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD47 (protéine associée à l'intégrine, IAP, MER6, OA3)], anticorps monoclonal;
chaîne lourde gamma4 (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (87.80%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (118-215), charnière S10>P (225) (216-227), CH2 (228-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (118-444)], (131-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (89.0%) -IGKJ2*03 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (86%) -IGKJ2*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (223-223":226-226")-bisdisulfure
immunomodulateur, antinéoplasique

magrolimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD47 (proteína asociada a la integrina, IAP, MER6, OA3)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma4 (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (87.80%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (118-215), bisagra S10>P (225) (216-227), CH2 (228-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (118-444)], (131-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (89.0%) -IGKJ2*03 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (86%) -IGKJ2*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (223-223":226-226")-bisdisulfuro
inmunomodulador, antineoplásico

2169232-81-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT NYNMHWVRQA PGQRLEWMT 50
IYPGNDTSY NQKPKDRVTI TADTSASTAY MELSSLRSED TAVYVCARGG 100
YRAMDYWGQG TLVTVSSAST KGPSVFPLAP CSRSTSESTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVP SSGTKTYTC 200
NVDHKPSNTK VDKRVESKYG PPCPPCPAPE FLGGPSVFLF PPKPKDTLMI 250
SRTPFVTCVV VDVQSDEPEV QFNWYVDGVE VHNATKPRE EQFNSTYRVV 300
SVLTVLHQDV LNKKEYKCKV SNKGLPSSIE KTISKAKGQP REPQVYTLFP 350
SQEEMTKNQV SLTCLVKGFY PSDIAVEWES NGQFPENNYKT TFPVLDSGDS 400
FFLYSRLTVD KSRWQEGNVF SCSVMHEALH NHYTQKSLSL SLGK 444

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

DIVMTQSPLS LPVTPGEPAS ISCRSSQSIY YSNGNTYLGW YLQKPGQSPQ 50
LLIYKVSNNF SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGV YYCFQGSHPV 100
YTFGGGTKLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDYSL SSSLTTLKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNRGEC 219

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 144-200 258-318 364-422
22"-96" 144"-200" 258"-318" 364"-422"

Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199"
23"-93" 139"-199"

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 131-219' 131"-219"

Inter-H-H (h 8, h 11) 223-223" 226-226"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

294, 294"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

mocemestrocelum

mocemestrocel

human culture expanded sub-fractionated allogeneic adherent mesenchymal-like stromal cells derived from bone marrow of healthy living donors. Cells express cell surface markers CD105, CD73, CD90 and human leukocyte antigen (HLA) class-I, and express transforming growth factor beta 1 (TGF- β 1), soluble tumour necrosis factor receptor 1 (sTNF-R1), interleukin-10 (IL-10), interleukin 17 (IL-17), acetylcholine (ACh), ICOS ligand (B7 homolog 2, B7-H2, ICOSL, antigen CD275), and indoleamine 2,3-dioxygenase 1 (IDO-1). The cells are negative for CD34, CD45, CD14 and HLA-DR markers.
cell therapy substance (immunomodulator)

mocémestrocel

cellules stromales adhérentes allogéniques humaines semblables aux cellules mésenchymales, subfractionnées, en culture d'expansion, dérivées de moëlle osseuse de donneurs sains vivants. Les cellules expriment les marqueurs de surface CD105, CD73, CD90 et l'antigène de classe I de leukocytes humains (HLA, CMH, complexe majeur d'histocompatibilité), et expriment le facteur de croissance transformant bêta 1 ((TGF- β 1), la partie soluble du récepteur 1 du facteur de nécrose tumorale (sTNF-R1), l'interleukine 1 (IL-1), l'interleukine 17 (IL-17), l'acétylcholine (ACh), le ligand ICOS (homologue 2 de B7, B7-H2, ICOSL, CD275) et l'indolamine 2,3-dioxygénase 1 (IDO-1). Les cellules sont négatives pour les marqueurs CD34, CD45, CD14 et HLA-DR.
substance de thérapie cellulaire (immunomodulateur)

mocemestrocel

células adherentes estromales alogénicas humanas similares a células mesenquimales subfraccionadas, expandidas en cultivo, derivadas de la médula ósea de donantes vivos sanos. Las células expresan los marcadores de superficie CD105, CD73, CD90 y HLA clase I, y expresan factor transformador del crecimiento beta 1 (TGF- β 1), receptor 1 soluble del factor de necrosis tumoral 1 (sTNF-R1), interleuquina 10 (IL-10), interleuquina 17 (IL-17), acetilcolina (ACh), ligando de ICOS (homólogo 2 de B7, B7-H2, ICOSL, antígeno CD275), e indoleamina 2,3-dioxigenasa 1 (IDO-1). Las células son negativas para los marcadores CD34, CD45, CD14 y HLA-DR.
sustancia de terapia celular (inmunomodulador)

motixafortidum

motixafortide

S^{3,4}, S^{3,13}-cyclo[N⁶-(4-fluorobenzoyl)-L-arginyl-L-arginyl-3-(naphthalen-2-yl)-L-alanyl-L-cysteinyl-L-tyrosyl-N⁶-carbamoyl-L-ornithyl-L-lysyl-D-lysyl-L-prolyl-L-tyrosyl-L-arginyl-N⁶-carbamoyl-L-ornithyl-L-cysteinyl-L-argininamide]
chemokine CXCR4 receptor antagonist

motixafortide

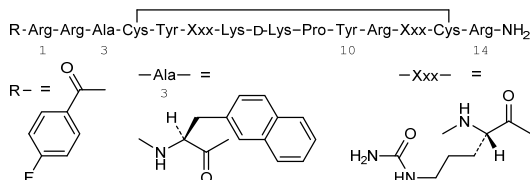
S^{3,4}, S^{3,13}-cyclo[N⁶-(4-fluorobenzoyl)-L-arginyl-L-arginyl-3-(naphtalén-2-yl)-L-alanyl-L-cystéinyl-L-tyrosyl-N⁶-carbamoyl-L-ornithyl-L-lysyl-D-lysyl-L-prolyl-L-tyrosyl-L-arginyl-N⁶-carbamoyl-L-ornithyl-L-cystéinyl-L-argininamide]
antagoniste du récepteur CXCR4 de chimiokine

motixafortida

$S^{3,4}, S^{3,13}$ -ciclo[N^a -(4-fluorobenzoil)-L-arginil-L-arginil-3-(naftalen-2-il)-L-alanil-L-cisteinil-L-tirosil- N^5 -carbamoil-L-ornitil-L-lisil-D-lisil-L-prolil-L-tirosil-L-arginil- N^6 -carbamoil-L-ornitil-L-cisteinil-L-argininamida]
antagonista del receptor de quimiocina CXC tipo 4 (CXCR4)

 $C_{97}H_{144}FN_{33}O_{19}S_2$

664334-36-5



nanatinostat

nanatinostat

2-[(1*R*,5*S*,6*s*)-6-[[[(6-fluoroquinolin-2-yl)methyl]amino]-3-azabicyclo[3.1.0]hexan-3-yl]-*N*-hydroxypyrimidine-5-carboxamide
histone deacetylase inhibitor, antineoplastic

nanatinostat

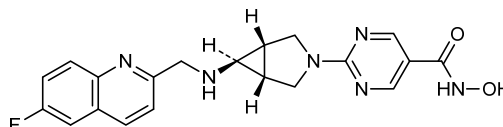
2-[(1*R*,5*S*,6*s*)-6-[[[(6-fluoroquinoléin-2-yl)méthyl]amino]-3-azabicyclo[3.1.0]hexan-3-yl]-*N*-hydroxypyrimidine-5-carboxamide
inhibiteur de l'histone désacétylase, antinéoplasique

nanatinostat

2-[(1*R*,5*S*,6*s*)-6-[[[(6-fluoroquinolein-2-il)metil]amino]-3-azabicyclo[3.1.0]hexan-3-il]-*N*-hidroxiipirimidina-5-carboxamida
inhibidor de la histona desacetilasa, antineoplásico

 $C_{20}H_{19}FN_6O_2$

1256448-47-1



naxitamabum #

naxitamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ganglioside GD2 (disialoganglioside GD2)], monoclonal antibody; gamma1 heavy chain (1-449) [VH (*Mus musculus* IGHV2-9*02 (79.2%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (72.2%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.7.13] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*08p, G1m3,1 (CH1 R120 (216) (120-217), hinge (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-211')-disulfide with kappa light chain (1'-211') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV6-32*02 (84.9%) -IGKJ2*03 (90.0%)/*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (78.7%) -IGKJ2*03 (100%)] [6.3.6] (1'-104') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (150), V101 (188) (105'-211')]; dimer (228-228':231-231')-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

naxitamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens ganglioside GD2 (disialoganglioside GD2)*], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-449) [VH (*Mus musculus*IGHV2-9*02 (79.2%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (91.7%)/*Homo sapiens*IGHV3-33*01 (72.2%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.7.13] (1-119) -*Homo sapiens*IGHG1*08p, G1m3,1 (CH1 R120 (216) (120-217), charnière (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-211')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-211') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV6-32*02 (84.9%) -IGKJ2*03 (90.0%)/*Homo sapiens*IGKV3-15*01 (78.7%) -IGKJ2*03 (100%)) [6.3.6] (1'-104') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (150), V101 (188) (105'-211')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure
immunomodulateur, antinéoplasique

naxitamab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens gangliósido GD2 (disialogangliósido GD2)*], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-449) [VH (*Mus musculus*IGHV2-9*02 (79.2%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (91.7%)/*Homo sapiens*IGHV3-33*01 (72.2%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.7.13] (1-119) -*Homo sapiens*IGHG1*08p, G1m3,1 (CH1 R120 (216) (120-217), bisagra (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-211')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-211') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV6-32*02 (84.9%) -IGKJ2*03 (90.0%)/*Homo sapiens*IGKV3-15*01 (78.7%) -IGKJ2*03 (100%)) [6.3.6] (1'-104') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (150), V101 (188) (105'-211')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro
immunomodulador, antineoplásico

1879925-92-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

QVQLVESGPG VVQPGRLRI SCAVSGFSVT NYGVHWVRQP PGKGLEWLG 50
IWAAGITWYN SAFMSRLTIS KDNSKNTVYL QMNSLRAEDT AMYICASRG 100
HYGYALDYWG QGTLVTVSSA STKGPSVFPPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPTVSW NSGALTSGVH TFPVQLQSSG LYSLSVTVV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHPKPSN TKVDKRVKPK SCDKTHTCPP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTP E VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLT V LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIETISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSRDEL TKNQVSLTCL VKGYFPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

EIVMTQTPAT LSVSAGERVT ITCKASQSVS NDTVWYQKPK GQAPRLLIYS 50
ASNRYSGVPA RFGSGGYGTE FTFTISSVQS EDFAVYFCQQ DYSSFGQGTK 100
LEIKRTVAAP SVFIFFPSDE QLKSGTASVV CLLNFFYPRE AKVQWKVDNA 150
LQSGNSQESV TEQDKSDSTY SLSSTLTLSK ADYEKHKVYA CEVTHQGLSS 200
PVTKSFNRRGE C 211

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

```

Intra-H (C23-C104) 22-95 146-202 263-323 369-427
                  22"-95" 146"-202" 263"-323" 369"-427"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 131'-191'
                  23"-88" 131"-191"

```

Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-211' 222"-211"

Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228" 231-231"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

299, 299"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping:

H CHS K2:

449, 449"

nidanilimabum #

nidanilimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL1RAP (interleukin-1 receptor accessory protein)], humanized monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain humanized (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*02 (85.4%) - (IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (214) (118-215), hinge (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS K2>del (446)) (118-446)], (220-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (85.3%) - IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

nidanilimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL1RAP (protéine accessoire du récepteur de l'interleukine-1)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde gamma1 humanisée (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*02 (85.4%) - (IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (214) (118-215), charnière (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS K2>del (446)) (118-446)], (220-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (85.3%) - IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure
immunomodulateur, antinéoplasique

nidanilimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL1RAP (proteína accesoria del receptor de la interleukina-1)], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada gamma1 humanizada (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*02 (85.4%) - (IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (214) (118-215), bisagra (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS K2>del (446)) (118-446)], (220-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (85.3%) - IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro
inmunomodulador, antineoplásico

2171061-85-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGYAFT SSWMNWVRQA PGQGLEWMGR 50
IYPGDNTHY AQKFQGRVTL TADKSTSTAY MELSSSLRSED TAVYYCGEGY 100
LDPMDYWGQG TLTVTSSAST KGPSVFPLAP SSKSTSSGTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVPSSSLGTQTYIC 200
NVNHKPSNTK VDKKVEPKSC DKHTCTPPCP APELLGGPSV FLFPPKPKDT 250
LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNATK PREBQYNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTSKAK GQPREPQVYT 350
LPPSREEMTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTFPVLD 400
DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVME ALHNHYTQKS LSLSPG 446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGRVT ITCQASQGIN NYLNWYQQKP GKAPKLLIHY 50
TSGLHAGVPS RFGSGSGTD YTLTISLEP EDVATYYCQ YSILPWFEG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNFFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGE 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 144-200 261-321 367-425
22"-96" 144"-200" 261"-321" 367"-425"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 220-214' 220"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 226-226" 229-229"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
297, 297'
Afucoylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes afucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos afucosilados.

nimacimabum #
nimacimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CNR1 (cannabinoid receptor 1, CANN6, CNR)], humanized monoclonal antibody;
gamma4 heavy chain humanized (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*02 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (90.9%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (118-215), hinge S10>P (225) (216-227), CH2 (228-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (118-444)], (131-215')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (90.1%) -IGKJ1*01 (100%)) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (204), V101 (192) (109'-215')]; dimer (223-223":226-226")-bisdisulfide
immunomodulator

nimacimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CNR1 (récepteur cannabinoïde 1, CANN6, CNR)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde gamma4 humanisée (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*02 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (90.9%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (118-215), charnière S10>P (225) (216-227), CH2 (228-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (118-444)], (131-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (90.1%) -IGKJ1*01 (100%)) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (204), V101 (192) (109'-215')]; dimère (223-223":226-226")-bisdisulfure
immunomodulateur

nimacimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CNR1 (receptor cannabinoide 1, CANN6, CNR)], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada gamma4 humanizada (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*02 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (90.9%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (118-215), bisagra S10>P (225) (216-227), CH2 (228-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (118-444)], (131-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (90.1%) -IGKJ1*01 (100%)) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (204), V101 (192) (109'-215')]; dímero (223-223":226-226")-bisdisulfuro
immunomodulador

2098636-09-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGYEFS YYWMNWRQA PGQGLEWMGQ 50
IYPGDGETKY AQKFQGRVTI TADKSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCARSH 100
GNYLPYWGQG TLTVVSSAST KGPSVFPLAP CSRSTSESTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTWSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVTVTPS SSLGKTYTC 200
NVDHKPSNTK VDKRVESKYG PPCPPCPAPE FLGGPSVFLF PPKPKDTLMI 250
SRTPPEVTCVV VDVQSDEDPEV QFNWYVDGVE VHNATKPRE EQFNSTYRVV 300
SVLTVLHQDW LNKKEYKCKV SNKGLPSSIE KTISKAKGQP REPQVYTLPP 350
SQEEMTKNQV SLTCLVKGFY PSDIAVEWES NGQPENNYKT TTPVLDSDGS 400
FFLYSRLTVD KSRWQEGNVF SCSVMHEALH NHYTQKSLSL SLGK 444

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQSVS SSYLHWYQQK PGQAPRLLIY 50
STSNLASGIP ARFSGSGSGT DFTLTISRLE PEDFAVYYCH QYHRSPTTFG 100
QGTRVETIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNMF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYLSSTL TLSKADYEKH KVYACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGEK 215

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 144-200 258-318 364-422
22"-96" 144"-200" 258"-318" 364"-422"

Intra-L (C23-C104) 23'-89' 135'-195'
23'''-89''' 135'''-195'''

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 131-215' 131"-215"

Inter-H-H (h 8, h 11) 223-223" 226-226"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2N84.4:

294, 294"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping:

H CHS K2:

444, 444"

olutasidenibum

olutasidenib

5-[[[(1S)-1-(6-chloro-2-oxo-1,2-dihydroquinolin-3-yl)ethyl]amino]-1-methyl-6-oxo-1,6-dihydropyridine-2-carbonitrile
antineoplastic

olutasidénib

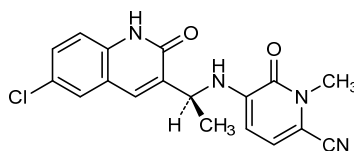
5-[[[(1S)-1-(6-chloro-2-oxo-1,2-dihydroquinoléin-3-yl)éthyl]amino]-1-méthyl-6-oxo-1,6-dihydropyridine-2-carbonitrile
antinéoplasique

olutasidenib

5-[[[(1S)-1-(6-cloro-2-oxo-1,2-dihidroquinolein-3-il)etil]amino]-1-metil-6-oxo-1,6-dihidropiridina-2-carbonitrilo
antineoplásico

C₁₈H₁₅ClN₄O₂

1887014-12-1



pabinafuspum alfa #
pabinafusp alfa

immunoglobulin G1-kappa, anti-(human transferrin receptor 1, TfR1) humanized monoclonal antibody, fused with human iduronate-2-sulfatase, glycoform alfa: gamma1 heavy chain [humanized VH (*Homo sapiens*IGHV5-51*01 -(IGHD)-IGHJ4*01) [CDRKabatH1[1]: NYWLG (31-35); CDRKabatH2[1]: DIYPGGDYPTYSEKFKV (50-66); CDRKabatH3[1]: SGNYDEVAY (99-107)] (1-118) - *Homo sapiens*IGHG1*01 (CH1 (119-216), hinge (217-231), CH2 (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448))] (1-448) fused by a GS linker (449-450) with human iduronate-2-sulfatase pro-protein (451-975), (221-219')-disulfide with kappa light chain [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV1-110*01) -*Homo sapiens*IGKJ1*01 [CDRKabatL1: RSSQSLVHSNGNTYLH (24-39); CDRKabatL2: KVSNRFS (55-61); CDRKabatL3: SQSTHVPWT (94-102)] (1'-112') - *Homo sapiens*IGKC*01 (113'-219')] (1'-219'), (227-227'',230-230'')-bisdisulfide dimer, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, enzyme

pabinafusp alfa

immunoglobuline G1-kappa, anticorps monoclonal humanisé anti-(récepteur de type 1 de la transferrine humain, TfR1), fusionné à l'iduronate 2-sulfatase humaine, glycoforme alfa: chaîne lourde gamma1 [VH humanisé (*Homo sapiens*IGHV5-51*01 -(IGHD)-IGHJ4*01) [CDRKabatH1[1]: NYWLG (31-35); CDRKabatH2[1]: DIYPGGDYPTYSEKFKV (50-66); CDRKabatH3[1]: SGNYDEVAY (99-107)] (1-118) - *Homo sapiens*IGHG1*01 (CH1 (119-216), charnière (217-231), CH2 (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448))] (1-448) fusionné via un linker GS (449-450) au précurseur de l'iduronate 2-sulfatase humaine (451-975), (221-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV1-110*01) -*Homo sapiens*IGKJ1*01) [CDRKabatL1: RSSQSLVHSNGNTYLH (24-39); CDRKabatL2: KVSNRFS (55-61); CDRKabatL3: SQSTHVPWT (94-102)] (1'-112') - *Homo sapiens*IGKC*01 (113'-219')] (1'-219'), (227-227'',230-230'')-dimère bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, enzyme

pabinafusp alfa

inmunoglobulina G1-kappa, anticuerpo monoclonal humanizado anti-(receptor tipo 1 de la transferrina humana, TfR1), fusionado con la iduronato 2-sulfatasa humana, glicoforma alfa:
 cadena pesada gamma1 [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 -(IGHD)-IGHJ4*01) [CDRKabatH1[1]: NYWLG (31-35); CDRKabatH2[1]: DIYPGGDYPTYSEKFKV (50-66); CDRKabatH3[1]: SGNYDEVAY (99-107)] (1-118) - *Homo sapiens* IGHG1*01 (CH1 (119-216), bisagra (217-231), CH2 (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448))] (1-448) fusionado mediante un conector GS (449-450) con el precursor de la iduronato 2-sulfatasa humana (451-975), (221-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-110*01 -*Homo sapiens* IGKJ1*01) [CDRKabatL1: RSSQSLVHSNGNTYLH (24-39); CDRKabatL2: KVSNRFS (55-61); CDRKabatL3: SQSTHVPWT (94-102)] (1'-112') - *Homo sapiens* IGKC*01 (113'-219')] (1'-219'), (227-227'', 230-230'')-dímero bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicoforma alfa
inmunomodulador, enzima

2140211-48-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVQSGAE VKKPGESLKI SCKGSGYSFT NYWLGWVRQM PGKGLEWMGD 50
IYPGGDYPTY SEKFKVQVTI SADKSIISTAY LQWSSLKASD TAMYYCARSG 100
NYDEVAYWQG GTLVTVSSAS TRGSPVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPPEPTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKKEPKS CDKTHTCPPC PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSRDELT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQFEN NYKTTTPVLD 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGKGS 450
SETQANSTTD ALNVLIIIVD DLRPSLGCYG DKLVRSPNID QLASHSLLFQ 500
NAFAQQAVCA PSRVSFLLTGR RPDTRRLYDF NSYWRVHAGN FSTIPQYFKE 550
NGYVTVSVGK VFHFGISSNH TDDSPYSWSE PPYHPSSEKY ENTKTCRGPD 600
GELHANLLCP VDVLDPPEGT LPDKQSTEQA IQLLEKMKTS ASPFFLAVGY 650
HKPHIPFRYP KEFKQLYPLE NITLAPDPEV PDGLPPVAYN PWMDIRQRED 700
VQALNISVPY GPIPVDFQRK IRQSYFASVS YLDTQVGRLL SALDDLQLAN 750
STIIAFTSDH GWALGEHGEW AKYSNFDVAT HVPLIFYVPG RTASLPEAGE 800
KLFPPYLDPF SASQLMEFGR QSMDLVELVS LFPTLAGLAG LQVPPRCVPV 850
SFHVLCREG KNLLKHFRFR DLEEDPYLPG NPRELIAYSQ YPRPSDIPQW 900
NSDKPSLKDI KIMGYSIRTI DYRYTVWVG FNPDEFLANFS DIHAGELYFV 950
DSDPLQDHNM YNDSQGGDLF QLLMP 975
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIVMTQTPLS LSVTPGQPAS ISCRSSQSLV HSNNGNTYLHW YLQKPGQSPQ 50
LLIYKYSNRF SGVPDRFSGS GSCDTFTLKI SRVEAEDVGV YYCSQSTHPV 100
WTFGQCTKVE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYBREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSYSL SSSLTTLKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219
```

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

intra-H: IgG1: 22-96, 145-201, 262-322, 368-426,
 22"-96", 145"-201", 262"-322", 368"-426",
 IDS: 596-609, 847-857, 596"-609", 847"-857"
 intra-L: 23'-93', 139'-199', 23'''-93''', 139'''-199'''
 inter-H-L: 221-219', 221"-219"
 inter-H-H: 227-227'', 230-230''

N-Glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

298, 456, 540, 569, 671, 705, 750, 938, 962,
 298'', 456'', 540'', 569'', 671'', 705'', 750'', 938'', 962''

Other modifications / Autres modifications / Otras modificaciones

Cys509, Cys509" → 3-oxoalanyl (2-formylglycyl)

pecavaptanum

pecavaptan

5-(4-chlorophenyl)-2-({1-(3-chlorophenyl)-5-[(1S)-1-hydroxyethyl]-1H-1,2,4-triazol-3-yl)methyl}-4-[(2S)-3,3,3-trifluoro-2-hydroxypropyl]-2,4-dihydro-3H-1,2,4-triazol-3-one

vasopressin receptor antagonist

pécavaptan

5-(4-chlorophényl)-2-({1-(3-chlorophényl)-5-[(1S)-1-hydroxyéthyl]-1H-1,2,4-triazol-3-yl)méthyl}-4-[(2S)-3,3,3-trifluoro-2-hydroxypropyl]-2,4-dihydro-3H-1,2,4-triazol-3-one

antagoniste du récepteur de la vasopressine

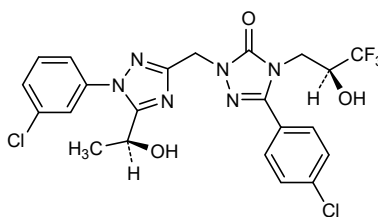
pecavaptan

5-(4-clorofenil)-2-({1-(3-clorofenil)-5-[(1S)-1-hidroxietil]-1H-1,2,4-triazol-3-il}metil)-4-[(2S)-3,3,3-trifluoro-2-hidroxiopropil]-2,4-dihidro-3H-1,2,4-triazol-3-ona

antagonista del receptor de la vasopresina

C₂₂H₁₉Cl₂F₃N₆O₃

1914998-56-3

**pegbelferminum #**

pegbelfermin

L-methionyl-[108-{4-[N-(2-[(ω-methoxypoly(oxyethylene)-α-carbonyl]amino)ethoxy)ethanimidoyl]-L-phenylalanine} (108Q>X)] human fibroblast growth factor 21 (FGF21) natural L¹⁴⁶>P variant, produced in *Escherichia coli* fibroblast growth factor

pegbelfermin

L-méthionyl-[108-{4-[N-(2-[(ω-méthoxypoly(oxyéthylène)-α-carbonyl]amino)éthoxy)éthanimidoyl]-L-phénylalanine} (108Q>X)] facteur de croissance des fibroblastes 21 (FGF21) humain, variant naturel L¹⁴⁶>P, produit par *Escherichia coli* facteur de croissance des fibroblastes

pegbelfermina

L-metionil-[108-{4-[N-(2-[(ω-metoxipoli(oxietileno)-α-carbonil]amino)etoxi)etanimidoi]-L-fenilalanina} (108Q>X)] factor de crecimiento de fibroblastos 21 (FGF21) humano, variante natural L¹⁴⁶>P, producido por *Escherichia coli* factor de crecimiento de fibroblastos

2089039-22-3

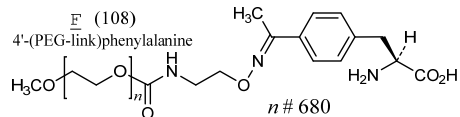
Sequence / Séquence / Secuencia

HPIPDSSPLL QFGGQVRQRY LYTDDAQQTE AHLEIREDTG VGGAADQSPE 50
 SLLQLKALKP GVIQILGVKT SRFLCQRPDG ALYGSLHFDP EACSFRELL 100
 EDGYNVYESE AHGLPLHLPG NKSEHRDPAP RGPAPFLPLP GLPPAPPEPP 150
 GILAPQPPDV GSSDPLSMVG PSQGRSPSYA S 181

Disulfide bridge location / Position du pont disulfure / Posición del puente disulfuro

75-93

Modified residue / Résidu modifié / Resto modificado

**pegloprastidum**

pegloprastide

$N^{2,1}$ -(6-{2-[7-(1-ethyl-3,3-dimethyl-5-sulfo-1,3-dihydro-2*H*-indol-2-ylidene)hepta-1,3,5-trien-1-yl]-3,3-dimethyl-5-sulfonato-3*H*-indol-1-ium-1-yl}hexanoyl)penta-D- α -glutamyl-4-[*N*-(2-{[ω -methoxypoly(oxyethylene)- α -carbonyl]amino}ethoxy)ethanimidoyl]-L-phenylalanyl-2-(2-aminoethoxy)acetyl-L-prolyl-L-leucylglycyl-S-methyl-L-cysteinyl-L-alanylglycyl-octa-D-arginyl-S-((3 Ξ)-1-[2-(6-{2-[5-(1-ethyl-3,3-dimethyl-5-sulfo-1,3-dihydro-2*H*-indol-2-ylidene)penta-1,3-dien-1-yl]-3,3-dimethyl-5-sulfonato-3*H*-indol-1-ium-1-yl}hexanamido)ethyl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl)-D-cysteinamide
diagnostic aid

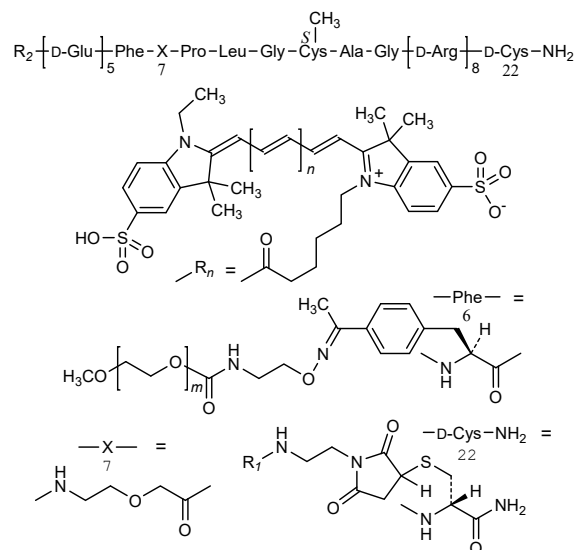
pegloprastide

$N^{2,1}$ -(6-{2-[7-(1-éthyl-3,3-diméthyl-5-sulfo-1,3-dihydro-2*H*-indol-2-ylidène)hepta-1,3,5-trién-1-yl]-3,3-diméthyl-5-sulfonato-3*H*-indol-1-ium-1-yl}hexanoyl)penta-D- α -glutamyl-4-[*N*-(2-{[ω -méthoxypoly(oxyéthylène)- α -carbonyl]amino}éthoxy)éthanimidoyl]-L-phénylalanyl-2-(2-aminoéthoxy)acétyl-L-prolyl-L-leucylglycyl-S-méthyl-L-cystéinyl-L-alanylglycyl-octa-D-arginyl-S-((3 Ξ)-1-[2-(6-{2-[5-(1-éthyl-3,3-diméthyl-5-sulfo-1,3-dihydro-2*H*-indol-2-ylidène)penta-1,3-dién-1-yl]-3,3-diméthyl-5-sulfonato-3*H*-indol-1-ium-1-yl}hexanamido)éthyl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl)-D-cystéinamide
substance à usage diagnostique

pegloprastida

$N^{2,1}$ -(6-{2-[7-(1-etil-3,3-dimetil-5-sulfo-1,3-dihidro-2*H*-indol-2-ilideno)hepta-1,3,5-trien-1-il]-3,3-dimetil-5-sulfonato-3*H*-indol-1-ium-1-il}hexanoil)penta-D- α -glutamyl-4-[*N*-(2-{[ω -metoxipoli(oxietileno)- α -carbonil]amino}etoxi)etanimidoyl]-L-fenilalanil-2-(2-aminoetoxi)acetil-L-proliil-L-leucilglicil-S-metil-L-cisteinil-L-alanilglicilocta-D-arginil-S-((3 Ξ)-1-[2-(6-{2-[5-(1-etil-3,3-dimetil-5-sulfo-1,3-dihidro-2*H*-indol-2-ilideno)penta-1,3-dien-1-il]-3,3-dimetil-5-sulfonato-3*H*-indol-1-ium-1-il}hexanamido)etil]-2,5-dioxopirrolidin-3-il)-D-cisteinamida
agente de diagnóstico

$C_{191}H_{287}N_{55}O_{52}S_6(C_2H_4O)_m$, $m \sim 45$ 2138471-65-3



pepinemabum #
pepinemab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* SEMA4D (semaphorin 4D, CD100)], monoclonal antibody; gamma4 heavy chain (1-445) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (82.7%) - (IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens*IGHG4*01 (CH1 (119-216), hinge S10>P (226)(217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-218')-disulfide with kappa light chain (1'-218') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV3-4*01 (85.9%) - (IGHD) -IGKJ2*03 (91.7%)/*Homo sapiens*IGKV4-1*01 (83.2%) -IGKJ2*01 (100%)) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimer (224-224'':227-227'')-bisdisulfide immunomodulator

pépinémab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* SEMA4D (sémaphorine 4D, CD100)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma4 (1-445) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (82.7%) - (IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens*IGHG4*01 (CH1 (119-216), charnière S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-218') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV3-4*01 (85.9%) - (IGHD) -IGKJ2*03 (91.7%)/*Homo sapiens*IGKV4-1*01 (83.2%) -IGKJ2*01 (100%)) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimère (224-224'':227-227'')-bisdisulfure immunomodulateur

pepinemab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* SEMA4D (semaforina 4D, CD100)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma4 (1-445) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (82.7%) -(IGHD) - IGHJ3*01 (92.9%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (119-216), bisagra S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-218') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV3-4*01 (85.9%) -(IGHD) -IGKJ2*03 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (83.2%) -IGKJ2*01 (100%)] [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dímero (224-224'':227-227'')-bisdisulfuro
inmunomodulador

2097151-87-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGYSF S DYYMHWVRQA PGQGLEWMGQ 50
INPTTGGASY NQKFKGKATI TVDKSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCARYY 100
YGRHFDVWGQ GTTIVTVSSAS TKGPSVFPLA PCSRSTSEST AALCCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTKTYT 200
CNVDHKPSNT KVDKRRESKY GPCCPPCPAP EFLGGPSVFL FPPKPKDTLM 250
ISRTPEVTCV VVDVVSQEDPE VQFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQFNSTYRV 300
VSVLTIVLHQD WLNGKEYKCK VSNKGLPSSI EKTISKAKGQ PREPQVYTL 350
PSQEEMTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400
SFFLYSRLTV DKSRWQEGNV FSCSVMEAL HNHYTQKSL SLSL 445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIVMTQSPDS LAVSLGERAT INCKASQSV D YDGSYMNWY QQKPGQPPKL 50
LIYAASNL S GVPDRFSGSG SGTDFLTIS SLQAEDVAVY YCQSNEDPY 100
TFGQGTKEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFYPREAKV 150
QMKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLS STLTLKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGEC 218

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 259-319 365-423
22"-96" 145"-201" 259"-319" 365"-423"

Intra-L (C23-C104) 23'-92" 138"-198"
23'"-92'" 138'"-198'"

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 132-218' 132"-218"

Inter-H-H (h 8, h 11) 224-224" 227-227"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

295, 295"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

pizuglanstatum

pizuglanstat

4-(1-methyl-1*H*-pyrrole-2-carbonyl)-*N*-(4-[4-(morpholine-4-carbonyl)piperidin-1-yl]phenyl)piperazine-1-carboxamide
hematopoietic prostaglandin synthase inhibitor

pizuglanstat

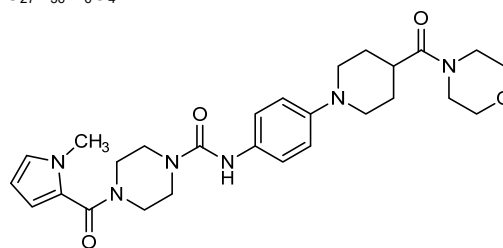
4-(1-méthyl-1*H*-pyrrole-2-carbonyl)-*N*-(4-[4-(morpholine-4-carbonyl)pipéridin-1-yl]phényl)pipérazine-1-carboxamide
inhibiteur de prostaglandine synthase hématopoïétique

pizuglanstat

4-(1-metil-1*H*-pirrolo-2-carbonil)-*N*-(4-[4-(morfolina-4-carbonil)piperidin-1-il]fenil)piperazina-1-carboxamida
inhibidor de prostaglandina sintetasa hematopoyética

C₂₇H₃₆N₆O₄

1244967-98-3



plamotamabum #
plamotamab

immunoglobulin half-G1-kappa/scFv-h-CH2-CH3, anti-[*Homo sapiens* MS4A1 (membrane-spanning 4-domains subfamily A member 1, CD20) and *Homo sapiens* CD3 epsilon (CD3E, Leu-4)], monoclonal antibody, bispecific; gamma1 heavy chain anti-MS4A1 (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (81.2%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (CH1 N114>D (212), R120>K (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 E1.4>P (237), L1.2>V (238), G1.1>A (239), S29>K (270), Q84.2>E (298) (235-343), CH3 E12 (359), M14 (361), L24>D (371), K26>S (373), N44>D (387), Q97>E (421), N100>D (424) (344-448), CHS (449-450)) (122-450)], (224-213')-disulfide with kappa light chain anti-MS4A1 (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (80.9%) -IGKJ4*01 (100%)) [5.3.9] (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; heavy chain scFv-h-CH2-CH3, anti-CD3E (1-485) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) [8.10.16] (1-125) -20-mer linker (126-145) -V-LAMBDA (*Mus musculus* IGLV1*01 (80.6%) -IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (76.8%) -IGHJ3*02 (100%)) [9.3.9] (146-254) -IGHG1*03 (hinge 1-15 C5>S (259) (255-269) -CH2 E1.4>P (272), L1.2>V (273), G1.1>A (274), S29>K (305) (270-378), CH3 E12 (394), E13>Q (395), M14 (396), S20>K (402) (379-483), CHS (484-485)) (1-485)]; (230-265":233-268")-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

plamotamab

immunoglobuline demi-G1-kappa/scFv-h-CH2-CH3, anti-[*Homo sapiens* MS4A1 (membre 1 de la sous-famille A à 4 domaines transmembranaires, CD20) et *Homo sapiens* CD3 epsilon (CD3E, Leu-4)], anticorps monoclonal, bispécifique; chaîne lourde gamma1 anti-MS4A1 (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (81.2%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (CH1 N114>D (212), R120>K (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 E1.4>P (237), L1.2>V (238), G1.1>A (239), S29>K (270), Q84.2>E (298) (235-343), CH3 E12 (359), M14 (361), L24>D (371), K26>S (373), N44>D (387), Q97>E (421), N100>D (424) (344-448), CHS (449-450)) (122-450)], (224-213')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (80.9%) -IGKJ4*01 (100%)) [5.3.9] (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) (107'-213')]; chaîne lourde scFv-h-CH2-CH3, anti-CD3E (1-485) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) [8.10.16] (1-125) -20-mer linker (126-145) -V-LAMBDA (*Mus musculus* IGLV1*01 (80.6%) -IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (76.8%) -IGHJ3*02 (100%)) [9.3.9] (146-254) -IGHG1*03 (charnière 1-15 C5>S (259) (255-269) -CH2 E1.4>P (272), L1.2>V (273), G1.1>A (274), S29>K (305) (270-378), CH3 E12 (394), E13>Q (395), M14 (396), S20>K (402) (379-483), CHS (484-485)) (1-485)]; dimère (230-265":233-268")-bisdisulfure
immunomodulateur, antinéoplasique

plamotamab

inmunoglobulina demi-G1-kappa/scFv-h-CH2-CH3, anti-[*Homo sapiens* MS4A1 (miembro 1 de la subfamilia A con 4 dominios transmembranarios, CD20) y *Homo sapiens* CD3 epsilon (CD3E, Leu-4)], anticuerpo monoclonal, biespecifico; cadena pesada gamma1 anti-MS4A1 (1-450) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-3*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (81.2%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens*IGHG1*03v (CH1 N114>D (212), R120>K (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 E1.4>P (237), L1.2>V (238), G1.1>A (239), S29>K (270), Q84.2>E (298) (235-343), CH3 E12 (359), M14 (361), L24>D (371), K26>S (373), N44>D (387), Q97>E (421), N100>D (424) (344-448), CHS (449-450)) (122-450)],(224-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-16*01 (80.9%) -IGKJ4*01 (100%)) [5.3.9] (1'-106') -*Homo sapiens*IGKC*01 (107'-213')]; cadena pesada scFv-h-CH2-CH3, anti-CD3E (1-485) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-73*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) [8.10.16] (1-125) -20-mer ligante (126-145) -V-LAMBDA (*Mus musculus*IGLV1*01 (80.6%) -IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens*IGLV7-46*01 (76.8%) -IGHJ3*02 (100%)) [9.3.9] (146-254) -IGHG1*03 (bisagra 1-15 C5>S (259) (255-269) -CH2 E1.4>P (272), L1.2>V (273), G1.1>A (274), S29>K (305) (270-378), CH3 E12 (394), E13>Q (395), M14 (396), S20>K (402)(379-483), CHS (484-485)) (1-485)]; dímero (230-265":233-268")-bisdisulfuro
inmunomodulador, antineoplásico

2138442-31-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-MS4A1)

```
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT SYNHWVRQA PGQGLEWMGA 50
IYPNGDTSY NQKFGQGRVTI TADKSIISTAY MELSSLSRSED TAVYYCARST 100
YYGDDWYFNV WGAGTLVTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP SDTKVDRKVE PKSCDRHTC PPCPAPPVAG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVK HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEEYN 300
STYRVVSVLT VLGQDVLNGK EYCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLTC DVSGFYPSDI AVEWESDGGP ENNYKTTPPV 400
LSDSGSFFLY SKLTVDKSRW EQGDVFCSCV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-MS4A1)

```
QIVLTQSPSS LSASVGDRTV ITCRASSVS YIHWFQQKPG KSPKPLIYAT 50
SNLASGVVPR FSGSGSGTDY TLTISLQPE DFATYYCQQW TSNPPTFGGG 100
TKVEIKRTVA APSVFIFPPS DEQLKSGTAS VVCLLNHFYP REAKVQWKVD 150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYSLSSLTTL SKADYEKHKV YACEVTHQGL 200
SSPVTKSFNR GEC 213
```

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada scFv-h-CH2-CH3 (anti-CD3E)

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS TYAMNWRQA PGKGLEWVGR 50
IRSKYNNYAT YYADSVKGRF TISRDDSKNT LYLQMNSLRA EDTAVYYCVR 100
HGNFGDSYVS WFAYWQGTL VTVSSGKPGS GKPGSGKPGS GKPGSQAVVT 150
QEPSLTVSPG GTVTLTCGSS TGAVTTSNYA NWVQQKPGKS PRGLIGGTNK 200
RAPGVPARFS GSLLGGKAAL TISGAQPEDE ADYYCALWYS NHWVFGGGTK 250
LTVLEPKSSD KTHTCPPCPA PPVAGPSVFL FPPKPKDTLM ISRTPEVTCV 300
VVDVKHEDPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQYNSTYRV VSVLTVLHQD 350
WLNKEYKCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ PREPQVYTLPS PREQMTKNQ 400
VKLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG SFFLYSKLTV 450
DKSRWQQGNV FSCVMHEAL HNHYTQKSLS LSPGK 485
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104)	22-96	148-204	264-324	370-428
Intra-H scFv-h-CH2-CH3	22"-98"	167"-235"	299"-359"	405"-463"
Intra-L (C23-C104)	23'-87'	133'-193'		
Inter-H-L (h 5-CL 126)	224-213'			
Inter-H-H (h 11, h 14)	230-265"	233-268"		

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 335"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.

pozelimabum #

pozelimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* C5 (complement C5)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
 gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-59*02 (94.8%) -IGHD) -IGHJ4*01 (100%)] [8.7.14] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (121-218), hinge S10>P (228) (219-230), CH2 (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (121-447)], (134-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (96.8%) -IGKJ1*01 (100%)] [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide
immunomodulator

pozélimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* C5 (complément C5)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
 chaîne lourde gamma4 *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-59*02 (94.8%) -IGHD) -IGHJ4*01 (100%)] [8.7.14] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (121-218), charnière S10>P (228) (219-230), CH2 (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (121-447)], (134-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (96.8%) -IGKJ1*01 (100%)] [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure
immunomodulateur

pozelimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* C5 (complemento C5)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
 cadena pesada gamma4 *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-59*02 (94.8%) -IGHD) -IGHJ4*01 (100%)] [8.7.14] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (121-218), bisagra S10>P (228) (219-230), CH2 (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (121-447)], (134-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (96.8%) -IGKJ1*01 (100%)] [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro
inmunomodulador

2096328-94-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
 QVQLQESGPG LVKPSSETLSL TCTVSGDSVS SSYWTWIRQP PGKGLEWIGY 50
 IYYSGSSNYN PSLKSRATIS VDTSKNQFSL KLSSVTAAADT AVYYCAREGN 100
 VDTTMIIFYDYG GQGTLLTVTSS ASTKGPSVFP LAPCSRSTSE STAALGCLVK 150
 DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGKT 200
 YTCNVDHKPS NTKVDKRVES KYGPPCPPEP APEFLGGPSV FLFPPKPKDT 250
 LMISRTPEVT CVVVDVDSQED PEVQFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQFNSTY 300
 RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKGLPS SLEKTSKAK GPPEPQVYT 350
 LPFSQEEEMTK NQVSLTCLVK GFYPDSIAVE WESNGQPENN YKTTTPVLD 400
 DGSFFLYSRL TVDKSRWQEG NVFSCSVME ALHNHYTQKS LSLSLGK 447

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
 AIQMTQSPSS LSASVGRDVT ITCRASQGIR NDLGWYQQKP GKAPKLLIYA 50
 ASSLQSGVPS RFAGRGSGTD FTLTISLQP EDFATYYCLQ DFNYPWTFGQ 100
 GTKVEIKRTV AAPSVEIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
 LSSPVTKSFN RGE 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22'-95" 147"-203" 261"-321" 367"-425"
 22"-95" 147"-203" 261"-321" 367"-425"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
 23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (CH1 10-CL126) 134-214' 134"-214"

Inter-H-H (h 8, h 11) 226-226" 229-229"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

297, 297"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
 complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

pralsetinibum

pralsetinib

cis-N-((1S)-1-[6-(4-fluoro-1H-pyrazol-1-yl)pyridin-3-yl]ethyl)-1-methoxy-4-{4-methyl-6-[(5-methyl-1H-pyrazol-3-yl)amino]pyrimidin-2-yl}cyclohexane-1-carboxamide
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

pralsétinib

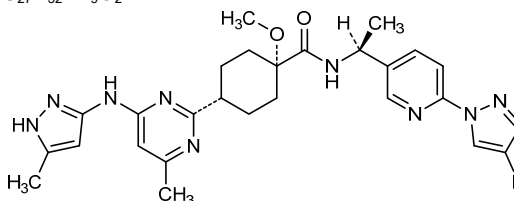
cis-N-((1S)-1-[6-(4-fluoro-1H-pyrazol-1-yl)pyridin-3-yl]éthyl)-1-méthoxy-4-{4-méthyl-6-[(5-méthyl-1H-pyrazol-3-yl)amino]pyrimidin-2-yl}cyclohexane-1-carboxamide
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

pralsetinib

cis-N-((1S)-1-[6-(4-fluoro-1H-pirazol-1-il)piridin-3-il]etil)-1-metoxi-4-{4-metil-6-[(5-metil-1H-pirazol-3-il)amino]pirimidin-2-il}ciclohexano-1-carboxamida
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₂₇H₃₂FN₉O₂

2097132-94-8

**pravibismanum**

pravibismane

2,2'-[ethane-1,2-diylbis(sulfanediy)]bis(1,3,2-dithiabismolane)
antibacterial

pravibismane

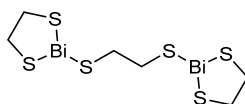
2,2'-[éthane-1,2-diylbis(sulfanediy)]bis(1,3,2-dithiabismolane)
antibactérien

pravibismano

2,2'-[etano-1,2-diilbis(sulfanedii)]bis(1,3,2-ditiabismolano)
antibacteriano

C₆H₁₂Bi₂S₆

175880-68-9

**quetmolimabum #**

quetmolimab

immunoglobulin G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* CX3CL1 (chemokine C-X3-C motif ligand 1, SCYD1, small inducible cytokine subfamily D Cys-X3-Cysmember 1, fractalkine, FKN, neurotactin, NTN)], monoclonal antibody; gamma2 heavy chain (1-445) [VH (*Mus musculus* IGHV1S56*01 (80.4%) - (IGHD) -IGHJ2*01 (93.3%)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (76.3%) - (IGHD) - IGHJ4*01 (93.3%)) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (CH1 (120-217), hinge (218-229), CH2 V1.2>A (233), G1>A (235) (230-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (120-445)], (133-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-NL1*01 (85.3%) - IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (221-221":222-222":225-225":228-228")-tetrakisdisulfide
immunomodulator

quetmolimab

immunoglobuline G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* CX3CL1 (chimiokine ligand 1 de motif C-X3-C, SCYD1, membre 1 de la sous-famille D Cys-X3-Cys des petites cytokines inductibles, fractalkine, FKN, neurotactine, NTN)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma2 (1-445) [VH (*Mus musculus* IGHV1S56*01 (80.4%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (93.3%)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (76.3%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (CH1 (120-217), charnière (218-229), CH2 V1.2>A (233), G1>A (235) (230-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (120-445)], (133-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-NL1*01 (85.3%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (221-221'':222-222'':225-225'':228-228'')-tétrakisdisulfure
immunomodulateur

quetmolimab

immunoglobulina G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* CX3CL1 (quimiokina ligando 1 de motif C-X3-C, SCYD1, miembro 1 de la subfamilia D Cys-X3-Cys de las pequeñas citoquinas inducibles, fractalquina, FKN, neurotactina, NTN)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma2 (1-445) [VH (*Mus musculus* IGHV1S56*01 (80.4%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (93.3%)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (76.3%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (CH1 (120-217), bisagra (218-229), CH2 V1.2>A (233), G1>A (235) (230-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (120-445)], (133-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-NL1*01 (85.3%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (221-221'':222-222'':225-225'':228-228'')-tetraakisdisulfuro
immunomodulador

2084037-83-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCASGYTFT NYYIHWVKQA PGQGLEWIGW 50
IYPCDGSPEK NERFKGRTTL TADKSTNTAY MLLSLRSED TAVYFCATGP 100
TDGDYFDYWG QGTTVTVSSA STKGPSVFPL APCSRSTSES TAALGCLVKD 150
YFPPEVTVSW NSGALTSGVH TFPVQLQSSG LYSLSVSTV PSSNFGTQTY 200
TCNVDPKPSN TKVDKTVKCK CCVECPKCPA PPAAPSVFL FPPKPKDTLM 250
ISRTPVETCV VVDVSHEDPE VQFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQFNSTFRV 300
VSVLTVVHQQD WLNKEYKCK VSNKGLPAPI EKTISKTKGQ PREPQVYTLF 350
PSREEMTKNQ VSLTCLVKG F YPSDIAVEWE SNGQFPENNYK TTPPMLDSG 400
SFFLYSKLTV DKSRWQQGNV FSCSVMEAL HNHYTQKSL LSPGK 445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS LSASVGVDRVT ITCRASGNH NFLAWYQQKPK GKAPKLLIYN 50
EKTLDAGVPS RFGSGSGTD YTLTISSLPQ EDFATYFCQQ FWSTPYTFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNEY BREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 259-319 365-423
22'-96" 146"-202" 259"-319" 365"-423"
Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194'
23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 133-214' 133"-214"

Inter-H-H (h 4, h 5, h 8, h 11) 221-221" 222-222" 225-225" 228-228"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

295, 295"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

ranuzifigenum civaparvovecum #

ranuzifigene civaparvovec

a recombinant non-replicating adeno-associated virus type 2/6 (rAAV Rep2-Cap6) vector, expressing a cDNA that targets 468-485 bp of the albumin locus (relative to the transcription initiation site), fused to the obligate heterodimeric FokI nuclease domain ELD, under the control of an apolipoprotein E hepatic control region and human alpha-1-antitrypsin promoter (ApoE/hAAT)
gene therapy substance

ranuzifigène civaparvovec

vecteur viral adéno-associé de type 2/6 recombinant (rAAV Rep2-Cap6), non-répliquant, exprimant un ADNc ciblant les paires de bases 468-485 du locus de l'albumine (en relation avec le site initial de transcription), fusionné au domaine hétérodimérique ELD de la nucléase FokI, sous le contrôle d'une région de contrôle de l'apolipoprotéine E (ApoE) spécifique du foie et du promoteur de l'alpha1-antitrypsine humaine (ApoE/hAAT)
substance de thérapie génique

ranuzifigén civaparvovec

un vector de virus adeno asociado tipo 2/6 recombinante (rAAV Rep2-Cap6), no replicativo, que expresa un cDNA dirigido a unirse a los pares de bases 468-485 (en relación al sitio de iniciación de la transcripción) del locus de la albúmina, fusionado al dominio heterodimérico ELD de la nucleasa FokI, bajo el control de una región de control hepático de la apolipoproteína E y el promotor de la alfa 1 antitripsina humana (ApoE/hAAT)
sustancia de terapia génica

2143578-32-7

relfovetmabum #

relfovetmab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Felis catus* NGF (nerve growth factor beta polypeptide, NGFB)], felinized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain felinized (1-453) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-74*01 (74.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01(93.3%)) [8.8.11] (1-118) -*Felis catus*IGHG1*01 (CH1 (119-216), hinge (217-234), CH2 (235-344), CH3 (345-451), CHS (452-453)) (119-453)], (133-214')-disulfide with kappa light chain felinized (1'-217') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-27*01 (81.1%) -IGKJ2*02 (90.9%)) [6.3.9] (1'-107') -*Felis catus*IGKC*01 N122>Q (210) (108'-217')]; dimer (228-228":230-230":233-233")-trisdisulfide
immunomodulator (veterinary use)

relfovetmab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Felis catus* NGF (facteur de croissance du nerf polypeptide bêta)], anticorps monoclonal félinisé;
chaîne lourde gamma1 félinisée (1-453) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-74*01 (74.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01(93.3%)) [8.8.11] (1-118) -*Felis catus*IGHG1*01 (CH1 (119-216), charnière (217-234), CH2 (235-344), CH3 (345-449), CHS (450-451)) (119-451)], (133-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa félinisée (1'-217') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-27*01 (81.1%) -IGKJ2*02 (90.9%)) [6.3.9] (1'-107') -*Felis catus*IGKC*01 N122>Q (210) (108'-217')]; dimère (228-228":230-230":233-233")-trisdisulfure
immunomodulateur (usage vétérinaire)

reľfovetmab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Felis catus* NGF (factor de crecimiento del nervio polipeptido beta)], anticuerpo monoclonal felinizado;
cadena pesada gamma1 felinizada (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-74*01 (74.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01(93.3%)) [8.8.11] (1-118) -*Felis catus* IGHG1*01 (CH1 (119-216), bisagra (217-234), CH2 (235-344), CH3 (345-449), CHS (450-451)) (119-451)], (133-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa felinizada (1'-217') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-27*01 (81.1%) -IGKJ2*02 (90.9%)) [6.3.9] (1'-107') -*Felis catus* IGKC*01 N122>Q (210) (108'-217')]; dímero (228-228":230-230":233-233")-trisulfuro
immunomodulador (uso veterinario)

2171034-70-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
DVQLVESGGD LVKPGGSLRL TCVASGFTYS NYWMHWVRQA PGKGLQWVAR 50
IDPYGGGTH NEKFKRRFTI SRDRAKNTLY LQMNSLKTED TATYYCVRSR 100
YDYFDFVWGQ GTLVTVSSAS TTAPSVFPLA PSCGTTSGAT VALACLVLYG 150
FPEFPTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQASGL YSLSSMVTVP SSRWLSDTFT 200
CNVAHPPSNT KVDKTVRKT DHPGPKPCDC PKCPPPEMLG GPSIFIFPPK 250
PKDTLSISRT PEVTCVLVVDL GPDDSDVQIT WFDVNTQVYT AKTSPREEQF 300
NSTYRVVSVL PILHQDWLKG KEFKCKVNSK SLPSPIERTI SKAKGQPHPE 350
QVYVLPFAQE ELSRNKVSVT CLIKSFHPPD IAVEWEITGQ PEPENNYRTT 400
PFQLDSGGTY FVYSKLSVDR SHWQGRNTYT CSVSHEALHS HHTQKSLTQS 450
PGK 453

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIQMTQSPSS LSASPGDRVT ITCRASENIY SFLAWYQQKPK GKVPKLLIYN 50
ANTLAEGVPS RFGSGSGGTD FTLTISLEP EDAATYYCQH HFGTPTFTFGS 100
GTKLEIKRSD AQPSTVFLFQP SLDELHTGSA SIVCILNDFY PKEVNVKWKV 150
DGVVQNKGIQ ESTTEQNSKD STYSLSTLT MSSTEYQSHE KFSCEVTHKS 200
LASTLVKSFQ RSECKRE 217

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 265-325 371-431
22"-96" 145"-201" 265"-325" 371"-431"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'''-88''' 134'''-194'''
Inter-H-L (CHI 11-CL 126) 133-214' 133"-214"
Inter-H-H (h 12, h14, h 17) 228-228" 230-230" 233-233"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
301, 301'
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping:
H CHS K2:
453, 453"

repotrectinibum
repotrectinib

(3*R*,6*S*)-4⁵-fluoro-3,6-dimethyl-5-oxa-2,8-diaza-1(5,3)-pyrazolo[1,5-*a*]pyrimidina-4(1,2)-benzenacyclononaphan-9-one
antineoplastic

répotrectinib

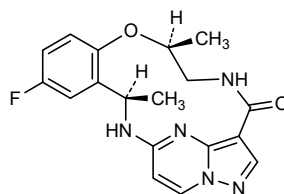
(3*R*,6*S*)-4⁵-fluoro-3,6-diméthyl-5-oxa-2,8-diaza-1(5,3)-pyrazolo[1,5-*a*]pyrimidina-4(1,2)-benzénacyclononaphan-9-one
antinéoplasique

repotrectinib

(3*R*,6*S*)-4⁵-fluoro-3,6-dimetil-5-oxa-2,8-diaza-1(5,3)-pirazolo[1,5-*a*]pirimidina-4(1,2)-bencenacilonafan-9-ona
antineoplásico

C₁₈H₁₈FN₅O₂

1802220-02-5



resamirigenum bilparvovecum #
 resamirigene bilparvovec

a recombinant non-replicating adeno-associated virus serotype 8 (AAV8) vector expressing human myotubularin 1 (MTM1), under the control of the human desmin gene promoter
gene therapy substance (X-linked myotubular myopathy)

résamirigène bilparvovec

vecteur viral adéno-associé de sérotype 8 (AAV8) recombinant, non-répliquant, exprimant la myotubularine 1 (MTM1) sous le contrôle du promoteur du gène de la desmine
substance de thérapie génique (myopathie congénitale structurale liée à l'X)

resamirigén bilparvovec

un vector de virus adeno asociado serotipo 8 (AAV8) recombinante, no replicativo, que expresa miotubularina 1 (MTM1) bajo el control del promotor del gen de la desmina humana
sustancia de terapia génica (miopatía miotubular congénita ligada al cromosoma X)

2085240-27-1

risuteganibum
 risuteganib

glycyl-L-arginylglycyl-3-sulfo-L-alanyl-L-threonyl-L-proline
angiogenesis inhibitor

risutéganib

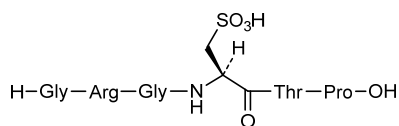
glycyl-L-arginylglycyl-3-sulfo-L-alanyl-L-thréonyl-L-proline
inhibiteur de l'angiogénèse

risuteganib

glicil-L-arginilglicil-3-sulfo-L-alanil-L-treonil-L-prolina
inhibidor de la angiogénesis

C₂₂H₃₉N₉O₁₁S

1307293-62-4



rovotocogenum durparvovecum #

rovotocogene durparvovec

a recombinant intronless non-replicating adeno-associated virus 2 vector (AAV2) with a bio-engineered capsid derived by DNA shuffling of 10 AAV capsid sequences (AAV1, 2, 3B, 4, 5, 6, 8, 9, avian and bovine AAV) followed by *in vivo* selection in *Fah^{-/-}/Rag2^{-/-}/Il2rg^{-/-}* (FRG) mice partially repopulated with human hepatocytes. The vector has AAV2 genomic inverted terminal repeats (ITR) and encodes a human B-domain-deleted blood coagulation factor VIII (hF8, factor VIII, FVIII) under the control of a modified transthyretin (TTRm) promoter.
gene therapy substance (hemophilia)

rovotocogène durparvovec

vecteur viral adéno-associé de sérotype 2 (AAV2) recombinant, sans intron, non répliquant, avec une capside issue de la bioingénierie, dérivée de séquences d'ADN remaniées de 10 capsides d'AAV (AAV1, 2, 3B, 4, 5, 6, 8, 9, AAV aviaire et bovin), suivie de sélection chez les souris *Fah^{-/-}/Rag2^{-/-}/Il2rg^{-/-}* (FRG) *in vivo*, partiellement repeuplé d'hépatocytes humains. Le vecteur a les deux séquences inverses terminales répétées (ITR) du génome de AAV2 et code pour le facteur de coagulation VIII humain (hF8, facteur VIII, FVIII) dont le domaine B est supprimé, sous le contrôle d'un promoteur de la transthyréline modifiée (TTRm).
substance de thérapie génique (hémophilie)

rovotocogén durparvovec

un virus adeno asociado serotipo 2 (AAV2) recombinante, sin intrón, no replicativo con una cápside bio-ingenierizada derivada mediante barajado de secuencias de DNA de 10 cápsides de AAV (AAV1, 2, 3B, 4, 5, 6, 8, 9, AAV aviar y bovino) seguido de selección *in vivo* en ratones *Fah^{-/-}/Rag2^{-/-}/Il2rg^{-/-}* (FRG) parcialmente repoblados con hepatocitos humanos. El vector tiene secuencias terminales invertidas (ITR) genómicas de AAV2 y codifica para el factor de coagulación VIII humano (hF8, factor VIII, FVIII) con el dominio B delecionado, bajo el control de un promotor modificado de transtiretina (TTRm).
sustancia de terapia génica (hemofilia)

2163074-26-6

rozibafuspum alfa #

rozibafusp alfa

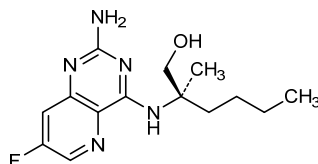
immunoglobulin G2-kappa, anti-[human inducible costimulator (ICOS) ligand protein] human monoclonal antibody, fused with two copies of a tumor necrosis factor ligand superfamily member 13B (TNFSF13B, B-cell activating factor, BAFF)-binding peptide, glycoform alfa:
gamma2 heavy chain [*Homo sapiens* VH (*Homo sapiens*IGHV3-7*01 -(IGHD)-IGHJ1*01) [CDRKabath1: SYWMS (31-35); CDRKabath2: YIKQDGNEKYVDSVKG (50-66); CDRKabath3: EGILWFGDLPTF (99-110)] (1-121) - *Homo sapiens*IGHG2*01 (CH1 (122-219), hinge (220-231), CH2 (232-340), CH3 (341-445), CHS (446-447))] (1-447) fused by a G_s linker (448-452) and a (GS)₂ATG(GS)₂VASS(GS)₂ATHL linker (471-493) with two copies of a synthetic human tumor necrosis factor ligand superfamily member 13B (TNFSF13B, B cell-activating factor, BAFF)-binding peptide (453-470, 494-511), (135-214')-disulfide with kappa light

	chain [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1D-16*01 -IGKJ1*01) [CDRKabatL1: RASQGISNWL (24-34); CDRKabatL2: AASSLQS (50-56); CDRKabatL3: QQYDSYPRT (89-97)] (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (108'-214')] (1'-214'), (223-223",224-224",227-227",230-230")-tetrakisdisulfide dimer, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa <i>immunomodulator</i>
rozibafusp alfa	immunoglobuline G2-kappa, anticorps monoclonal humain anti-[ligand de la protéine inductible de co-stimulation (ICOS), humain], fusionné à deux copies du peptide se liant au membre 13B de la superfamille des ligands du facteur de nécrose tumorale humain (TNFSF13B, facteur d'activation des lymphocytes B, BAFF), glycoforme alfa: chaîne lourde gamma2 [<i>Homo sapiens</i> VH (<i>Homo sapiens</i>IGHV3-7*01 -(IGHD)-IGHJ1*01) [CDRKabatH1: SYWMS (31-35); CDRKabatH2: YIKQDGNEKYVDSVKG (50-66); CDRKabatH3: EGILWFGDLPTF (99-110)] (1-121) - <i>Homo sapiens</i> IGHG2*01 (CH1 (122-219), charnière (220-231), CH2 (232-340), CH3 (341-445), CHS (446-447))] (1-447) fusionné via un linker G₅ (448-452) et un linker (GS)₂ATG(GS)₂VASS(GS)₂ATHL (471-493) à deux copies du peptide se liant au membre 13B de la superfamille des ligands du facteur de nécrose tumorale humain (TNFSF13B, facteur d'activation des lymphocytes B, BAFF) (453-470, 494-511), (135-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1D-16*01 -IGKJ1*01) [CDRKabatL1: RASQGISNWL (24-34); CDRKabatL2: AASSLQS (50-56); CDRKabatL3: QQYDSYPRT (89-97)] (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (108'-214')] (1'-214'), (223-223",224-224",227-227",230-230")-dimère tétrakisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa <i>immunomodulateur</i>
rozibafusp alfa	inmunoglobulina G2-kappa, anticuerpo monoclonal humano anti-[ligando de la proteína inductible de coestimulación (ICOS), humano], fusionado con diez copias del péptido que se une al miembro 13B de la superfamilia de los ligandos del factor de necrosis tumoral humano (TNFSF13B, factor de activación de los linfocitos B, BAFF), glicofoma alfa: cadena pesada gamma2 [<i>Homo sapiens</i> VH (<i>Homo sapiens</i>IGHV3-7*01 -(IGHD)-IGHJ1*01) [CDRKabatH1: SYWMS (31-35); CDRKabatH2: YIKQDGNEKYVDSVKG (50-66); CDRKabatH3: EGILWFGDLPTF (99-110)] (1-121) - <i>Homo sapiens</i> IGHG2*01 (CH1 (122-219), bisagra (220-231), CH2 (232-340), CH3 (341-445), CHS (446-447))] (1-447) fusionado mediante un conector G₅ (448-452) y un conector (GS)₂ATG(GS)₂VASS(GS)₂ATHL (471-493) con diez copias del péptido que se une al miembro 13B de la superfamilia de los ligandos del factor de necrosis tumoral humano (TNFSF13B, factor de activación de los linfocitos B, BAFF) (453-470, 494-511), (135-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1D-16*01 -IGKJ1*01) [CDRKabatL1: RASQGISNWL (24-34); CDRKabatL2: AASSLQS (50-56); CDRKabatL3: QQYDSYPRT (89-97)] (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (108'-214')] (1'-214'), (223-223",224-224",227-227",230-230")-dímero tetrakisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofoma alfa <i>inmunomodulador</i>

selgantolimod

(2*R*)-2-[(2-amino-7-fluoropirido[3,2-*d*]pirimidin-4-il)amino]-2-metilhexan-1-ol
*immunomodulador*C₁₄H₂₀FN₅O

2004677-13-6

**selitrectinibum**

selitrectinib

(2²*R*,6*R*)-3⁵-fluoro-6-methyl-1(5,3)-pyrazolo[1,5-*a*]pyrimidina-3(3,2)-pyridina-2(1,2)-pyrrolidinacyclooctaphan-8-one
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

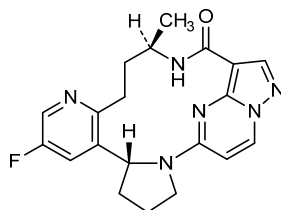
sélitrectinib

(2²*R*,6*R*)-3⁵-fluoro-6-méthyl-1(5,3)-pyrazolo[1,5-*a*]pyrimidina-3(3,2)-pyridina-2(1,2)-pyrrolidinacyclooctaphan-8-one
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

selitrectinib

(2²*R*,6*R*)-3⁵-fluoro-6-metil-1(5,3)-pirazolo[1,5-*a*]pirimidina-3(3,2)-piridina-2(1,2)-pirrolidinaciclooctafan-8-ona
*inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico*C₂₀H₂₁FN₆O

2097002-61-2

**selpercatinibum**

selpercatinib

6-(2-hydroxy-2-methylpropoxy)-4-(6-{[(6-methoxypyridin-3-yl)methyl]-3,6-diazabicyclo[3.1.1]heptan-3-yl}pyridin-3-yl)pyrazolo[1,5-*a*]pyridine-3-carbonitrile
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

selpercatinib

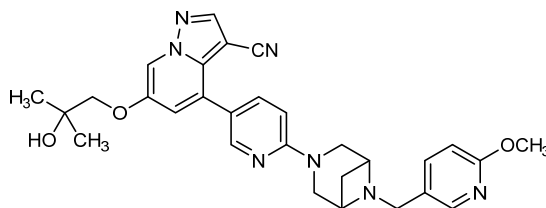
6-(2-hydroxy-2-méthylpropoxy)-4-(6-{[(6-méthoxypyridin-3-yl)méthyl]-3,6-diazabicyclo[3.1.1]heptan-3-yl}pyridin-3-yl)pyrazolo[1,5-*a*]pyridine-3-carbonitrile
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

selpercatinib

6-(2-hidroxi-2-metilpropoxi)-4-(6-{[(6-metoxipiridin-3-il)metil]-3,6-diazabicyclo[3.1.1]heptan-3-il}piridin-3-il)pirazolo[1,5-*a*]piridina-3-carbonitrilo
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₂₉H₃₁N₇O₃

2152628-33-4



semorinemabum #
semorinemab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MAPT (microtubule-associated protein tau, tau)], monoclonal antibody;
gamma4 heavy chain (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (88.7%) - (IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) [8.8.10] (1-117) - *Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (118-215), hinge S10>P (225) (216-227), CH2 M15.1>Y (249), S16>T (251), T18>E (253) (228-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (118-444)], (131-219')-disulfide with kappa light chain (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (90.0%) - IGKJ4*01 (83.3%)/*Homo sapiens* IGKV2-4*01 (85.4%) - IGKJ1*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (223-223":226-226")-bisdisulfide
immunomodulator, tau protein inhibitor

sémorinéab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MAPT (protéine tau associée aux microtubules, tau)], anticorps monoclonal;
chaîne lourde gamma4 (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (88.7%) - (IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) [8.8.10] (1-117) - *Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (118-215), charnière S10>P (225) (216-227), CH2 M15.1>Y (249), S16>T (251), T18>E (253) (228-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (118-444)], (131-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (90.0%) - IGKJ4*01 (83.3%)/*Homo sapiens* IGKV2-40*01 (85.4%) - IGKJ1*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (223-223":226-226")-bisdisulfure
immunomodulateur, inhibiteur de la protéine tau

semorinemab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MAPT (proteína tau asociada a los microtúbulos, tau)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma4 (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (88.7%) - (IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) [8.8.10] (1-117) - *Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (118-215), bisagra S10>P (225) (216-227), CH2 M15.1>Y (249), S16>T (251), T18>E (253) (228-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (118-444)], (131-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (90.0%) - IGKJ4*01 (83.3%)/*Homo sapiens* IGKV2-40*01 (85.4%) - IGKJ1*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (223-223":226-226")-bisdisulfuro
inmunomodulador, inhibidor de la proteína tau

2159141-27-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVQLVESGGG LVQPFGSLRL SCAASGLIFR SYGMSWVRQA PGKGLEWVAT 50
INSGGTYYTY PDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCANSY 100
SGAMDYWGQG TLVTYSSAST KGFSVFPLAP CSRSTSESTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTYVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVPSS SLGKTITYTC 200
NVDHKPSNTK VDKRVESEKY PPCPPCPAPE FLGGPSVFLF PPKPKDTLYI 250
TREPEVTCVV VDVSEDEPEV QFNWYVDGVE VHNAKTKPRE EQFNSTYRVV 300
SVLTVLHQDW LNGKEYKCKV SNKGLPSSIE KTISKAKGQP REPQVYTLPP 350
SQEEMTKNQV SLTCLVKGFY PSDIAVEWES NGQPENNYKT TPPVLDSDGS 400
FFLYSRLTVD KSRWQEGNVF SCSVMHEALH NHYTQKSLSL SLGK 444

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DDVLTQTPLS LPVTPGQPAS ISCRSSQSIV HSNNTYLEW YLQKPGQSPQ 50
LLIYKVSNNR SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEADVG VYCFQGSLLP 100
WTFGGGTKVE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDYSTSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 144-200 258-318 364-422

22"-96" 144"-200" 258"-318" 364"-422"

Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'

23'''-93''' 139'''-199'''

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 131-219' 131"-219"

Inter-H-H (h 8, h 11) 223-223" 226-226"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

294, 294"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping:

H CHS K2:

444, 444"

serclutamabum

serclutamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EGFR
(epidermal growth factor receptor, receptor tyrosine-protein
kinase erbB-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB)],
monoclonal antibody;

gamma1 heavy chain (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-
30-4*01 (81.4%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [9.7.9] (1-
116) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1
(CH1 R120>K (213) (117-214), hinge (215-229), CH2
S3>C (238) (230-339), CH3 E12 (355), M 14 (357) (340-
444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfide with
kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus*
IGKV14-100*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)/*Homo sapiens*
IGKV1-12*01 (74.7%) -IGKJ4*01 (90.9%)) [6.3.9] (1'-107')
-*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101
(191) (108'-214')]; dimer (225-225":228-228")-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

serclutamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EGFR
(récepteur du facteur de croissance épidermique,
récepteur tyrosine-protéine kinase erb-1, ERBB1, HER1,
HER-1, ERBB)], anticorps monoclonal;

serclutamab

chaîne lourde gamma1 (1-227) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-30-4*01 (81.4%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (213) (117-214), charnière (215-229), CH2 S3>C (238) (230-339), CH3 E12 (355), M 14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV14-100*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (74.7%) -IGKJ4*01 (90.9%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (225-225"-228-228")-bisdisulfure
immunomodulateur, antinéoplasique

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EGFR (receptor del factor de crecimiento epidérmico receptor tirosina-proteína kinasa erb-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma1 (1-227) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-30-4*01 (81.4%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (213) (117-214), bisagra (215-229), CH2 S3>C (238) (230-339), CH3 E12 (355), M 14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV14-100*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (74.7%) -IGKJ4*01 (90.9%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (225-225"-228-228")-bisdisulfuro
immunomodulador, antineoplásico

2140172-41-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLQESGPG LVKPSQTLISL TCTVSGYSIS RDAFWNNWIRP PPGKGLEWMG 50
YISYNGNTRY QPSLKSRIIT SRDTSKNQFF LKLSNVTAAD TATYYCVTAS 100
RGFFYWGQGT LVTSSASTK GPSVFPLAPS SKSTSGGTAA LGCLVKDYFP 150
EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVTVTPSS SLGTQTYICN 200
VNHKPSNTKV DKKVEPKSCD KTHCTCPCPA PELLGGPCVF LFPKPKDTL 250
MISRTPEVTC VVVDVSHEDF EVKFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR 300
VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNAKLPAP IEKTISKAKG QPREPQVYTL 350
PFSREEMTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTTFPVLDSD 400
GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCSVMHEA LNHHTQKSL SLSPGK 446
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS MSVSVGDRVT ITCHSSQDIN SNIGWLQKQP GKSFKGLIYH 50
GTNLDDGVPS RFGSGSGGTD YTLTISSLQP EDFATYYCVQ YAQFPWFEGG 100
GTKLEIKRTV AAPSVEFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSITL LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 143'-199" 260"-320" 366"-424"

Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194"

23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 219-214' 219"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 225-225" 228-228"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

296, 296"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

serclutamabum talirinum #

serclutamab talirine

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EGFR (epidermal growth factor receptor, receptor tyrosine-protein kinase erbB-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB)], monoclonal antibody conjugated to the pyrrolobenzodiazepine (PDB) dimer SGD-1882; gamma1 heavy chain (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-30-4*01 (81.4%) -IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)] [9.7.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (213) (117-214), hinge (215-229), CH2 S3>C (238) (230-339), CH3 E12 (355), M 14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV14-100*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (74.7%) -IGKJ4*01 (90.9%)] [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (225-225'':228-228'')-bisdisulfide; conjugated, on two site-specific drug attachment engineered cysteines (C238, C238''), to pyrrolobenzodiazepine (PDB) dimers SGD-1882, via a cathepsin-cleavable maleimidocaproyl-valine-alanine (MC-Val-Ala) type linker
immunomodulator, antineoplastic

serclutamab talirine

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EGFR (récepteur du facteur de croissance épidermique, récepteur tyrosine-protéine kinase erb-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB)], anticorps monoclonal conjugué au dimère de pyrrolobenzodiazépine (PDB) SGD-1882; chaîne lourde gamma1 (1-227) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-30-4*01 (81.4%) -IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)] [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (213) (117-214), charnière (215-229), CH2 S3>C (238) (230-339), CH3 E12 (355), M 14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV14-100*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (74.7%) -IGKJ4*01 (90.9%)] [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (225-225'':228-228'')-bisdisulfure; conjugué, sur deux cystéines sites de fixation spécifique du linker-produit actif (C238, C238''), à 2 dimères de pyrrolobenzodiazépine (PDB) SGD-1882, via un linker cathepsin-clivable de type maléimidocaproyl-valine-alanine (MC-Val-Ala)
immunomodulateur, antinéoplasique

serclutamab talirina

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EGFR (receptor del factor de crecimiento epidérmico receptor tirosina-proteína kinasa erb-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB)], anticuerpo monoclonal conjugado con el dímero de pirrolobenzodiazepina (PDB) SGD-1882; cadena pesada gamma1 (1-227) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-30-4*01 (81.4%) -IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)] [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (213) (117-214), bisagra (215-229), CH2 S3>C (238) (230-339), CH3 E12 (355), M 14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV14-100*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (74.7%) -IGKJ4*01 (90.9%)] [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (225-225'':228-228'')-bisdisulfuro; conjugado, en dos lugares de fijación específicos de cisteína del enlace activo producido (C238, C238''), a 2 dímeros de pirrolobenzodiazepina (PDB) SGD-1882, mediante un enlace de catepsina escindible de tipo maléimidocaproyl-valina-alanina (MC-Val-Ala)
immunomodulador, antineoplásico

2140174-56-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVQLQESGPG LVKPSQTLST TCTVSGYSIS RDAFWNWIRQ PPGKGLEWMG 50
 YISYNGNTRY QPSLKSRTTI SRDTSKNQFF LKLSNVTAAD TATYYCVTAS 100
 RGFPYWGQGT LVTSSASTK GPSVFPLAPS SKSTSGGTAA LGCLVKDYFP 150
 EPVTVSWNSG ALTSGVHTFF AVLQSSGLYS LSSVTVFPSS SLGTQTYICN 200
 VNHKPSNTRV DKKVEPKSCD KTHTCPPCPA PELLGGPCVF LFPPKPKDTL 250
 MISRTPEVTC VVDVSHEDP EVKENWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR 300
 VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNNALPAP IEKTSKAKG QPREPQVYTL 350
 PPSREEMTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTTTPVLDSD 400
 GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCSVMHEA LHNHYTQKSL SLSPGK 446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS MSVSVDGRTV ITCSSQDIN SNIGWLQKPK GKSEKGLIYH 50
 GTNLDDGVPS RFGSGSGSTD YTLTISSLQP EDFATYYCVQ YAQFPWTFGG 100
 GTKLEIKRTV AAPSVEIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNEY PREAKVQWKV 150
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
 LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 143-199 260-320 366-424
 22"-96" 143"-199" 260"-320" 366"-424"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'

23'''-88''' 134'''-194'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 219-214' 219"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 225-225" 228-228"

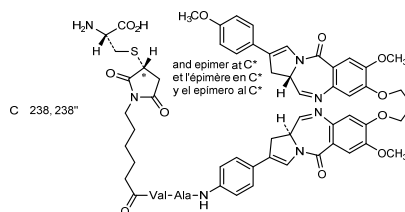
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

296, 296"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados

Modified residues / résidus modifiés / restos modificados

**serdexmethylphenidatum**

serdexmethylphenidate

N-{1-[[{[(2*R*)-2-[(1*R*)-2-methoxy-2-oxo-1-phenylethyl]piperidine-1-carbonyl]oxy)methyl]pyridin-1-ium-3-carbonyl]-L-serinate
sympathomimetic

serdexméthylphénidate

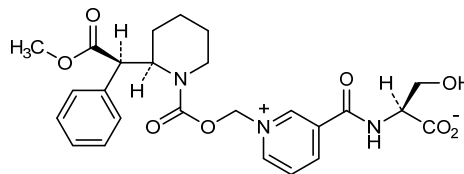
N-{1-[[{[(2*R*)-2-[(1*R*)-2-méthoxy-2-oxo-1-phényléthyl]pipéridine-1-carbonyl]oxy)méthyl]pyridin-1-ium-3-carbonyl]-L-sérinate
sympathomimétique

serdexmetilfenidato

N-{1-[[{[(2*R*)-2-[(1*R*)-2-metoxi-2-oxo-1-feniletíl]piperidina-1-carbonil]oxi)metil]piridin-1-ium-3-carbonil]-L-serinato
simpaticomimético

C₂₅H₂₉N₃O₈

1996626-29-9



setanaxibum

setanaxib

2-(2-chlorophényl)-4-[3-(diméthylamino)phényl]-5-méthyl-
1*H*-pyrazolo[4,3-*c*]pyridine-3,6(2*H*,5*H*)-dione
NADPH oxidase (NOX) inhibitor

sétanaxib

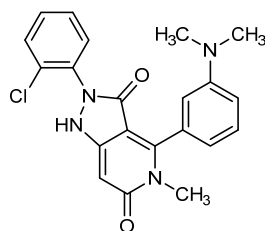
2-(2-chlorophényl)-4-[3-(diméthylamino)phényl]-5-méthyl-
1*H*-pyrazolo[4,3-*c*]pyridine-3,6(2*H*,5*H*)-dione
inhibiteur de la NADPH oxydase

setanaxib

2-(2-clorofenil)-4-[3-(dimetilamino)fenil]-5-metil-1*H*-
pirazolo[4,3-*c*]piridina-3,6(2*H*,5*H*)-diona
inhibidor de la NADPH oxidasa

C₂₁H₁₉ClN₄O₂

1218942-37-0

**sibofimlocum**

sibofimloc

1-[2,7-bis(2,6-anhydro-7,8-dideoxy-D-glycero-D-manno-oct-
7-ynitol-8-yl)spiro[fluorene-9,4'-piperidin]-1'-yl]ethan-1-one
Escherichia coli fimbrial (FimH) adhesin inhibitor

sibofimloc

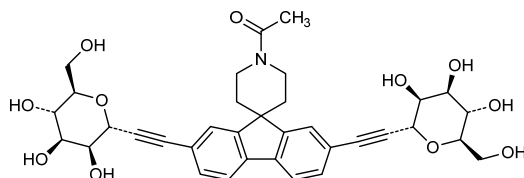
1-[2,7-bis(2,6-anhydro-7,8-didésoxy-D-glycéro-D-manno-
oct-7-ynitol-8-yl)spiro[fluorène-9,4'-pipéridin]-1'-yl]éthan-
1-one
inhibiteur de l'adhésine fimbriale d'Escherichia coli

sibofimloc

1-[2,7-bis(2,6-anhidro-7,8-didesoxi-D-glicero-D-mano-oct-
7-initol-8-il)spiro[fluoreno-9,4'-piperidin]-1'-il]etan-1-ona
inhibidor de la adhesina fimbriada de Escherichia coli

C₃₅H₃₉NO₁₁

1616113-45-1

**simurosertibum**

simurosertib

2-[(2*S*)-1-azabicyclo[2.2.2]octan-2-yl]-6-(3-méthyl-1*H*-
pyrazol-4-yl)thieno[3,2-*d*]pyrimidin-4(3*H*)-one
antineoplastic

simurosertib

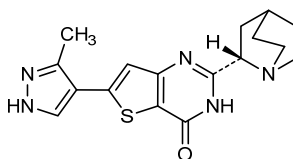
2-[(2*S*)-1-azabicyclo[2.2.2]octan-2-yl]-6-(3-méthyl-1*H*-pyrazol-4-yl)thieno[3,2-*d*]pyrimidin-4(3*H*)-one
antineoplasique

simurosertib

2-[(2*S*)-1-azabicyclo[2.2.2]octan-2-il]-6-(3-metil-1*H*-pirazol-4-il)tiéno[3,2-*d*]pirimidin-4(3*H*)-ona
antineoplásico

C₁₇H₁₉N₅OS

1330782-76-7



sonlicromanolum

sonlicromanol

(2*S*)-6-hydroxy-2,5,7,8-tetramethyl-*N*-[(3*R*)-piperidin-3-yl]-3,4-dihydro-2*H*-1-benzopyran-2-carboxamide
antioxydant

sonlicromanol

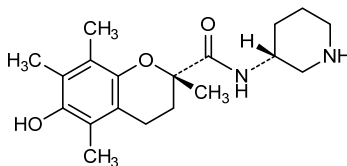
(2*S*)-6-hydroxy-2,5,7,8-tétraméthyl-*N*-[(3*R*)-pipéridin-3-yl]-3,4-dihydro-2*H*-1-benzopyran-2-carboxamide
antioxydant

sonlicromanol

(2*S*)-6-hydroxi-2,5,7,8-tetrametil-*N*-[(3*R*)-piperidin-3-il]-3,4-dihidro-2*H*-1-benzopiran-2-carboxamida
antioxidante

C₁₉H₂₈N₂O₃

1541170-75-5



taminadenantum

taminadenant

5-bromo-2,6-di(1*H*-pyrazol-1-yl)pyrimidin-4-amine
adenosine receptor antagonist

taminadénant

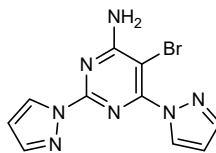
5-bromo-2,6-di(1*H*-pyrazol-1-yl)pyrimidin-4-amine
antagoniste des récepteurs de l'adénosine

taminadenant

5-bromo-2,6-di(1*H*-pirazol-1-il)pirimidin-4-amino
antagonista del receptor de la adenosina

C₁₀H₈BrN₇

1337962-47-6



tamrintamabum #
tamrintamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* DPEP3 (dipeptidase 3)], humanized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain humanized (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) [8.8.16] (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (220) (124-221), hinge C5>S (226) (222-236), CH2 (237-346), CH3 D12 (362), L14 (364) (347-451), CHS K>del (452)) (124-452)], non-covalently associated with kappa light chain humanized (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-20*01 (86.50%) -IGKJ2*01 (100.0%)) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimer (232-232':235-235')-bisdisulfide immunomodulator, antineoplastic

tamrintamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* DPEP3 (dipeptidase 3)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma1 humanisée (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) [8.8.16] (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (220) (124-221), charnière C5>S (226) (222-236), CH2 (237-346), CH3 D12 (362), L14 (364) (347-451), CHS K>del (452)) (124-452)], associée de manière non-covalente avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-20*01 (86.50%) -IGKJ2*01 (100.0%)) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimère (232-232':235-235')-bisdisulfure immunomodulateur, antinéoplasique

tamrintamab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* DPEP3 (dipeptidasa 3)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 humanizada (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) [8.8.16] (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (220) (124-221), bisagra C5>S (226) (222-236), CH2 (237-346), CH3 D12 (362), L14 (364) (347-451), CHS K>del (452)) (124-452)], asociada de forma no-covalente con la cadena ligera kappa humanizada (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-20*01 (86.50%) -IGKJ2*01 (100.0%)) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dímero (232-232':235-235')-bisdisulfuro inmunomodulador, antineoplásico

2148325-59-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGGTFS SYWIEWVRQA PGQGLEWMGE 50
 ILPGSGNTYY NERFKDRVTI TADESTSTAY MELSSLRSED TAVYYCARRA 100
 AAYYSNPEWF AYWGQGTTLVT VSSASTKGPS VFFLAPSSKS TSGGTAALGC 150
 LVKDYFFPEPV TVSWNSGALT SGVHTFFAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG 200
 TQTYICNVNH KPSNTKVDKK VEPKSSDKTH TCPPCPAPEL LGGPVSFLFP 250
 PKPKDTLMIS RTPEVTCVVV DVSHEDEPKV FNWYVDGVEV HNAKTKPREE 300
 QYNSTYRVVVS VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKALPAPIEK TISKAKGQPR 350
 EPQVYTLPPS RDELTKNQVS LTCLVKGFYP SDIAVEWESN GQPENNYKTT 400
 PPVLDSDGSF FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSMHEALHN HYTKSLSLSS 450
 PG 452

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

RIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCASSSVN SFYLHWYQQK PGLAPRLLIY 50
 STSNLASGIP DRFSGSGSGT DFTLTISRLE PEDFAVYCH QYHRSPYTFG 100
 QGTKEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNNF YPREAKVQWK 200
 VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYLSSTL TLISKADYEKH KYACEVTHQ 210
 GLSSPVTKSF NRGEC 215

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 150-206 267-327 373-431
 22"-96" 150"-206" 267"-327" 373"-431"

Intra-L (C23-C104) 23'-89' 135'-195'

23'"-89'" 135'"-195'"

Inter-H-H (h 11, h 14) 232-232" 235-235"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

303, 303"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires

complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

tamrintamabum pamoizirinum #

tamrintamab pamoizirine

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* DPEP3 (dipeptidase 3)], humanized monoclonal antibody conjugated to a pyrrolbenzodiazepine dimer (PBD) SC-DR002 at Cys215' and Cys215'''; gamma1 heavy chain humanized (1-452) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-69*01 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) [8.8.16] (1-123) -*Homo sapiens*IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (220) (124-221), hinge C5>S (226) (222-236), CH2 (237-346), CH3 D12 (362), L14 (364) (347-451), CHS K>del (452)) (124-452)], non-covalently associated with kappa light chain humanized (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3D-20*01 (86.50%) -IGKJ2*01 (100.0%)) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimer (232-232":235-235")-bisdisulfide; conjugated at each CL C126 (215', 215'') to a pyrrolbenzodiazepine dimer (PBD) SC-DR002 via a protease-cleavable maleimide linker (LD6.23)

immunomodulator, antineoplastic

tamrintamab pamoizirine

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* DPEP3 (dipeptidase 3)], anticorps monoclonal humanisé conjugué sur chaque chaîne kappa à un dimère de pyrrolbenzodiazépine (PDB) SC-DR002; chaîne lourde gamma1 humanisée (1-452) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-69*01 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) [8.8.16] (1-123) -*Homo sapiens*IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (220) (124-221), charnière C5>S (226) (222-236), CH2 (237-346), CH3 D12 (362), L14 (364) (347-451), CHS K>del (452)) (124-452)], associée de manière non-covalente avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3D-20*01 (86.50%) -IGKJ2*01 (100.0%)) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimère (232-232":235-235")-bisdisulfure; conjugué à chaque CL C126 (215', 215'') à un dimère de pyrrolbenzodiazépine (PBD) SC-DR002 via un linker protéase-clivable de type maléimide (LDL6.23)

immunomodulateur, antinéoplasique

tamrintamab pamozirina

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* DPEP3 (dipeptidasa 3)], anticuerpo monoclonal humanizado conjugado sobre cada cadena kappa a un dímero de pirrolobenzodiazepina (PDB) SC-DR-002; cadena pesada gamma1 humanizada (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) [8.8.16] (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K120 (220) (124-221), bisagra C5>S (226) (222-236), CH2 (237-346), CH3 D12 (362), L14 (364) (347-451), CHS K>del (452)) (124-452)], asociada de forma no-covalente con la cadena ligera kappa humanizada (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-20*01 (86.50%) -IGKJ2*01 (100.0%)) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dímero (232-232":235-235")-bisdisulfuro; conjugado con cada CL C126 (215', 215'") a un dímero de pirrolobenzodiazepina (PBD) SC-DR002 mediante un conector escindible de proteasa de tipo maleimida (LDL6.23)

inmunomodulador, antineoplásico

2148334-68-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SKASGGTFS SYIEWVRQA PGQGLEWMGE 50
 ILPGSGNTYY NERFKDRVTI TADESTSTAY MELSSLRSED TAVYYCARRA 100
 AAYYSNPEWF AYWGGQGLVT VSSASTKGPS VFPLAPSSKS TSGGTAALGC 150
 LVKDYFPEPV TVSWNSGALT SGVHTFPAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG 200
 TQTYICNVNH KPSNTKVDKK VEPKSSDKTH TCPPCPAPEL LGGPGSVFLFP 250
 PKPKDTLMIS RTPEVTCVVV DVSHEDEPKV FNWYVDGVEV HNAKTKPRE 300
 QYNSTYRVVS VLTVLHQDWL NGKEYCKKVS NKALPAPIEK TISKAKGQPR 350
 EPQVYTLPPS RDELTKNQVS LTCLVKGYFP SDIAVEWESN GPENNYKTT 400
 PPVLDSDGSF FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSVMHEALHN HYTQKSLSL 450
 PG 452

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCASSSVN SFYLHWYQQK PGLAPRLLIY 50
 STSNLAGIP DRFGSGSGT DFTLTISRLE PEDFAVYYCH QYHRSPYTFG 100
 QGTKLEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVCLLNNE YPREAKVQWK 150
 VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYLSSTL TLSKADYEKH KRYACEVTHQ 200
 GLSSPVTKSF NRGE 215

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22'-96" 150"-206" 267"-327" 373"-431"
 22"-96" 150"-206" 267"-327" 373"-431"

Intra-L (C23-C104) 23'-89" 135"-195"
 23"-89" 135"-195"

Inter-H-H (h 11, h 14) 232-232" 235-235"

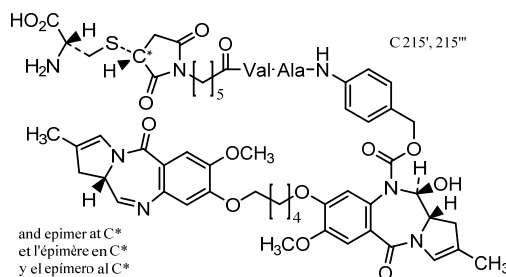
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

303, 303"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
 complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

Modified residues / résidus modifiés / restos modificados



tanfanerceptum #
tanfanercept

L-methionyl-[L²⁸>V,S⁵²>M,H⁵⁵>F,R⁵⁷>P,H⁵⁸>G,K¹²¹>N] tumor necrosis factor (TNF) binding protein variant 1 (TBP-1) with C-terminal extension by further 10 residues of the pro-protein, human, unglycosylated, produced in *Escherichia coli* immunomodulator

tanfanercept

L-méthionyl-[L²⁸>V,S⁵²>M,H⁵⁵>F,R⁵⁷>P,H⁵⁸>G,K¹²¹>N] protéine de liaison au facteur de nécrose tumorale, variant 1 humain (TBP-1) avec extension C-terminale par 10 autres résidus du précurseur, non glycosylée, produite par *Escherichia coli* immunomodulateur

tanfanercept

L-metionil-[L²⁸>V,S⁵²>M,H⁵⁵>F,R⁵⁷>P,H⁵⁸>G,K¹²¹>N] proteína de union al factor de necrosis tumoral, variante 1 humano (TBP-1) con extensión C-terminal por otros 10 residuos de la pro-proteína, no glicosilada, producida por *Escherichia coli* inmunomodulador

2119738-70-2

```

M                               O
DSVCPQGKYI HPQNNISICT KCHKGTYYVN DCPGPGQD TD CRECESGSFT 50
AMENFLPGCL SCSKCRKEMG QVEISSCTVD RDTVCGCRKN QYRHYWSEN 100
FQCFNCSLCL NGTVHLSCQE NQNTVCTCHA GFFLRENECV SCSNCKKSLE 150
CTKLCLPQIE NVKGTEDSGT T                                171

```

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
4-18, 19-32, 22-41, 44-59, 62-77, 65-85, 87-103, 106-118, 109-126,
128-139, 142-155, 145-151

teclistamabum #
teclistamab

immunoglobulin G4-lambda, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (TNF receptor superfamily member 17, tumor necrosis factor receptor superfamily, member 17, B cell maturation antigen, BCMA, BCM, TNFRSF13A, CD269)] and anti-[*Homo sapiens* CD3 epsilon (CD3E, Leu-4)], monoclonal antibody, bispecific;
gamma4 heavy chain anti-TNFRSF17 (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-39*01 (97.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [10.7.13] (1-121) - *Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (122-219), hinge S10>P (229) (220-231), CH2 L1.3>A (235), L1.2>A (236) (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (122-448)], (135-213')-disulfide with lambda light chain anti-TNFRSF17 (1'-214') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21*02 (96.9%) -IGLJ2*01 (100.0%)) [6.3.11] (1'-108') - *Homo sapiens* IGLC2*01 (99.1%) A43>G (152) (109'-214')];
gamma4 heavy chain anti-CD3E (1"-452") [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%)/*Homo sapiens* IGHV3-72*01 (88.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) [8.10.16] (1"-125") - *Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (126-223), hinge S10>P (233) (224-235), CH2 L1.3>A (239), L1.2 (240) (236-345), CH3 F85.1>L (410), R88>K (414) (346-450), CHS (451-452)) (126"-452")], (139"-214'")-disulfide with lambda light chain anti-CD3 (1'''-215''') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (81.9%) -IGLJ3*02 (100%)) [9.3.9] (1'''-109''') - *Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (110'''-215''')];
dimer (227-231''':230-234'')-bisdisulfide
antineoplastic

téclistamab

immunoglobuline G4-lambda, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (membre 17 de la superfamille des récepteurs du TNF, membre 17 de la superfamille des récepteurs du facteur de nécrose tumorale, antigène de maturation de cellule B, BCMA, BCM, TNFRSF13A, CD269)] et anti-[*Homo sapiens* CD3 epsilon (CD3E, Leu-4)], anticorps monoclonal, bispécifique; chaîne lourde gamma4 anti-TNFRSF17(1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-39*01 (97.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [10.7.13] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (122-219), charnière S10>P (229) (220-231), CH2 L1.3>A (235), L1.2 (236) (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (122-448)], (135-213')-disulfure avec la chaîne légère lambda anti- TNFRSF17 (1'-214') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21*02 (96.9%) - IGLJ2*01 (100.0%)) [6.3.11] (1'-108') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (99.1%) A43>G (152) (109'-214')]; chaîne lourde gamma4 anti-CD3E (1"-452") [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%)/*Homo sapiens* IGHV3-72*01 (88.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) [8.10.16] (1"-125") -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (126-223), charnière S10>P (233) (224-235), CH2 L1.3>A (239), L1.2 (240) (236-345), CH3 F85.1>L (410), R88>K (414) (346-450), CHS (451-452)) (126"-452")], (139"-214'")-disulfure avec la chaîne légère lambda anti-CD3 (1'"-215'") [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (81.9%) -IGLJ3*02 (100%)) [9.3.9] (1'"-109'") -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (110'"-215'")]; dimère (227-231":230-234")-bisdisulfure
antineoplasique

teclistamab

inmunoglobulina G4-lambda, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (miembro 17 de la superfamilia de los receptores del TNF, miembro 17 de la superfamilia de los receptores del factor de necrosis tumoral, antígeno de maduración de la célula B, BCMA, BCM, TNFRSF13A, CD269)] y anti-[*Homo sapiens* CD3 epsilon (CD3E, Leu-4)], anticuerpo monoclonal, biespecífico; cadena pesada gamma4 anti-TNFRSF17(1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-39*01 (97.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [10.7.13] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (122-219), bisagra S10>P (229) (220-231), CH2 L1.3>A (235), L1.2 (236) (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (122-448)], (135-213')-disulfuro con la cadena ligera lambda anti- TNFRSF17 (1'-214') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21*02 (96.9%) - IGLJ2*01 (100.0%)) [6.3.11] (1'-108') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (99.1%) A43>G (152) (109'-214')]; cadena pesada gamma4 anti-CD3E (1"-452") [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%)/*Homo sapiens* IGHV3-72*01 (88.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) [8.10.16] (1"-125") -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (126-223), bisagra S10>P (233) (224-235), CH2 L1.3>A (239), L1.2 (240) (236-345), CH3 F85.1>L (410), R88>K (414) (346-450), CHS (451-452)) (126"-452'"), (139"-214'")-disulfuro con la cadena ligera lambda anti-CD3 (1'"-215'") [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (81.9%) -IGLJ3*02 (100%)) [9.3.9] (1'"-109'") -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (110'"-215'")]; dímero (227-231":230-234")-bisdisulfuro
antineoplásico

2119595-80-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-TNFRSF17)
QLQLQESGPG LVKPSETLSL TCTVSGGSIS SGSYFWGWIR QPPGKGLEWI 50
GSIYYSGITY YNP SLKSRVT ISVDTSKNQF SLKLSSVTAA DTAVYYCARH 100
DGAVAGLFDY WQGGTLVTVS SASTKGPSVF PLAPCSRSTS ESTAALGCLV 150
KDYFPEPVTY SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TFPSSSLGK 200
TYTCNVDPKP SNTKVDKRV SKYGPCCPPC PAPEAAGGPS VFLFPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSQE DPEVQFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQFNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKGLP SSIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSQEEMT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPVLD 400
SDGSFFLYSR LTVDKSRWQE GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSLGLK 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-TNFRSF17)
SYVLTPQPSV SVAPGQTARI TCGGNNIGSK SVHWYQQPPG QAPVVVVYDD 50
SDRPSGIPER FSGSNSGNTA LTISRVEAG DEAVYYCQVW DSSSDHVVFG 100
GGTKLTVLGQ PKAAPSVTLF PPSSEELQAN KATLVCLISD FYPGAVTVAW 150
KGDSSPVKAG VETTTPSKQS NNKYAASSYL SLTPEQWKSH RSYSCQVTHE 200
GSTVEKTVAP TECS 214

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-CD3E)
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWRQA PGKGLEWVAR 50
IRSKYNNYAT YYAASVKGRF TISRDDSKNS LYLQMNLSKT EDTAVYYCAR 100
HGNFGNSYVS WFAVWGQGTL VTVSSASTKG PSVFPLAPCS RSTSESTAAL 150
GCLVKDYFPE PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVPSSS 200
LGTKITYTCNV DHPKPSNTKVD KRVESKYGPP CPPCPAPEAA GGPSVFLFPP 250
KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSQEDPEVQF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
FNSTYRVVSV LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KGLPSSIEKT ISKAKGQPRE 350
PQVYTLPPSQ EEMTKNQVSL TCLVKGFYPS DIAVEWESNG QPENNYKTP 400
PVLDSGDSFL LYSKLTVDKS RWQEGNVFSC SVMHEALHNN YTQKSLSLSL 450
GK 452

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-CD3E)
QTVVTEPEPSL TVSPGGTVTL TCRSSTGAVT TSNYANWVQQ KPGQAPRGLI 50
GGTNKRAPGT PARFSGSLLG GKAALTLSGV QPEDEAEYYC ALWYSNLWVF 100
GGGKTLTVLG QPKAAPSVTL FPPSSEELQA NKATLVCLIS DFYPGAVTVA 150
WKADSSPVKA GVETTTPSKQ SNNKYAASSY LSLTPEQWKS HRSYSCQVTH 200
EGSTVEKTV PTECS 215

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-97 148-204 262-322 368-426
22"-98" 152"-208" 266"-326" 372"-430"
Intra-L (C23-C104) 22'-87' 136'-195'
22'''-90''' 137'''-196'''
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 135-213' 139"-214"
Inter-H-H (h 8, h 11) 227-231" 230-234"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
298, 302"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

tefidsogenum civaparvovecum #
tefidsogene civaparvovec

a recombinant non-replicating adeno-associated virus type 2/6 (rAAV Rep2-Cap6) vector, which contains a promoter-less human iduronate 2-sulfatase (hIDS) transgene cassette, encoding parts of exon 1 plus exons 2-9 from hIDS and a splice acceptor site (SA) derived from human coagulation factor IX (hF9, factor IX or FIX) exon 2, flanked by a sequence homologous to the zinc-finger nuclease (ZFN) cleavage site of the human albumin (hALB) intron 1
gene therapy substance (mucopolysaccharidosis II)

tefidsogène civaparvovec	vecteur viral adéno-associé de type 2/6 recombinant (rAAV Rep2-Cap6), non-répliquant, contenant la cassette du transgène de l'iduronate 2-sulfatase humaine (hIDS) sans promoteur, codant partiellement l'exon 1 et les exons 2-9 de hIDS, et la séquence du site accepteur (SA) d'épissage dérivé de l'exon 2 du facteur de coagulation IX humain (hF9, facteur IX, FIX), flanqué d'une séquence homologue au site de clivage de la nucléase à doigts de zinc (ZFN) de l'intron 1 de l'albumine humaine (hALB) <i>substance de thérapie génique (mucopolysaccharidose II)</i>
tefidsogén civaparvovec	un vector de virus adeno asociado tipo 2/6 recombinante (rAAV Rep2-Cap6), no replicativo, que contiene un casete con el transgen de la iduronato 2-sulfatasa humana (hIDS) sin promotor, que codifica para partes del exón 1 más los exones 2-9 de hIDS y un sitio aceptor del splicing derivado del exón 2 del factor de coagulación IX humano (hF9, factor IX o FIX), flanqueado por una secuencia homóloga al sitio de rotura por la nucleasa con dedos de zinc (ZFN) del intron 1 de la albúmina humana (hALB) <i>sustancia de terapia génica (mucopolisacaridosis II)</i>
	2143580-10-1
telitaciceptum # telitacicept	[L ¹²⁰ >A, L ¹²¹ >E, G ¹²³ >A, A ²¹⁶ >S, P ²¹⁷ >S]-TACI (transmembrane activator and CAML interactor, tumor necrosis factor receptor superfamily protein TNFRSF13B) human extracellular domain fragment (13-118)-peptide (1-106) fusion protein with human immunoglobulin G1-(227 C-terminal residues)-peptide (γ1-chain Fc fragment) (107-333) [<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, hinge (107-116), CH2 L ¹²⁰ >A, L ¹²¹ >E, G ¹²³ >A, A ²¹⁶ >S, P ²¹⁷ >S (117-226), CH3 (227-331), CHS (332-333)], (112-112':115-115')-bisdisulfide dimer, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells <i>immunomodulator</i>
télitacicept	[L ¹²⁰ >A, L ¹²¹ >E, G ¹²³ >A, A ²¹⁶ >S, P ²¹⁷ >S]-protéine de fusion du fragment de domaine extracellulaire humain de TACI (activateur transmembranaire et interacteur CAML, membre 13B de la superfamille des récepteurs du facteur de nécrose tumorale TNFRSF13B)-(13-118)-peptide (1-106) avec l'immunoglobuline G1 humaine-(227 résidus C-terminaux)-peptide (fragment Fc de la chaîne γ1) (107-333) [<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, charnière (107-116), CH2 L ¹²⁰ >A, L ¹²¹ >E, G ¹²³ >A, A ²¹⁶ >S, P ²¹⁷ >S (117-226), CH3 (227-331), CHS (332-333)], dimère (112-112':115-115')-bisdisulfure, produite par des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO) <i>immunomodulateur</i>

telitacicept

[L¹²⁰>A, L¹²¹>E, G¹²³>A, A²¹⁶>S, P²¹⁷>S]-proteína de fusión del fragmento de dominio extracelular humano de TACI (activador transmembrana y CAML-interactor, miembro 13B de la superfamilia de receptores del factor de necrosis tumoral TNFRSF13B)-(13-118)-péptido (1-106) con la inmunoglobulina G1 humana-(227 restos C-terminales)-péptido (fragmento Fc de la cadena γ 1) (107-333) [*Homo sapiens* IGHG1*01, bisagra (107-116), CH2 L¹²⁰>A, L¹²¹>E, G¹²³>A, A²¹⁶>S, P²¹⁷>S (117-226), CH3 (227-331), CHS (332-333)], dímero (112-112':115-115')-bisdisulfuro, producida por las células ováricas de hamsters chinos (CHO)
inmunomodulador

2136630-26-5

```
SRVDQEERFP QGLWTGVAMR SCPEEQYWD P LLGTCMSCKT ICNHQSQRCT 50
AAFCRSLSCR KEQGFYDHL LRDCISCASI CGQHPKQAY FCENKLRSVP 100
NLPPFLDKTH TCPPCPAPEA EGAPSVFLFP PKPKDTLMIS RTEVTCVVV 150
DVSHEDPEVK FNWYVDGVEV HNAKTKPREE QYNSTYRVVS VLTVLHQDWL 200
NGKEYRCKVS NKALPSSIEK TISKAGGQPR EPQVYTLPPS RDELTKNQVS 250
LTCVLKGFYP SDIAVEWESN GQPENNYKTT PPVLDSGSGF FLYSKLTVDK 300
SRWQQGNVFS CSMVHEALHN HYTKSLSL S PGK 333
```

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
 intra-TACI: 22-35, 38-50, 42-54, 59-74, 77-88, 81-92
 intra-IgG1 Fc: 147-207, 253-311
 inter-IgG1 Fc: 112-112', 115-115'

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación
 Asn183, Asn183'

tidutamabum #
 tidutamab

immunoglobulin half-G1-kappa/scFv-h-CH2-CH3, anti-
 [*Homo sapiens* SSTR2 (somatostatin receptor 2) and
Homo sapiens CD3 epsilon (CD3E, Leu-4)], monoclonal
 antibody, bispecific;
 gamma1 heavy chain anti-SSTR2 (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-48*03 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%))
 [8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (CH1 N114>D
 (213), R120>K (219) (123-220), hinge 1-15 (221-235), CH2
 E1.4>P (238), L1.2>V (239), G1.1>A (240), S29>K (271),
 Q84.2>E (299) (236-344), CH3 E12 (360), M14 (362),
 L24>D (372), K26>S (374), N44>D (388), Q97>E (422),
 N100>D (425) (345-449), CHS (450-451)) (123-451)],
 (225-219')-disulfide with kappa light chain anti-SSTR2 (1'-
 219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (91.8%) -
 IGKJ4*01 (100.0%)) [12.3.8] (1'-112') -*Homo sapiens*
 IGKC*01 (100%) A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')];
 heavy chain scFv-h-CH2-CH3, anti-CD3E (1-485) [VH
 (*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01
 (90.9%)) [8.10.16] (1-125) -20-mer linker (126-145) -V-
 LAMBDA (*Mus musculus* IGLV1*01 (80.6%) -IGLJ1*01
 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (76.8%) -IGHJ3*02
 (100%)) [9.3.9] (146-254) -IGHG1*03 (hinge 1-15 C5>S
 (259) (255-269) -CH2 E1.4>P (272), L1.2>V (273), G1.1>A
 (274), S29>K (305) (270-378), CH3 E12 (394), E13>Q
 (395), M14 (396), S20>K (402) (379-483), CHS (484-485))
 (1-485)]; (231-265":234-268")-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

tidutamab	immunoglobuline demi-G1-kappa/scFv-h-CH2-CH3, anti-<i>[Homo sapiens SSTR2 (récepteur de la somatostatine 2) et Homo sapiens CD3 epsilon (CD3E, Leu-4)]</i>, anticorps monoclonal, bispécifique; chaîne lourde gamma1 anti-SSTR2 (1-451) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-48*03 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.15] (1-122) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v (CH1 N114>D (213), R120>K (219) (123-220), charnière 1-15 (221-235), CH2 E1.4>P (238), L1.2>V (239), G1.1>A (240), S29>K (271), Q84.2>E (299) (236-344), CH3 E12 (360), M14 (362), L24>D (372), K26>S (374), N44>D (388), Q97>E (422), N100>D (425) (345-449), CHS (450-451)) (123-451)], (225-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa anti-SSTR2 (1'-219') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV4-1*01 (91.8%) -IGKJ4*01 (100%)) [12.3.8] (1'-112') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; chaîne lourde scFv-h-CH2-CH3, anti-CD3E (1-485) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-73*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) [8.10.16] (1-125) -20-mer linker (126-145)-V-LAMBDA (<i>Mus musculus</i> IGLV1*01 (80.6%) -IGLJ1*01 (100%)/<i>Homo sapiens</i> IGLV7-46*01 (76.8%) -IGHJ3*02 (100%)) [9.3.9] (146-254) -IGHG1*03 (charnière 1-15 C5>S (259) (255-269) -CH2 E1.4>P (272), L1.2>V (273), G1.1>A (274), S29>K (305) (270-378), CH3 E12 (394), E13>Q (395), M14 (396), S20>K (402)(379-483), CHS (484-485)) (1-485)]; dimère (231-265":234-268")-bisdisulfure <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
tidutamab	inmunoglobulina demi-G1-kappa/scFv-h-CH2-CH3, anti-<i>[Homo sapiens SSTR2 (receptor de la somatostatina 2) y Homo sapiens CD3 epsilon (CD3E, Leu-4)]</i>, anticuerpo monoclonal, biespecífico; cadena pesada gamma1 anti-SSTR2 (1-451) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-48*03 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.15] (1-122) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v (CH1 N114>D (213), R120>K (219) (123-220), bisagra 1-15 (221-235), CH2 E1.4>P (238), L1.2>V (239), G1.1>A (240), S29>K (271), Q84.2>E (299) (236-344), CH3 E12 (360), M14 (362), L24>D (372), K26>S (374), N44>D (388), Q97>E (422), N100>D (425) (345-449), CHS (450-451)) (123-451)], (225-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa anti-SSTR2 (1'-219') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV4-1*01 (91.8%) -IGKJ4*01 (100%)) [12.3.8] (1'-112') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; cadena pesada scFv-h-CH2-CH3, anti-CD3E (1-485) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-73*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) [8.10.16] (1-125) -20-mer ligante (126-145) -V-LAMBDA (<i>Mus musculus</i> IGLV1*01 (80.6%) -IGLJ1*01 (100%)/<i>Homo sapiens</i> IGLV7-46*01 (76.8%) -IGHJ3*02 (100%)) [9.3.9] (146-254) -IGHG1*03 (bisagra 1-15 C5>S (259) (255-269) -CH2 E1.4>P (272), L1.2>V (273), G1.1>A (274), S29>K (305) (270-378), CH3 E12 (394), E13>Q (395), M14 (396), S20>K (402)(379-483), CHS (484-485)) (1-485)]; dímero (231-265":234-268")-bisdisulfuro <i>inmunomodulador, antineoplásico</i>

2148354-90-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-SSTR2)
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS DYGMWFRQA PGKGLEWVSF 50
ISNLGYSIYY ADSVKGRFTI SRDANKNSLY LQMNSLRAD TAVYYCARAP 100
YDYDSFDPMD YWQGQTLVTV SSASTKGPSV FPLAPSSKST SGGTAALGCL 150
VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAPVLQ SSGLYSLSSV VTPSSSLGT 200
QTYICNVNHHK PSDTKVDKKV EPKSCDKTHT CPDPPAPVVA GPSVFLFPPK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV KHEDEPKVFN WYVDGVEVHN AKTKPREEEY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP 350
QVYTLPPSRE EMTKNQVSLT CDVSGFYPSD IAVEWESDGG PENNYKTTTP 400
VLDSDGSFFL YSKLTVDKSR WEQGDVFSCS VMHEALHNNH TQKSLSLSPG 450
K 451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-SSTR2)
DIVMTQSPDS LAVSLGERAT INCKSSQSLL NSRNRKNYLA WYQKPKDQSP 50
KLLIYWASTR ESGVPRDFSG SGSGTDFTLT ISSLQAEDVA VYICKQSYYL 100
WTFGGGKVE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNQSQSVTE QDSKDSYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNRGEC 219

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada scFv-h-CH2-CH3 (anti-CD3E)
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS TYAMNWVRQA PGKGLEWVGR 50
IRSKYNNYAT YYADSVKGRF TISRDDSKNT LYLQMNSLRA EDTAVYYCVR 100
HGNFGDSYVS WFAYWGGTLL VTVSSGKPGS GKPGSGKPGS GKPGSAVVT 150
QEPSTLVSPG GTVTLTCGSS TGAVTTSNYA NWVQKPKGS PRGLIGGTNK 200
RAPGVPARFS GSLLGGKAAL TISGAQFEDE ADYICALWYS NHWVFGGGTK 250
LTVLEPKSSD KHTTCPPCPA PVVAGPSVFL FPPKPKDTLM ISRTPEVTCV 300
VVDVKHEHDE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQYNSTYRV VSVLTVLHQD 350
WLNKEYKCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ PREPQVYTLF PSREQMTKNQ 400
VKLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG SFFLYSKLTV 450
DKSRWQQGNV FSCSVMEAL HNHYTQKSL LSPGK 485

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 149-205 265-325 371-429
Intra-L (C23-C104) 23-94' 139-199'
Intra-H scFv-h-CH2-CH3 22"-98" 167"-235" 299"-359" 405"-463"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 225-219'
Inter-H-H (h 11, h 14) 231-265" 234-268"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
301, 335"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

tilavonemabum #
tilavonemab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MAPT (microtubule-associated protein tau, tau)], monoclonal antibody;
gamma4 heavy chain (1-442) [VH (*Mus musculus* IGHV6-3*01 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)/*Homo sapiens* IGHV3-7*01 (71.4%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) [8.10.6] (1-115) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (116-213), hinge S10>P (223) (214-225), CH2 (226-335), CH3 (336-440), CHS (441-442)) (115-442)], (129-218')-disulfide with kappa light chain (1'-218') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV3-7*01 (90.9%) -IGKJ2*03 (90.9%)/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (69.3%) -IGKJ2*01 (100%)) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimer (221-221":224-224")-bisdisulfide tau protein inhibitor

tilavonémab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MAPT (protéine tau associée aux microtubules, tau)], anticorps monoclonal;

tilavonemab

chaîne lourde gamma4 (1-442) [VH (*Mus musculus*IGHV6-3*01 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)/*Homo sapiens* IGHV3-7*01 (71.4%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) [8.10.6] (1-115) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (116-213), charnière S10>P (223) (214-225), CH2 (226-335), CH3 (336-440), CHS (441-442)) (115-442)], (129-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-218') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV3-7*01 (90.9%) -IGKJ2*03 (90.9%)/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (69.3%) -IGKJ2*01 (100%)] [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimère (221-221":224-224")-bisdisulfure
inhibiteur de la protéine tau

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MAPT (proteína tau asociada a los microtúbulos, tau)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma4 (1-442) [VH (*Mus musculus*IGHV6-3*01 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)/*Homo sapiens* IGHV3-7*01 (71.4%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) [8.10.6] (1-115) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (116-213), bisagra S10>P (223) (214-225), CH2 (226-335), CH3 (336-440), CHS (441-442)) (115-442)], (129-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-218') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV3-7*01 (90.9%) -IGKJ2*03 (90.9%)/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (69.3%) -IGKJ2*01 (100%)] [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dímero (221-221":224-224")-bisdisulfuro
inhibidor de la proteína tau

2096513-89-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVKVVESGGG LVQPGGSMKL SCVVSQFTFS NYWVNWVRQA PGKGLEWVAQ 50
IRLKSDNYAT HYEESVKGRF TISRDDSKSS VYLQMNLR AEDSGIYYCTN 100
WEDYWGQGT VTVSSASTKG PSVFPLAPCS RSTSESTAAL GCLVKDYFPE 150
PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVPSST LGTKYITCNV 200
DHKPSNTKVD KRVESKYGPP CPFCPAPEFL GGPSTVFLFPP KPKDTLMISR 250
TPEVTCVVVD VSQEDPEVQF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ FNSTYRVVSV 300
LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KGLPSSIEKT ISKAKGQPRE PQVYTLPPSQ 350
EEMTKNQVSL TCLVKGFYPS DIAVEWESNG QPENNYKTP PVLDSDGSFF 400
LYSRITVDSK RWQEGNVFSC SVMHEALHNN YTQKSLSLSL GK 442
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIVLTQSPDS LAVSLGERAT ISCRASQSVS TSRYSIHWHY QQKPGQPPKL 50
LIKYASNLDS GVPSRFSGSG SGTDFTLNIH PLEPEDFATY YCHHSWEIPL 100
TFGGQTKLEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCCL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLT STLTLSKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSPVPT KSFNRGEC 218
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-98 142-198 256-316 362-420
22"-98" 142"-198" 256"-316" 362"-420"

Intra-L (C23-C104) 23'-92' 138'-198'
23'''-92''' 138'''-198'''

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 129-218' 129"-218"

Inter-H-H (h 8, h 11) 221-221" 224-224"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

292, 292"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados

tomaralimabum #

tomaralimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* TLR2 (toll like receptor 2, toll-like receptor 2, TIL4, CD282)], monoclonal antibody;
 gamma4 heavy chain (1-445) [VH (*Mus musculus* IGHV1-85*01 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%)/*Homo sapiens* IGHV1-8*03 (73.5%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (85.7%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (119-216), hinge S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (118-445)], (132-218')-disulfide with kappa light chain (1'-218') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV3-1*01 (81.8%) -IGKJ1*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (70.2%) -(IGHD) -IGKJ4*01 (100%)) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimer (224-224":227-227")-bisdisulfide immunomodulator, antineoplastic

tomaralimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* TLR2 (récepteur 2 de type Toll, récepteur 2 toll-like, TIL4, CD282)], anticorps monoclonal;
 chaîne lourde gamma4 (1-445) [VH (*Mus musculus* IGHV1-85*01 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%)/*Homo sapiens* IGHV1-8*03 (73.5%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (85.7%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (119-216), charnière S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (118-445)], (132-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-218') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV3-1*01 (81.8%) -IGKJ1*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (70.2%) -(IGHD) -IGKJ4*01 (100%)) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimère (224-224":227-227")-bisdisulfure immunomodulateur, antinéoplasique

tomaralimab

immunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* TLR2 (receptor 2 de tipo Toll, receptor 2 toll-like, TIL4, CD282)], anticuerpo monoclonal;
 cadena pesada gamma4 (1-445) [VH (*Mus musculus* IGHV1-85*01 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%)/*Homo sapiens* IGHV1-8*03 (73.5%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (85.7%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (119-216), bisagra S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (118-445)], (132-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-218') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV3-1*01 (81.8%) -IGKJ1*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (70.2%) -(IGHD) -IGKJ4*01 (100%)) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dímero (224-224":227-227")-bisdisulfuro inmunomodulador, antineoplásico

1449294-76-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVQLVQSGSE LKPGASVKL SCKASGFTFT TYGINWVRQA PGQGLEWIGW 50
 IYPRDGSNTF NENFKDRATI TVDTSASTAY MELSSLRSED TAVYFCARLT 100
 GGTFLDYWGQ GTTIVTVSSAS TKGPSVFPLA PCSRSTSEST AALGCLVKDY 150
 FPEPTVTSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVTVTP SSSLGKTKYT 200
 CNVDHKPSNT KVDKRVESKY GPCCPCCPAP EFLGGPSVFL FPPKPKDTLM 250
 ISRTPEVTCV VVDVSEQEDPE VQFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQFNSTYRV 300
 VSVLTVLHQD WLNKKEYKCK VSNKGLPSSI EKTISKAKGQ PREPQVYTLF 350
 PSQEEMTKNQ VSLTCLVKGK YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400
 SFFLYSRLTV DKSRWQEGNV FSCSVMEAL HNHYTQKSL SLSLK 445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASESVE YYGTSIMQWY QQKPGQPPKL 50
 LIFGASNVES GVPDRFSGSG SGTDFTLKIS RVEAEDVGMV FCQGSRLPW 100
 TFGGGTKVEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFYPREAKV 150
 QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYLSL STLTLKADY EKHKVYACEV 200
 THQGLSSPVT KSFNRGEC 218

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 259-319 365-423
 22"-96" 145"-201" 259"-319" 365"-423"

Intra-L (C23-C104) 23'-92' 138'-198'

23"-92" 138"-198"

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 132-218' 132"-218"

Inter-H-H (h 8, h 11) 224-224" 227-227"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

295, 295"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados

triheptanoinum

triheptanoïn

propane-1,2,3-triïl triheptanoate

treatment of long-chain fatty acid oxidation disorders

triheptanoïne

triheptanoate de propane-1,2,3-triïle

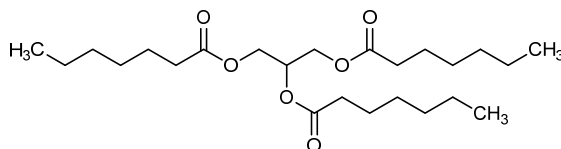
traitement des troubles de l'oxydation des acides gras à longue chaîne

triheptanoína

triheptanoato de propano-1,2,3-triïlo

*tratamiento de los trastornos de la oxidación de ácidos grasos con cadena larga*C₂₄H₄₄O₆

620-67-7

**troriluzolum**

troriluzole

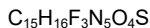
glycylglycyl-*N*²-methyl-*N*¹-[6-(trifluoromethoxy)-1,3-benzothiazol-2-yl]glycinamide
glutamate release inhibitor

troriluzole

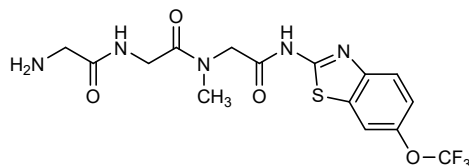
glycylglycyl-*N*²-méthyl-*N*¹-[6-(trifluorométhoxy)-1,3-benzothiazol-2-yl]glycinamide
inhibiteur de la libération de glutamate

troriluzole

glicilglicil-*N*²-metil-*N*¹-[6-(trifluorometoxi)-1,3-benzotiazol-2-il]glicinamida
inhibidor de la liberación de glutamato



1926203-09-9

**tuvatexibum**

tuvatexib

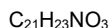
rac-quinolin-8-yl {(1*R*,2*R*)-3-oxo-2-[(2*Z*)-pent-2-en-1-yl]cyclopentyl}acetate
(predominant epimer)
antineoplastic

tuvatexib

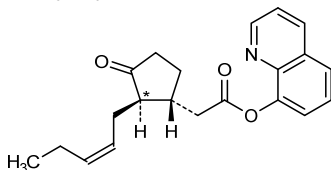
rac-{(1*R*,2*R*)-3-oxo-2-[(2*Z*)-pent-2-én-1-yl]cyclopentyl}acétate de quinoléin-8-yle (épimère prédominant)
antineoplasique

tuvatexib

rac-{(1*R*,2*R*)-3-oxo-2-[(2*Z*)-pent-2-en-1-il]ciclopentil}acetato de quinolein-8-ilo
(épímero predominante)
antineoplásico



2055404-90-3



and its epimer at C*
and their enantiomers

et son épimère en C*
et leurs énantiomères

y su epímero al C*
y sus enantiómeros

vibecotamabum #

vibecotamab

immunoglobulin half-G1-kappa/scFv-h-CH2-CH3, anti-[*Homo sapiens* IL3RA (interleukin 3 receptor subunit alpha, interleukin 3 receptor, alpha (low affinity), CD123) and *Homo sapiens* CD3 epsilon (CD3E, Leu-4)], monoclonal antibody, bispecific;
gamma1 heavy chain anti-IL3RA (1-449) [VH (*Mus musculus* IGHV1-26*01(83.7%) -(IGHD) -IGHJ3*01(93.3%)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (78.6%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (CH1 N114>D (211), R120>K (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 E1.4>P (236), L1.2>V (237), G1.1>A (238), S29>K (269), Q84.2>E (297) (234-342), CH3 E12 (358), M14 (360), L24>D (370), K26>S (372), N44>D (386), Q97>E (420), N100>D (423) (343-447), CHS (448-449)) (121-449)], (223-220')-disulfide with kappa light chain anti IL3RA (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (89.1%) -IGKJ2*01 (91.7%)) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; heavy chain scFv-h-CH2-CH3, anti-CD3E (1-485) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) [8.10.16] (1-125) -20-mer linker (126-145) -V-LAMBDA (*Mus musculus* IGLV1*01 (80.6%) -IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (76.8%) -IGHJ3*02 (100%)) [9.3.9] (146-254) -IGHG1*03 (hinge 1-15 C5>S (259) (255-269) -CH2 E1.4>P (272), L1.2>V (273), G1.1>A (274), S29>K (305) (270-378), CH3 E12 (394), E13>Q (395), M14 (396), S20>K (402)(379-483), CHS (484-485)) (1-485)]; dimer (229-265":232-268")-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

vibécotamab

immunoglobuline demi-G1-kappa/scFv-h-CH2-CH3, anti-[*Homo sapiens* IL3RA (sous-unité alpha du récepteur de l'interleukine 3, récepteur alpha (faible affinité) de l'interleukine 3, CD123) et *Homo sapiens* CD3 epsilon (CD3E, Leu-4)], anticorps monoclonal, bispécifique;

chaîne lourde gamma1 anti-IL3RA (1-449) [VH (*Mus musculus* IGHV1-26*01(83.7%) -(IGHD) -IGHJ3*01(93.3%)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (78.6%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (CH1 N114>D (211), R120>K (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 E1.4>P (236), L1.2>V (237), G1.1>A (238), S29>K (269), Q84.2>E (297) (234-342), CH3 E12 (358), M14 (360), L24>D (370), K26>S (372), N44>D (386), Q97>E (420), N100>D (423) (343- 447), CHS (448-449)) (121-449)], (223-220')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (89.1%) -IGKJ2*01 (91.7%)) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')];

chaîne lourde scFv-h-CH2-CH3, anti-CD3E (1-485) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) [8.10.16] (1-125) -20-mer linker (126-145) -V-LAMBDA (*Mus musculus* IGLV1*01 (80.6%) -IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (76.8%) -IGHJ3*02 (100%)) [9.3.9] (146-254) -IGHG1*03 (charnière 1-15 C5>S (259) (255-269) -CH2 E1.4>P (272), L1.2>V (273), G1.1>A (274), S29>K (305) (270-378), CH3 E12 (394), E13>Q (395), M14 (396), S20>K (402)(379-483), CHS (484-485)) (1-485)]; dimère (229-265":232-268")-bisdisulfure immunomodulateur, antinéoplasique

vibecotamab

immunoglobulina demi-G1-kappa/scFv-h-CH2-CH3, anti-[*Homo sapiens* IL3RA (subunidad alfa del receptor de la interleukina 3, receptor alfa (baja afinidad) de la interleukina 3, CD123) et *Homo sapiens* CD3 épsilon (CD3E, Leu-4)], anticuerpo monoclonal, biespecífico;

cadena pesada gamma1 anti-IL3RA (1-449) [VH (*Mus musculus* IGHV1-26*01(83.7%) -(IGHD) -IGHJ3*01(93.3%)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (78.6%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (CH1 N114>D (211), R120>K (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 E1.4>P (236), L1.2>V (237), G1.1>A (238), S29>K (269), Q84.2>E (297) (234-342), CH3 E12 (358), M14 (360), L24>D (370), K26>S (372), N44>D (386), Q97>E (420), N100>D (423) (343- 447), CHS (448-449)) (121-449)], (223-220')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (89.1%) -IGKJ2*01 (91.7%)) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')];

cadena pesada scFv-h-CH2-CH3, anti-CD3E (1-485) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) [8.10.16] (1-125) -20-mer ligante (126-145) -V-LAMBDA (*Mus musculus* IGLV1*01 (80.6%) -IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (76.8%) -IGHJ3*02 (100%)) [9.3.9] (146-254) -IGHG1*03 (bisagra 1-15 C5>S (259) (255-269) -CH2 E1.4>P (272), L1.2>V (273), G1.1>A (274), S29>K (305) (270-378), CH3 E12 (394), E13>Q (395), M14 (396), S20>K (402)(379-483), CHS (484-485)) (1-485)]; dímero (229-265":232-268")-bisdisulfuro inmunomodulador, antineoplásico

2138442-13-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-IL3RA)			
QVQLQQSGAE	VKKFGASVKV	SCKASCYTFT	DYMKWVKQS
11PSNGATFY	NQKFKGKATL	TVDRSTSTAY	MELSSLSRSED
LLRASWFAYV	GQGTLVTVSS	ASTKGPSVFP	LAPSSKSTSG
DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS	GLYSLSSVVT
YICNVNHKPS	DTKVDDKVEP	KSCDKTHTCP	PCPAPPVAGP
DTLMISRTP	ETCVVVDVKH	EDPEVKFNWY	VDGVEVHNAK
TYRVVSVLTV	LHQDWLNGKE	YKCKVSNKAL	PAPIEKTISK
YTLPPSREEM	TKNQVSLTCD	VSGFYPSDIA	VEWESDGGQPE
DSDGSFFLYS	KLTVDKSRWE	QGDVFSCSVM	HEALHNHYTQ
Light chain / Chaîne légère / Cadena (anti-IL3RA)			
DFVMTQSPDS	LAVSLGERAT	INCKSSQSLL	NTGNQKNYLT
KLLIYWASTR	ESGVPRDFTG	SGSGTDFTLT	ISSLQAEQVA
PYTFGGGTKL	EIKRTVAAPS	VFIFPPSDEQ	LKSGTASVVC
KVQWKVDNAL	QSGNSQESVT	EQDSKDSITYS	LSSTLTLSKA
EVTHQGLSSP	VTKSFNRGEC		
Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada scFv-h-CH2-CH3 (anti-CD3E)			
EVQLVESGGG	LVQPGGSLRL	SCAASGFTFS	TYAMNWRQA
IRSKYNNYAT	YYADSVKGRF	TISRDDSKNT	LYLQMNSLRA
HGNFGDSYVS	WFAYWGQGT	LVTVSSGKPGS	GKPGSGKPGS
QEPSTLVSPG	GTVTLTGSSS	TGAVTTSNYA	NWVQKPKGS
RAPGVPARFS	GSLLGKKAAL	TISGAQPEDE	ADYYCALWYS
LTVLEPKSSD	KTHCTPPCPA	PPVAGPSVFL	FPPKPKDTLM
VVDVKHEDPE	VKFNWYVDGV	EVHNAKTKPR	EEQYNSTYRV
WLNKEYKCK	VSNKALPAPI	EKTISKAKGQ	PREPQVYTLF
VKLTCLVKG	YPSDIAVEWE	SNGQFPENNYK	TTTPVLDSGD
DKSRWQQGNV	FSCSVMEAL	HNHYTQKSL	LSPGK
Post-translational modifications			
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro			
Intra-H (C23-C104)	22-96	147-203	263-323
Intra-L (C23-C104)	23'-94'	140'-200'	
Intra-H scFv-h-CH2-CH3	22"-98"	167"-235"	299"-359"
Inter-H-L (h 5-CL 126)	223-220'		
Inter-H-H (h 11, h 14)	229-265"	232-268"	
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación			
H CH2 N84.4:			
299, 335"			
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.			

vimirogantum
vimirogant

(7*S*)-*N*-{[5-(ethanesulfonyl)pyridin-2-yl]methyl}-7-(propan-2-yl)-6-*[[trans*-4-(trifluoromethyl)cyclohexyl]methyl]-6,7-dihydro-5*H*-pyrrolo[3,4-*b*]pyridine-3-carboxamide
retinoid-related orphan receptor-γt (RORγt) inverse agonist

vimirogant

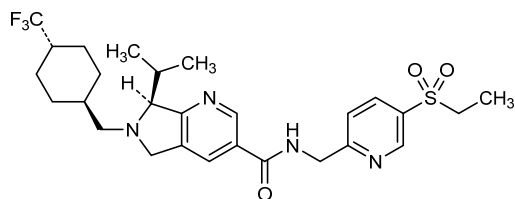
(7*S*)-*N*-{[5-(éthanesulfonyl)pyridin-2-yl]méthyl}-7-(propan-2-yl)-6-*[[trans*-4-(trifluorométhyl)cyclohexyl]méthyl]-6,7-dihydro-5*H*-pyrrolo[3,4-*b*]pyridine-3-carboxamide
agonist inverse des récepteurs γt orphelins liés aux rétinoïdes (RORγt)

vimirogant

(7*S*)-*N*-{[5-(etanosulfonil)piridin-2-il]metil}-7-(propan-2-il)-6-*[[trans*-4-(trifluorometil)ciclohexil]metil]-6,7-dihidro-5*H*-pirrolo[3,4-*b*]piridina-3-carboxamida
agonista inverso de los receptores γt huérfanos relacionados con los retinoides (RORγt)

C₂₇H₃₅F₃N₄O₃S

1802706-04-2



vipivotidum tetraxetanum
vipivotide tetraxetan

N-[(*N*⁶-{3-(naphthalen-2-yl)-*N*-[*trans*-4-({2-[4,7,10-tris(carboxymethyl)-1,4,7,10-tetraazacyclododecan-1-yl]acetamido}methyl)cyclohexane-1-carbonyl]-L-alanyl}-L-lysine-*N*²-yl)carbonyl]-L-glutamic acid
antineoplastic

vipivotide tétraxétan

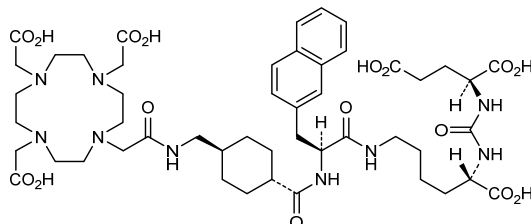
acide *N*-[(*N*⁶-{3-(naphtalén-2-yl)-*N*-[*trans*-4-({2-[4,7,10-tris(carboxyméthyl)-1,4,7,10-tétraazacyclododécan-1-yl]acétamido}méthyl)cyclohexane-1-carbonyl]-L-alanyl}-L-lysine-*N*²-yl)carbonyl]-L-glutamique
antineoplasique

vipivotida tetraxetān

ácido *N*-[(*N*⁶-{3-(naftalen-2-il)-*N*-[*trans*-4-({2-[4,7,10-tris(carboximetil)-1,4,7,10-tetraazaciclododecan-1-il]acetamido}metil)ciclohexano-1-carbonil]-L-alanil}-L-lisin-*N*²-il)carbonil]-L-glutámico
antineoplásico

C₄₉H₇₁N₉O₁₆

1702967-37-0



vofatamabum #
vofatamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FGFR3 (fibroblast growth factor receptor 3, CD333)], monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain (1-457) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-66*01 (85.7%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.20] (1-127) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (224) (128-225), hinge (226-240), CH2 (241-350), CH3 E12 (366), M14 (368) (351-455), CHS (456-457)) (128-457)], (230-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-5*01 (86.7%) - IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (236-236'':239-239'')-bisdisulfide
immunomodulator, antineoplastic

vofatamab immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FGFR3 (récepteur 3 du facteur de croissance des fibroblastes, CD333)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-457) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (85.7%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.20] (1-127) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (224) (128-225), charnière (226-240), CH2 (241-350), CH3 E12 (366), M14 (368) (351-455), CHS (456-457)) (128-457)], (230-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*01 (86.7%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (236-236'':239-239'')-bisdisulfure
immunomodulateur, antinéoplasique

vofatamab inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FGFR3 (receptor 3 del factor de crecimiento de los fibroblastos, CD333)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-457) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (85.7%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.20] (1-127) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (224) (128-225), bisagra (226-240), CH2 (241-350), CH3 E12 (366), M14 (368) (351-455), CHS (456-457)) (128-457)], (230-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*01 (86.7%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (236-236'':239-239'')-bisdisulfuro
inmunomodulador, antineoplásico

1312305-12-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPQGSRLRL SCAASGFTFT STGISWVRQA PGKLEWVGR 50
IYPTSGSTNY ADSVKGRFTI SADTSKNTAY LQMSLRAD TAVYYCARTY 100
GIYDLYVDYF EYVMDYWGQG TLVTSSAST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA 150
ALGCLVKDYF PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVTVTPS 200
SSLGPTQTYIC NVNHKPSNTK VDKVPEPKSC DKHTCTPCPC APELLGGPSV 250
FLFPPKPKDT LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKENWYVD GVEVHNAKTK 300
PREEQYNSTY RVVSVLTIVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTIKAK 350
GQPREPQVIT LPPSREEMTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN 400
YKTPFVLDL DGSFFLYSKL TVDKSRWQGG NVFSCSVHHE ALHNHYTQKS 450
LSLSPGK 457

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQDVD TSLAWYKQKP GKAPKLLIYS 50
ASFLYSGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ STGHPQTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 154-210 271-331 377-435
22"-96" 154"-210" 271"-331" 377"-435"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 230-214' 230"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 236-236" 239-239"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
307, 307"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

volagidemabum #
volagidemab

immunoglobulin G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* GCGR (glucagon receptor)],
Homo sapiens monoclonal antibody;
gamma2 heavy chain *Homo sapiens* (1-454) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (95.9%) - (IGHD) -IGHJ1*01(90.9%)) [8.8.21] (1-128) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (CH1 (129-226), hinge (227-238), CH2 (239-347), CH3 (348-452), CHS (453-454)) (129-454)], (142-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens*

	(1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-17*01 (96.8%) -IGKJ4*01 (100.0%)) [6.3.9] (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (230-230":231-231":234-234":237-237")-tetrakisdisulfide <i>immunomodulator, antidiabetic</i>
volagidémb	immunoglobuline G2-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> GCGR (récepteur du glucagon)], anticorps monoclonal <i>Homo sapiens</i> ; chaîne lourde gamma2 <i>Homo sapiens</i> (1-454) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-33*01 (95.9%) - (IGHD) - IGHJ1*01(90.9%)) [8.8.21] (1-128) - <i>Homo sapiens</i> IGHG2*01 (CH1 (129-226), charnière (227-238), CH2 (239-347), CH3 (348-452), CHS (453-454)) (129-454)], (142-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa <i>Homo sapiens</i> (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-17*01 (96.8%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (230-230":231-231":234-234":237-237")-tétrakisdisulfure <i>immunomodulateur, antidiabétique</i>
volagidemab	inmunoglobulina G2-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> GCGR (receptor del glucagón)], anticuerpo monoclonal <i>Homo sapiens</i> ; cadena pesada gamma2 <i>Homo sapiens</i> (1-454) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-33*01 (95.9%) - (IGHD) - IGHJ1*01(90.9%)) [8.8.21] (1-128) - <i>Homo sapiens</i> IGHG2*01 (CH1 (129-226), bisagra (227-238), CH2 (239-347), CH3 (348-452), CHS (453-454)) (129-454)], (142-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa <i>Homo sapiens</i> (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-17*01 (96.8%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (230-230":231-231":234-234":237-237")-tetrakisdisulfuro <i>immunomodulador, hipoglucemiante</i>
	1233956-13-2
	Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
	QQQLVESGGG VVQPGRLRL SCAASGFTFS SYGMHWVRQA PGKGLEWVAV 50 MWYDGSNKDY VDSVKGRTI SRDNRNTLY LQMNRLRAED TAVYYCAREK 100 DHYDILTGYN YYGLDVWQG GTTIVTVSSAS TKGPSVFPLA PCSRSTSEST 150 AALGCLVKDY FPEPTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVTVF 200 SSNFGTQTYT CNVDHKFSNT KVDKTVERKC CVECPCCAP PVAGPSVFLF 250 PPKPDTLMI SRTPEVTCV VDVSHEDPEV QFNWYVDGVE VHNAKTKPRE 300 EQFNSTFRV SVLTVVHQDW LNGKEYCKV SNKGLPAPIE KTISKTKGQP 350 REPQVYTLPP SREEMTKQV SLTCLVKGfy PSDIAVEWES NGQPENNYKT 400 TPPLDSDGS FFLYSLTVD KSRWQGNVF SCSVMHEALH NHYTKSLSL 450 SPGK 454
	Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
	DIQMTQSPSS LSASVGRVT ITCRASQGIR NDLGWYQQKP GKAPKRLIYA 50 ASSLSQGVPS RFGSGSGTE FTLTISSVQP EDFVYYCLQ HNSNPLTFGG 100 GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLNNFY PREAKVQWKV 150 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200 LSSPTKSFN RGEC 214
	Post-translational modifications
	Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
	Intra-H (C23-C104) 22-96 155-211 268-328 374-432 22"-96" 155"-211" 268"-328" 374"-432" Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194" 23"-88" 134"-194" Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 142-214" 142"-214" Inter-H-H (h 4, h 5, h 8, h 11) 230-230" 231-231" 234-234" 237-237"
	N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
	H CH2 N84.4:
	304, 304"
	Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

volrubigenum ralaparvovecum #

volrubigene ralaparvovec

recombinant non-replicating adeno-associated viral serotype 8 (AAV8) vector encoding the 1A1 isoform of the uridine-diphosphate (UDP) glucuronosyltransferase (UGT1A1) gene under the control of a chimeric thyroxine binding globulin promoter
gene therapy substance (Crigler-Najjar syndrome, a familial non-hemolytic jaundice)

volrubigène ralaparvovec

vecteur viral adéno-associé de sérotype 8 (AAV8) recombinant, non-répliquant, codant le gène de l'isoforme 1A1 de l'uridine-diphosphate (UDP) glucuronosyltransférase (UGT1A1) sous le contrôle du promoteur chimérique de la globuline liant la tyroxine
substance de thérapie génique (syndrome de Crigler-Najjar, une forme d'ictère non-hémolytique héréditaire)

volrubigèn ralaparvovec

un vector de virus adeno asociado serotipo 8(AAV8) recombinante, no replicativo, que codifica para la isoforma 1A1 del gen de la uridina difosfato glucuronosiltransferasa (UGT1A1) bajo el control de un promotor quimérico de la globulina fijadora de tiroxina
sustancia de terapia génica (síndrome de Crigler-Najjar, una forma de ictericia familiar no-hemolítica)

2092457-20-8

voluloridum

voluloride

3,5-diamino-N-[N-(4-{4-[2-(bis{3-[(2R)-2-amino-6-(carbamimidoylamino)hexanamido]propyl}amino)ethoxy]phenyl}butyl)carbamimidoyl]-6-chloropyrazine-2-carboxamide
conjunctival epithelial cell sodium channel (ENaC) blocker

voluloride

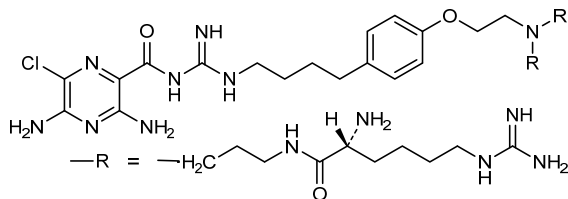
3,5-diamino-N-[N-(4-{4-[2-(bis{3-[(2R)-2-amino-6-(carbamimidoylamino)hexanamido]propyl}amino)éthoxy]phényl}butyl)carbamimidoyl]-6-chloropyrazine-2-carboxamide
antagoniste des canaux sodiques de cellules épithéliales (ENaC) conjonctivales

volulorida

3,5-diamino-N-[N-(4-{4-[2-(bis{3-[(2R)-2-amino-6-(carbamimidoylamino)hexanamido]propil}amino)etoxi]fenil}butil)carbamimidoyl]-6-cloropirazina-2-carboxamida
antagonista de los canales del sodio de células epiteliales (ENaC) conjuntivales

C₃₈H₆₇ClN₁₈O₄

1498299-91-4

**zalifrelimabum #**

zalifrelimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CTLA4 (cytotoxic T-lymphocyte-associated protein 4, CD152)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;

	gamma1 heavy chain <i>Homo sapiens</i> (1-448) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-21*01 (100%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%)) [8.8.11] (1-118) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03 (100%) (CH1 R120 (215) (119-216), hinge (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfide with kappa light chain <i>Homo sapiens</i> (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-20*01 (94.8%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (227-227'':230-230'')-bisdisulfide <i>antineoplastic</i>
zalifrélimab	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> CTLA4 (protéine 4 associée aux lymphocytes T cytotoxiques, CD152)], anticorps monoclonal <i>Homo sapiens</i>; chaîne lourde gamma1 <i>Homo sapiens</i> (1-448) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-21*01 (100%) -(IGHD) - IGHJ3*02 (100%)) [8.8.11] (1-118) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03 (100%) (CH1 R120 (215) (119-216), charnière (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa <i>Homo sapiens</i> (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-20*01 (94.8%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (227-227'':230-230'')-bisdisulfure <i>antineoplasique</i>
zalifrelimab	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> CTLA4 (proteína 4 asociada a los linfocitos T citotóxicos CD152)], anticuerpo monoclonal <i>Homo sapiens</i>; cadena pesada gamma1 <i>Homo sapiens</i> (1-448) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-21*01 (100%) -(IGHD) - IGHJ3*02 (100%)) [8.8.11] (1-118) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03 (100%) (CH1 R120 (215) (119-216), bisagra (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa <i>Homo sapiens</i> (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-20*01 (94.8%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (227-227'':230-230'')-bisdisulfuro <i>antineoplásico</i>
	2148321-69-9
	Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada <pre> EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGTFSS SYSMNWVRQA PGKGLEWVSS 50 ISSSSSIYY ADSVKGRFTI SRDANKNSLY LQMNSLRAED TAVYYCARVG 100 LMGPFDIWQG GTMVTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150 FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVTVTP SSSLGTQTYI 200 CNVNHKPSNT KVDKRVEPKS CDKTHTCPPC PAPELLGGPS VLFPPKPKPD 250 TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNMYV DGEVHNAKT KPREEQYNST 300 YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGPREPQVY 350 TLPPSREEMT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPPVL 400 SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK 448 </pre> Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera <pre> EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRASQSVS RYLGWYQKPK GPAPRLLIYG 50 ASTRATGIPD RFSGSGSGTD FTLTITRLEP EDFAVYYCQQ YGSSPWTFGQ 100 GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200 LSSPVTKSFN RGEK 214 </pre> Post-translational modifications Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426 22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426" Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134'-194' 23'''-88''' 134'''-194''' Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-214' 221"-214'" Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230" N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación H CH2 N84.4: 298, 298" Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

ziresovirum

ziresovir 4-(4-[[[(3-aminooxetan-3-yl)methyl]amino]-6-methylquinazolin-2-yl]-2,3,4,5-tetrahydro-1*H*-1λ⁶,4-benzothiazepine-1,1-dione
antiviral

zirésovir

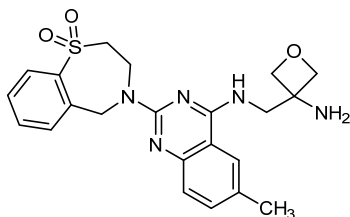
4-(4-[[[(3-aminooxétan-3-yl)méthyl]amino]-6-méthylquinazolin-2-yl]-2,3,4,5-tétrahydro-1*H*-1λ⁶,4-benzothiazépine-1,1-dione
antiviral

ziresovir

4-(4-[[[(3-aminooxetán-3-il)metil]amino]-6-metilquinazolin-2-il]-2,3,4,5-tetrahidro-1*H*-1λ⁶,4-benzotiazepina-1,1-diona
antiviral

C₂₂H₂₅N₅O₃S

1422500-60-4

**ziritaxestatum**

ziritaxestat 4²-ethyl-1⁴-fluoro-8³-hydroxy-3,4⁸-dimethyl-7-oxo-3-aza-4(3,6)-imidazo[1,2-*a*]pyridina-5(1,4)-piperazina-2(4,2)-[1,3]thiazola-8(1)-azetidina-1(1)-benzenaoctaphane-2⁵-carbonitrile
autotaxin inhibitor

ziritaxestat

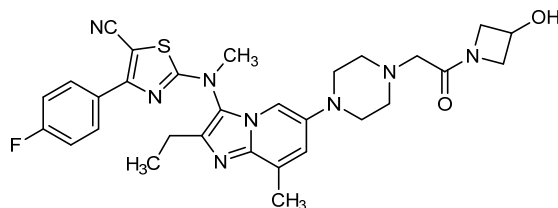
4²-éthyl-1⁴-fluoro-8³-hydroxy-3,4⁸-diméthyl-7-oxo-3-aza-4(3,6)-imidazo[1,2-*a*]pyridina-5(1,4)-pipérazina-2(4,2)-[1,3]thiazola-8(1)-azétidina-1(1)-benzénaoctaphane-2⁵-carbonitrile
inhibiteur de l'autotaxine

ziritaxestat

4²-etil-1⁴-fluoro-8³-hidroxi-3,4⁸-dimetil-7-oxo-3-aza-4(3,6)-imidazo[1,2-*a*]piridina-5(1,4)-piperazina-2(4,2)-[1,3]tiazola-8(1)-azetidina-1(1)-bencenaoctafano-2⁵-carbonitrilo
inhibitor de autotaxina

C₃₀H₃₃FN₈O₂S

1628260-79-6

**zotatifinum**

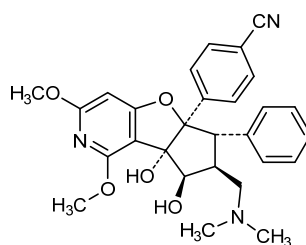
zotatifin 4-[(5*aR*,6*S*,7*S*,8*R*,8*aS*)-7-[(dimethylamino)methyl]-8,8a-dihydroxy-1,3-dimethoxy-6-phenyl-6,7,8,8a-tetrahydro-5*aH*-cyclopenta[4,5]furo[3,2-*c*]pyridin-5*a*-yl]benzonitrile
antineoplastic

zotatifine 4-((5a*R*,6*S*,7*S*,8*R*,8a*S*)-7-[(diméthylamino)méthyl]-8,8a-dihydroxy-1,3-diméthoxy-6-phényl-6,7,8,8a-tétrahydro-5a*H*-cyclopenta[4,5]furo[3,2-*c*]pyridin-5a-yl)benzonitrile
antineoplasique

zotatifina 4-((5a*R*,6*S*,7*S*,8*R*,8a*S*)-7-[(dimetilamino)metil]-8,8a-dihidroxi-1,3-dimetoxi-6-fenil-6,7,8,8a-tetrahidro-5a*H*-ciclopenta[4,5]furo[3,2-*c*]piridin-5a-il)benzonitrilo
antineoplásico

C₂₈H₂₉N₃O₅

2098191-53-6

**zuranolonum**

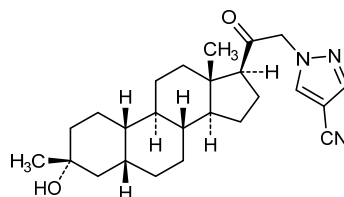
zuranolone 1-(3α-hydroxy-3β-methyl-20-oxo-19-nor-5β-pregnan-21-yl)-1*H*-pyrazole-4-carbonitrile
positive allosteric modulation of GABA-A receptors

zuranolone 1-(3α-hydroxy-3β-méthyl-20-oxo-19-nor-5β-prégnan-21-yl)-1*H*-pyrazole-4-carbonitrile
modulateur allostérique positif des récepteurs GABA-A

zuranolone 1-(3α-hidroxi-3β-metil-20-oxo-19-nor-5β-pregnan-21-il)-1*H*-pirazolo-4-carbonitrilo
modulador alostérico positivo de los receptores GABA-A

C₂₅H₃₅N₃O₂

1632051-40-1



Electronic structure available on Mednet: <http://mednet.who.int/>

Structure électronique disponible sur Mednet: <http://mednet.who.int/>

Estructura electrónica disponible en Mednet: <http://mednet.who.int/>

* <http://www.who.int/medicines/services/inn/publication/en/>

Names for Radicals and Groups

Some substances for which a proposed international nonproprietary name has been established may be used in the form of salts or esters. The radicals or groups involved may be of complex composition and it is then inconvenient to refer to them in a systematic chemical nomenclature. Consequently, shorter nonproprietary names for some radicals and groups have been devised or selected, and they are suggested for use with the proposed international nonproprietary names.

Dénominations applicables aux radicaux et groupes

Certaines substances pour lesquelles une dénomination commune internationale proposée a été établie sont parfois utilisées sous forme de sels ou d'esters. Les radicaux ou groupes correspondants sont alors quelques fois si complexes qu'il est malcommode de les désigner conformément à la nomenclature chimique systématique. Des dénominations communes abrégées ont donc été formées ou choisies pour certains d'entre eux et il est suggéré de les employer avec les dénominations communes internationales proposées.

Denominaciones para Radicales y Grupos

Ciertas sustancias para las cuales hay establecidas una denominación común internacional pueden usarse en forma de sales o de ésteres. Los radicales o grupos correspondientes pueden llegar a tener una composición tan compleja que resulte incómodo referirse a ellos mediante la nomenclatura química sistemática. Las siguientes denominaciones comunes abreviadas han sido ideadas o elegidas para algunos de estos radicales y grupos y se sugiere que se empleen con las denominaciones comunes internacionales propuestas

pamozirinum

pamozirine

(1^{11a}S,9¹¹S,9^{11a}S,16S,19S,27³RS)-9¹¹-hydroxy-1⁷,9⁷-dimethoxy-1²,9²,16-trimethyl-1⁵,9⁵,10,15,18,21,27²,27⁵-octaooxo-19-(propan-2-yl)-1⁵,1^{11a},9¹¹,9^{11a}-tetrahydro-1¹H,9¹H,9⁵H-2,8,11-trioxa-14,17,20-triaza-1(8),9(8,10)-bis(pyrrolo[2,1-c][1,4]benzodiazepina)-27(1)-pyrrolidina-13(1,4)-benzenaheptacosaphan-27³-yl

pamozirine

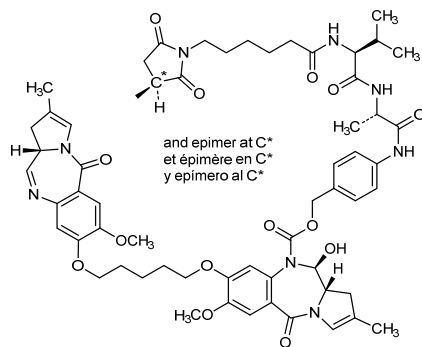
(1^{11a}S,9¹¹S,9^{11a}S,16S,19S,27³RS)-9¹¹-hydroxy-1⁷,9⁷-diméthoxy-1²,9²,16-triméthyl-1⁵,9⁵,10,15,18,21,27²,27⁵-octaooxo-19-(propan-2-yl)-1⁵,1^{11a},9¹¹,9^{11a}-tétrahydro-1¹H,9¹H,9⁵H-2,8,11-trioxa-14,17,20-triaza-1(8),9(8,10)-bis(pyrrolo[2,1-c][1,4]benzodiazépina)-27(1)-pyrrolidina-13(1,4)-benzénaheptacosaphan-27³-yle

pamozirina

(1^{11a}S,9¹¹S,9^{11a}S,16S,19S,27³RS)-9¹¹-hidroxi-1⁷,9⁷-dimetoxi-1²,9²,16-trimetil-1⁵,9⁵,10,15,18,21,27²,27⁵-octaooxo-19-(propan-2-il)-1⁵,1^{11a},9¹¹,9^{11a}-tetrahidro-1¹H,9¹H,9⁵H-2,8,11-trioxa-14,17,20-triaza-1(8),9(8,10)-bis(pirrolo[2,1-c][1,4]benzodiazepina)-27(1)-pirrolidina-13(1,4)-bencenaheptacosafan-27³-ilo

C₅₉H₇₁N₈O₁₄

1343476-98-1 (reagent)



sarotalocanum

sarotalocan

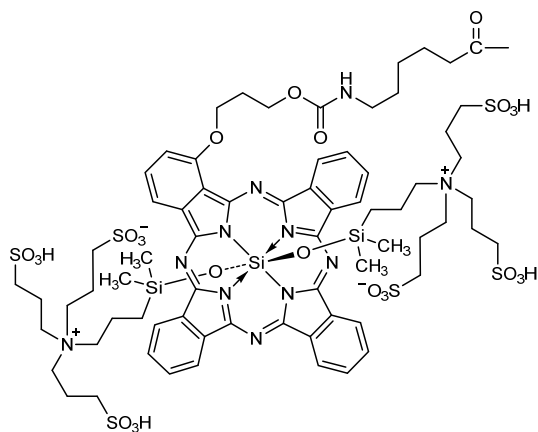
6-({[3-({(OC-6-1'5)-bis({3-[bis(3-sulfopropyl)(3-sulfonatopropyl)azaniumyl]propyl}dimethylsilanolato- $\kappa\text{O},\kappa\text{O}'$)[(phtalocyaninato(2-)- $\kappa^4\text{N}^{29},\text{N}^{30},\text{N}^{31},\text{N}^{32}$)-1-yl]silicon}oxy)propoxy]carbonyl]amino)hexanoyl

sarotalocan

6-({[3-({(OC-6-1'5)-bis({3-[bis(3-sulfopropyl)(3-sulfonatopropyl)azaniumyl]propyl}diméthylsilanolato- $\kappa\text{O},\kappa\text{O}'$)[(phtalocyaninato(2-)- $\kappa^4\text{N}^{29},\text{N}^{30},\text{N}^{31},\text{N}^{32}$)-1-yl]silicium}oxy)propoxy]carbonyl]amino)hexanoyle

sarotalocán

6-({[3-({(OC-6-1'5)-bis({3-[bis(3-sulfopropil)(3-sulfonatopropil)azaniumil]propil}dimetilsilanolato- $\kappa\text{O},\kappa\text{O}'$)[(ftalocianinato(2-)- $\kappa^4\text{N}^{29},\text{N}^{30},\text{N}^{31},\text{N}^{32}$)-1-il]silicio}oxi)propoxi]carbonil]amino)hexanoilo

 $\text{C}_{70}\text{H}_{96}\text{N}_{11}\text{O}_{24}\text{S}_6\text{Si}_3$


**AMENDMENTS TO PREVIOUS LISTS
MODIFICATIONS APPORTÉES AUX LISTES ANTÉRIEURES
MODIFICACIONES A LAS LISTAS ANTERIORES**

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 102
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 102
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 102
(WHO Drug Information, Vol. 23, No. 4, 2009)

p. 350 **vonicogum alfa #**
- 351 vonicog alfa

vonicog alfa

vonicog alfa

replace the description and structure (corrected amino acids (A618 and H709) in bold) by the following ones, delete the molecular formula
remplacer la description et structure (acides aminés corrigés (A618 et H709) en gras) par les suivantes, supprimer la formule moléculaire brute
sustitúyase la descripción y la estructura (ácidos aminos corregidos (A618 y H709) en graso) por las siguientes, suprimáse la fórmula molecular

[89-arginine]von Willebrand factor *Homo sapiens* (852Q>R variant),
produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa

[89-arginine]facteur de von Willebrand *Homo sapiens* (variant 852Q>R),
produit par des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa

[89-arginina]factor de von Willebrand *Homo sapiens* (variante 852Q>R),
producido por las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicoforma alfa

SLSCRPPMVK LVCPADNLRA EGLECTKTCQ NYDLECMSMG CVSGCLCPPG 50
MVRHENRCVA LERCPCFHQG KEYAPGETVK IGCNTCVCRD RKWNCTDHVC 100
DATCSTIGMA HYLTFDGLKY LFPGECQVVL VQDYCGSNPG TFRILVGNKG 150
CSHPSVKCKK RVTLVEGGE IELFDGEVNV KRPMKDETHF EVVESGRYII 200
LLLGKALSVV WDRHLSISVV LKQTYQEKVC GLCGNFDGIQ NNDLTSSNLQ 250
VEEDPVDGFG SWKVSQCQAD TRKVPLDSSP ATCHNNIMKQ TMDVSSCRIL 300
TSDVFDQDNK LVDPEPYLDV CIYDTCSCES IGDCACFCDT IAAYAHVCAQ 350
HGKVVWTWRTA TLCPOSCBER NIRENGYECE WRYNSCAPAC QVTCQHPEPL 400
ACPVQCVGEC HAHCPPGKIL DELLQTCVDP EDCPVCEVAG RRFASGKKVT 450
LNPSDPEHCQ ICHCDVNVLT CEACQEPGGL VVPPTDAPVS PTLTYVEDIS 500
EPPLHDFYCS RLLDLVFLLD GSSRLSEAEF EVLKAFVVDV MERLRISQKW 550
VRVAVVEYHD GSHAYIGLKD RKRPSSELRI ASQVKYAGSQ VASTSEVLKY 600
TLFQIFSKID RPEASRIALL LMASQEPQRM SRNFVRYVQG LKKKKVIVIP 650
VGIGPHANLK QIRLIEKQAP ENKAFVLSSV DELEQQORDEI VSYLCDLAPE 700
APPTLPEHEM AQVTVGPGLL GVSTLGPKNR SMVLDVAFVL EGSCKIGEAD 750
FNRSKEFEEF VIQRMDVGQD SIHVTVLQYS YMTVEYPPFS EAQSKGDILO 800
RVREIRYQGG NRTNTGLALR YLSDHSFLVS QGDREQAPNL VYMTGNPAS 850
DEIKRLPGDI QVVPIGVGN ANVQELERIG WPNAPILIQD FETLPREAPD 900
LVLQRCCSGE GLQIPTLSPA PDCSQPLDVI LLLDGSSSFP ASYFDEMKSF 950
AKAFISKANI GPRLTQVSVL QYGSITTIDV PWNVVEKAH LLSLVDVMQR 1000
EGGPSQIGDA LGFAVRYLTS EMHGARPAS KAVVILVTDV SVDSVDAAD 1050
AARSNRVTVF PIGIGDRYDA AQLRILAGPA GDSNVVKLQR IEDLPTMTL 1100
GNSFLHKLCS GFVRICMDED GNEKRPGDVW TLPDQCHTQT CQPDGQTLK 1150
SHRVNCDRGL RPSCPNSQSP VKVEETCGCR WTCPCVCTGS STRHIVTFDG 1200
QNFKLTGSCS YVLFQNKEDQ LEVILHNGAC SPGARQGCNK SIEVKHSALS 1250
VELHSDMEVT VNGRLVSVPY VGGNMEVNVY GAIMHEVRFN HLGHIFTFT 1300
QNNFQLQLS PKTFASKTYG LCGICDENG A NDFMLRDGTV TTDWKTTLVQE 1350
WTVQRPGQT QPILFEEQCLV PDSHQCQVLL LPLFAECHKV LAPATFYAIC 1400
QDSCHQEQQV CEVIASAYHL CRTNGVCQDW RTPDFCAMS PPSLVYNHCE 1450
HGCPRHCDGN VSSCGDHPSE GCFCPDPKVM LEGSCVPPEA CTQCIGEDGV 1500
QHGFLEAWVP DHQPCQICTC LSGRKVNCTT QPCPTAKAPT CGLCEVARLR 1550
QNADQCCPEY ECVCDPVSCD LPPVPHCERG LQPTLTNPGE CRPNFTCACR 1600
KEECKRVSP SCPPHRLPTL RKTQCCDEYE CACNCVNSTV SCPLGYLAST 1650
ATNDCGCTTT TCLPDKVCVH RSTIYPVGQF WEEGCDVCTC TDMEDAVMGL 1700
RVAQCSQKPC EDCSRSGFTY VLHEGECGR CLPSACEVVT GSPRGDSQSS 1750
WKSQSGQWAS PENPCLINEC VRVKEEVFIQ QRNVSCPQLE VPVCPSGFQL 1800
SCKTSACCPS CRCEMEACM LNSTVIGPGK TVMIDVCTTC RCMVQVGVIS 1850
GFKLECRKTT CNPCPLGYKE ENNTGECGR CLPTACTIQL RGGQIMTLKR 1900
DETLQDCDT HFCKVNERGE YFWEKRVTCG PPFDHKKCLA EGGKIMKIP 1950
TCCDTCEEPE CNDITARLQY VKVGSCKSEV EVDIHYCQSK CASKAMYSID 2000
INDVQDQCS CSPTTEPMQ VALHCTNGSV VVHEVLNAME CKCSPRCKSK 2050

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 110**Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 110****Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 110****(WHO Drug Information, Vol. 27, No. 4, 2013)**

- p. 402 **alpelisibum**
 alpelisib *replace the chemical name by the following one*
 alpelisib *remplacer le nom chimique par le suivant*
 alpelisib *sustitúyase el nombre químico por el siguiente*
- (2S)-N¹-(4-methyl-5-[2-(1,1,1-trifluoro-2-methylpropan-2-yl)pyridin-4-yl]-1,3-thiazol-2-yl)pyrrolidine-1,2-dicarboxamide
- (2S)-N¹-(4-méthyl-5-[2-(1,1,1-trifluoro-2-méthylpropan-2-yl)pyridin-4-yl]-1,3-thiazol-2-yl)pyrrolidine-1,2-dicarboxamide
- (2S)-N¹-(4-metil-5-[2-(1,1,1-trifluoro-2-metilpropan-2-il)piridin-4-il]-1,3-tiazol-2-il)pirrolidina-1,2-dicarboxamida

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 116**Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 116****Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 116****(WHO Drug Information, Vol. 30, No. 4, 2016)**

- p. 631 **eltanexorum**
 eltanexor *replace the molecular formula by the following one*
 eltanexor *remplacer la formule moléculaire brute par la suivante*
 eltanexor *sustitúyase la fórmula molecular por la siguiente*
 C₁₇H₁₀F₆N₆O
- p. 632 **estetrolum**
 estetrol *replace the molecular formula by the following one*
 éstétrol *remplacer la formule moléculaire brute par la suivante*
 estetrol *sustitúyase la fórmula molecular por la siguiente*
 C₁₈H₂₄O₄

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 117**Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 117****Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 117****(WHO Drug Information, Vol. 31, No. 2, 2017)**

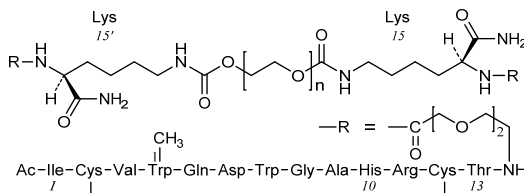
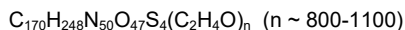
- p. 265 **crenigacestatum**
 crenigacestat *replace the chemical name by the following one*
 crénigacestat *remplacer le nom chimique par le suivant*
 crenigacestat *sustitúyase el nombre químico por el siguiente*
- 4,4,4-trifluoro-N-[(2S)-1-[[[(7S)-5-(2-hydroxyethyl)-6-oxo-6,7-dihydro-5H-pyrido[3,2-a][3]benzazepin-7-yl]amino]-1-oxopropan-2-yl]butanamide
- 4,4,4-trifluoro-N-[(2S)-1-[[[(7S)-5-(2-hydroxyéthyl)-6-oxo-6,7-dihydro-5H-pyrido[3,2-a][3]benzazépin-7-yl]amino]-1-oxopropan-2-yl]butanamide
- 4,4,4-trifluoro-N-[(2S)-1-[[[(7S)-5-(2-hidroxietyl)-6-oxo-6,7-dihidro-5H-pirido[3,2-a][3]benzazepin-7-il]amino]-1-oxopropan-2-il]butanamida

p. 323	<i>delete/supprimer/suprimase</i> renapersenum renapersen renapersen renapersén	<i>insert/insérer/insertese</i> renadirsenum renadirsén renadirsén renadirsén
p. 351	vecabrutinibum vecabrutinib vecabrutinib vecabrutinib	<i>replace the molecular formula by the following one</i> <i>remplacer la formule moléculaire brute par la suivante</i> <i>sustitúyase la fórmula molecular por la siguiente</i> $C_{22}H_{24}ClF_4N_7O_2$

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 118
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 118
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 118
(WHO Drug Information, Vol. 31, No. 4, 2017)

p. 636	<i>delete/supprimer/suprimase</i> abeprazanum abeprazan abéprazan abeprazán	<i>insert/insérer/insertese</i> fexuprazanum fexuprazan fexuprazan fexuprazán
p. 640 - 641	apraglutidum apraglutide apraglutide apraglutida	<i>replace the description and structure by the following ones</i> <i>remplacer les description et structure par les suivantes</i> <i>sustitúyase la descripción y la estructura por las siguientes</i> [Ala²>Gly, Met¹⁰>Ahx, Asn¹¹>D-Phe, Asn¹⁶>Leu]human glucagon-like peptide 2 (1-33)-peptide 33-amide: L-histidylglycyl-L-α-aspartylglycyl-L-seryl-L-phenylalanyl-L-seryl-L-α-aspartyl-L-α-glutamyl-L-2-aminohexanoyl-D-phenylalanyl-L-threonyl-L-isoleucyl-L-leucyl-L-α-aspartyl-L-leucyl-L-leucyl-L-alanyl-L-alanyl-L-arginyl-L-α-aspartyl-L-phenylalanyl-L-isoleucyl-L-asparaginyl-L-tryptophyl-L-leucyl-L-isoleucyl-L-glutamyl-L-threonyl-L-lysyl-L-isoleucyl-L-threonyl-L-isoasparagine [Ala²>Gly, Met¹⁰>Ahx, Asn¹¹>D-Phe, Asn¹⁶>Leu]peptide semblable au glucagon 2 humain (1-33)-peptide 33-amide: L-histidylglycyl-L-α-aspartylglycyl-L-séryl-L-phénylalanyl-L-séryl-L-α-aspartyl-L-α-glutamyl-L-2-aminohexanoïl-D-phénylalanyl-L-thréonyl-L-isoleucyl-L-leucyl-L-α-aspartyl-L-leucyl-L-leucyl-L-alanyl-L-alanyl-L-arginyl-L-α-aspartyl-L-phénylalanyl-L-isoleucyl-L-asparaginyl-L-tryptophyl-L-leucyl-L-isoleucyl-L-glutamyl-L-thréonyl-L-lysyl-L-isoleucyl-L-thréonyl-L-isoasparagine [Ala²>Gly, Met¹⁰>Ahx, Asn¹¹>D-Phe, Asn¹⁶>Leu]péptido similar al glucagón 2 humano (1-33)-péptido 33-amida: L-histidilglicil-L-α-aspartilglicil-L-seril-L-fenilalanil-L-seril-L-α-aspartil-L-α-glutamil-L-2-aminohexanoil-D-fenilalanil-L-treonil-L-isoleucil-L-leucil-L-α-aspartil-L-leucil-L-leucil-L-alanil-L-alanil-L-arginil-L-α-aspartil-L-fenilalanil-L-isoleucil-L-asparaginil-L-triptofil-L-leucil-L-isoleucil-L-glutaminil-L-treonil-L-lisil-L-isoleucil-L-treonil-L-isoasparagina H-His-Gly-Asp-Gly-Ser-Phe-Ser-Asp-Glu-Ahx-D-Phe-Thr-Ile-Leu-Asp-Leu-Leu-Ala-Ala-Arg-Asp-Phe-Ile-Asn-Trp-Leu-Ile-Gln-Thr-Lys-Ile-Thr-Asp-NH₂

- p. 682 **lanraplenibum**
lanraplenib
lanraplénib
lanraplenib
- replace the molecular formula by the following one*
remplacer la formule moléculaire brute par la suivante
sustitúyase la fórmula molecular por la siguiente
- $C_{23}H_{25}N_9O$
- p. 691 *delete/supprimer/suprimáse* *insert/insérer/insertese*
nedisertibum **peposertibum**
nedisertib peposertib
nédisertib péposertib
nedisertib peposertib
- p. 692 *delete/supprimer/suprimáse* *insert/insérer/insertese*
nemorexantum **daridorexantum**
nemorexant daridorexant
némorexant daridorexant
nemorexant daridorexant
- p. 698 **otaplimastatum**
otaplimastat
otaplimastat
otaplimastat
- replace the CAS Registry Number by the following one*
remplacer le numéro de registre du CAS par la suivante
sustitúyase el número de registro del CAS por el siguiente
- 1176758-04-5
- p. 700 **pegcetacoplanum**
pegcetacoplan
pegcétacoplan
pegcetacoplán
- replace the molecular formula and the structure by the following ones*
remplacer la formule moléculaire et la structure par les suivantes
sustitúyase la fórmula molecular y la estructura por las siguientes



Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 119

Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 119

Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 119

(WHO Drug Information, Vol. 32, No. 2, 2018)

- p. 290 *delete/supprimer/suprimáse* *insert/insérer/insertese*
avasopasemum manganesum **avasopasemum manganum**
avasopasem manganese *replace the CAS registry number by the following one*
avasopasem manganèse *remplacer le numéro de registre du CAS par le suivant*
avasopasem manganeso *sustitúyase el número de registro del CAS por el siguiente*

435327-40-5

- p. 371 **tirzepatidum**
tirzepatida *sustitúyase el nombre químico por el siguiente*
- L-tirosil-2-metilalanil-L-α-glutamilglicil-L-treonil-L-fenilalanil-L-treonil-L-seril-L-α-aspartil-L-tirosil-L-seril-L-isoleucil-2-metilalanil-L-leucil-L-α-aspartil-L-lisil-L-isoleucil-L-alanil-L-glutaminil-N⁶-[(22S)-22,42-dicarboxi-10,19,24-trioxo-3,6,12,15-tetraoxa-9,18,23-triazadotetracontan-1-oi]-L-lisil-L-alanil-L-fenilalanil-L-valil-L-glutaminil-L-triptofil-L-leucil-L-isoleucil-L-alanilglicilglicil-L-prolil-L-seril-L-serilglicil-L-alanil-L-prolil-L-prolil-L-prolil-L-serinamida
- p. 372 **tofersenum**
tofersen *replace the structure by the following one*
tofersen *remplacer la structure par la suivante*
tofersén *sustitúyase la estructura por la siguiente*
- (3'-5')-mC=A-G=G-A=dT=dA=dC=dA=dT=dT=dT=dC=dT=dA=mC-A=G-mC=mU
- Legend :* $\underline{X}$: 2'-O-(2-methoxyethyl) — $\begin{array}{c} \text{O} \\ \text{OH} \\ \text{P} \end{array}$ = $\begin{array}{c} \text{O} \\ \text{SH} \\ \text{P} \end{array}$
dX : 2'-deoxy
mX : 5-methyl
- p. 380 **efinopegdutidum #**
- 381 éfinopegdutide *remplacer la description par la suivante sans la partie erronée entre parenthèses*
« (GLP-1) »
efinopegdutida *sustitúyase la descripción por la siguiente sin la parte errónea entre paréntesis*
«(GLP-1)»
- analogue de l'oxytomoduline, conjugué par un linker polyéthylène glycol (PEG) de 10 kDa (n ~ 225) à un dimère de fragment Fc d'immunoglobuline G4 (IgG4) humaine:
N^{1.1}-{3-[α-(3-{3-[(3RS)-3-({16,20-anhydro-[Ser²>Aib,Ser¹⁶>Glu,Arg¹⁷>Lys,Gln²⁰>Lys,Asp²¹>Glu,Lys³⁰>Cys]-oxytomodulin (1-30)-peptide 30-amide)-S^{3.30}-yl)-2,5-dioxopyrrolidin-1-yl]propanamido}propyl)poly(oxyéthylène)-ω-yloxy]propyl}[peptide de 221 acides aminés de la région constante C-terminale de la chaîne lourde G4 d'immunoglobuline, dimère disulfure], non-glycosylé, dimère du fragment d'immunoglobuline produit par *Escherichia coli*
- análogo de la oxintomodulina, conjugado por un enlace polietileno glicol (PEG) de 10 kDa (n ~ 225) a un dímero del fragmento Fc de la inmunoglobulina G4 (IgG4) humana:
N^{1.1}-{3-[α-(3-{3-[(3RS)-3-({16,20-anhidro-[Ser²>Aib,Ser¹⁶>Glu,Arg¹⁷>Lys,Gln²⁰>Lys,Asp²¹>Glu,Lys³⁰>Cys]-oxintomodulin (1-30)-péptido 30-amida)-S^{3.30}-il)-2,5-dioxopirrolidin-1-il]propanamido}propil)poli(oxietileno)-ω-iloil]propil}[péptido de 221 aminoácidos de la región constante C-terminal de la cadena pesada G4 de la inmunoglobulina, dímero disulfuro], no glicosilado, dímero del fragmento de la inmunoglobulina producido por *Escherichia coli*
- p. 382 **revosimelinum**
revosimeline *replace the mode of action by the following one*
révosiméline *remplacer le mécanisme d'action par le suivant*
revosimelina *sustitúyase el mecanismo de acción por los siguientes*
- muscarinic receptor agonist*
agoniste des récepteurs muscariniques
agonista de los receptores muscarínicos

ANNEX 1

**PROCEDURE FOR THE SELECTION OF RECOMMENDED
INTERNATIONAL NONPROPRIETARY NAMES FOR PHARMACEUTICAL
SUBSTANCES¹**

The following procedure shall be followed by the World Health Organization (hereinafter also referred to as "WHO") in the selection of recommended international nonproprietary names for pharmaceutical substances, in accordance with resolution WHA3.11 of the World Health Assembly, and in the substitution of such names.

Article 1 - Proposals for recommended international nonproprietary names and proposals for substitution of such names shall be submitted to WHO on the form provided therefore. The consideration of such proposals shall be subject to the payment of an administrative fee designed only to cover the corresponding costs of the Secretariat of WHO ("the Secretariat"). The amount of this fee shall be determined by the Secretariat and may, from time to time, be adjusted.

Article 2 - Such proposals shall be submitted by the Secretariat to the members of the Expert Advisory Panel on the International Pharmacopoeia and Pharmaceutical Preparations designated for this purpose, such designated members hereinafter referred to as "the INN Expert Group", for consideration in accordance with the "General principles for guidance in devising International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances", annexed to this procedure². The name used by the person discovering or first developing and marketing a pharmaceutical substance shall be accepted, unless there are compelling reasons to the contrary.

Article 3 - Subsequent to the examination provided for in article 2, the Secretariat shall give notice that a proposed international nonproprietary name is being considered.

a) Such notice shall be given by publication in *WHO Drug Information*³ and by letter to Member States and to national and regional pharmacopoeia commissions or other bodies designated by Member States.

i) Notice shall also be sent to the person who submitted the proposal ("the original applicant") and other persons known to be concerned with a name under consideration.

b) Such notice shall:

i) set forth the name under consideration;

ii) identify the person who submitted the proposal for naming the substance, if so requested by such person;

iii) identify the substance for which a name is being considered;

iv) set forth the time within which comments and objections will be received and the person and place to whom they should be directed;

v) state the authority under which WHO is acting and refer to these rules of procedure.

¹ See Annex 1 in WHO Technical Report Series, No. 581, 1975. The original text was adopted by the Executive Board in resolution EB15.R7 and amended in resolutions EB43.R9 and EB115.R4.

² See Annex 2.

³ Before 1987, lists of international nonproprietary names were published in the *Chronicle of the World Health Organization*.

c) In forwarding the notice, the Secretariat shall request that Member States take such steps as are necessary to prevent the acquisition of proprietary rights in the proposed name during the period it is under consideration by WHO.

Article 4 - Comments on the proposed name may be forwarded by any person to WHO within four months of the date of publication, under article 3, of the name in *WHO Drug Information*.

Article 5 - A formal objection to a proposed name may be filed by any interested person within four months of the date of publication, under article 3, of the name in *WHO Drug Information*.

Such objection shall:

- i) identify the person objecting;
- ii) state his or her interest in the name;
- iii) set forth the reasons for his or her objection to the name proposed.

Article 6 - Where there is a formal objection under article 5, WHO may either reconsider the proposed name or use its good offices to attempt to obtain withdrawal of the objection. Without prejudice to the consideration by WHO of a substitute name or names, a name shall not be selected by WHO as a recommended international nonproprietary name while there exists a formal objection thereto filed under article 5 which has not been withdrawn.

Article 7 - Where no objection has been filed under article 5, or all objections previously filed have been withdrawn, the Secretariat shall give notice in accordance with subsection (a) of article 3 that the name has been selected by WHO as a recommended international nonproprietary name.

Article 8 - In forwarding a recommended international nonproprietary name to Member States under article 7, the Secretariat shall:

- a) request that it be recognized as the nonproprietary name for the substance; and
- b) request that Member States take such steps as are necessary to prevent the acquisition of proprietary rights in the name and to prohibit registration of the name as a trademark or trade name.

Article 9

a) In the extraordinary circumstance that a previously recommended international nonproprietary name gives rise to errors in medication, prescription or distribution, or a demonstrable risk thereof, because of similarity with another name in pharmaceutical and/or prescription practices, and it appears that such errors or potential errors cannot readily be resolved through other interventions than a possible substitution of a previously recommended international nonproprietary name, or in the event that a previously recommended international nonproprietary name differs substantially from the nonproprietary name approved in a significant number of Member States, or in other such extraordinary circumstances that justify a substitution of a recommended international nonproprietary name, proposals to that effect may be filed by any interested person. Such proposals shall be submitted on the form provided therefore and shall:

- i) identify the person making the proposal;
- ii) state his or her interest in the proposed substitution; and
- iii) set forth the reasons for the proposal; and
- iv) describe, and provide documentary evidence regarding the other interventions undertaken in an effort to resolve the situation, and the reasons why these other interventions were inadequate.

Such proposals may include a proposal for a new substitute international nonproprietary name, devised in accordance with the General principles, which takes into account the pharmaceutical substance for which the new substitute international nonproprietary name is being proposed.

The Secretariat shall forward a copy of the proposal, for consideration in accordance with the procedure described in subsection (b) below, to the INN Expert Group and the original applicant or its successor (if different from the person bringing the proposal for substitution and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations).

In addition, the Secretariat shall request comments on the proposal from:

- i) Member States and national and regional pharmacopoeia commissions or other bodies designated by Member States (by including a notice to that effect in the letter referred to in article 3(a), and
- ii) any other persons known to be concerned by the proposed substitution.

The request for comments shall:

- i) state the recommended international nonproprietary name that is being proposed for substitution (and the proposed substitute name, if provided);
- ii) identify the person who submitted the proposal for substitution (if so requested by such person);
- iii) identify the substance to which the proposed substitution relates and reasons put forward for substitution;
- iv) set forth the time within which comments will be received and the person and place to whom they should be directed; and
- v) state the authority under which WHO is acting and refer to these rules of procedure.

Comments on the proposed substitution may be forwarded by any person to WHO within four months of the date of the request for comments.

b) After the time period for comments referred to above has elapsed, the Secretariat shall forward any comments received to the INN Expert Group, the original applicant or its successor and the person bringing the proposal for substitution. If, after consideration of the proposal for substitution and the comments received, the INN Expert Group, the person bringing the proposal for substitution and the original applicant or its successor all agree that there is a need to substitute the previously recommended international nonproprietary name, the Secretariat shall submit the proposal for substitution to the INN Expert Group for further processing.

Notwithstanding the foregoing, the original applicant or its successor shall not be entitled to withhold agreement to a proposal for substitution in the event the original applicant or its successor has no demonstrable continuing interest in the recommended international nonproprietary name proposed for substitution.

In the event that a proposal for substitution shall be submitted to the INN Expert Group for further processing, the INN Expert Group will select a new international nonproprietary name in accordance with the General principles referred to in article 2 and the procedure set forth in articles 3 to 8 inclusive. The notices to be given by the Secretariat under article 3 and article 7, respectively, including to the original applicant or its successor (if not the same as the person proposing the substitution, and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations), shall in such event indicate that the new name is a substitute for a previously recommended international nonproprietary name and that Member States may wish to make transitional arrangements in order to accommodate existing products that use the previously recommended international nonproprietary name on their label in accordance with national legislation.

If, after consideration of the proposal for substitution and the comments received in accordance with the procedure described above, the INN Expert Group, the original applicant or its successor and the person bringing the proposal for substitution do not agree that there are compelling reasons for substitution of a previously recommended international nonproprietary name, this name shall be retained (provided always that the original applicant or its successor shall not be entitled to withhold agreement to a proposal for substitution in the event that the original applicant or its successor has no demonstrable continuing interest in the recommended international nonproprietary name proposed to be substituted). In such an event, the Secretariat shall advise the person having proposed the substitution, as well as the original applicant or its successor (if not the same as the person proposing the substitution, and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations), Member States, national and regional pharmacopoeia commissions, other bodies designated by Member States, and any other persons known to be concerned by the proposed substitution that, despite a proposal for substitution, it has been decided to retain the previously recommended international nonproprietary name (with a description of the reason(s) why the proposal for substitution was not considered sufficiently compelling).

ANNEX 2

GENERAL PRINCIPLES FOR GUIDANCE IN DEVISING INTERNATIONAL NONPROPRIETARY NAMES FOR PHARMACEUTICAL SUBSTANCES¹

1. International Nonproprietary Names (INN) should be distinctive in sound and spelling. They should not be inconveniently long and should not be liable to confusion with names in common use.
2. The INN for a substance belonging to a group of pharmacologically related substances should, where appropriate, show this relationship. Names that are likely to convey to a patient an anatomical, physiological, pathological or therapeutic suggestion should be avoided.

These primary principles are to be implemented by using the following secondary principles:

3. In devising the INN of the first substance in a new pharmacological group, consideration should be given to the possibility of devising suitable INN for related substances, belonging to the new group.
4. In devising INN for acids, one-word names are preferred; their salts should be named without modifying the acid name, e.g. "oxacillin" and "oxacillin sodium", "ibufenac" and "ibufenac sodium".
5. INN for substances which are used as salts should in general apply to the active base or the active acid. Names for different salts or esters of the same active substance should differ only in respect of the name of the inactive acid or the inactive base.
For quaternary ammonium substances, the cation and anion should be named appropriately as separate components of a quaternary substance and not in the amine-salt style.
6. The use of an isolated letter or number should be avoided; hyphenated construction is also undesirable.
7. To facilitate the translation and pronunciation of INN, "f" should be used instead of "ph", "t" instead of "th", "e" instead of "ae" or "oe", and "i" instead of "y"; the use of the letters "h" and "k" should be avoided.

¹ In its Twentieth report (WHO Technical Report Series, No. 581, 1975), the WHO Expert committee on Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances reviewed the general principles for devising, and the procedures for selecting, INN in the light of developments in pharmaceutical compounds in recent years. The most significant change has been the extension to the naming of synthetic chemical substances of the practice previously used for substances originating in or derived from natural products. This practice involves the use of a characteristic "stem" indicative of a common property of the members of a group. The reason for, and the implications of, the change are fully discussed.

The guiding principles were updated during the 13th Consultation on nonproprietary names for pharmaceutical substances (Geneva, 27-29 April 1983) (PHARM S/NOM 928 13 May 1983, revised 18 August 1983).

8. Provided that the names suggested are in accordance with these principles, names proposed by the person discovering or first developing and marketing a pharmaceutical preparation, or names already officially in use in any country, should receive preferential consideration.

9. Group relationship in INN (see General principle 2) should if possible be shown by using a common stem. The following list contains examples of stems for groups of substances, particularly for new groups. There are many other stems in active use.¹ Where a stem is shown without any hyphens it may be used anywhere in the name.

Latin	English	
-acum	-ac	anti-inflammatory agents, ibufenac derivatives
-adolum	-adol }	analgesics
-adol-	-adol- }	
-astum	-ast	antiasthmatic, antiallergic substances not acting primarily as antihistaminics
-astinum	-astine	antihistaminics
-azepamum	-azepam	diazepam derivatives
bol	bol	steroids, anabolic
-cain-	-cain-	class I antiarrhythmics, procainamide and lidocaine derivatives
-cainum	-caine	local anaesthetics
cef-	cef-	antibiotics, cephalosporanic acid derivatives
-cillinum	-cillin	antibiotics, 6-aminopenicillanic acid derivatives
-conazolum	-conazole	systemic antifungal agents, miconazole derivatives
cort	cort	corticosteroids, except prednisolone derivatives
-coxibum	-coxib	selective cyclo-oxygenase inhibitors
-entanum	-entan	endothelin receptor antagonists
gab	gab	gabamimetic agents
gado-	gado-	diagnostic agents, gadolinium derivatives
-gatranum	-gatran	thrombin inhibitors, antithrombotic agents
gest	gest	steroids, progestogens
gli	gli	antihyperglycaemics
io-	io-	iodine-containing contrast media
-metacinum	-metacin	anti-inflammatory, indometacin derivatives
-mycinum	-mycin	antibiotics, produced by <i>Streptomyces</i> strains
-nidazolum	-nidazole	antiprotozoal substances, metronidazole derivatives
-ololum	-olol	β-adrenoreceptor antagonists
-oxacinum	-oxacin	antibacterial agents, nalidixic acid derivatives
-platinum	-platin	antineoplastic agents, platinum derivatives
-poetinum	-poetin	erythropoietin type blood factors
-pril(at)um	-pril(at)	angiotensin-converting enzyme inhibitors
-profenum	-profen	anti-inflammatory substances, ibuprofen derivatives
prost	prost	prostaglandins
-relinum	-relin	pituitary hormone release-stimulating peptides
-sartanum	-sartan	angiotensin II receptor antagonists, antihypertensive (non-peptidic)
-vaptanum	-vaptan	vasopressin receptor antagonists
vin-	vin- }	vinca-type alkaloids
-vin-	-vin- }	

¹ A more extensive listing of stems is contained in the working document WHO/EMP/RHT/TSN/2013.1 which is regularly updated and can be requested from the INN Programme, WHO, Geneva.

ANNEXE 1

**PROCEDURE A SUIVRE EN VUE DU CHOIX DE DENOMINATIONS
COMMUNES INTERNATIONALES RECOMMANDEES POUR LES
SUBSTANCES PHARMACEUTIQUES¹**

L'Organisation mondiale de la Santé (également désignée ci-après sous l'appellation « OMS ») observe la procédure exposée ci-dessous pour l'attribution de dénominations communes internationales recommandées pour les substances pharmaceutiques, conformément à la résolution WHA3.11 de l'Assemblée mondiale de la Santé, et pour le remplacement de telles dénominations.

Article 1 - Les propositions de dénominations communes internationales recommandées et les propositions de remplacement de telles dénominations sont soumises à l'OMS sur la formule prévue à cet effet. L'examen de telles propositions est soumis au paiement d'une taxe administrative destinée uniquement à couvrir les coûts correspondants assumés par le Secrétariat de l'OMS (« le Secrétariat »). Le montant de cette taxe est déterminé par le Secrétariat et peut être modifié de temps à autre.

Article 2 - Ces propositions sont soumises par le Secrétariat aux experts désignés à cette fin parmi les personnalités inscrites au Tableau d'experts de la Pharmacopée internationale et des Préparations pharmaceutiques, ci-après désignés sous l'appellation « le Groupe d'experts des DCI » ; elles sont examinées par les experts conformément aux « Directives générales pour la formation de dénominations communes internationales pour les substances pharmaceutiques » reproduites ci-après². La dénomination acceptée est la dénomination employée par la personne qui découvre ou qui, la première, fabrique et lance sur le marché une substance pharmaceutique, à moins que des raisons majeures n'obligent à s'écarter de cette règle.

Article 3 - Après l'examen prévu à l'article 2, le Secrétariat notifie qu'un projet de dénomination commune internationale est à l'étude.

a) Cette notification est faite par une insertion dans *WHO Drug Information*³ et par l'envoi d'une lettre aux Etats Membres et aux commissions nationales et régionales de pharmacopée ou autres organismes désignés par les Etats Membres.

i) Notification est également faite à la personne qui a soumis la proposition (« le demandeur initial ») et à d'autres personnes portant à la dénomination mise à l'étude un intérêt notoire.

b) Cette notification contient les indications suivantes :

i) dénomination mise à l'étude;

ii) nom de l'auteur de la proposition tendant à attribuer une dénomination à la substance, si cette personne le demande ;

iii) définition de la substance dont la dénomination est mise à l'étude ;

iv) délai pendant lequel seront reçues les observations et les objections à l'égard de cette dénomination ; nom et adresse de la personne habilitée à recevoir ces observations et objections ;

v) mention des pouvoirs en vertu desquels agit l'OMS et référence au présent règlement.

¹ Voir annexe 1 dans OMS, Série de Rapports techniques, N° 581, 1975. Le texte original a été adopté par le Conseil exécutif dans sa résolution EB15.R7 et amendé dans ses résolutions EB43.R9 et EB115.R4.

² Voir annexe 2.

³ Avant 1987, les listes de dénominations communes internationales étaient publiées dans la *Chronique de l'Organisation mondiale de la Santé*.

c) En envoyant cette notification, le Secrétariat demande aux Etats Membres de prendre les mesures nécessaires pour prévenir l'acquisition de droits de propriété sur la dénomination proposée pendant la période au cours de laquelle cette dénomination est mise à l'étude par l'OMS.

Article 4 - Des observations sur la dénomination proposée peuvent être adressées à l'OMS par toute personne, dans les quatre mois qui suivent la date de publication de la dénomination dans *WHO Drug Information* (voir l'article 3).

Article 5 - Toute personne intéressée peut formuler une objection formelle contre la dénomination proposée dans les quatre mois qui suivent la date de publication de la dénomination dans *WHO Drug Information* (voir l'article 3).

Cette objection doit s'accompagner des indications suivantes :

- i) nom de l'auteur de l'objection ;
- ii) intérêt qu'il ou elle porte à la dénomination en cause ;
- iii) raisons motivant l'objection contre la dénomination proposée.

Article 6 - Lorsqu'une objection formelle est formulée en vertu de l'article 5, l'OMS peut soit soumettre la dénomination proposée à un nouvel examen, soit intervenir pour tenter d'obtenir le retrait de l'objection. Sans préjudice de l'examen par l'OMS d'une ou de plusieurs appellations de remplacement, l'OMS n'adopte pas d'appellation comme dénomination commune internationale recommandée tant qu'une objection formelle présentée conformément à l'article 5 n'est pas levée.

Article 7 - Lorsqu'il n'est formulé aucune objection en vertu de l'article 5, ou que toutes les objections présentées ont été levées, le Secrétariat fait une notification conformément aux dispositions du paragraphe a) de l'article 3, en indiquant que la dénomination a été choisie par l'OMS en tant que dénomination commune internationale recommandée.

Article 8 - En communiquant aux Etats Membres, conformément à l'article 7, une dénomination commune internationale recommandée, le Secrétariat :

- a) demande que cette dénomination soit reconnue comme dénomination commune de la substance considérée ; et
- b) demande aux Etats Membres de prendre les mesures nécessaires pour prévenir l'acquisition de droits de propriété sur cette dénomination et interdire le dépôt de cette dénomination comme marque ou appellation commerciale.

Article 9 -

a) Dans le cas exceptionnel où une dénomination commune internationale déjà recommandée donne lieu à des erreurs de médication, de prescription ou de distribution ou en comporte un risque démontrable, en raison d'une similitude avec une autre appellation dans la pratique pharmaceutique et/ou de prescription, et où il apparaît que ces erreurs ou ces risques d'erreur ne peuvent être facilement évités par d'autres interventions que le remplacement éventuel d'une dénomination commune internationale déjà recommandée, ou dans le cas où une dénomination commune internationale déjà recommandée diffère sensiblement de la dénomination commune approuvée dans un nombre important d'Etats Membres, ou dans d'autres circonstances exceptionnelles qui justifient le remplacement d'une dénomination commune internationale recommandée, toute personne intéressée peut formuler une proposition dans ce sens. Cette proposition est présentée sur la formule prévue à cet effet et doit s'accompagner des indications suivantes :

- i) nom de l'auteur de la proposition ;
- ii) intérêt qu'il ou elle porte au remplacement proposé ;
- iii) raisons motivant la proposition ; et

- iv) description, faits à l'appui, des autres interventions entreprises pour tenter de régler le problème et exposé des raisons pour lesquelles ces interventions ont échoué.

Les propositions peuvent comprendre une proposition de nouvelle dénomination commune internationale de remplacement, établie conformément aux Directives générales, compte tenu de la substance pharmaceutique pour laquelle la nouvelle dénomination commune internationale de remplacement est proposée.

Le Secrétariat transmet une copie de la proposition pour examen, conformément à la procédure exposée plus loin au paragraphe b), au Groupe d'experts des DCI et au demandeur initial ou à son successeur (s'il s'agit d'une personne différente de celle qui a formulé la proposition de remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles).

De plus, le Secrétariat demande aux entités et personnes ci-après de formuler des observations sur la proposition :

- i) les Etats Membres et les commissions nationales et régionales de pharmacopée ou d'autres organismes désignés par les Etats Membres (en insérant une note à cet effet dans la lettre mentionnée à l'article 3.a), et

- ii) toutes autres personnes portant au remplacement proposé un intérêt notoire.

La demande d'observations contient les indications suivantes :

- i) dénomination commune internationale recommandée pour laquelle un remplacement est proposé (et la dénomination de remplacement proposée, si elle est fournie) ;

- ii) nom de l'auteur de la proposition de remplacement (si cette personne le demande) ;

- iii) définition de la substance faisant l'objet du remplacement proposé et raisons avancées pour le remplacement ;

- iv) délai pendant lequel seront reçus les commentaires et nom et adresse de la personne habilitée à recevoir ces commentaires ; et

- v) mention des pouvoirs en vertu desquels agit l'OMS et référence au présent règlement.

Des observations sur la proposition de remplacement peuvent être communiquées par toute personne à l'OMS dans les quatre mois qui suivent la date de la demande d'observations.

b) Une fois échu le délai prévu ci-dessus pour la communication d'observations, le Secrétariat transmet les observations reçues au Groupe d'experts des DCI, au demandeur initial ou à son successeur et à l'auteur de la proposition de remplacement. Si, après avoir examiné la proposition de remplacement et les observations reçues, le Groupe d'experts des DCI, l'auteur de la proposition de remplacement et le demandeur initial ou son successeur reconnaissent tous qu'il est nécessaire de remplacer la dénomination commune internationale déjà recommandée, le Secrétariat soumet la proposition de remplacement au Groupe d'experts des DCI pour qu'il y donne suite.

Nonobstant ce qui précède, le demandeur initial ou son successeur n'est pas habilité à refuser son accord à une proposition de remplacement au cas où il ne peut être démontré qu'il porte un intérêt durable à la dénomination commune internationale recommandée qu'il est proposé de remplacer.

Dans le cas où une proposition de remplacement est soumise au Groupe d'experts des DCI pour qu'il y donne suite, le Groupe choisit une nouvelle dénomination commune internationale conformément aux Directives générales mentionnées à l'article 2 et selon la procédure décrite dans les articles 3 à 8 inclus. La notification faite par le Secrétariat en vertu de l'article 3 et de l'article 7, respectivement, y compris au demandeur initial ou à son successeur (si ce n'est pas la même personne que celle qui a

proposé le remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles), doit dans un tel cas indiquer que la nouvelle dénomination remplace une dénomination commune internationale déjà recommandée et que les Etats Membres peuvent souhaiter prendre des mesures transitoires pour les produits existants qui utilisent la dénomination commune internationale déjà recommandée sur leur étiquette conformément à la législation nationale.

Si, après examen de la proposition de remplacement et des observations communiquées conformément à la procédure exposée plus haut, le Groupe d'experts des DCI, le demandeur initial ou son successeur et l'auteur de la proposition de remplacement ne s'accordent pas sur le fait qu'il y a des raisons impératives de remplacer une dénomination commune internationale déjà recommandée, cette dernière est conservée (étant entendu toujours que le demandeur initial ou son successeur n'est pas habilité à refuser son accord à une proposition de remplacement au cas où il ne peut être démontré qu'il porte un intérêt durable à la dénomination commune internationale recommandée qu'il est proposé de remplacer). Dans un tel cas, le Secrétariat informe l'auteur de la proposition de remplacement, ainsi que le demandeur initial ou son successeur (s'il s'agit d'une personne différente de celle qui a formulé la proposition de remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles), les Etats Membres, les commissions nationales et régionales de pharmacopée, les autres organismes désignés par les Etats Membres et toutes autres personnes portant un intérêt notoire au remplacement proposé que, malgré une proposition de remplacement, il a été décidé de conserver la dénomination commune internationale déjà recommandée (avec une brève description de la ou des raisons pour lesquelles la proposition de remplacement n'a pas été jugée suffisamment impérative).

ANNEXE 2

DIRECTIVES GENERALES POUR LA FORMATION DE DENOMINATIONS COMMUNES INTERNATIONALES APPLICABLES AUX SUBSTANCES PHARMACEUTIQUES¹

1. Les dénominations communes internationales (DCI) devront se distinguer les unes des autres par leur consonance et leur orthographe. Elles ne devront pas être d'une longueur excessive, ni prêter à confusion avec des appellations déjà couramment employées.

2. La DCI de chaque substance devra, si possible, indiquer sa parenté pharmacologique. Les dénominations susceptibles d'évoquer pour les malades des considérations anatomiques, physiologiques, pathologiques ou thérapeutiques devront être évitées dans la mesure du possible.

Outre ces deux principes fondamentaux, on respectera les principes secondaires suivants :

3. Lorsqu'on formera la DCI de la première substance d'un nouveau groupe pharmacologique, on tiendra compte de la possibilité de former ultérieurement d'autres DCI appropriées pour les substances apparentées du même groupe.

4. Pour former des DCI des acides, on utilisera de préférence un seul mot. Leurs sels devront être désignés par un terme qui ne modifie pas le nom de l'acide d'origine : par exemple «oxacilline» et «oxacilline sodique», «ibufénac» et «ibufénac sodique».

5. Les DCI pour les substances utilisées sous forme de sels devront en général s'appliquer à la base active (ou à l'acide actif). Les dénominations pour différents sels ou esters d'une même substance active ne différeront que par le nom de l'acide inactif (ou de la base inactive).

¹ Dans son vingtième rapport (OMS, Série de Rapports techniques, N° 581, 1975), le Comité OMS d'experts des Dénominations communes pour les Substances pharmaceutiques a examiné les directives générales pour la formation des dénominations communes internationales et la procédure à suivre en vue de leur choix, compte tenu de l'évolution du secteur pharmaceutique au cours des dernières années. La modification la plus importante a été l'extension aux substances de synthèse de la pratique normalement suivie pour désigner les substances tirées ou dérivées de produits naturels. Cette pratique consiste à employer des syllabes communes ou groupes de syllabes communes (segments-clés) qui sont caractéristiques et indiquent une propriété commune aux membres du groupe des substances pour lequel ces segments-clés ont été retenus. Les raisons et les conséquences de cette modification ont fait l'objet de discussions approfondies.

Les directives ont été mises à jour lors de la treizième consultation sur les dénominations communes pour les substances pharmaceutiques (Genève, 27-29 avril 1983) (PHARM S/NOM 928, 13 mai 1983, révision en date du 18 août 1983).

En ce qui concerne les substances à base d'ammonium quaternaire, la dénomination s'appliquera de façon appropriée au cation et à l'anion en tant qu'éléments distincts d'une substance quaternaire. On évitera de choisir une désignation évoquant un sel aminé.

6. On évitera d'ajouter une lettre ou un chiffre isolé ; en outre, on renoncera de préférence au trait d'union.

7. Pour simplifier la traduction et la prononciation des DCI, la lettre « f » sera utilisée à la place de « ph », « t » à la place de « th », « e » à la place de « ae » ou « oe », et « i » à la place de « y » ; l'usage des lettres « h » et « k » sera aussi évité.

8. On retiendra de préférence, pour autant qu'elles respectent les principes énoncés ici, les dénominations proposées par les personnes qui ont découvert ou qui, les premières, ont fabriqué et lancé sur le marché les préparations pharmaceutiques considérées, ou les dénominations déjà officiellement adoptées par un pays.

9. La parenté entre substances d'un même groupe (voir Directive générale 2) sera si possible indiquée dans les DCI par l'emploi de segments-clés communs. La liste ci-après contient des exemples de segments-clés pour des groupes de substances, surtout pour des groupes récents. Il y a beaucoup d'autres segments-clés en utilisation active.¹ Les segments-clés indiqués sans trait d'union pourront être insérés n'importe où dans une dénomination.

Latin	Français	
-acum	-ac	substances anti-inflammatoires du groupe de l'ibufénac analgésiques
-adolum	-adol	
-adol-	-adol-	
-astum	-ast	
-astinum	-astine	antiasthmatiques, antiallergiques n'agissant pas principalement en tant qu'antihistaminiques
-azepamum	-azépam	antihistaminiques
bol	bol	substances du groupe du diazépam
-cain-	-cain-	stéroïdes anabolisants
-cainum	-caine	antiarythmiques de classe I, dérivés du procaïnamide et de la lidocaïne
cef-	céf-	anesthésiques locaux
-cillinum	-cilline	antibiotiques, dérivés de l'acide céphalosporanique
-conazolom	-conazole	antibiotiques, dérivés de l'acide 6-aminopénicillanique
cort	cort	agents antifongiques systémiques du groupe du miconazole
-coxibum	-coxib	corticostéroïdes, autres que les dérivés de la prednisolone
-entanum	-entan	inhibiteurs sélectifs de la cyclo-oxygénase
gab	gab	antagonistes du récepteur de l'endothéline
-gado-	-gado-	gabamimétiques
-gastrum	-gastran	agents diagnostiques, dérivés du gadolinium
gest	gest	antithrombines, antithrombotiques
gli	gli	stéroïdes progestogènes
io-	io-	antihyperglycémiant
-metacinum	-métacine	produits de contraste iodés
-mycinum	-mycine	substances anti-inflammatoires du groupe de l'indométacine
-nidazolom	-nidazole	antibiotiques produits par des souches de <i>Streptomyces</i>
-ololum	-olol	substances antiprotozoaires du groupe du métronidazole
-oxacinum	-oxacine	antagonistes des récepteurs β-adrénergiques
-platinum	-platine	substances antibactériennes du groupe de l'acide nalidixique
-poetinum	-poétine	antinéoplasiques, dérivés du platine
-pril(at)um	-pril(ate)	facteurs sanguins de type érythropoïétine
-profenum	-profène	inhibiteurs de l'enzyme de conversion de l'angiotensine
prost	prost	substances anti-inflammatoires du groupe de l'ibuprofène
		prostaglandines

¹ Une liste plus complète de segments-clés est contenue dans le document de travail WHO/EMP/RHT/TSN/2013.1 qui est régulièrement mis à jour et qui peut être demandé auprès du programme des DCI, OMS, Genève.

-relinum	-réline	peptides stimulant la libération d'hormones hypophysaires
-sartanum	-sartan	antagonistes d'un récepteur de l'angiotensine II,
		antihypertenseurs (non peptidiques)
-vaptanum	-vaptan	antagonistes du récepteur de la vasopressine
vin-	vin- }	alcaloïdes du type vinca
-vin-	-vin- }	

ANEXO 1

PROCEDIMIENTO DE SELECCIÓN DE DENOMINACIONES COMUNES INTERNACIONALES
RECOMENDADAS PARA SUSTANCIAS FARMACÉUTICAS¹

La Organización Mundial de la Salud (OMS) seguirá el procedimiento que se expone a continuación tanto para seleccionar denominaciones comunes internacionales recomendadas para las sustancias farmacéuticas, de conformidad con lo dispuesto en la resolución WHA3.11, como para sustituir esas denominaciones.

Artículo 1 - Las propuestas de denominaciones comunes internacionales recomendadas y las propuestas de sustitución de esas denominaciones se presentarán a la OMS en los formularios que se proporcionen a estos efectos. El estudio de estas propuestas estará sujeto al pago de una tasa destinada a sufragar los costos de administración que ello suponga para la Secretaría de la OMS («la Secretaría»). La Secretaría establecerá la cuantía de esa tasa y podrá ajustarla periódicamente.

Artículo 2 - Estas propuestas serán sometidas por la Secretaría a los miembros del Cuadro de Expertos en Farmacopea Internacional y Preparaciones Farmacéuticas encargados de su estudio, en adelante designados como «el Grupo de Expertos en DCI», para que las examinen de conformidad con los «Principios generales de orientación para formar denominaciones comunes internacionales para sustancias farmacéuticas», anexos a este procedimiento.² A menos que haya poderosas razones en contra, la denominación aceptada será la empleada por la persona que haya descubierto o fabricado y comercializado por primera vez esa sustancia farmacéutica.

Artículo 3 - Tras el examen al que se refiere el artículo 2, la Secretaría notificará que está en estudio un proyecto de denominación internacional.

a) Esa notificación se hará mediante una publicación en *Información Farmacéutica OMS*³ y el envío de una carta a los Estados Miembros y a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas u otros organismos designados por los Estados Miembros.

i) La notificación será enviada también a la persona que haya presentado la propuesta («el solicitante inicial») y a otras personas que tengan un interés especial en una denominación objeto de estudio.

b) En esa notificación se incluirán los siguientes datos:

i) la denominación sometida a estudio;

ii) la identidad de la persona que ha presentado la propuesta de denominación de la sustancia, si lo pide esa persona;

iii) la identidad de la sustancia cuya denominación está en estudio;

¹ Véase el anexo 1 en OMS, Serie de Informes Técnicos, N° 581, 1975. El texto vigente fue adoptado por el Consejo Ejecutivo en su resolución EB15.R7 y modificado en las resoluciones EB43.R9 y EB115.R4..

² Véase el anexo 2.

³ Hasta 1987 las listas de DCI se publicaban en la *Crónica de la Organización Mundial de la Salud*.

iv) el plazo fijado para recibir observaciones y objeciones, así como el nombre y la dirección de la persona a quien deban dirigirse; y

v) los poderes conferidos para el caso a la OMS y una referencia al presente procedimiento.

c) Al enviar esa notificación, la Secretaría solicitará de los Estados Miembros la adopción de todas las medidas necesarias para impedir la adquisición de derechos de patente sobre la denominación propuesta, durante el periodo en que la OMS la tenga en estudio.

Artículo 4 - Toda persona puede formular a la OMS observaciones sobre la denominación propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a su publicación en *Información Farmacéutica OMS*, conforme a lo dispuesto en el artículo 3.

Artículo 5 - Toda persona interesada puede presentar una objeción formal a una denominación propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a su publicación en *Información Farmacéutica OMS*, conforme a lo dispuesto en el artículo 3.

Esa objeción deberá acompañarse de los siguientes datos:

i) la identidad de la persona que formula la objeción;

ii) las causas que motivan su interés por la denominación; y

iii) las causas que motivan su objeción a la denominación propuesta.

Artículo 6 - Cuando se haya presentado una objeción formal en la forma prevista en el artículo 5, la OMS podrá reconsiderar el nombre propuesto o utilizar sus buenos oficios para intentar lograr que se retire la objeción. La OMS no seleccionará como denominación común internacional una denominación a la que se haya hecho una objeción formal, presentada según lo previsto en el artículo 5, que no haya sido retirada, todo ello sin perjuicio de que la Organización examine otra denominación o denominaciones sustitutivas.

Artículo 7 - Cuando no se haya formulado ninguna objeción en la forma prevista en el artículo 5, o cuando todas las objeciones presentadas hayan sido retiradas, la Secretaría notificará, conforme a lo dispuesto en el párrafo a) del artículo 3, que la denominación ha sido seleccionada por la OMS como denominación común internacional recomendada.

Artículo 8 - Al comunicar a los Estados Miembros una denominación común internacional, conforme a lo previsto en el artículo 7, la Secretaría:

a) solicitará que esta denominación sea reconocida como denominación común para la sustancia de que se trate; y

b) solicitará a los Estados Miembros que adopten todas las medidas necesarias para impedir la adquisición de derechos de patente sobre la denominación, y prohíban que sea registrada como marca de fábrica o como nombre comercial.

Artículo 9

a) En el caso excepcional de que, debido a su semejanza con otra denominación utilizada en las prácticas farmacéuticas y/o de prescripción, una denominación común internacional recomendada anteriormente ocasione errores de medicación, prescripción o distribución, o suponga un riesgo manifiesto de que esto ocurra, y parezca que tales errores o potenciales errores no sean fácilmente subsanables con otras medidas que no sean la posible sustitución de esa denominación común internacional recomendada anteriormente; en el caso de que una denominación común internacional recomendada anteriormente difiera considerablemente de la denominación común aprobada en un número importante de Estados Miembros, o en otras circunstancias excepcionales que justifiquen el cambio de una denominación común internacional recomendada, cualquier persona interesada puede presentar propuestas en este sentido. Esas propuestas se presentarán en los formularios que se proporcionen a estos efectos e incluirán los siguientes datos:

- i) la identidad de la persona que presenta la propuesta;
- ii) las causas que motivan su interés en la sustitución propuesta;
- iii) las causas que motivan la propuesta; y
- iv) una descripción, acompañada de pruebas documentales, de las otras medidas que se hayan adoptado con el fin de resolver la situación y de los motivos por los cuales dichas medidas no han sido suficientes.

Entre esas propuestas podrá figurar una relativa a una nueva denominación común internacional sustitutiva, formulada con arreglo a los Principios generales y que tenga en cuenta la sustancia farmacéutica para la que se proponga la nueva denominación común internacional sustitutiva.

La Secretaría enviará al Grupo de Expertos en DCI y al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que sea una persona diferente de la que ha presentado la propuesta de sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales) una copia de la propuesta, para que sea examinada de conformidad con el procedimiento descrito en el párrafo *b) infra*. Además, la Secretaría solicitará observaciones sobre la propuesta:

- i) a los Estados Miembros y a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas u otros organismos designados por los Estados Miembros (ello se hará incluyendo una notificación a tal efecto en la carta a la que se refiere el párrafo *a)* del artículo 3), y
- ii) a cualquier persona que tenga un interés especial en la sustitución propuesta.

Al solicitar que se formulen estas observaciones se facilitarán los siguientes datos:

- i) la denominación común internacional recomendada que se propone sustituir (y la denominación sustitutiva propuesta, si se ha facilitado);
- ii) la identidad de la persona que ha presentado la propuesta de sustitución (si lo pide esa persona);
- iii) la identidad de la sustancia a la que se refiere la sustitución propuesta y las razones para presentar la propuesta de sustitución;
- iv) el plazo fijado para recibir observaciones, así como el nombre y la dirección de la persona a quien deban dirigirse; y
- v) los poderes conferidos para el caso a la OMS y una referencia al presente procedimiento.

Toda persona puede formular a la OMS observaciones sobre la sustitución propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a la fecha en que se realizó la solicitud de observaciones.

b) Una vez agotado el mencionado plazo para la formulación de observaciones, la Secretaría enviará todos los comentarios recibidos al Grupo de Expertos en DCI, al solicitante inicial o a su sucesor, y a la persona que haya presentado la propuesta de sustitución. Si después de examinar la propuesta de sustitución y las observaciones recibidas, el Grupo de Expertos en DCI, la persona que haya presentado la propuesta de sustitución y el solicitante inicial, o su sucesor, están de acuerdo en la necesidad de sustituir la denominación común internacional recomendada anteriormente, la Secretaría remitirá la propuesta de sustitución al Grupo de Expertos en DCI para que la tramite.

No obstante lo anterior, el solicitante inicial o su sucesor no tendrán derecho a impedir el acuerdo sobre una propuesta de sustitución en el caso de que hayan dejado de tener un interés demostrable en la denominación común internacional cuya sustitución se propone.

En caso de que la propuesta de sustitución sea presentada al Grupo de Expertos en DCI para que la tramite, este grupo seleccionará una nueva denominación común internacional de conformidad con los Principios generales a los que se refiere el artículo 2 y al procedimiento establecido en los artículos 3 a 8 inclusive. En ese caso, en las notificaciones que la Secretaría ha de enviar con arreglo a los artículos 3 y 7, respectivamente, incluida la notificación al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que no sea la misma persona que propuso la sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales), se indicará que la nueva denominación sustituye a una denominación común internacional recomendada anteriormente y que los Estados Miembros podrán, si lo estiman oportuno, adoptar disposiciones transitorias aplicables a los productos existentes en cuya etiqueta se utilice, con arreglo a la legislación nacional, la denominación común internacional recomendada anteriormente que se haya sustituido.

En caso de que, después de haber estudiado la propuesta de sustitución y los comentarios recibidos de conformidad con el procedimiento descrito anteriormente, el Grupo de Expertos en DCI, el solicitante inicial o su sucesor y la persona que haya presentado la propuesta de sustitución no lleguen a un acuerdo sobre la existencia de razones poderosas para sustituir una denominación común internacional recomendada anteriormente, esta denominación se mantendrá (siempre en el entendimiento de que el solicitante inicial o su sucesor no tendrán derecho a impedir el acuerdo sobre una propuesta de sustitución en el caso de que hayan dejado de tener un interés demostrable en la denominación común internacional cuya sustitución se propone). En ese caso, la Secretaría comunicará a la persona que haya propuesto la sustitución, así como al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que no sea la misma persona que propuso la sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales), a los Estados Miembros, a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas o a otros organismos designados por los Estados Miembros y a cualquier otra persona que tenga interés en la sustitución propuesta, que, pese a la presentación de una propuesta de sustitución, se ha decidido mantener la denominación común internacional recomendada anteriormente (con una descripción de la o las razones por las que se ha considerado que la propuesta de sustitución no estaba respaldada por razones suficientemente poderosas).

ANEXO 2

PRINCIPIOS GENERALES DE ORIENTACIÓN PARA FORMAR DENOMINACIONES COMUNES INTERNACIONALES PARA SUSTANCIAS FARMACÉUTICAS¹

1. Las denominaciones comunes internacionales (DCI) deberán diferenciarse tanto fonética como ortográficamente. No deberán ser incómodamente largas, ni dar lugar a confusión con denominaciones de uso común.

2. La DCI de una sustancia que pertenezca a un grupo de sustancias farmacológicamente emparentadas deberá mostrar apropiadamente este parentesco. Deberán evitarse las denominaciones que puedan tener connotaciones anatómicas, fisiológicas, patológicas o terapéuticas para el paciente.

Estos principios primarios se pondrán en práctica utilizando los siguientes principios secundarios:

3. Al idear la DCI de la primera sustancia de un nuevo grupo farmacológico, deberá tenerse en cuenta la posibilidad de poder formar DCI convenientes para las sustancias emparentadas que se agreguen al nuevo grupo.

4. Al idear DCI para ácidos, se preferirán las de una sola palabra; sus sales deberán denominarse sin modificar el nombre del ácido: p. ej. «oxacilina» y «oxacilina sódica», «ibufenaco» y «ibufenaco sódico».

¹ En su 20º informe (OMS, Serie de Informes Técnicos, Nº 581, 1975), el Comité de Expertos de la OMS en Denominaciones Comunes para las Sustancias Farmacéuticas revisó los Principios generales para formar denominaciones comunes internacionales (DCI), y su procedimiento de selección, a la luz de las novedades registradas en los últimos años en materia de compuestos farmacéuticos. El cambio más importante había consistido en hacer extensivo a la denominación de sustancias químicas sintéticas el método utilizado hasta entonces para las sustancias originadas en productos naturales o derivadas de éstos. Dicho método conlleva la utilización de una «partícula» característica que indica una propiedad común a los miembros de un grupo. En el citado informe se examinan en detalle las razones y consecuencias de este cambio.

Los Principios generales de orientación se actualizaron durante la 13ª consulta sobre denominaciones comunes para sustancias farmacéuticas (Ginebra, 27 a 29 de abril de 1983) (PHARM S/NOM 928, 13 de mayo de 1983, revisado el 18 de agosto de 1983).

5. Las DCI para las sustancias que se usan en forma de sal deberán en general aplicarse a la base activa o al ácido activo. Las denominaciones para diferentes sales o ésteres de la misma sustancia activa solamente deberán diferir en el nombre del ácido o de la base inactivos.

En los compuestos de amonio cuaternario, el catión y el anión deberán denominarse adecuadamente por separado, como componentes independientes de una sustancia cuaternaria y no como sales de una amina.

6. Deberá evitarse el empleo de letras o números aislados; también es indeseable el empleo de guiones.

7. Para facilitar la traducción y la pronunciación, se emplearán de preferencia las letras «f» en lugar de «ph», «t» en lugar de «th», «e» en lugar de «ae» u «oe», e «i» en lugar de «y»; se deberá evitar el empleo de las letras «h» y «k».

8. Siempre que las denominaciones propuestas estén de acuerdo con estos principios, recibirán una consideración preferente las denominaciones propuestas por la persona que haya descubierto las sustancias, o que fabrique y comercialice por primera vez una sustancia farmacéutica, así como las denominaciones ya adoptadas oficialmente en cualquier país.

9. El parentesco entre sustancias del mismo grupo se pondrá de manifiesto en las DCI (véase el Principio 2) utilizando una partícula común. En la lista que figura a continuación se indican ejemplos de partículas para grupos de sustancias, en particular para grupos nuevos. Existen muchas otras partículas que se usan habitualmente.¹ Cuando una partícula aparece sin guión alguno, puede utilizarse en cualquier lugar de la palabra.

Latín Español

-acum	-aco	antiinflamatorios derivados del ibufenaco
-adolum	-adol)	analgésicos
-adol-	-adol-)	
-astum	-ast	antiasmáticos, sustancias antialérgicas cuya acción principal no es la antihistamínica
-astinum	-astina	antihistamínicos
-azepamum	-azepam	derivados del diazepam
bol	bol	esteroides anabolizantes
-cain-	-caina-	antiarrítmicos de clase I, derivados de procainamida y lidocaína
-cainum	-caina-	anestésicos locales
cef-	cef-	antibióticos, derivados del ácido cefalosporánico
-cillinum	-cilina	antibióticos derivados del ácido 6-aminopenicilánico
-conazolum	-conazol	antifúngicos sistémicos derivados del miconazol
cort	cort	corticosteroides, excepto derivados de prednisolona
-coxibum	-coxib	inhibidores selectivos de ciclooxigenasa
-entanum	-entán	antagonistas del receptor de endotelina
gab	gab	gabamiméticos
gado-	gado-	agentes para diagnóstico derivados de gadolinio
-gartranum	-gatrán	inhibidores de la trombina antitrombóticos
gest	gest	esteroides progestágenos
gli	gli	hipoglucemiantes, antihiper glucémicos
io-	io-	medios de contraste iodados
-metacinum	-metacina	antiinflamatorios derivados de indometacina
-mycinum	-micina	antibióticos producidos por cepas de <i>Streptomyces</i>
-nidazolum	-nidazol	antiprotozoarios derivados de metronidazol
-ololum	-olol	antagonistas de receptores β -adrenérgicos
-oxacinum	-oxacino	antibacterianos derivados del ácido nalidíxico
-platinum	-platino	antineoplásicos derivados del platino

¹ En el documento de trabajo WHO/EMP/RHT/TSN/2013.1, que se actualiza periódicamente y puede solicitarse al Programa sobre Denominaciones Comunes Internacionales, OMS, Ginebra, figura una lista más amplia de partículas.

<i>-poetinum</i>	<i>-poetina</i>	factores sanguíneos similares a la eritropoyetina
<i>-pril(at)um</i>	<i>-pril(at)</i>	inhibidores de la enzima convertora de la angiotensina
<i>-profenum</i>	<i>-profeno</i>	antiinflamatorios derivados del ibuprofeno
<i>prost</i>	<i>prost</i>	prostaglandinas
<i>-relinum</i>	<i>-relina</i>	péptidos estimulantes de la liberación de hormonas hipofisarias
<i>-sartanum</i>	<i>-sartán</i>	antihipertensivos (no peptídicos) antagonistas del receptor de angiotensina II
<i>-vaptanum</i>	<i>-vaptán</i>	antagonistas del receptor de vasopresina
<i>vin-</i>	<i>vin-</i>)	alcaloides de la vinca
<i>-vin-</i>	<i>-vin-</i>)	
<i>vin-</i>	<i>-vin-</i>)	