

International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances (INN)

Notice is hereby given that, in accordance with article 3 of the Procedure for the Selection of Recommended International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances, the names given in the list on the following pages are under consideration by the World Health Organization as Proposed International Nonproprietary Names. The inclusion of a name in the lists of Proposed International Nonproprietary Names does not imply any recommendation of the use of the substance in medicine or pharmacy.

Lists of Proposed (1–117) and Recommended (1–78) International Nonproprietary Names can be found in *Cumulative List No. 17, 2017* (available in CD-ROM only). The statements indicating action and use are based largely on information supplied by the manufacturer. **This information is merely meant to provide an indication of the potential use of new substances at the time they are accorded Proposed International Nonproprietary Names.** WHO is not in a position either to uphold these statements or to comment on the efficacy of the action claimed. Because of their provisional nature, these descriptors will neither be revised nor included in the Cumulative Lists of INNs.

Dénominations communes internationales des Substances pharmaceutiques (DCI)

Il est notifié que, conformément aux dispositions de l'article 3 de la Procédure à suivre en vue du choix de Dénominations communes internationales recommandées pour les Substances pharmaceutiques les dénominations ci-dessous sont mises à l'étude par l'Organisation mondiale de la Santé en tant que dénominations communes internationales proposées. L'inclusion d'une dénomination dans les listes de DCI proposées n'implique aucune recommandation en vue de l'utilisation de la substance correspondante en médecine ou en pharmacie.

On trouvera d'autres listes de Dénominations communes internationales proposées (1–117) et recommandées (1–78) dans la *Liste récapitulative No. 17, 2017* (disponible sur CD-ROM seulement). Les mentions indiquant les propriétés et les indications des substances sont fondées sur les renseignements communiqués par le fabricant. **Elles ne visent qu'à donner une idée de l'utilisation potentielle des nouvelles substances au moment où elles sont l'objet de propositions de DCI.** L'OMS n'est pas en mesure de confirmer ces déclarations ni de faire de commentaires sur l'efficacité du mode d'action ainsi décrit. En raison de leur caractère provisoire, ces informations **ne figureront pas dans les listes récapitulatives de DCI.**

Denominaciones Comunes Internacionales para las Sustancias Farmacéuticas (DCI)

De conformidad con lo que dispone el párrafo 3 del "Procedimiento de Selección de Denominaciones Comunes Internacionales Recomendadas para las Sustancias Farmacéuticas", se comunica por el presente anuncio que las denominaciones detalladas en las páginas siguientes están sometidas a estudio por la Organización Mundial de La Salud

como Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas. La inclusión de una denominación en las listas de las DCI Propuestas no supone recomendación alguna en favor del empleo de la sustancia respectiva en medicina o en farmacia.

Las listas de Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (1–117) y Recomendadas (1–78) se encuentran reunidas en *Cumulative List No. 17, 2017* (disponible sólo en CD-ROM). Las indicaciones sobre acción y uso que aparecen se basan principalmente en la información facilitada por los fabricantes. **Esta información tiene por objeto dar una idea únicamente de las posibilidades de aplicación de las nuevas sustancias a las que se asigna una DCI Propuesta.** La OMS no está facultada para respaldar esas indicaciones ni para formular comentarios sobre la eficacia de la acción que se atribuye al producto. Debido a su carácter provisional, esos datos descriptivos **no deben incluirse en las listas recapitulativas de DCI.**

Proposed International Nonproprietary Names: List 121

Comments on, or formal objections to, the proposed names may be forwarded by any person to the INN Programme of the World Health Organization within four months of the date of their publication in *WHO Drug Information*, i.e., for **List 121 Proposed INN not later than 21 December 2019.**

Publication date: 21/08/2019

Dénominations communes internationales proposées: Liste 121

Des observations ou des objections formelles à l'égard des dénominations proposées peuvent être adressées par toute personne au Programme des Dénominations communes internationales de l'Organisation mondiale de la Santé dans un délai de quatre mois à compter de la date de leur publication dans *WHO Drug Information*, c'est à dire pour la **Liste 121 de DCI Proposées le 21 décembre 2019 au plus tard.**

Date de publication : 21/08/2019

Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas: Lista 121

Cualquier persona puede dirigir observaciones u objeciones respecto de las denominaciones propuestas, al Programa de Denominaciones Comunes Internacionales de la Organización Mundial de la Salud, en un plazo de cuatro meses, contados desde la fecha de su publicación en *WHO Drug Information*, es decir, para **la Lista 121 de DCI Propuestas el 21 diciembre de 2019 a más tardar.**

Fecha de publicación: 21/08/2019

<i>Proposed INN (Latin, English, French, Spanish)</i>	<i>Chemical name or description: Action and use: Molecular formula Chemical Abstracts Service (CAS) registry number: Graphic formula</i>
<i>DCI Proposée</i>	<i>Nom chimique ou description: Propriétés et indications: Formule brute : Numéro dans le registre du CAS: Formule développée</i>
<i>DCI Propuesta</i>	<i>Nombre químico o descripción: Acción y uso: Fórmula molecular Número de registro del CAS: Fórmula desarrollada</i>

acidum arlipoicum

arlipoic acid

5-[(3*R*)-1,2-dithiolan-3-yl]pentanoic acid
antioxidant

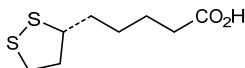
acide arlipoïque

acide 5-[(3*R*)-1,2-dithiolan-3-yl]pentanoïque
antioxydant

ácido arlipóico

ácido 5-[(3*R*)-1,2-ditiofan-3-il]pentanoico
antioxidante $C_8H_{14}O_2S_2$

1200-22-2

**actinium (²²⁵Ac) lintuzumabum satetraxetanum #**actinium (²²⁵Ac) lintuzumab satetraxetan

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD33 (sialic acid binding Ig-like lectin 3, SIGLEC3, SIGLEC-3, gp67, p67)], humanized monoclonal antibody, conjugated to satetraxetan (DOTA derivative) and radiolabelled with actinium-225; gamma1 heavy chain humanized (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (79.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (213) (117-214), hinge 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-218')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (82.8%) -IGKJ1*01 (100%)) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimer (225-225":228-228")-bisdisulfide, produced in SP2/0-Ag14 murine myeloma cell line, glycoform alfa; actinium-225 (Ac 225) radiolabelled satetraxetan (DOTA derivative) conjugate, on an average of 1 or 2 lysyl
For the *satetraxetan* part, please refer to the document "*INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups & others*"
antineoplastic

actinium (²²⁵Ac) lintuzumab satétraxétan

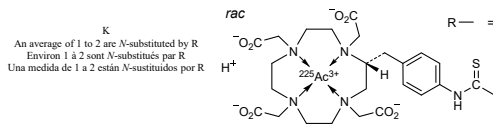
immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD33 (lectine 3 de type Ig-like liant l'acide sialique, SIGLEC3, SIGLEC-3, gp67, p67)], anticorps monoclonal humanisé, conjugué au satétraxétan (dérivé DOTA) et radiomarcué à l'actinium-225 (Ac 225); chaîne lourde gamma1 humanisée (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (79.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (213) (117-214), charnière 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (82.8%) -IGKJ1*01 (100%)) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure, produite dans la lignée cellulaire de myélome murin SP2/0-Ag14, glycoforme alfa; conjugué au satétraxétan (dérivé DOTA), sur 1 à 2 lysyl en moyenne, et radiomarcué à l'actinium-225 (Ac 225) Pour la partie *satétraxétan*, veuillez-vous référer au document "INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups & others".
antineoplasique

actinio (²²⁵Ac) lintuzumab satetraxetán

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD33 (lectina 3 de tipo Ig-like que se une al ácido siálico, SIGLEC3, SIGLEC-3, gp67, p67)], anticuerpo monoclonal humanizado, conjugado con satetraxetán (derivado DOTA) y radiomarcado con actinio-225 (Ac 225); cadena pesada gamma1 humanizada (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (79.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (213) (117-214), bisagra 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (82.8%) -IGKJ1*01 (100%)) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro, producido en la línea celular de mieloma murino SP2/0-Ag14, glicofoma alfa; conjugado con satetraxetán (derivado DOTA), en 1 o 2 restos lisil por término medio, y radiomarcado con actinio-225 (Ac 225) Para la fracción *satetraxetán*, se puede referir al documento "INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups & others".
antineoplásico

2209911-94-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada	
QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SKKASGYTFT DYNMHWRQA PGQGLEWIGY	50
IYPYNGGTGY NQKFKSKATI TADESTNTAY MELSSLRSED TAVVYCARGR	100
PAMDYWGQGT LVTVSSASTK GPSVFPLAPS SKSTSGGTAA LGCIVKDYFP	150
EPFVTSWNISG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVVTVPSS SLGTQTYICN	200
VNHKPSNTKV DKKVEPKSCD KTHTCPPCA PELLGGPSVF LFPKPKDTL	250
MISRTPEVTC VVVDVSHEDP EVKFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR	300
VVSVLTVLHQ DNLNGKEYKC KYSNKALPAP IEKTISKARG QPREPQVYTL	350
FPSRDELTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTTTPVLDSD	400
GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCVMHEA LHNHYTQKSL SLSPGK	446
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera	
DIQMTQSPSS LSASVGRVT ITCRASEVD NYGISFMNWF QQKPGKAPKL	50
LIYAASNQGS GVPSRFSGSG SGTDFLTIS SLQPDFFATY YCQKSKEVPW	100
TFGGGTKVEI KRTVAAPSVE IFPPSDEQLK SGTASVCLL NNFYPREAKV	150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSL STLTLSKADY EKHKVYACEV	200
THQGLSSPVT KSFNRGEC	218
Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-H (C23-C104) 22-96 143-199 260-320 366-424	
22"-96" 143"-199" 260"-320" 366"-424"	
Intra-L (C23-C104) 23-92' 138'-198'	
23'''-92''' 138'''-198'''	
Inter-H-L (h 5-CL 126) 219-218" 219"-218"	
Inter-H-H (h 11, h 14) 225-225" 228-228"	
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación	
H CH2 N84.4:	
296, 296"	
Fucosylated complex bi-antennary SP2/0-Ag14-type glycans / glycanes de type SP2/0-Ag14	
bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo SP2/0-Ag14 biantenarios complejos	
fucosilados	
C-terminal lysine clipping:	
H CHS K2:	
446, 446"	
Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados	



amivantamabum #

amivantamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EGFR (epidermal growth factor receptor, receptor tyrosine-protein kinase erbB-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB)] and anti-[*Homo sapiens* MET (met proto-oncogene, hepatocyte growth factor (HGF) receptor, HGFR, scatter factor (SF) receptor, HGF/SF receptor, receptor tyrosine-protein kinase c-met, papillary renal cell carcinoma 2, RCCP2)], *Homo sapiens* monoclonal antibody, bispecific;

gamma1 heavy chain *Homo sapiens* anti-EGFR (1-455) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.18] (1-125) -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (222) (126-223), hinge 1-15 (224-238), CH2 (239-348), CH3 E12 (364), M14 (366), F85.1>L (413) (349-453), CHS (454-455)) (126-455)], (228-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* anti-EGFR (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-13*02 (96.8%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-213')];

gamma1 heavy chain *Homo sapiens* anti-MET (1"-449") [VH (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.12] (1"-119") -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360), K88>R (411) (343-447), CHS (448-449)) (119"-449")], (222"-214''')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* anti-MET (1'''-214''') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (95.8%) -IGKJ5*01 (100%)) [6.3.9] (1'''-107''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'''-214''')];

dimer (234-228":237-231")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

amivantamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EGFR (récepteur du facteur de croissance épidermique, récepteur tyrosine-protéine kinase erb-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB)] et anti-[*Homo sapiens* MET (proto-oncogène met, récepteur du facteur de croissance hépatocytaire, HGFR, récepteur du facteur de dispersion, récepteur de l'HGF/SF, récepteur protéine-tyrosine kinase c-Met, carcinome papillaire à cellules rénales 2, RCCP2)], anticorps monoclonal *Homo sapiens* bispécifique;
chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* anti-EGFR (1-455) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.18] (1-125) -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (222) (126-223), charnière 1-15 (224-238), CH2 (239-348), CH3 E12 (364), M14 (366), F85.1>L (413) (349-453), CHS (454-455)) (126-455)], (228-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* anti-EGFR (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-13*02 (96.8%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-213')]; chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* anti-MET (1"-449") [VH (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.12] (1"-119") -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360), K88>R (411) (343-447), CHS (448-449)) (119"-449")], (222"-214'")-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* anti-MET(1'"-214'") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (95.8%) -IGKJ5*01 (100%)) [6.3.9] (1'"-107'") -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'"-214'")]; dimère (234-228":237-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

amivantamab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EGFR (receptor del factor de crecimiento epidérmico, receptor tirosina-proteína kinasa erb-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB)] y anti-[*Homo sapiens* MET (proto-oncogén met, receptor del factor de crecimiento hepatocitario, HGFR, receptor del factor de dispersión, receptor de l'HGF/SF, receptor proteína-tirosina kinasa c-Met, carcinoma papilar de células renales 2, RCCP2)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens* biespecífico;
cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* anti-EGFR (1-455) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.18] (1-125) -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (222) (126-223), bisagra 1-15 (224-238), CH2 (239-348), CH3 E12 (364), M14 (366), F85.1>L (413) (349-453), CHS (454-455)) (126-455)], (228-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* anti-EGFR (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-13*02 (96.8%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-213')]; cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* anti-MET (1"-449") [VH (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.12] (1"-119") -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360), K88>R (411) (343-447), CHS (448-449)) (119"-449")], (222"-214'")-disulfuro con la

cadena ligera kappa *Homo sapiens* anti-MET(1^{'''}-214^{'''}) [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (95.8%) -IGKJ5*01 (100%)) [6.3.9] (1^{'''}-107^{'''}) -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108^{'''}-214^{'''})]; dímero (234-228^{'''}:237-231^{'''})-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofoma alfa *immunomodulador, antineoplásico*

2171511-58-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-EGFR)
VQQLVESGGG VQPGASRLRL SCARSGFTFS TYGMHWVRQA PGKLEWVAV 50
IWDDSGSYKY GDSVKGRETI SRDNSKNTLY LQMNSLRAPD TAVYYCARDG 100
ITMWVGWMD YFDIWQQCTL VTSSASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAAL 150
QCLVQDYFPE PVTWSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSI SSVVTVPSSS 200
LGTQTYICNV NHKPSNTKVD KRVEPKSCDK THTCPFCFAP ELLGGPSVFL 250
PFPEKEDTLM ISRTPEVTCV VVDVSHEDPE VKFMWYVDGV EVHNAKTKPR 300
EEQYNSTYRV VSVLTVLHQD WLNGKEYCKK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ 350
PREPQVYITP PSREEMTKNQ VSLTCLVKG FPSDIAVEWE SNGQPENNYK 400
TTPFVLDSGD SFLLYSKLTV DKSRWQGNV FSCSVMEAL HNHYTQKSL 450
LSPGK 455

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-EGFR)
AIQLTQSPSS LSASVGRDVT ITCRASQDIS SALVWYQKPK GKAPKLLIYD 50
ASSLESGVPS RFGSGESGTD FTLTISSLPQ EDFATYYCQ FNSYPLTFGG 100
GTRVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLNNFY BREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESIVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-MET)
VQQLVQSGAE VKKPGASVKV SCETSQYTF SYGISWVRQA PGHGLEWMGW 50
ISAYNGYTNV AQLKQGRVTM TTDTSSTAY MELRSLRSDD TAVYYCARDL 100
RGTYNFDYWG QGTLVTVSSA STKGPSVFPL APSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFEFPTVSW NSGALTSGVH TFPVQLQSSG LYSLSVVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHPKPSN TKVDKRVKPK SCDKTHCTCP CAPEALLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMIKRTPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNK TKPREQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDNLNGKE YKCKVSNKAL PAPIETKISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSREEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
DSGSGFFLYS RLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-MET)
DIQMTQSPSS VSASVGRDVT ITCRASQGIS NWLAWFQHKP GKAPKLLIYA 50
ASSLLSGVPS RFGSGSGGTD FTLTISSLPQ EDFATYYCQ ANSFPIITFG 100
GTRLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLNNFY BREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESIVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22^{''}-96^{''} 152-208 269-329 375-433
22^{''}-96^{''} 146^{''}-202^{''} 263^{''}-323^{''} 369^{''}-427^{''}
Intra-L (C23-C104) 23^{'''}-88^{'''} 134^{'''}-194^{'''}
23^{'''}-88^{'''} 134^{'''}-194^{'''}
Inter-H-L (h 5-CL 126) 228-214^{'''} 222^{'''}-214^{'''}
Inter-H-H (h 11, h 14) 234-228^{'''} 237-231^{'''}

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
305, 299^{''}
Low fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes faiblement fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos bajos fucosilados.

anetumabum corixetanum #
anetumab corixetan

immunoglobulin G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* MSLN (mesothelin, pre-pro-megakaryocyte-potentiating factor, megakaryocyte-potentiating factor, MPF, CAK1)], *Homo sapiens* monoclonal antibody, conjugated to chelator corixetan; gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17.1 (CH1 K120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359) L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-216^{'''})-disulfide with lambda light chain *Homo sapiens* (1^{'''}-217^{'''}) [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-14*01 (95.6%) -IGKJ2*01 (100%)) [9.3.11] (1^{'''}-111^{'''}) -*Homo sapiens* IGLC2*01 (99.1%) A43>G (155) (112^{'''}-217^{'''})]; dimer (229-229^{'''}:232-232^{'''})-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO)-S cell line, glycoform alfa; conjugated to chelator corixetan, with an average of 0.5 chelator per antibody *antineoplastic*

anétumab corixétan

chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%)) [8.8.13] (1-120) - *Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-216')-disulfure avec la chaîne légère lambda *Homo sapiens* (1'-217') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-14*01 (95.6%) -IGKJ2*01 (100%)) [9.3.11] (1'-111') - *Homo sapiens* IGLC2*01 (99.1%) A43>G (155) (112'-217')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa; conjugué au chélateur corixétan, avec une moyenne de 0.5 chélateur par anticorps
antineoplasique

anetumab corixetán

inmunoglobulina G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* MSLN (mesotelina, factor potenciador de pre-pro-megacariocito, factor potenciador de los megacariocitos, MPF, CAK1)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*, conjugado con el quelante corixetán;
cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%)) [8.8.13] (1-120) - *Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-216')-disulfure con lacadena ligera lambda *Homo sapiens* (1'-217') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-14*01 (95.6%) -IGKJ2*01 (100%)) [9.3.11] (1'-111') - *Homo sapiens* IGLC2*01 (99.1%) A43>G (155) (112'-217')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO) línea celular CHO-S, glicoforma alfa; conjugado con el quelante corixetán, con uma media de 0.5 quelantes por anticuerpo
antineoplásico

2222980-98-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVELVQSGAE VKKPGESLKI SCRGSYSFT SYWIGWVRQA PGKGLEWNGI 50
IDPGDSRTRY SPSFQGGVTII SADKSISTAY LQWSSLKASD TAMYYCARGQ 100
LYGGTYMDGW GGGTLVTVS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPTVS WNGGLTSSV HTFPAVLQSS GLISLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNKKPS NTKVDKKVEP KSCDRTETCP PCPAPELLGG PEPVLEPEPK 250
KDTLMISRTPEVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREQYN 300
STYRVVSVLT VHLGQWLNKG EYCKCVSNKA LPAPIKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSRDE LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTFPV 400
LDSGDSFELY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIALTPASV SGSPGQSITI SCTGTSSDIG GYNSVSWYQQ HPGKAPKIMI 50
YGVNRRPSGV SNRFGSGKSG NTASLTISGL QARDEADYYC SSYDIESATP 100
VFGGGLKLTV LGQPKAAPSV TLFPSSSEEL QANKATLVCL ISDFYPGAVT 150
VAMKGDSPV KASVETTTFS QGSNNKYAS SYLSLTPEQW KSHRSYSCQV 200
THEGSTVEKT VAPTECS 217

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 22-90' 139'-198"
22"-90" 139"-198"

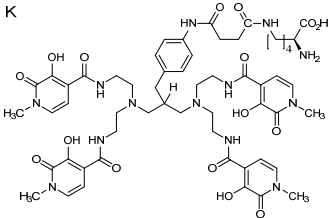
Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-216" 223"-216"
Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H C12 N84.4:
300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

Potential modified residues / résidus modifiés potentiels / restos modificados potenciales



arpraziquantel

arpraziquantel

(11*bR*)-2-(cyclohexanecarbonyl)-1,2,3,6,7,11*b*-hexahydro-4*H*-pyrazino[2,1-*a*]isoquinolin-4-one
anthelmintic

arpraziquantel

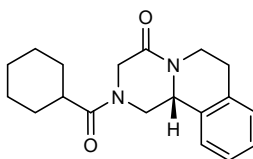
(11*bR*)-2-(cyclohexanecarbonyl)-1,2,3,6,7,11*b*-hexahydro-4*H*-pyrazino[2,1-*a*]isoquinoléin-4-one
antihelminitique

arprazicuantel

(11*bR*)-2-(ciclohexanocarbonil)-1,2,3,6,7,11*b*-hexahidro-4*H*-pirazino[2,1-*a*]isoquinolein-4-ona
antihelmíntico

C₁₉H₂₄N₂O₂

57452-98-9

**astegolimabum #**

astegolimab

immunoglobulin G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL1RL1 (interleukin 1 receptor like 1, DER4, FIT-1, growth stimulation expressed 2 gene, ST2, IL33R)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
gamma2 heavy chain *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (95.9%) -(IGHD) - IGHJ6*01(94.1%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (100%) (CH1 (122-219), hinge 1-12 (220-231), CH2 (232-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (122-447)], (223-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (97.9%) -IGKJ4*01 (100.0%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (223-223'':224-224'':227-227'':230-230'')-tetrakisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator

astégolimab

immunoglobuline G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL1RL1 (récepteur like 1 de l'interleukine 1, DER4, FIT-1, gène 2 exprimé lors de la stimulation de la croissance, ST2, IL33R)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde gamma2 *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (95.9%) -(IGHD) - IGHJ6*01(94.1%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (100%) (CH1 (122-219), charnière 1-12 (220-231), CH2 (232-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (122-447)], (223-214')-disulfure avec la chaîne

légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (97.9%) -IGKJ4*01 (100.0%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (223-223":224-224":227-227":230-230")-tétrakisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa immunomodulateur

astegolimab
immunoglobulina G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL1RL1 (receptor like 1 de la interleukina 1, DER4, FIT-1, gen 2 expresado en la estimulación del crecimiento, ST2, IL33R)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada gamma2 *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01(94.1%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (100%) (CH1 (122-219), bisagra 1-12 (220-231), CH2 (232-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (122-447)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (97.9%) -IGKJ4*01 (100.0%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (223-223":224-224":227-227":230-230")-tetraakisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicoforma alfa immunomodulador

2173054-79-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada				
EVQLVQSGAE	VKKPGESLKI	SGKSGYSFT	NYWIGWVRQM	PGKGLEWMGI 50
IYPGNSDTRF	SPSPQGGVTI	SADKSITTAY	LQWSSLKASD	TAMYYCARHG 100
TSSDYFYGLDV	WGQGTITVTS	SASTKGPSVF	PLAPCSRSTS	ESTAALGCLV 150
KDYFPEPVTV	SWNSGALTSG	VHTFPFAVLGS	SGLYSLSSVV	TVPSNFGTQ 200
TYTCNVDHKP	SNTKVDKTVE	RKCCVCEPCC	PAPPVAGPSV	FLFPKPKDT 250
LMISRTPEVT	CVVVDVSHED	PEVQFNWYVD	GVEVHNATK	PREQFNSTF 300
RVVSVLTVVH	QDWLNGKEYK	CKVSNKGLPA	PIEKTIKTK	GQPREPQVYT 350
LPFSREEMTK	NQVSLTCLVK	GFYPDSIAVE	WESNGQPENN	YKTTTPMLDS 400
DGSFFLYSKL	TVDKSRWQQG	NVFSCSYMHE	ALHNHYTQKS	LSLSPGK 447
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera				
DIQMTQSPSS	LSASVGDRVT	ITCQASQDIS	NYLNWYQQKP	GKAPKLLIYD 50
ASNLETGVPS	RFGSGSGSDT	FTFTISSLPQ	EDIATYYCQ	DDNFFLTFGG 100
GTRVEIKRTV	AAPSVFIIPP	SDEQLKSGTA	SVVCLLNIFY	PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ	ESVTEQDSKD	STYLSSTILT	LKADYERKHK	VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN	RGEC			214
Post-translational modifications				
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro				
Intra-H (C23-C104)	22-96	148-204	261-321	367-425
	227-96"	148"-204"	261"-321"	367"-425"
Intra-L (C23-C104)	23"-88"	134"-194"		
	23"-88"	134"-194"		
Inter-H-L (CH1 10-CL 126)	*	135-214"	135"-214"	
Inter-H-H (h 4, h 5, h 8, h 11)	*	223-223"	224-224"	227-227" 230-230"
*In addition to the isoform A, isoform A/B characterized by an inter-H-H (h 4 - CH1 10) 223-135" and an inter-H-L (h 4 - CL 126) 223"-214", instead of the inter-H-H (h 4 - h 4) 223-223" and of one of the two inter-H-L (CH1 10-CL 126) 135"-214"; isoform B characterized by an inter-H-H (h 5 - CH1 10) 224-135 and an inter-H-L (h 5 - CL 126) 224"-214"; instead of the inter-H-H (h 5 - h 5) 224-224" and of the inter-H-L (CH1 10-CL 126) 135-214'.				
*En plus de l'isoforme A, isoforme A/B caractérisée par un inter-H-H (h 4 - CH1 10) 223-135" et un inter-H-L (h 4 - CL 126) 223"-214", au lieu de l'inter-H-H (h 4 - h 4) 223-223" et de l'un des deux inter-H-L (CH1 10-CL 126) 135"-214"; isoforme B caractérisée par un inter-H-H (h 5 - CH1 10) 224-135 et un inter-H-L (h 5 - CL 126) 224"-214", au lieu de l'inter-H-H (h 5 - h 5) 224-224" et de l'inter-H-L (CH1 10-CL 126) 135-214'.				
*Además de la isoforma A, isoforma A/B caracterizado por un inter-H-H (h4 - CH1 10) 223-135" y un inter-H-L (h 4 - CL 126) 223"-214", en lugar del inter-H-H (h 4 - h 4) 223-223" y uno de los dos inter-H-L (CH1 10-CL 126) 135"-214"; isoforma B caracterizado por un inter-H-H (h 5 - CH1 10) 224-135 y un inter-H-L (h 5 - CL 126) 224"-214", en lugar del inter-H-H (h 5 - h 5) 224-224" y del inter-H-L (CH1 10-CL 126) 135-214'.				
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación				
HCH2 N84.4: 297, 297"				
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados.				

atleradstrocelum

atleradstrocel

human culture expanded autologous adipose stromal progenitor cells (ASC) for cell-based therapy. The cells express CD73 and CD90 cell surface markers and are negative for CD31, CD34 and CD45 markers.
cell therapy (neurology)

atliéradstrocel

cellules progénitrices stromales issues du tissu adipeux (ASC), humaines, autologues, en culture d'expansion pour thérapie cellulaire. Les cellules expriment les marqueurs de surface CD73 et CD90 et sont négatives pour les marqueurs de surface CD31, CD34 and CD45.
thérapie cellulaire (neurologie)

atleradstrocel

células progenitoras estromales de tejido adiposo, autólogas, humanas, expandidas en cultivo para terapia celular. Las células expresan los marcadores de superficie CD73 y CD90 y son negativas para los marcadores CD31, CD34 y CD45.
terapia celular (neurología)

avalotcagenum ontaparvovecum #

avalotcagene ontaparvovec

A recombinant non-replicating adeno-associated virus type 2/8 (rAAV Rep2-Cap8) vector, encoding codon-optimized, wild-type human ornithine transcarbamylase (OTC) under the control of a hybrid human thyroxine-binding globulin (TBG) / human alpha 1-microglobulin/bikunin precursor (AMBP) promoter/enhancer. The vector genome is a head-to-head dimer, with the vector genome cassette located 5' of the mutated internal inverted terminal repeat (ITR) in a reverse orientation and the vector genome cassette located 3' of the mutated internal ITR in a forward orientation.
gene therapy (ornithine transcarbamylase (OTC) deficiency)

avalotcagène ontaparvovec

vecteur viral adéno-associé de type 2/8 recombinant non-répliquant (rAAV Rep2-Cap8), codant pour l'ornithine transcarbamylase humaine sauvage (OTC) avec des codons optimisés, sous le contrôle de l'activateur/promoteur hybride de la globuline liant la thyroxine (TBP) humaine /précurseur de microglobuline alpha 1 / bikunine (AMBP). Le génome du vecteur est un dimère en tête à tête avec la cassette contenant le génome du vecteur en position 5' de la séquence inverse terminale répétée (ITR) interne et mutée dont l'orientation est inverse et la cassette contenant le vecteur du génome en position 3' de l'ITR interne et mutée dont l'orientation est vers l'avant.
thérapie génique (déficit en ornithine transcarbamylase (OTC))

avalotcagén ontaparvovec

Un vector de virus adenoasociado recombinante no replicativo del serotipo 2/8 (rAAV Rep2-Cap8), que codifica para la ornitina transcarbamilasa silvestre

humana (OTC) con codones optimizados, bajo el control de un promotor/potenciador híbrido de la globulina fijadora de tiroxina humana (TBG) / precursor de microglobulina alfa 1 humana/bicunina (AMBP). El genoma del vector es un dímero de cabeza con cabeza, con el casete del genoma del vector en posición 5' a la repetición terminal invertida (ITR) interna y mutada localizado en orientación inversa, y el casete del genoma del vector en posición 3' a la ITR localizado en orientación hacia adelante.
terapia génica (deficiencia en ornitina transcarbamilasa (OTC))

2227000-30-6

avdoralimabum #
avdoralimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* C5AR1 (complement C5a receptor 1, complement C5 anaphylatoxin (C5a, C5 Pr678-751) receptor 1, CD88)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-454) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-13*01 (93.8%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%)) [8.7.18] (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3>G1m17,nG1m1 (CH1 K120 (221) (125-222), hinge 1-15 (223-237), CH2 L1.3>A (241), L1.2>E (242), G1>A (244), A115>S (337), P116>S (338) (238-347), CH3 E12 (363), M14 (365) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (98.9%) -IGKJ2*01 (100%)) [7.3.8] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (233-233":236-236")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO)-K1SVcell line, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

avdoralimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* C5AR1 (récepteur 1 du complément C5a, récepteur 1 de l'anaphylatoxine du complément C5 (C5a, C5 Pr678-751), CD88)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-454) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-13*01 (93.8%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%)) [8.7.18] (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3>G1m17,nG1m1 (CH1 K120 (221) (125-222), charnière 1-15 (223-237), CH2 L1.3>A (241), L1.2>E (242), G1>A (244), A115>S (337), P116>S (338) (238-347), CH3 E12 (363), M14 (365) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (98.9%) -IGKJ2*01 (100%)) [7.3.8] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (233-233":236-236")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO) lignée cellulaire K1SV, glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

avdoralimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* C5AR1 (receptor 1 del complemento C5a, receptor 1 de la anafilatoxina del complemento C5 (C5a, C5 Pr678-751), CD88)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-454) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-13*01 (93.8%) - (IGHD) -IGHJ3*02 (100%)) [8.7.18] (1-124) - *Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3>G1m17,nG1m1 (CH1 K120 (221) (125-222), bisagra 1-15 (223-237), CH2 L1.3>A (241), L1.2>E (242), G1>A (244), A115>S (337), P116>S (338) (238-347), CH3 E12 (363), M14 (365) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (98.9%) -IGKJ2*01 (100%)) [7.3.8] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (233-233":236-236")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO) línea celular K1SV, glicofoma alfa *immunomodulador, antineoplásico*

2226393-85-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVPGGSLRL SCAASGFTFS SYVMHWVRQA TKGLEWVSA 50
IDTGGGTYYA DSVKGRFTIS RENAKNSLYL QMNSLRAGDT AVYYCARDYY 100
YYASGSYYKA FDIWGQGTMTV TVSSASTKGP SVFPLAPSSK STSGGTAAALG 150
CLVKDYFPEP VTVSWNSGAL TSGVHTFPAV LQSSGLYSLS SVTVTPSSSL 200
GTQTYICNVN HKPSNTKVDK RVEPKSCDKT HTCPPCPAPE AEGAPSVFLF 250
PPKPKDTLMI SRTPEVTCVV VDVSHEDPEV KFNWYVDGVE VHNAKTKPRE 300
EQYNSTYRVV SVLTVLHQDW LNKKEYKCKV SNKALPSSIE KTISKAKGQP 350
REPQVYTLPP SREEMTKNQV SLTCLVKGFI PSDIAVEWES NGQPENNYKT 400
TPPVLDSDGS FFLYSKLTVD KSRWQQGNVF SCSVMHEALH NHYTQKSLSL 450
SPGK 454

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRASQSVS SRYLAWYQQK PGQAPRLLIY 50
GASSRATGIP DRFSGSGSGT DFTLTISRLE PEDFAVYYCQ QYGSPLTFGG 100
CTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNEY PREAKVQMKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-95 151-207 268-328 374-432
22"-95" 151"-207" 268"-328" 374"-432"
Intra-L (C23-C104) 23'-89" 134'-194"
23"'-89"' 134"'-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 227-214' 227"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 233-233" 236-236"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
304, 304"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados

avizakimabum #
avizakimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL21 (interleukin 21)], humanized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain humanized (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (88.8%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (213) (117-214), hinge 1-15 (215-229), CH2 M15.1>Y (251), S16>T (253), T18>E (255) (IGHG1v21) (230-339), CH3 E12 (355), M14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-NL1*01 (86.3%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (225-225":228-228")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO) cells, glycoform alfa *immunomodulador*

avizakimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL21 (interleukine 21)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma1 (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (213) (117-214), charnière 1-15 (215-229), CH2 M15.1>Y (251), S16>T (253), T18>E (255) (IGHG1v21) (230-339), CH3 E12 (355), M14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-NL1*01 (86.3%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur

avizakimab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL21 (interleukina 21)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (213) (117-214), bisagra 1-15 (215-229), CH2 M15.1>Y (251), S16>T (253), T18>E (255) (IGHG1v21) (230-339), CH3 E12 (355), M14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-NL1*01 (86.3%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofoma alfa
immunomodulador

2229685-51-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT DYWMHWVRQA PGQGLEWMGT 50
IDPSDQYTIY SQNFKGRVTM TRDTSTSTVY MELSSLRSED TAVYYCARYG 100
FAMDYWGQGT LVTSSASTK GPSVFPLAPS SKSTSGGTAA LGCLVKDYFP 150
EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVVTVPSS SLGTQTYICN 200
VNHKPSNTKV DKRVEPKSCD KHTCPPECPA PELLGGPSVF LFPPKPKDTL 250
YITREPEVTC VVVDVSHEDP EVKFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR 300
VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSINKALPAP IEKTIISKAKG QPREPQVYTL 350
PPSREEMTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTTTPVLDSD 400
GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCSVMEHA LHNHYTQKSL SLSPGK 446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQLTQSPSS LSASVGDRTV ITCRASQDIS NFLNWWYQKPK GKAVKLLIYY 50
TSRLHSGVPS RFSGSGSGTD YTLTISSLQP EDFATYYCQG GHTLPRTFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 143-199 260-320 366-424
22"-96" 143"-199" 260"-320" 366"-424"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134'-194'
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 219-214' 219"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 225-225" 228-228"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
296, 296"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados

axatilimabum #

axatilimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CSF1R (colony stimulating factor 1 receptor, CSF-1R, CSF-1-R, macrophage colony-stimulating factor 1 receptor, c-fms, FMS, CD115)], humanized monoclonal antibody;
 gamma4 heavy chain humanized (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-70*11 (89.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%)) [10.7.18] (1-126) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (127-224), hinge S10>P (234)(225-236), CH2 (237-346), CH3 (347-451), CHS (452-453)) (127-443)], (140-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (87.2%) -IGKJ4*01 (100.0%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
 dimer (232-232":235-235")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO) DG44 cell line, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

axatilimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CSF1R (récepteur du facteur 1 stimulant de colonies, CSF-1R, CSF-1-R, récepteur du facteur 1 stimulant des colonies de macrophages, c-fms, FMS, CD115)], anticorps monoclonal humanisé;
 chaîne lourde gamma4 humanisée (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-70*11 (89.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%)) [10.7.18] (1-126) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (127-224), charnière S10>P (234)(225-236), CH2 (237-346), CH3 (347-451), CHS (452-453)) (127-443)], (140-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (87.2%) -IGKJ4*01 (100.0%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (232-232":235-235")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO) lignée cellulaire DG44, glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

axatilimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CSF1R (receptor del factor 1 estimulante de colonias, CSF-1R, CSF-1-R, receptor del factor 1 estimulante de las colonias de macrófagos, c-fms, FMS, CD115)], anticuerpo monoclonal humanizado;
 cadena pesada gamma4 humanizada (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-70*11 (89.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%)) [10.7.18] (1-126) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (127-224), bisagra S10>P (234)(225-236), CH2 (237-346), CH3 (347-451), CHS (452-453)) (127-443)], (140-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (87.2%) -IGKJ4*01 (100.0%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
 dímero (232-232":235-235")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO) línea celular DG44, glicofoma alfa
immunomodulador, antineoplásico

2155851-88-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVLTKESGPA	LYPKTLKRLT	TSFGFSESL	TYGMGVGWIR	DPQKGALEWL	500
ENINWDDKRY	LVNQTSLNLT	ISKDTSKNQV	VLTMGTGNTV	DTATAYACRI	1500
GLKYKPTATY	EVYFDWQGT	MVTVSSASTK	TVSPGFELAPC	SRTSTSEETA	1500
LGCLVLKDYF	EPVTVSNWSG	ALTSGVSGYF	AVLQSGSLYS	LSRVTVFPSS	2000
SLGKTYTMCN	LDVHKSNTSR	DKRVSEYQK	PPCCPDAPEV	HGKGSVFLFP	2500
PKPKDITLIS	RTPEVTCVVV	QDQVEDPEVQ	FNWVYDAGEV	LNAACTFREE	3000
QPNSTYRVVS	VLHQLHQDWL	NGKELVCKVS	NKGLPSESN	TISKAKQPPR	3500
EPQVTVLTVS	QEEMTKNQVS	LTCVLKGVGF	SDIAVEWESK	GOPENNWYTK	4000
PVPLVSDGSF	FLYSRLTVDK	SRWQEGNVFS	CSVMHEALHN	HYTQKLSLSL	4500
LGK					453

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DQIMQTSPSS	LSASVGDVRT	ITCLASEDIY	DNLAWYQQKP	GKAPKLLIYY	50
ASSLQDGVPS	RFGSGSGSTD	YTLTISSLQP	EDFATYYCLO	DSEYPWTFGG	100
GTKVEIKRTV	AAPSVFIIPP	SDEQLKSGTA	SVVCLLNIFY	PREAKVQWKV	150
LNSLQSGNSG	ESVTQDSKD	STYSLSSTLT	LSKADYEKKH	VYACEVTHQG	200
DLSVPVTSFN	RGEC				214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104)	22-97	153-209	267-327	373-431
	22"-97"	153"-209"	267"-327"	373"-431"

Intra-L (C23-C104)	23'-88'	134'-194'
	23'''-88'''	134'''-194'''

	25-88	194-194
Inter-H-I. (CH1 10-CL 126)	140-214'	140"-214'''

Inter-H-E (CH 10-CE 126)	140-214	140
Inter-H-H (h 8, h 11)	232-232"	235-235"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH₂ N84.4:303. 303^m

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping:

H CHS K2

453. 453"

bamocafterum

bamocafter

(1⁴S)-N-(benzenesulfonyl)-1², 1², 1⁴-trimethyl-7¹-
(trifluoromethyl)-4-oxa-2(2,6)-pyridina-3(1,3)-pyrazola-
1(1)-pyrrolidina-7(1)-cyclopropanaheptaphane-2³-
carboxamide
*cystic fibrosis transmembrane regulator (CFTR) protein
modulator*

bamocafter

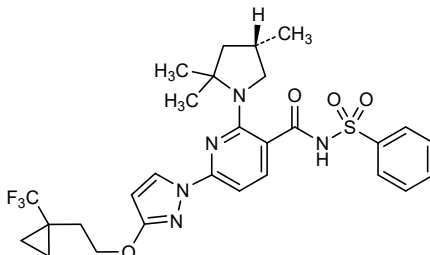
(1⁴S)-N-(benzènesulfonyl)-1², 1², 1⁴-triméthyl-7¹-
(trifluorométhyl)-4-oxa-2(2,6)-pyridina-3(1,3)-pyrazola-
1(1)-pyrrolidina-7(1)-cyclopropanaheptaphane-2³-
carboxamide
*modulateur de la protéine régulatrice de la perméabilité
transmembranaire impliquée dans la mucoviscidose
(CFTR)*

bamocafter

(1⁴S)-N-(bencenosulfoni)-1²,1²,1⁴-trimetil-7¹-
(trifluorometil)-4-oxa-2(2,6)-piridina-3(1,3)-pirazola-1(1)-
pirrolidina-7(1)-ciclopropanaheptafano-2³-carboxamida
*modulador de la proteína reguladora de la conductancia
transmembrana de la fibrosis quística (CFTR)*

$$\text{C}_{28}\text{H}_{32}\text{F}_3\text{N}_5\text{O}_4\text{S}$$

2204245-48-5



batoclimabum #

batoclimab

immunoglobulin G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* FCGRT (Fc fragment of IgG receptor and transporter, neonatal Fc receptor, FcRn, transmembrane alpha chain of the neonatal receptor)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens*IGHV4-39*02 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%)) [10.7.13] (1-121) -*Homo sapiens*IGHG1*03 G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 L1.3>A (238), L1.2>A (239) (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS K2>del (450)) (122-450)], (224-213')-disulfide with lambda light chain *Homo sapiens* (1'-214')] [V-LAMBDA (*Homo sapiens*IGLV3-21*02 (97.9%) -IGLJ2*01 (100%)) [6.3.11] (1'-108') -*Homo sapiens*IGLC2*01 (100%) (109'-214')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO)-S cell line, glycoform alfa
immunomodulator

batoclimab

immunoglobuline G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* FCGRT (transporteur et récepteur du fragment Fc des IgG, récepteur Fc néonatal, FcRn, chaîne alpha transmembranaire du récepteur néonatal)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens*IGHV4-39*02 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%)) [10.7.13] (1-121) -*Homo sapiens*IGHG1*03 G1m3,nG1m1 (CH1 R120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 L1.3>A (238), L1.2>A (239) (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS K2>del (450)) (122-450)], (224-213')-disulfure avec la chaîne légère lambda *Homo sapiens* (1'-214')] [V-LAMBDA (*Homo sapiens*IGLV3-21*02 (97.9%) -IGLJ2*01 (100%)) [6.3.11] (1'-108') -*Homo sapiens*IGLC2*01 (100%) (109'-214')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa
immunomodulateur

batoclimab

inmunoglobulina G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* FCGRT (transportador y receptor del fragmento Fc de las IgG, receptor Fc neonatal, FcRn, cadena alfa transmembranaria del receptor neonatal)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens*IGHV4-39*02 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%)) [10.7.13] (1-121) -*Homo sapiens*IGHG1*03 G1m3,nG1m1 (CH1 R120 (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 L1.3>A (238), L1.2>A (239) (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS K2>del (450)) (122-450)], (224-213')-disulfuro con la cadena ligera lambda *Homo sapiens* (1'-214')] [V-LAMBDA (*Homo sapiens*IGLV3-21*02 (97.9%) -IGLJ2*01 (100%)) [6.3.11] (1'-108') -*Homo sapiens*IGLC2*01 (100%) (109'-214')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO) línea celular CHO-S, glicofoma alfa
inmunomodulador

2187430-05-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada	
QLLLQESGPG LVKPSSETLSL TCTVSGGSLG SSFSYVWVIR QPPGKGLEWI	50
GTIIYSGNTY YNPSLKSRLT ISVDTSKNHF SLKLSSTAA DTAVVYCARR	100
AGILTGYLDS WQQTGLVTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV	150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFFAVLQS SGLYSLSVV TVPSSSLGTQ	200
TYICNVNHKP SNTKVDKRVE PKSCDKTHTC PPCPAPEAAG GPSVFLFPPK	250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY	300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQFPRE	350
QVYTLFPSRE EMTKNQVSLT CLVKGFPYSD IAVEWESNGQ PENNYKTPP	400
VLDSDGSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFCSS VMHEALHNYH TQKSLSLSPG	450
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera	
SYVLTSQSPV SVAPGQTARI TCGGNIGSK SVHWYQKPG QAPVLVYDD	50
SDRPSGIFER FSASNSGNTA TLTISRVEAG DEADYYCQVW DSSSDHVVFG	100
GGTKLTVLGQ PKAAPSVTLF PPSSEELQAN KATLVCLISD FYPGAIVTVA	150
KADSSPVKAG VETTTPSKQS NNKYAASSYL SLTPEQWKSH RSYSCQVTHE	200
GSTVEKTVAP TECS	214
Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-H (C23-C104)	22-97 148-204 265-325 371-429
	22"-97" 148"-204" 265"-325" 371"-429"
Intra-L (C23-C104)	22'-87' 136'-195'
	22"'-87'" 136"'-195'"
Inter-H-L (h 5-CL 126)	224-213' 224"-213"
Inter-H-H (h 11, h 14)	230-230" 233-233"
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación	
HCH2 N84.4:	
301, 301"	
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.	

befovacimabum #
befovacimab

immunoglobulin G2-lambda, anti-[*Homo sapiens* TFPI (tissue factor pathway inhibitor, lipoprotein-associated coagulation inhibitor)], monoclonal antibody; gamma2 heavy chain *Homo sapiens* (1-442) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*04 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01(93.3%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens*IGHG2*01 (CH1 (118-215), hinge 1-12 (216-227), CH2 (228-336), CH3 (337-441), CHS K2>del (442)) (118-442)], (131-211')-disulfide with lambda light chain humanized (1'-212') [V-LAMBDA (*Homo sapiens*IGLV3-1*01 (86.2%) -IGKJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-106') -*Homo sapiens*IGLC2*01 (100%) (107'-212')]; dimer (131-219":220-220":223-223":226-226")-tetrakisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO)-K1SV cell line, glycoform alfa
hemostatic

béfovacimab

immunoglobuline G2-lambda, anti-[*Homo sapiens* TFPI (inhibiteur de la voie du facteur tissulaire, inhibiteur de la coagulation associée aux lipoprotéines)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma2 *Homo sapiens* (1-442) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*04 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01(93.3%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens*IGHG2*01 (CH1 (118-215), charnière 1-12 (216-227), CH2 (228-336), CH3 (337-441), CHS K2>del (442)) (118-442)], (131-211')-disulfure avec la chaîne légère lambda humanisée (1'-212') [V-LAMBDA (*Homo sapiens*IGLV3-1*01 (86.2%) -IGKJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-106') -*Homo sapiens*IGLC2*01 (100%) (107'-212')]; dimère (131-219":220-220":223-223":226-226")-tétrakisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO) lignée cellulaire K1SV, glycoforme alfa
hémostatique

befovacimab

immunoglobulina G2-lambda, anti-[*Homo sapiens* TFPI (inhibidor de la vía del factor tisular, inhibidor de la coagulación asociada con las lipoproteínas)], anticuerpo humanizado; cadena pesada gamma2 *Homo sapiens* (1-442) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01(93.3%))] [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (CH1 (118-215), bisagra 1-12 (216-227), CH2 (228-336), CH3 (337-441), CHS K2>del (442)) (118-442)], (131-211')-disulfuro con la cadena ligera lambda humanizada (1'-212') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-1*01 (86.2%) -IGKJ2*01 (100%))] [6.3.9] (1'-106') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (107'-212''); dímero (131-219":220-220":223-223":226-226")-tetraquidisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO) línea celular K1SV, glicoforma alfa hemostático

2156634-62-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVPGGSLRL SCAASGFTFS SYGMDWVRQA PGKGLEWVSS 50
IRGSRGSTYY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVVYCARLY 100
RYWFDYWGQG TLTVVSSAST KGPSVFPLAP CSRSTSESTA ALGCLVKDYF 150
PEPFTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVTVVPS SNFGTQTYTC 200
NVDHKPSNTK VDKTVERKCC VECPPCPAPP VAGPSVFLFP PKPKDTLMIS 250
RTPPEVTQVVV DVSHEDPEVQ FNWYVDGVEV HNAKTKPREE QFNSTFRVVS 300
VLTVVHQDWL NGKEYKCKVS NKGLPAPIEK TISKTKGQPR EPQVYTLPPS 350
REEMTKNQVS LTCCLVKGYF SDIAVESNES GQPENNYKTT PPMILDSGGSF 400
FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSVMHEALHN HYTQKSLSL PG 442

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
SYELTQPPSV SVSPGQTARI TCSGDNLPKY YAHWYQKPG QAPVVVIFYD 50
VNRPSGIPER FSGSNSGNTA TLTIISGTQAM DEADYYCQAW WSSTPVFVGG 100
TKLTVLQGPK AAPSVTLFPP SSELQANKA TLVCLISDFY PGAVTVANKA 150
DSSPVKAGVE TTPPSKQSNN KYAASSYLSL TPEQWKSQRS YSCQVTHEGS 200
TVEKTVAPTE CS 212

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22"-96" 144"-200" 257"-317" 363"-421"
22"-96" 144"-200" 257"-317" 363"-421"
Intra-L (C23-C104) 22"-87" 134"-193"
22"-87" 134"-193"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 131"-211" 131"-211"
Inter-H-H (h 4, h 5, h 8, h 11) 219"-219" 220"-220" 223"-223" 226"-226"

*In addition to the isoform A, isoform A/B characterized by an inter-H-H (h 4 - CH1 10) 219-131" and an inter-H-L (h 4- CL 126) 219"-211", instead of the inter-H-H (h 4 - h 4) 219-219" and of one of the two inter-H-L (CH1 10-CL 126) 131"-211";
*En plus de l'isoforme A, isoforme A/B caractérisée par un inter-H-H (h 4 - CH1 10) 219-131" et un inter-H-L (h 4- CL 126) 219"-211", au lieu de l'inter-H-H (h 4 - h 4) 219-219" et de l'un des deux inter-H-L (CH1 10-CL 126) 131"-211";
*Además de la isoforma A, isoforma A/B caracterizado por un inter-H-H (h4 - CH1 10) 219-131" y un inter-H-L (h 4- CL 126) 219"-211", en lugar del inter-H-H (h 4 - h 4) 219-219" y uno de los dos inter-H-L (CH1 10-CL 126) 131"-211";

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
293, 293"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

benufutamabum #
benufutamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF10B (tumor necrosis factor receptor superfamily member 10B, death receptor 5, DR5, TNF-related apoptosis-inducing ligand receptor 2, TRAIL-R2, TR-2, CD262)], monoclonal antibody;

	gamma1 heavy chain chimeric (1-447) [VH (<i>Mus musculus</i> IGHV14-3*02 G63>T (56) (87.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (86.7%)/<i>Homo sapiens</i>IGHV1-3*01 G63>T (56) (71.4%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%))] [8.8.11] (1-118) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359), E109>G (431) (342-446), CHS K2>del (447)) (119-447)], (221-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-15*01 (89.5%) -IGKJ2*01 (100%))] [6.3.9] (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO)-DG44 cell line, glycoform alfa <i>immunomodulator, antineoplastic</i>
bénufutamab	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> TNFRSF10B (membre 10B de la superfamille des récepteurs du facteur de nécrose tumorale, récepteur de mort 5, DR5, récepteur 2 de TRAIL, TRAIL-R2, TR-2, CD262)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 chimérique (1-447) [VH (<i>Mus musculus</i> IGHV14-3*02 G63>T (56) (87.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (86.7%)/<i>Homo sapiens</i>IGHV1-3*01 G63>T (56) (71.4%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%))] [8.8.11] (1-118) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03 G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) E109>G (431) (342-446), CHS K2>del (447)) (119-447)], (221-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-15*01 (89.5%) -IGKJ2*01 (100%))] [6.3.9] (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO) lignée cellulaire DG44, glycoforme alfa <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
benufutamab	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> TNFRSF10B (miembro 10B de la superfamilia de los receptores del factor de necrosis tumoral, receptor de muerte 5, DR5, receptor 2 de TRAIL, TRAIL-R2, TR-2, CD262)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 quimérica (1-447) [VH (<i>Mus musculus</i> IGHV14-3*02 G63>T (56) (87.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (86.7%)/<i>Homo sapiens</i> IGHV1-3*01 G63>T (56) (71.4%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%))] [8.8.11] (1-118) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03 G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) E109>G (431) (342-446), CHS K2>del (447)) (119-447)], (221-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-15*01 (89.5%) -IGKJ2*01 (100%))] [6.3.9] (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO) línea celular DG44, glicoforma alfa <i>immunomodulador, antineoplásico</i>

2109730-69-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada	
EVQLQQSGAE VVKPGASVKL SCKASGGNIK DTFIHWVKQA PGQGLEWIGR	50
IDPANTNTKY DPKFQGKATI TTDTSNTAY MELSSLRSD TAVYCVRGL	100
YTYFYDYWGQ GTLVTVSSAS TKGPSVFELA PSKSTSGGT AALGCLVKDY	150
FPFPTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI	200
CNVNHNKPSNT KVDKRVFKS CDKTHTCPPC PAPELLGGPS VFLEPFKPKD	250
TLNISRTPEV TCVVVDVSHH DPEVKFNWVY DGEVHNNAKT KPREEQYNST	300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTLSKA KGQPREPQVY	350
TLFPSREMT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTFPFVLD	400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFCSVMH GALHNNHTQK SLSLSPG	447
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera	
EIVMTQSPAT LSVSPGERAT LSCRASQSI NNLHWYQQKP GQAPRLLIK	50
ASQSIITGIPA RFGSGSGTE FTLTISLSQS EDFAVYYCQD GNSWPFYFGQ	100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNFFY PREAKVQWKV	150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG	200
LSSPVTKSFN RGEC	214
Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-H (C23-C104)	22-96 145-201 262-322 368-426
	22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
Intra-L (C23-C104)	23"-88" 134"-194"
	23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126)	221-214" 221"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14)	227-227" 230-230"
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación	
HCH2 N84.4:	
298, 298"	
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados	

betibeglogenum autotemcelum #
betibeglogene autotemcel

autologous CD34+ hematopoietic stem cells transduced *ex vivo* with *betibeglogene darolentivec* (116)(78), a self-inactivating human immunodeficiency virus-1 (HIV-1)-derived lentiviral vector encoding a T87Q-mutated form of the human hemoglobin subunit beta (HBB, beta-globin) gene under the control of a human β -globin promoter and a 3' β -globin enhancer. *cell therapy (beta-thalassemia and sickle cell disease)*

bétibéglogène autotemcel

cellules souches hématopoïétiques CD34+ autologues transduites *ex vivo* avec le *bétibéglogène darolentivec* (116)(78), vecteur lentiviral auto-inactivant dérivé du virus de l'immunodéficience humaine-1 (HIV-1) codant pour une forme mutée (T87Q) du gène de la sous-unité bêta de l'hémoglobine humaine (HBB, bêta-globine) sous le contrôle d'un promoteur de la β -globine humaine et un activateur de la β -globine en position 3'. *thérapie cellulaire (bêta-thalassémie et anémie falciforme)*

betibeglogén autotemcel

células madre hematopoyéticas CD34+ autólogas transducidas *ex vivo* con *betibeglogeéne darolentivec* (116)(78), un vector lentiviral, auto-inactivante, derivado del virus de la inmunodeficiencia humana-1 (VIH-1) que codifica para una forma mutada T87Q del gen de la subunidad beta de la hemoglobina humana (HBB, beta globina) bajo el control del promotor de la b-globina humana y un potenciador de la b-globina localizado en posición 3'. *terapia celular (beta-talasemia y anemia falciforme)*

branebrutinibum

branebrutinib

4-[(3*S*)-3-(but-2-ynamido)piperidin-1-yl]-5-fluoro-2,3-dimethyl-1*H*-indole-7-carboxamide
Bruton's tyrosine kinase inhibitor

branébrutinib

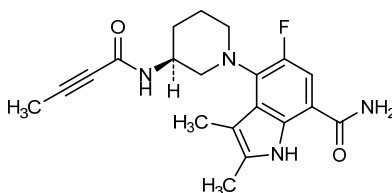
4-[(3*S*)-3-(but-2-ynamido)pipéridin-1-yl]-5-fluoro-2,3-diméthyl-1*H*-indole-7-carboxamide
inhibiteur de la tyrosine kinase de Bruton

branebrutinib

4-[(3*S*)-3-(but-2-inamido)piperidin-1-il]-5-fluoro-2,3-dimetil-1*H*-indol-7-carboxamida
inhibidor de la tirosina quinasa de Bruton

 $C_{20}H_{23}FN_4O_2$

1912445-55-6

**brensocatibum**

brensocatib

(2*S*)-*N*-{(1*S*)-1-cyano-2-[4-(3-methyl-2-oxo-2,3-dihydro-1,3-benzoxazol-5-yl)phenyl]ethyl}-1,4-oxazepane-2-carboxamide
cathepsin C inhibitor

brensocatib

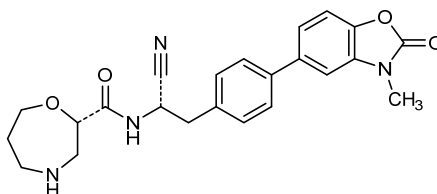
(2*S*)-*N*-{(1*S*)-1-cyano-2-[4-(3-méthyl-2-oxo-2,3-dihydro-1,3-benzoxazol-5-yl)phényl]éthyl}-1,4-oxazépane-2-carboxamide
inhibiteur de la cathepsine C

brensocatib

(2*S*)-*N*-{(1*S*)-1-ciano-2-[4-(3-metil-2-oxo-2,3-dihidro-1,3-benzoxazol-5-il)fenil]etil}-1,4-oxazepano-2-carboxamida
inhibidor de la catepsina C

 $C_{23}H_{24}N_4O_4$

1802148-05-5

**brepocitinibum**

brepocitinib

[(1*S*)-2,2-difluorocyclopropyl](3-{2-[(1-methyl-1*H*-pyrazol-4-yl)amino]pyrimidin-4-yl}-3,8-diazabicyclo[3.2.1]octan-8-yl)methanone
Janus kinase inhibitor

brépocitinib

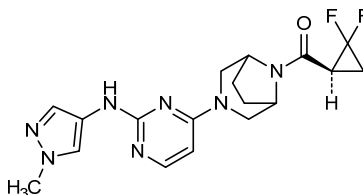
[(1S)-2,2-difluorocyclopropyl](3-{2-[(1-méthyl-1H-pyrazol-4-yl)amino]pyrimidin-4-yl}-3,8-diazabicyclo[3.2.1]octan-8-yl)méthanone
inhibiteur de la kinase de Janus

brepocitinib

[(1S)-2,2-difluorociclopil](3-{2-[(1-metil-1H-pirazol-4-il)amino]pirimidin-4-il}-3,8-diazabicio[3.2.1]octan-8-il)metanona
inhibidor de la quinasa de Janus

 $C_{18}H_{21}F_2N_7O$

1883299-62-4

**catequentinibum**

catequentinib

1-[(4-{4-fluoro-2-méthyl-1H-indol-5-yl}oxy)-6-méthoxyquinolin-7-yl]oxy)méthyl]cyclopropan-1-amine
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

catéquentinib

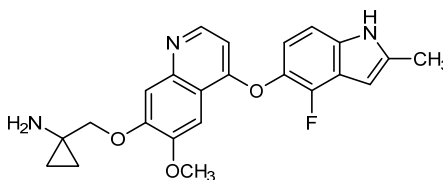
1-[(4-{4-fluoro-2-méthyl-1H-indol-5-yl}oxy)-6-méthoxyquinoléin-7-yl]oxy)méthyl]cyclopropan-1-amine
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

catequentinib

1-[(4-{4-fluoro-2-metil-1H-indol-5-il}oxo)-6-metoxiquinolein-7-il]oxi)metil]ciclopropan-1-amina
inhibidor de la tirosina quinasa, antineoplásico

 $C_{23}H_{22}FN_3O_3$

1058156-90-3

**centhaquinum**

centhaquine

2-{2-[4-(3-méthylphényl)piperazin-1-yl]éthyl]quinoline
 α_2 -adrenoreceptor agonist

centhaquine

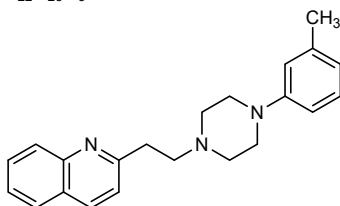
2-{2-[4-(3-méthylphényl)pipérazin-1-yl]éthyl]quinoléine
agoniste des récepteurs α_2 -adrénergiques

centhaquina

2-{2-[4-(3-metilfenil)piperazin-1-il]etil]quinoleina
agonista de los receptores α_2 -adrenérgicos

C₂₂H₂₅N₃

57961-90-7

**cinrebafuspum alfa #**

cinrebafusp alfa

[S²²⁸>P, F²³⁴>A, L²³⁵>A] immunoglobulin G4-kappa (chimeric human-*Mus musculus*, anti-(receptor tyrosine-protein kinase erbB-2, ERBB2, HER2)) fused on both heavy chains (1-447, 1'-447'') via a (G₄S)₃ linker (448-462, 448''-462'') to a CD137 (tumor necrosis factor receptor superfamily member 9, TNFRSF9, 4-1BB)-targeting mutant (23 exchanged residues) of human lipocalin-2 (neutrophil gelatinase-associated lipocalin, NGAL, oncogene 24p3, siderocalin) (463-640, 463''-640''):

gamma4 heavy chain fused to lipocalin-2 mutein (1-640) [*Homo sapiens* VH CH1 CH2 CH3 (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 -(IGHD)- IGHJ4*01 [CDRKabatH1: DTYIH (31-35); CDRKabatH2: RIYPTNGYTRYADSVKG (50-66); CDRKabatH3: WGGDGFYAMDY (99-109)]) (1-120) - *Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (121-218), hinge (S²²⁸>P) (219-230), CH2 (F²³⁴>A, L²³⁵>A) (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447'')) (1-447) - (G₄S)₃ linker (448-462) -human lipocalin-2 [mutant Q²⁸>H, L³⁶>Q, A⁴⁰>I, I⁴¹>R, Q⁴⁹>I, Y⁵²>M, N⁶⁵>D, S⁶⁸>M, L⁷⁰>K, R⁷²>D, K⁷³>D, D⁷⁷>M, W⁷⁹>D, R⁸¹>W, C⁸⁷>S, N⁹⁶>K, Y¹⁰⁰>F, L¹⁰³>H, Y¹⁰⁶>S, K¹²⁵>F, S¹²⁷>F, Y¹³²>E, K¹³⁴>Y (1-178)] (463-640)], (134-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [*Homo sapiens* VL CL (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 -IGKJ1*01 [CDRKabatL1: RASQDVNTAVA (24'-34'); CDRKabatL2: SASFLYS (50'-56'); CDRKabatL3: QQHYTTPPT (89'-97')]) (1'-107') - *Homo sapiens* IGKC*01 (108'-214')]; dimer (226-226'':229-229'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa immunomodulator, antineoplastic

cinrébafusp alfa

[S²²⁸>P, F²³⁴>A, L²³⁵>A]immunoglobuline G4-kappa (chimérique humaine-*Mus musculus*, anti-(récepteur tyrosine-protéine kinase erbB-2, ERBB2, HER2)) fusionnée sur les deux chaînes lourdes (1-447, 1'-447'') via un linker (G₄S)₃ (448-462, 448''-462'') à un mutant de la lipocaline-2 humaine (lipocaline associée à la gélatinase neutrophile, NGAL, oncogène 24p3, sidérocaline) ciblant le CD137 (membre 9 de la superfamille des récepteurs du facteur de nécrose tumorale, TNFRSF9, 4-1BB) (23 résidus échangés) (463-640, 463''-640''):

chaîne lourde gamma4 fusionnée à une mutéine de la lipocaline-2 (1-640) [*Homo sapiens* VH CH1 CH2 CH3 (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 - (IGHD)- IGHJ4*01 [CDRKabatH1: DTYIH (31-35); CDRKabatH2: RIYPTNGYTRYADSVKG (50-66); CDRKabatH3: WGGDGFYAMDY (99-109)]) (1-120) - *Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (121-218), charnière (S²²⁸>P) (219-230), CH2 (F²³⁴>A, L²³⁵>A) (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447'')) (1-447) -(G₄S)₃ linker (448-462) - lipocaline-2 humaine [mutant Q²⁸>H, L³⁶>Q, A⁴⁰>I, I⁴¹>R, Q⁴⁹>I, Y⁵²>M, N⁶⁵>D, S⁶⁸>M, L⁷⁰>K, R⁷²>D, K⁷³>D, D⁷⁷>M, W⁷⁹>D, R⁸¹>W, C⁸⁷>S, N⁹⁶>K, Y¹⁰⁰>F, L¹⁰³>H, Y¹⁰⁶>S, K¹²⁵>F, S¹²⁷>F, Y¹³²>E, K¹³⁴>Y (1-178)] (463-640)], (134-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [*Homo sapiens* VL CL (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 -IGKJ1*01 [CDRKabatL1: RASQDVNTAVA (24'-34'); CDRKabatL2: SASFLYS (50'-56'); CDRKabatL3: QQHYTTPPT (89'-97')]) (1'-107') - *Homo sapiens* IGKC*01 (108'-214')]; dimère (226-226'':229-229'')-bisdisulfure, produit par des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa immunomodulateur, antinéoplasique

cinrebafusp alfa

[S²²⁸>P, F²³⁴>A, L²³⁵>A] inmunoglobulina G4-kappa (quimérica humana-*Mus musculus*, anti-(receptor tirosina-proteína quinasa erbB-2, ERBB2, HER2)) fusionada a las dos cadenas pesadas (1-447, 1"-447") a través de un conector (G₄S)₃ (448-462, 448"-462") con un mutante de la lipocalina-2 humana (lipocalina asociada con la gelatinasa neutrófila, NGAL, oncogen 24p3, siderocalina) dirigidos al CD137 (miembro 9 de la superfamilia de los receptores del factor de necrosis tumoral, TNFRSF9, 4-1BB) (23 residuos intercambiados) (463-640, 463"-640"):

cadena pesada gamma4 fusionada con una mutéina de la lipocalina-2 (1-640) [*Homo sapiens* VH CH1 CH2 CH3 (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 -(IGHD)- IGHJ4*01 [CDRKabatH1: DTYIH (31-35); CDRKabatH2: RIYPTNGYTRYADSVKG (50-66); CDRKabatH3: WGGDGFYAMDY (99-109)] (1-120) - *Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (121-218), bisagra (S²²⁸>P) (219-230), CH2 (F²³⁴>A, L²³⁵>A) (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (1-447) -(G₄S)₃ conector (448-462) - lipocalina-2 humana [mutante Q²⁸>H, I³⁶>Q, A⁴⁰>I, I⁴¹>R, Q⁴⁹>I, Y⁵²>M, N⁶⁵>D, S⁶⁸>M, L⁷⁰>K, R⁷²>D, K⁷³>D, D⁷⁷>M, W⁷⁹>D, R⁸¹>W, C⁸⁷>S, N⁹⁶>K, Y¹⁰⁰>F, L¹⁰³>H, Y¹⁰⁶>S, K¹²⁵>F, S¹²⁷>F, Y¹³²>E, K¹³⁴>Y (1-178)] (463-640)], (134-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [*Homo sapiens* VL CL (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 -IGKJ1*01 [CDRKabatL1: RASQDVNTAVA (24'-34'); CDRKabatL2: SASFLYS (50'-56'); CDRKabatL3: QQHYTTPPT (89'-97')] (1'-107') - *Homo sapiens* IGKC*01 (108'-214')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro, producido por de las células ováricas de hamster chinos (CHO), glicoforma alfa

inmunomodulador, antineoplásico

2218515-90-1

Sequence / Séquence / Secuencia:
Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada:
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFNIK DTYIHWVRQA PGKGLEWVAR 50
IYPTNGYTRY ADSVKGRTI SADTSKNTAY LQMNSLRAED TAVYCSRWG 100
GDGFYAMDYW GQGTLLVTSS ASTKGPSVFP LAPCSRSTSE STAALGCLVK 150
DYFPEPTVTS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTKT 200
YTCNVDHKFS NTKVDKRVES KYGPPCPPCP APEAAGGPSV FLFPKPKDPT 250
LMISRTPEVT CVVVDVSQED PEVQFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQFNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKGLPS SIEKTIKAK GQRPQVYV 350
LPQSQEEMTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTPPVLDL 400
DGSFFLYSRL TVDKSRQEG NVFSCVMHE ALHNHYTQKS LSLSLGKGGG 450
SGGGGSGGG GSQDSTSLI PAPLSKVPL QQNFQDNQFH GKWYVVGQAG 500
NIRLRDKDP IKMMATIEL KEDKSYDVTM VKFDDKCMY DIWTFVPGSQ 550
PGEFTLGKIK SFPGHTSSLV RVVSTNYNQH AMVFFKFVQ NREEFYITLY 600
GRTKELTSEL KENFIRFSK LGLPENHIVF VPPIQCIDG 640

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera:
DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCRASQDVN TAVAWYQQKP GKAPKLLIYS 50
ASFLYSGVPS RFGSRSRGTG FTLTISSLQP EDFATYYCQQ HYTTPPTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNFEY PREAKVQWVK 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSK STYSLSTLT LSKADYKHKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

Disulfide bridge location / Position de la pont disulfure / Posición del puente disulfuro:
intra-H: IgG4: 22"-96, 147-203, 261-321, 367-425,
22"-96", 147"-203", 261"-321", 367"-425"
lipocalin-2: 538-637, 538"-637"
intra-L: 23'-88", 134'-194', 23"-88", 134"-194"
inter-H-L: 134-214', 134"-214"
inter-H-H: 226-226", 229-229"

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación
N297, N297"

cosibelimabum #

cosibelimab

immunoglobulin G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* CD274 (programmed death ligand 1, PDL1, PD-L1, B7 homolog 1, B7H1)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01(100%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359) L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-217')-disulfide with lambda light chain *Homo sapiens* (1'-218') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV6-57*01 (96.9%) -IGLJ2*01 (91.7%)) [8.3.11] (1'-112') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (113'-218')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

cosibélimab

immunoglobuline G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligand 1 de mort programmée, PDL1, PD-L1, homologue 1 de B7, B7H1)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
 chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01(100%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-217')-disulfure avec la chaîne légère lambda *Homo sapiens* (1'-218') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV6-57*01 (96.9%) -IGLJ2*01 (91.7%)) [8.3.11] (1'-112') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (113'-218')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

cosibelimab

immunoglobulina G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligando 1 de muerte programada, PDL1, PD-L1, homólogo 1 de B7, B7H1)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
 cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01(100%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-217')-disulfuro con la cadena ligera lambda *Homo sapiens* (1'-218') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV6-57*01 (96.9%) -IGLJ2*01 (91.7%)) [8.3.11] (1'-112') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (113'-218')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicoforma alfa
immunomodulador, antineoplásico

2216751-26-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada	
EVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGGTFS RSAISWVRQA PGQGLEWMGV	50
IIPAFGEANY AQKFQGRVTI TADESTSTAY MELSSLSRSED TAVYYCARGR	100
QMFAGAGIDFW GGGTLVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK	150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VFSSSLGTQT	200
YICNVNHKFS NTKVDKRVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP	250
KDTLMISRTPEVTQVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN	300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIK KAKGQPREPQ	350
VTYLPFSRDE LTRNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTTPV	400
LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK	450
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera	
NFMLTQPHSV SESPGKTVTI SCTRSSGSDI SNYVQWYQQR PGSAPTTVIY	50
EDNQRPSGVP DRFSGSIDSS SNSASLTISG LKTEDEADYY CQSYDSNNRH	100
VIFGGGKTLT VLQGPKAAPS VTLFPPSSEE LQANKATLVC LISDFYPGAV	150
TVAWKADSSP VKAGVETTPP SKQSNNKYAA SSYLSLTPEQ WKSHRYSYSCQ	200
VTHEGSTVEK TVAPTECS	218
Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-H (C23-C104)	22-96 147-203 264-324 370-428
	22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
Intra-L (C23-C104)	22"-91" 140"-199"
	22"-91"" 140""-199""
Inter-H-L (h5-CL 126)	223-217" 223"-217"
Inter-H-H (h 11, h 14)	229-229" 232-232"
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación	
HCH2 N84.4:	
300, 300"	
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.	

dirloctocogenum samoparvovecum #
dirloctocogene samoparvovec

A recombinant non-replicating adeno-associated virus vector with a bio-engineered capsid derived by DNA shuffling of 10 AAV capsid sequences (AAV1, 2, 3B, 4, 5, 6, 8, 9, avian and bovine AAV) followed by *in vivo* selection in Fah-/-/Rag2-/-/Il2rg-/- (FRG) mice partially repopulated with human hepatocytes. The vector has AAV2 genomic inverted terminal repeats (ITR) and encodes a human B-domain-deleted blood coagulation factor VIII (hF8, FVIII) under the control of a modified transthyretin (TTRm) promoter. Note: the nucleotide sequence of the vector is a modification of the one of the vector of *rovotocogene durparvovec* (proposed INN: List 120).
gene therapy (hemophilia)

dirloctocogène samoparvovec

Vecteur viral adéno-associé recombinant non-répliquant avec une capside obtenue par bio-ingénierie dérivée du mélange des séquences de l'ADN de 10 capsides de AAV (AAV1, 2, 3B, 4, 5, 6, 8, 9, AAV aviaire et AAV bovin) suivi de la sélection *in vivo* chez des souris Fah-/-/Rag2-/-/Il2rg-/- (FRG) partiellement repeuplés avec des hépatocytes humains. Le vecteur contient les séquences inverses terminales répétées (ITR) de AAV2 et code pour le facteur de coagulation sanguine VIII humain (hF8, FVIII), dont le domaine B a été supprimé, sous le contrôle d'un promoteur modifié de la transthyréline (TTRm). Note: la séquence de nucléotides du vecteur est une modification de celle du vecteur de *rovotocogène durparvovec* (DCI proposées: Liste 120).
thérapie génique (hémophilie)

dirloctocogén samoparvovec

Un vector de virus adenoasociado recombinante no replicativo con una cápsida bioingenierizada mediante la mezcla de secuencias de DNA de 10 cápsidas de AAV (AAV1, 2, 3B, 4, 5, 6, 8, 9, AAV aviar y AAV bovino) seguido de selección in vivo en ratones Fah^{-/-}/Rag2^{-/-}/Il2rg^{-/-} (FRG) parcialmente repoblados con hepatocitos humanos. El vector tiene repeticiones terminales invertidas (ITR) genómicas de AAV2 y codifica para un factor de coagulación sanguíneo VIII humano (hF8, FVIII) con el dominio B deleciónado, bajo el control de un promotor de transtiretina modificado (TTRm).

Nota: la secuencia de nucleótidos del vector es una modificación de la del vector de *rovotocogén durparvovec* (DCI propuestas: Lista 120).
terapia génica (hemofilia)

2163074-23-3

dovanvetmabum #
dovanvetmab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Felis catus* IL31 (interleukin 31)], felinized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain felinized (1-457) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (72.4%) -(IGHD) - IGHJ3*01(80.0%)) [8.8.15] (1-122) -*Felis catus* IGHG1*01 (CH1 (123-220), hinge 1-18 (221-238), CH2 ML1.4-1.3>AA (242-243), G1.1>A (245) (239-348), CH3 (349-455), CHS (456-457)) (123-457)]. (137-214')-disulfide with kappa light chain felinized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (80.9%) - IGKJ4*01 (91.7%)) [6.3.9] (1'-107') -*Felis catus* IGKC*01 (99.1%) N122>Q (210) (108'-214')]; dimer (232-232":234-234":237-237")-trisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO)-GS cell line, glycoform alfa
immunomodulator (veterinary use)

dovanvetmab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Felis catus* IL31 (interleukine 31)], anticorps monoclonal félinisé; chaîne lourde gamma1 félinisée (1-457) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (72.4%) -(IGHD) - IGHJ3*01(80.0%)) [8.8.15] (1-122) -*Felis catus* IGHG1*01 (CH1 (123-220), charnière 1-18 (221-238), CH2 ML1.4-1.3>AA (242-243), G1.1>A (245) (239-348), CH3 (349-455), CHS (456-457)) (123-457)], (137-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa félinisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (80.9%) - IGKJ4*01 (91.7%)) [6.3.9] (1'-107') - *Felis catus* IGKC*01 (99.1%) N122>Q (210) (108'-214')]; dimère (232-232":234-234":237-237")-trisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO) lignée cellulaire GS, glycoforme alfa
immunomodulateur (usage vétérinaire)

dovanvetmab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Felis catus* IL31 (interleukina 31)], anticuerpo monoclonal felinizado; cadena pesada gamma1 felinizada (1-457) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (72.4%) -(IGHD) -IGHJ3*01(80.0%)) [8.8.15] (1-122) -*Felis catus* IGHG1*01 (CH1 (123-220), bisagra 1-18 (221-238), CH2 ML1.4-1.3>AA (242-243), G1.1>A (245) (239-348), CH3 (349-455), CHS (456-457)) (123-457)], (137-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa felinizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (80.9%) -IGKJ4*01 (91.7%)) [6.3.9] (1'-107') -*Felis catus* IGKC*01 (99.1%) N122>Q (210) (108'-214')]; dímero (232-232":234-234":237-237")-trisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO) línea celular GS, glicoforma alfa

immunomodulador (uso veterinario)

2171034-71-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVLLVQSGAE VRTPGASVKI FCKASGYSFT SYTIHWLRQA PAQGLEWMGN 50
INPTSGYTEN NQRFKDRILT TADTSTNTAY MELSSLRSD TAMYYCARWG 100
FKYDGEWSFD VMGAGTTVTY SSASTTAPSV FLAPLAPSCGT SGATVALACL 150
VLGYFFPEVT VSNNSGALTS GVHTFPAVLQ ASGLYSLSSM VTPSSRWLS 200
DTFTCNVAHP PSNTKVDKTV RKTDFHPGPK PCDCPKCPFF EAAGAPSIPI 250
FPFKPKDTLS ISRTPEVTCL VVDLGPDSQ VQITWFVDNT QVYTAKTSPR 300
EEQFNSTYRV VSVLPILHQD WLKGKEFKCK VNSKSLPSPI ERTISKARQG 350
PHEPQVYVLP PAQEELSRNK VSYTCLIKSF HPPDIAVENE ITGQPEPENN 400
YRTTPPQLDS DGTYFVYSKL SVDRSHWQRG NTYTCSVSHE ALHSHHTQKS 450
LTQSPGK 457

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIQMTQSPSS LSASPGDRVIT ITCRASQGIS IWLWYQQKP GNIPKVLINK 50
ASNLHIGVPS RFGSGSGSDT FTLTISLSEI EDAATYYCLQ SQTYPITFGG 100
GTRLEIKRSD AQPSTVFLFQP SLDELHTGSA SIVCILNDFY PKEVNVKWKV 150
DGVVQNRGIQ ESTTEQNSKD STYLSSTLT MSSTEQSHE KFSCEVTHKS 200
LASTLVKSPQ RSEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 149-205 269-329 375-435
22"-96" 149"-205" 269"-329" 375"-435"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (CH1 I1-CL126) 137-214' 137"-214"
Inter-H-H (h12, h14, h17) 232-232" 234-234" 237-237"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
305, 305'
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

efbemalenograstimum alfa #
efbemalenograstim alfa

human granulocyte colony-stimulating factor (G-CSF) fragment fused via a peptidyl linker to a human immunoglobulin G2 Fc fragment variant, dimer: [human granulocyte colony-stimulating factor (G-CSF, pluripoietin) short [A¹V³⁷,S³⁸,E³⁹>del] isoform (1-174)]-[GS₃S(G₄S)₂ linker (175-190)]-[human immunoglobulin G2 Fc fragment (223 C-terminal residues) (*Homo sapiens* IGHG2*01 (natural S³⁴⁴>A variant); hinge (191-197), CH2 (P²⁹⁷>S) (198-306), CH3 (307-411), CHS (412-413)(191-413)] fusion protein, dimer (193-193':196-196')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
granulocyte colony stimulating factor

efbémalénograstim alfa

fragment du facteur de stimulation des colonies de granulocytes humain (G-CSF) lié par un peptide à un variant du fragment Fc de l'immunoglobuline humaine G2, dimère:

[facteur humain de stimulation des colonies de granulocytes (G-CSF, pluripoiétine) [A¹,V³⁷,S³⁸,E³⁹>del] isoforme courte (1-174)]-[GS₃S(G₄S)₂ linker (175-190)]-[fragment Fc de l'immunoglobuline humaine G2 (résidus 223 C-terminaux) (*Homo sapiens* IGHG2*01 (variant naturel S³⁴⁴>A); charnière (191-197), CH2 (P²⁹⁷>S) (198-306), CH3 (307-411), CHS (412-413)(191-413)] protéine de fusion, dimère (193-193':196-196')-bisdisulfure, produit par des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
facteur de stimulation des colonies de granulocytes

efbemalenograstim alfa

fragmento del factor de estimulación de las colonias de granulocitos humano (G-CSF) que se une por un péptido a una variante del fragment Fc de la inmunoglobulina humana G2, dímero:
[factor humano de estimulación de las colonias de granulocitos (G-CSF, pluripoyetina) [A¹,V³⁷,S³⁸,E³⁹>del] isoforma corta (1-174)]-[GS₃S(G₄S)₂ conector (175-190)]-[fragmento Fc de la inmunoglobulina humana G2 (residuo 223 C-terminal) (*Homo sapiens* IGHG2*01 (variante natural S³⁴⁴>A); bisagra (191-197), CH2 (P²⁹⁷>S) (198-306), CH3 (307-411), CHS (412-413)(191-413)] proteína de fusión, dímero (193-193':196-196')-bisdisulfuro, producido por las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicoforma alfa
factor estimulante de las colonias de granulocitos

2200269-79-8

Sequence / Séquence / Secuencia:

```
TPLGPASSLP QSFLLKCLEQ VRKIQGDGAA LQEKLCATYK LCHPEELVLL 50
GHSLGIPWAP LSSCPSSQALQ LAGCLSQLHS GLFLYQGLLQ ALEGISPELG 100
PTLDTLQLDV ADFATTIWQQ MEELGMAPAL QPTQGAMPAP ASAFQRRAGG 150
VLVASHLQSF LEVSYRVLRLH LAQPGSGGGS GGGSGGGGS VECPPCPAPP 200
VAGPSVLELFP PKPKDTLMIS RTPEVTCVVV DVSHDEPEVQ FNNWYVDGVEV 250
HNAKTKPREE QFNSTFRVVS VLTVVHQDWL NGKEYKCKVS NKGLPASIEK 300
TISKTKGQPR EPQVYTLPPS REEMTKNQVS LTCLVKEGYF SDIAVEWESN 350
GQFENNYKTT PMMLDSGGSF FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSVMHEALHN 400
HYTQKSLSL PGK 413
```

Disulfide bridge location / Position de la pont disulfure / Posición del puente disulfuro:
intra-G-CSF: 36-42, 64-74, 36'-42', 64'-74'
intra-IgG2 Fc: 227-287, 333-391, 227'-287', 333'-391'
inter-IgG2 Fc: 193-193', 196-196'

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación
N-linked glycans: Asn263, Asn263"
O-linked glycans: Thr133, Thr133"

efmitemantum alfa #
efmitemant alfa

human follistatin fragment fused via a peptidyl linker to a human immunoglobulin G2 Fc fragment, dimer:
[human follistatin (FST, FS, activin-binding protein) (1-291)-peptide]-[TG₃ linker (292-295)]-[human immunoglobulin G2 Fc fragment (223 C-terminal residues) [*Homo sapiens* IGHG2*01; hinge (296-302), CH2 (303-411), CH3 (412-516), CHS (517-518)] (296-518) (natural S⁴⁴⁹>A variant)] fusion protein, dimer (198-198':201-201')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
anti-transforming growth factor

efmitemrant alfa

fragment de la follistatine humaine fusionnée via un peptide à un fragment Fc de l'immunoglobuline humaine G2, dimère:
[follistatine humaine (FST, FS, protéine liant l'activine) (1-291)-peptide]-[TG₃ linker (292-295)]-[fragment Fc de l'immunoglobuline G2 humaine (223 résidus C-terminaux) [*Homo sapiens* IGHG2*01; charnière (296-302), CH2 (303-411), CH3 (412-516), CHS (517-518)] (296-518) (variant naturel S⁴⁴⁹>A)] protéine de fusion, dimère (198-198':201-201')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
anti-facteur de croissance transformant

efmitemrant alfa

fragmento de la folistatina humana fusionada a través de un péptido con un fragmento Fc de la inmunoglobulina humana G2, dímero:
[folistatina humana (FST, FS, proteína que se una a la activina) (1-291)-péptido]-[TG₃ conector (292-295)]-[fragmento Fc de la inmunoglobulina G2 humana (residuo 223 C-terminal) [*Homo sapiens* IGHG2*01; bisagra (296-302), CH2 (303-411), CH3 (412-516), CHS (517-518)] (296-518) (variante naturel S⁴⁴⁹>A)] proteína de fusión, dímero (198-198':201-201')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicoforma alfa
anti-factor de crecimiento transformante

1644543-31-6

Sequence / Séquence / Secuencia

GNCWLRQAKN	GRCQVLYKTE	LSKEECCSTG	RLTSWTEED	VNDNTLFKWM	50
IFNGGAPNCI	PCKETCENV	CGPGKKCRMN	KKNKPRCVCA	PDCSNITWKG	100
PVCGLDGKTY	RNECALLKAR	CKEQPELEVQ	YQGRCKKTCR	DVFCPGSSTC	150
VVDQTNNAVC	VTNRCICEP	ASSEQVLCGN	DGVTYSSACH	LRKATCLLGR	200
SIGLAYEGKC	IKAKSCEDIQ	CTGGKKCLWD	FKVGRGRCSL	CDELCPDSKS	250
DEPVCASDNA	TYASECAMKE	AACSSGVLL	VKHSGSCNSI	STGGGVECPP	300
CPAPPVAGPS	VFLFPKPKD	TLMISRTPEV	TCVVVDVSHE	DPEVFQNWYV	350
DGVEVHNAKT	KPREEQFNST	FRVSVLTVV	QDVLNGKEY	KCKVSNKGLP	400
APIEKTISK	KGQPREPQVY	TLPPSREEMT	KNQVSLTCLV	KGFYPSDI	450
EWESNGQPEN	NYKTTTPMLD	SDGSFFLYSK	LTVDKSRWQQ	GNVFSCSMH	500
EALHNHYTQK	SLSLSPGK				518

Disulfide bridge location / Position de la pont disulfure / Posición del puente disulfuro

intra-H, intra-H':	FST:	3-26, 13-59, 27-62, 66-77, 71-87, 89-121, 93-114, 103-135, 139-150, 144-160, 163-196, 167-189, 178-210, 216-227, 221-238, 241-273, 245-266, 255-287
	IgG2:	332-392, 438-496
inter-H-H':		298-298', 301-301'

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación

Asn95, Asn259, Asn368

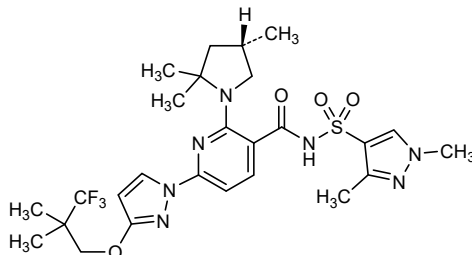
elexacaftor	<i>N</i>-(1,3-dimethyl-1<i>H</i>-pyrazole-4-sulfonyl)-6-[3-(3,3,3-trifluoro-2,2-dimethylpropoxy)-1<i>H</i>-pyrazol-1-yl]-2-[(4<i>S</i>)-2,2,4-trimethylpyrrolidin-1-yl]pyridine-3-carboxamide <i>cystic fibrosis transmembrane regulator (CFTR) protein modulator</i>
élexacaftor	<i>N</i>-(1,3-diméthyl-1<i>H</i>-pyrazole-4-sulfonyl)-6-[3-(3,3,3-trifluoro-2,2-diméthylpropoxy)-1<i>H</i>-pyrazol-1-yl]-2-[(4<i>S</i>)-2,2,4-triméthylpyrrolidin-1-yl]pyridine-3-carboxamide <i>modulateur de la protéine régulatrice de la perméabilité transmembranaire impliquée dans la mucoviscidose (CFTR)</i>

elexacaftor

N-(1,3-dimetil-1*H*-pirazol-4-sulfonil)-6-[3-(3,3,3-trifluoro-2,2-dimetilpropoxi)-1*H*-pirazol-1-il]-2-[(4*S*)-2,2,4-trimetilpirrolidin-1-il]piridina-3-carboxamida
modulador de la proteína reguladora de la conductancia transmembrana de la fibrosis quística (CFTR)

 $C_{26}H_{34}F_3N_7O_4S$

2216712-66-0

**elivaldogenum autotemcelum #**

elivaldogene autotemcel

autologous CD34+ hematopoietic stem cells transduced *ex vivo* with *elivaldogene tavalentivec* (115)(77), a VSV-G*-pseudotyped self-inactivating HIV-1-derived lentiviral vector (pLBP100 hALD) encoding human adrenoleukodystrophy (ALD) protein (ABCD1 gene) under the control of a modified myeloproliferative sarcoma virus promoter (MND**)

* VSV-G = vesicular stomatitis virus G envelope protein

** MND = myeloproliferative sarcoma virus enhancer with negative control region deleted, dl587rev primer-binding site substituted

cell therapy (adrenoleukodystrophy)

élivaldogène autotemcel

cellules souches hématopoïétiques CD34+ autologues transduites *ex vivo* avec l'*élivaldogène tavalentivec*, vecteur lentiviral dérivé du VIH-1 auto-inactivant (pLBP100 hALD) pseudotypé VSV-G*, codant pour la protéine humaine de l'adrénoleucodystrophie (ALD) (gène ABCD1), sous le contrôle d'un promoteur du virus du sarcome myéloprolifératif modifié (MND**)

* VSV-G = glycoprotéine G de l'enveloppe du virus de la stomatite vésiculaire

** MND = activateur du virus du sarcome myéloprolifératif dont la région de contrôle négatif a été supprimée, le site de liaison de l'amorce substitué par dl587rev
thérapie cellulaire (adrénoleucodystrophie)

elivaldogén autotemcel

células madre hematopoyéticas CD34+ autólogas transducidas *ex vivo* con *elivaldogén tavalentivec* (115)(77), un vector lentiviral, auto-inactivante, derivado del VIH-1 y seudotipado con VSV-G* (pLBP100 hALD), que codifica para la proteína de la adrenoleucodistrofia (ALD) humana (gen ABCD1), bajo el control de un promotor modificado del virus del sarcoma mieloproliferativo (MND**)

* VSV-G = proteína G de la envuelta del virus de la estomatitis vesicular

** MND = activador del virus del sarcoma mieloproliferativo con la región de control negativo delecionada y, el sitio de unión del primer dl587rev substituido
terapia celular (adrenoleucodistrofia)

elsubrutinibum

elsubrutinib

4-[(3*S*)-1-(prop-2-enoyl)piperidin-3-yl]-1*H*-indole-7-carboxamide*Bruton's tyrosine kinase inhibitor*

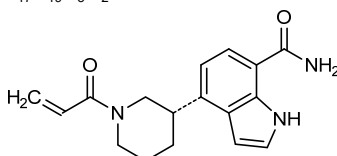
elsubrutinib

4-[(3*S*)-1-(prop-2-énoyl)pipéridin-3-yl]-1*H*-indole-7-carboxamide*inhibiteur de la tyrosine kinase de Bruton*

elsubrutinib

4-[(3*S*)-1-(prop-2-enoi)l)piperidin-3-il]-1*H*-indol-7-carboxamida*inhibidor de la tirosina quinasa de Bruton* $C_{17}H_{19}N_3O_2$

1643570-24-4

**enavogliflozinum**

enavogliflozin

(1*S*)-1,5-anhydro-1-*C*-{[7-chloro-6-[(4-cyclopropylphenyl)methyl]-2,3-dihydro-1-benzofuran-4-yl]-*D*-glucitol}*antidiabetic*

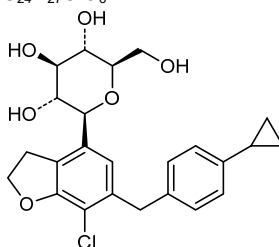
énavogliflozine

(1*S*)-1,5-anhydro-1-*C*-{[7-cloro-6-[(4-cyclopropylphényl)méthyl]-2,3-dihydro-1-benzofuran-4-yl]-*D*-glucitol}*hypoglycémiant*

enavogliflozina

(1*S*)-1,5-anhidro-1-*C*-{[7-cloro-6-[(4-ciclopropilfenil)metil]-2,3-dihidro-1-benzofuran-4-il]-*D*-glucitol}*hipoglucemiante* $C_{24}H_{27}ClO_6$

1415472-28-4

**encelimabum #**

encelimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* LAG3 (lymphocyte activating 3, lymphocyte-activation 3, CD223)], humanized monoclonal antibody; gamma4 heavy chain humanized (1-441) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (78.1%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (91.7%)) [8.8.7] (1-114)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (115-212), hinge 1-12 S10>P (222) (213-224), CH2 (225-334), CH3 (335-439), CHS (440-441)) (115-441)], (128-219')-disulfide with kappa light chain

humanized (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2D-29*02 (89.0%) - IGKJ4*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (220-220"-223-223")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

encelimab immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* LAG3 (activateur 3 des lymphocytes, lymphocyte-activation 3, CD223)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde gamma4 humanisée (1-441) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (78.1%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (91.7%)) [8.8.7] (1-114)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (115-212), charnière 1-12 S10>P (222) (213-224), CH2 (225-334), CH3 (335-439), CHS (440-441)) (115-441)], (128-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2D-29*02 (89.0%) -IGKJ4*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (220-220"-223-223")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

encelimab inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* LAG3 (activador 3 de los linfocitos, activación de linfocito 3, CD223)], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada gamma4 humanizada (1-441) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (78.1%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (91.7%)) [8.8.7] (1-114)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (115-212), bisagra 1-12 S10>P (222) (213-224), CH2 (225-334), CH3 (335-439), CHS (440-441)) (115-441)], (128-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2D-29*02 (89.0%) -IGKJ4*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (220-220"-223-223")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofoma alfa
immunomodulador, antineoplásico

2173096-82-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVQSGAE VKKPGATVKI SKASGFSIK DDYIHWVQQA PGKGLEWMGW 50
IDAMNDDSGY SSKFQGRVTI TVDTSTNTAY MKLSSLSRED TAVYYCTYAF 100
GGYWGQGTTV TVSSASTKGP SVFPLAPCSR STSESTAALG CLVKDYFPEP 150
VTVSWNSGAL TSGVHTFPAV LQSSGLYSLV SVVTVFSSSL GTKTYTCNVD 200
HKPSNTKVDK RVESKYGPFC PFCPAPEFLG GPSVFLFFPK PKDTLMISRT 250
PEVTCVVVDV SQEDPEVQFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQF NSTYRVVSVL 300
TVLHQDWLNG KEYRCKVSNK GLPSSIEKTI SKAKGQPREP QVYTLPPSQE 350
EMTKNQVSLT CLVKGFPYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTTP VLDSDGSFFL 400
YSRLTVDKSR WQEGNVFSCS VMHEALHNHY TQKSLSLSLG K 441

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIVMTQTPLS LSVTPGQPAS ISCRSSQSLV HSDSNTYLHW YLQKPGQSPQ 50
LLIYLVSNNF SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVG VFCGQSTHVP 100
YAFGGGKTKE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKSTYSLS SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 141-197 255-315 361-419
22"-96" 141"-197" 255"-315" 361"-419"
Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'
23"'-93'" 139"'-199'"
Inter-H-L (CH1 C10-CL 126) 128-219' 128"-219"
Inter-H-H (h 8, h 11) 220-220' 223-223"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
HCH2 N84.4:
291, 291"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping:
HCIS K2:
441, 441"

enmetazobactamum

enmetazobactam

(2*S*,3*S*,5*R*)-3-methyl-3-[(3-methyl-1*H*-1,2,3-triazol-3-ium-1-yl)methyl]-4,4,7-trioxo-4λ⁶-thia-1-azabicyclo[3.2.0]heptane-2-carboxylate
beta-lactamase inhibitor

enmétazobactam

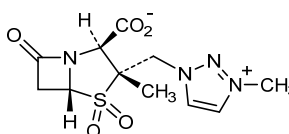
(2*S*,3*S*,5*R*)-3-méthyl-3-[(3-méthyl-1*H*-1,2,3-triazol-3-ium-1-yl)méthyl]-4,4,7-trioxo-4λ⁶-thia-1-azabicyclo[3.2.0]heptane-2-carboxylate
inhibiteur de la bêta-lactamase

enmetazobactam

(2*S*,3*S*,5*R*)-3-metil-3-[(3-metil-1*H*-1,2,3-triazol-3-ium-1-il)metil]-4,4,7-trioxo-4λ⁶-tia-1-azabicyclo[3.2.0]heptano-2-carboxilato
inhibidor de la beta-lactamasa

C₁₁H₁₄N₄O₅S

1001404-83-6

**epcoritamabum #**

epcoritamab

immunoglobulin G1-lambda/kappa, anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon)] and anti-[*Homo sapiens* MS4A1 (membrane-spanning 4-domains subfamily A member 1, CD20)], monoclonal antibody, bispecific; gamma1 heavy chain chimeric anti-CD3E (1-454) [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%)/*Homo sapiens* IGHV3-72*01 (81.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (67.0%))] [8.10.16] (1-125) -*Homo sapiens* IGHG1*03G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (222) (126-223), hinge 1-15 (224-238), CH2L1.3>F (242), L1.2>E (243), D27>A (273) (239-348), CH3 E12 (364), M14(366), F85.1>L (413) (349-453), CHS K2>del (454)) (126-454)], (228-214')-disulfide with lambda light chain chimeric (1'-215') [V-LAMBDA (*Mus musculus* IGLV1*01 (83.3%) -IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV8-61*01 (70.8%) -IGLJ3*02 (100%)] [9.3.9] (1'-109') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (110'-215')]; gamma1 heavy chain *Homo sapiens* anti-MS4A1 (1'-451'') [VH (*Homo sapiens* IGHV3-9*01 (96.0%) - (IGHD) -IGHJ6*01 (100%))] [8.8.15] (1''-122'') -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3, G1m1 (CH1 R120 (219) (123-220), hinge 1-15 (221-235), CH2 L1.3>F (239), L1.2>E (240), D27>A (270) (236-345), CH3E12 (361), M14 (363), K88>R (414) (346-450), CHS K2>del (451)) (123''-451'')], (225''-214''')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'''-214''') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (100%) -IGKJ5*01 (100%))] [6.3.9] (1'''-107''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'''-214'''); dimer (234-231'':237-234'')-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO)-S cell line, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

épcoritamab

immunoglobuline G1-lambda/kappa, anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon)] et anti-[*Homo sapiens* MS4A1 (membre 1 de la sous-famille A à 4 domaines transmembranaires, CD20)], anticorps monoclonal bispécifique;
chaîne lourde gamma1 chimérique anti-CD3E (1-454) [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%)/*Homo sapiens* IGHV3-72*01 (81.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (67.0%))] [8.10.16] (1-125) -*Homo sapiens* IGHG1*03G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (222) (126-223), charnière 1-15 (224-238), CH2 L1.3>F (242), L1.2>E (243), D27>A (273) (239-348), CH3 E12 (364), M14(366), F85.1>L (413) (349-453), CHS K2>del (454)) (126-454)], (228-214')-disulfure avec la chaîne légère lambda chimérique (1'-215') [V-LAMBDA (*Mus musculus* IGLV1*01 (83.3%) -IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV8-61*01 (70.8%) -IGLJ3*02 (100%))] [9.3.9] (1'-109') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (110'-215')];
chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* anti-MS4A1 (1"-451") [VH (*Homo sapiens* IGHV3-9*01 (96.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%))] [8.8.15] (1"-122") -*Homo sapiens* IGHG1*03G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (219) (123-220), charnière 1-15 (221-235), CH2 L1.3>F (239), L1.2>E (240), D27>A (270) (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363), K88>R (414) (346-450), CHS K2>del (451)) (123"-451")), (225"-214'")-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'"-214'") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (100%) -IGKJ5*01 (100%))] [6.3.9] (1'"-107'") -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'"-214'"); dimère (234-231'"::237-234'")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

epcoritamab

immunoglobulina G1-lambda/kappa, anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 épsilon)] y anti-[*Homo sapiens* MS4A1 (miembro 1 de la sub-familia A de 4 dominios transmembranarios, CD20)], anticuerpo monoclonal biespecífico;
cadena pesada gamma1 quimérica anti-CD3E (1-454) [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%)/*Homo sapiens* IGHV3-72*01 (81.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (67.0%))] [8.10.16] (1-125) -*Homo sapiens* IGHG1*03G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (222) (126-223), bisagra 1-15 (224-238), CH2 L1.3>F (242), L1.2>E (243), D27>A (273) (239-348), CH3 E12 (364), M14(366), F85.1>L (413) (349-453), CHS K2>del (454)) (126-454)], (228-214')-disulfuro con la cadena ligera lambda quimérica (1'-215') [V-LAMBDA (*Mus musculus* IGLV1*01 (83.3%) -IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV8-61*01 (70.8%) -IGLJ3*02 (100%))] [9.3.9] (1'-109') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (110'-215')];
cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* anti-MS4A1 (1"-451") [VH (*Homo sapiens* IGHV3-9*01 (96.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%))] [8.8.15] (1"-122") -*Homo sapiens* IGHG1*03G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (219) (123-220), bisagra 1-15 (221-235), CH2 L1.3>F (239), L1.2>E (240), D27>A (270) (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363), K88>R (414) (346-450), CHS K2>del (451)) (123"-451")), (225"-214'")-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'"-214'") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (100%) -IGKJ5*01 (100%))] [6.3.9] (1'"-107'") -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'"-214'"); dímero (234-231'"::237-234'")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO) línea celular CHO-S, glicofoma alfa
immunomodulador, antineoplásico

2134641-34-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-CD3E)
EVKLIVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWRVQA PGKLEWVAR 50
IRSKYNNYAT YYADSVKDRF TISRDDSKSS LYLQMNNLKT EDTAMYCYVR 100
HGNFGNSYVS WFAYWGQCTL VTVSSASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAL 150
GCLVKDYFPE PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVPSSS 200
LGTQTYICNV NHKPSNTKVD KRVEPKCDK THTCPPCPAP EFEGGSPVEL 250
FFPKPKDTLM ISRTPEVTCV VVAVSHEDPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR 300
EEQNTSTYRV VSVLTVLHQD WLANGKEYCK VSNKALPAP EKTISKAKGQ 350
FREPEQTITL PSREEMTKNQ VSLTCLVKG FSDIAVEWE SNGQPENNYK 400
TTFVLDSDG SFLLYSKLTV DKSRWQGNV FSCSVMEAL HNHVYQKSL 450
LSFG 454

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-CD2E)
QAVVTQEPFS SVSPGGTVTL TCRSSTGAVT TSNYANWVQ TPGQAFRLI 50
GGTNKRAQV PARFSGSLIG DKAALITGA QADDESIYFC ALWYSNLWVF 100
GGGKTLTVLG QPKAAPSVTL FPPSSEELQA NKATLVCLIS DFYPGAVTVA 150
WKADSSPVKA GVETTTPSKQ SNKYAASSY LSLTFEQWKS HRSYSCQVTH 200
EGSTVEKTV PTECS 215

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-CD20)
EVQLVESGGG LVQPDRLRL SCAASGFTFH DYAMHWVRQA PGKLEWVST 50
ISWNSGTIGY ADSVKGRTIT SRDANKNSLY LQMNSLRAED TALYYCAKDI 100
QYGNYYGMD VWGQGTTVTV SSASTKGPSV FPLAPSSKST SGGTAALGCL 150
VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTVPSSSLGT 200
QTYICNVNHK PSNTKVDKRV EPKSCDKTHT CPPCPAPEFE GGPSVFLFPP 250
KPKDTLMISR TPEVTCVVVA VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
YNSTYRVVSV LTVLHQDWLN GKEYCKVSN KALPAPIET ISKAKGQPRE 350
PQVYTLPPSR EEMTKNQVSL TCLVKGFPYS DIAVEWESNG QPENNYKTP 400
PVLDSGDSFF LYSRLTVDSK RWQQGNVFSC SVMHEALHMH YTKSLSLSP 450
G 451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-CD20)
EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQSVS SYLAWYQQKP GQAPRLLIYD 50
ASNRAIGIPA RFGSGSGSTD FTLTISLLEP EDFAVYYCQ RSNWPITFGQ 100
GTRLEIKRTV AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNFFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-98 152-208 269-329 375-433
22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"
Intra-L (C23-C104) 22"-90" 137"-196"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 228-214" 225"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 234-231" 237-234"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
305, 302"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados.

ezaladcigenum resoparvovecum #
ezaladcigene resoparvovec

A recombinant non-replicating adeno-associated virus serotype 2 (rAAV2) vector encoding human aromatic-L-amino-acid decarboxylase (AADC, DOPA decarboxylase, DDC) under control of a cytomegalovirus (CMV) promoter.
gene therapy (antiparkinsonian)

ézaladcigène résoparvovec

Vecteur viral adéno-associé recombinant de sérotype 2 non-répliquant (rAAV2) codant pour la décarboxylase des acides L-aminés aromatiques (AADC, DOPA décarboxylase, DDC) sous le contrôle d'un promoteur de cytomégalovirus (CMV)
thérapie génique (antiparkinson)

ezaladcigén resoparvovec

Un vector de virus adenoasociado recombinante no replicativo del serotipo 2 (rAAV2), que codifica para la L-aminoácido aromático descarboxilasa (AADC, DOPA decarboxilasa, DDC) bajo el control de un promotor de citomegalovirus (CMV).
terapia génica (antiparkinsoniano)

fadraciclibum

fadraciclib

(2*R*,3*S*)-3-[[6-[[[(4,6-dimethylpyridin-3-yl)methyl]amino]-9-(propan-2-yl)-9*H*-purin-2-yl]amino]pentan-2-ol
cyclin-dependent kinase inhibitor, antineoplastic

fadraciclib

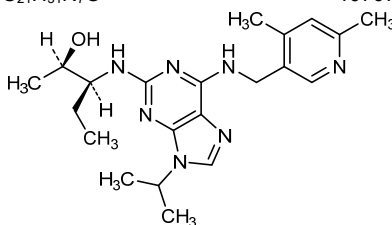
(2*R*,3*S*)-3-[[6-[[[(4,6-diméthylpyridin-3-yl)méthyl]amino]-9-(propan-2-yl)-9*H*-purin-2-yl]amino]pentan-2-ol
inhibiteur des kinases dépendantes des cyclines, antinéoplasique

fadraciclib

(2*R*,3*S*)-3-[[6-[[[(4,6-dimetilpiridin-3-il)metil]amino]-9-(propan-2-il)-9*H*-purin-2-il]amino]pentan-2-ol
inhibidor de las quinasas dependientes de las ciclinas, antineoplásico

C₂₁H₃₁N₇O

1070790-89-4

**felcisetragum**

felcisetrag

methyl 4-[(4-[[[2-(propan-2-yl)-1*H*-benzimidazole-4-carboxamido]methyl]piperidin-1-yl)methyl]piperidine-1-carboxylate
prokinetic agent

felcisétrag

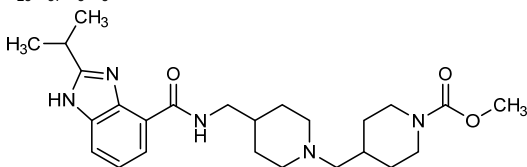
4-[(4-[[[2-(propan-2-yl)-1*H*-benzimidazole-4-carboxamido]méthyl]piperidin-1-yl)méthyl]pipéridine-1-carboxylate de méthyle
accélérateur du transit intestinal

felcisetrag

4-[(4-[[[2-(propan-2-il)-1*H*-benzimidazol-4-carboxamido]metil]piperidin-1-il)metil]piperidina-1-carboxilato de metilo
estimulante de la motilidad intestinal

C₂₅H₃₇N₅O₃

916075-84-8

**felezonexorum**

felezonexor

1-[[[6-chloro-5-(trifluoromethyl)pyridin-2-yl]amino]-3-[(3,3-dimethylbutoxy)methyl]-4-methyl-1*H*-pyrrole-2,5-dione
antineoplastic

félézonexor

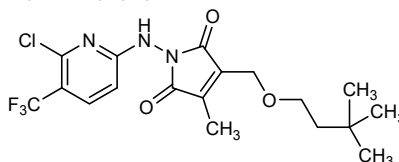
1-[[6-chloro-5-(trifluorométhyl)pyridin-2-yl]amino]-3-[(3,3-diméthylbutoxy)méthyl]-4-méthyl-1*H*-pyrrole-2,5-dione
antineoplasique

felezonexor

1-[[6-cloro-5-(trifluorometil)piridin-2-il]amino]-3-[(3,3-dimetilbutoxi)metil]-4-metil-1*H*-pirrol-2,5-diona
antineoplásico

C₁₈H₂₁ClF₃N₃O₃

1076235-04-5

**ferri bepectas**

ferric bepectate

O-(2-hydroxyethyl)-substituted (~0.5 per glucose unit) acid-hydrolysed potato starch-(α1→5)-(2*RS*)-D-*gluco*-heptonic acid (~400 glucose units) complexes with iron(III) hydroxide oxide nanoparticles (~13000 Fe per particle) (~20:1)
antianaemic

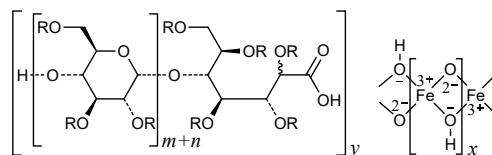
bépectate ferrique

fécule de pomme de terre-(α1→5)-acide (2*RS*)-D-*gluco*-heptonique (~400 unités de glucose) hydrolysée en milieu acide O-(2-hydroxéthyl)-substituée (~0.5 par unité de glucose) complexée avec des nanoparticules d'hydroxyde oxyde de fer(III) (~13000 Fe par particule) (~20:1)
antianémique

bepectato férrico

almidón de patata-(α1→5)-ácido (2*RS*)-D-*gluco*-heptónico (~400 unidades de glucosa) hidrolizado en medio ácido O-(2-hidroxietil)-sustituido (~0.5 por unidad de glucosa) complejo con las nanopartículas de hidróxido de hierro (III) (~13000 Fe por partícula) (~20:1)
antianémico

(FeHO₂)_x{(C₂H₄O)_m(C₆H₁₀O₅)_{m+n}(C₇H₁₄O₈)_y}
m ≈ n ≈ 200, x ≈ 13,000, y ≈ 20



R,R,R = H,H,CH₂-CH₂-OH (*m*) & R,R,R = H,H,H (*n*)

m ~ *n* ~ 200, *x* ~ 13000, *y* ~ 20

fianlimabum #

fianlimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* LAG3 (lymphocyte activating 3, lymphocyte-activation 3, CD223)],
Homo sapiens monoclonal antibody;

gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.3%)) [8.8.16] (1-123) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (124-221), hinge 1-12 S10>P (231) (222-233), CH2 E1.4>P (236), L1.2>V (237), G1.1>A (238) (234-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (124-449)], (137-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (93.7%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

fianlimab immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* LAG3 (activateur 3 des lymphocytes, lymphocyte-activation 3, CD223)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde gamma4 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.3%)) [8.8.16] (1-123) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (124-221), charnière 1-12 S10>P (231) (222-233), CH2 E1.4>P (236), L1.2>V (237), G1.1>A (238) (234-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (124-449)], (137-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (93.7%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

fianlimab inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* LAG3 (activador 3 de los linfocitos, linfocito-activación 3, CD223)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada gamma4 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.3%)) [8.8.16] (1-123) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (124-221), bisagra 1-12 S10>P (231) (222-233), CH2 E1.4>P (236), L1.2>V (237), G1.1>A (238) (234-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (124-449)], (137-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (93.7%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofoma alfa
inmunomodulador, antineoplásico

2126132-98-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVESGGG VQVPGRSRLR SCVASGFTFS SYGMHWVRQA PGKGLEWVAI 50
IWYDGSNKRY ADSVKGRTFI SRDNRKNTQY LQMNSLRAD TAVTYCASVA 100
TSGDFFDYGM DWGQGTQVTT VSGASTKGS VFELAPCSR STESTALGC 150
LVKDYFPEPV TWSNNSGALT SGVHTFPAVL QSSGLYSLS VVTVPSSSLG 200
TKTYTCNVHD KFSNTKVDKR VESKYGPPEC PCPAPVPAGE SVFLFPKPKK 250
DTLMISRTPF VTCVVVDVSO EDEPVGFENWY VDGVEVHNAK TKPFREEQFNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKGL PSIEKTIKSK AKGQPREPQV 350
YTLPPSQEEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
DSDGSSFLYS RLTVDKSRWQ EGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSLGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIVLTQSPAT LSLSPGERTT LSCRASQRIS TYLAWYQQKP QAPRLLIYD 50
ASKRATGIPA RFGSGSGTGT FTLTISLEP EDFAVYVYQQ RSNWPLTFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNEY PREAKVQWVK 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H(C23-C104) 22-96 150-206 263-323 369-427
22"-96" 150"-206" 263"-323" 369"-427"
Intra-L(C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L(h 5-CL 126) 137'-214' 137"-214"
Inter-H-H(h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
299, 299"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucositados.
C-terminal lysine clipping:
H CHS K2:
449, 449"

firzotemcelum

firzotemcel

allogenic human CD34+ hematopoietic stem/progenitor cells (HSPCs) derived from granulocyte-colony stimulating factor (G-CSF) mobilized peripheral hematopoietic cells from human leukocyte antigen (HLA)-matched prospective transplant organ donors.
cell therapy (transplant)

firzotemcel

cellules souches/cellules progénitrices hématopoïétiques (HSPCs) CD34+, humaines, allogéniques, dérivées de cellules hématopoïétiques périphériques mobilisées par le facteur stimulant les colonies de granulocytes (G-CSF) de donneurs prospectifs pour transplantation d'organes, compatibles vis-à-vis de l'antigène leucocytaire humain (HLA).
thérapie cellulaire (greffe)

firzotemcel

células troncales/precursoras hematopoyéticas CD34+, humanas, derivadas de células hematopoyéticas periféricas movilizadas con el factor estimulador de colonias de granulocitos (G-CSF) de donantes prospectivos para trasplante de órganos, compatibles para el antígeno leucocitario humano (HLA).
thérapie cellulaire (transplante)

flubrobenguanum (¹⁸F)flubrobenguane (¹⁸F)

N-[3-bromo-4-(3-(¹⁸F)fluoropropoxy)phenyl]methyl]guanidine
diagnostic imaging agent

flubrobenguane (¹⁸F)

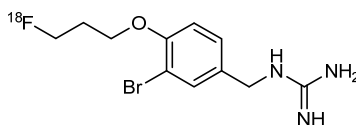
N-[3-bromo-4-(3-(¹⁸F)fluoropropoxy)phényl]méthyl]guanidine
substance à usage diagnostique

flubrobengvano (¹⁸F)

N-[3-bromo-4-(3-(¹⁸F)fluoropropoxi)fenil]metil]guanidina
agente de diagnóstico

C₁₁H₁₅Br¹⁸FN₃O

1037359-47-9

**fosdenopterinum**

fosdenopterine

(4a*R*,5a*R*,11a*R*,12a*S*)-8-amino-2,12,12-trihydroxy-4a,5a,6,7,11,11a,12,12a-octahydro-2*H*-2λ⁵-[1,3,2]dioxaphosphinino[4',5':5,6]pyrano[3,2-*g*]pteridine-2,10(4*H*)-dione
molybdenum cofactor deficiency

fosdénoptérine

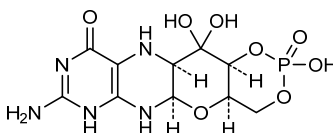
(4a*R*,5a*R*,11a*R*,12a*S*)-8-amino-2,12,12-trihydroxy-4a,5a,6,7,11,11a,12,12a-octahydro-2*H*-2λ⁵-[1,3,2]dioxaphosphinino[4',5':5,6]pyrano[3,2-*g*]pteridine-2,10(4*H*)-dione
déficit à cofacteur en molybdène

fosdenopterina

(4a*R*,5a*R*,11a*R*,12a*S*)-8-amino-2,12,12-trihidroxi-4a,5a,6,7,11,11a,12,12a-octahidro-2*H*-2λ⁵-[1,3,2]dioxafosfinino[4',5':5,6]pirano[3,2-*g*]pteridina-2,10(4*H*)-diona
deficiencia del cofactor molibdeno

C₁₀H₁₄N₅O₈P

150829-29-1



gatalimabum #
 gatalimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD52 (CD52 antigen, CAMPATH-1 antigen, CDW52)], monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain humanized (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-72*01 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) [8.10.5] (1-114) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (211) (115-212), hinge 1-15 (213-227), CH2 (228-337), CH3 D12 (353), L14 (355) (338-442), CHS (443-444)) (115-444)], (217-218')-disulfide with kappa light chain chimeric (1'-218') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-133*01 (90.9%) -IGKJ4*01(90.9 %) /*Homo sapiens* IGKV2-4*01 (89.5%) -IGKJ2*02 (100%)) [11.3.8] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimer (223-223":226-226")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

gatalimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo* CD52 (CD52 antigène, CAMPATH-1 antigène, CDW52)], anticorps monoclonal;
 chaîne lourde gamma1 humanisée (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-72*01 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) [8.10.5] (1-114) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (211) (115-212), charnière 1-15 (213-227), CH2 (228-337), CH3 D12 (353), L14 (355) (338-442), CHS (443-444)) (115-444)], (217-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa chimérique (1'-218') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-133*01 (90.9%) -IGKJ4*01(90.9 %) /*Homo sapiens* IGKV2-4*01 (89.5%) -IGKJ2*02 (100%)) [11.3.8] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimère (223-223":226-226")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

gatralimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo* CD52 (CD52 antígeno, CAMPATH-1 antígeno, CDW52)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma1 humanizada (1-444) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-72*01 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) [8.10.5] (1-114) -*Homo sapiens*IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (211) (115-212), bisagra 1-15 (213-227), CH2 (228-337), CH3 D12 (353), L14 (355) (338-442), CHS (443-444)) (115-444)], (217-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa quimérica (1'-218') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV1-133*01 (90.9%) -IGKJ4*01(90.9 %) /*Homo sapiens*IGKV2-4*01 (89.5%) -IGKJ2*02 (100%)) [11.3.8] (1'-111') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')];
dímero (223-223"-226-226")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofoma alfa
inmunomodulador, antineoplásico

1826020-80-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPFGSLRL SCAASGFFPS NYWMNWVRQA PGKGLEWVGQ 50
IRLKSNNYAT HYAESVKGRF TISRDDSKNS LYLQMNLSKT EDTAVYYCTP 100
IDYWGQGTTV TVSSASTKGF SVFPLAPSSK STSGGTAALG CLVKDYFPEP 150
VTVSWNSGAL TSGVHTFFAV LQSSGLYSLS SVVTVPSSSL GTQTYICNVN 200
HKPSNTKVDK KVEPKSCDKT HTCPCCPAPE LLGGPSVFLF PKPKDTLMI 250
SRTPFVTCVV VDVSHEDPEV KFNWYVDGVE VHNAKTKPRE EQYNSTYRVV 300
SVLTVLHQDW LNKGEYKCKV SNKALPAPIE KTISKAKGQP REPQVYTLPP 350
SRDELTKNQV SLTCLVKGFY PSDIAVEWES NQQPENNYKT TFPVLDSDGS 400
FFLYSKLTVD KSRWQQGNVF SCSVMHEALH NHYTQKLSLS SPGK 444

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIVMTQPLS LSVTPGQPAS ISCKSSQSL YSNKTYIANV VLQKPGSQSPQ 50
RLIYLVSGLD SGVTPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGV YTCVQGSHEH 100
TFGQGTKLEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYLSL STLTLKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSPVTV KSFNRGEC 218

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 141-197 258-318 364-422
22"-96" 141"-197" 258"-318" 364"-422"
Intra-L (C23-C104) 23"-93" 138"-198"
23"-93" 138"-198"
Inter-H-L (h5-CL 126) 217-218" 217"-218"
Inter-H-H (h11, h 14) 223-223" 226-226"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
HCH2 N84.4:
294, 294"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosiladosa

giroctocogenum fitelparovecum #
giroctocogene fitelparovec

A recombinant non-replicating adeno-associated virus type 2/6 (rAAV Rep2-Cap6) vector, encoding human B-domain-deleted blood coagulation factor VIII (hF8, FVIII) under the control of a synthetic liver-specific promoter.
gene therapy (hemophilia)

giroctocogène fitelparovec

Vecteur viral adéno-associé de type 2/6 recombinant non-répliquant (rAAV Rep2-Cap6), codant pour le facteur de coagulation sanguine VIII humain (hF8, FVIII), dont le domaine B a été supprimé, sous le contrôle d'un promoteur synthétique spécifique du foie.
thérapie génique (hémophilie)

giroctocogén fitelparvovec

Un vector de virus adenoasociado recombinante no replicativo del tipo 2/6 (rAAV Rep2-Cap6), que codifica para el factor de coagulación sanguíneo VIII humano (hF8, FVIII) con el dominio B delecionado, bajo el control de un promotor sintético específico del hígado.
terapia génica (hemofilia)

2166101-71-7

glofitamabum #

glofitamab

immunoglobulin G1-lambda/kappa with domain cross-over, anti-[*Homo sapiens* MS4A1 (membrane-spanning 4-domains subfamily A member 1, CD20)] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)] monoclonal antibody, bispecific, trivalent;
 gamma-lambda heavy chain anti-MS4A1 and anti-CD3E (VH-CH1-V-LAMBDA-CH1-CH2-CH3) (1-674) [humanized VH anti-MS4A1 (*Homo sapiens* IGHV1-69*02 (84.7%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17 (CH1 K26>E (149), K119>E (215), K120 (216) (120-217), hinge 1-6 (218-223)) (120-223) -10-mer bis(tetraglycyl-seryl) linker (224-233) -V-LAMDDA anti-CD3E (*Mus musculus* IGLV1*01 (81.2%) -IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (80.0%) -IGLJ3*01 (100%)) [9.3.9] (234-342) -2-mer biseryl linker (343-344) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17, G1m1 (CH1 K120 (441) (345-442), hinge 1-15 (443-457), CH2 L1.3>A (461), L1.2>A (462), P114>G (556) (458-567), CH3 S10>C (581), D12 (583), L14 (585), T22>W (593) (568-672), CHS (673-674)) (345-674)], (222-219')-disulfide with kappa light chain humanized anti-MS4A1 (1'-219') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (87.0%) -IGKJ4*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (98.1%), E12>R (128), Q13>K (129), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; (447-232'')-disulfide with VH-C-kappa light chain humanized anti-CD3E (1'''-232'') [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (87.0%) -IGKJ6*01 (90.9%)) [8.10.16] (1'''-125'') -*Homo sapiens* IGKC*01 (99.1%), T1.3>S (127), Km3 A45.1 (171), V101 (209) (126'''-232'')], gamma1 heavy chain humanized anti-MS4A1 (1"-449") [humanized VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*02 (84.7%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.12] (1"-119") -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K26>E (149), K119>E (215), K120 (216) (120"-217"), hinge 1-15 (218"-232"), CH2 L1.3>A (236), L1.2>A (237), P114>G (331) (233"-342"), CH3 Y5>C (351), D12 (358), L14 (360), T22>S (368), L24>A (370), Y86>V (409) (343"-447"), CHS (448"-449'') (120"-449'')], (222"-219''')-disulfide with kappa light chain humanized anti-MS4A1 (1''''-219''') [humanized V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (87.0%) -IGKJ4*01 (100%)) [11.3.9] (1''''-112''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (98.1%), E12>R (128), Q13>K (129), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'''-219''')]; dimer (453-228":456-231":581-351")-trisdissulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

- glofitamab immunoglobuline G1-lambda/kappa avec domaines échangés, anti-[*Homo sapiens* MS4A1 (membre 1 de la sous-famille A à 4 domaines transmembranaires, CD20)] et anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)] anticorps monoclonal, bispécifique, trivalent; chaîne lourde gamma-lambda anti-MS4A1 et anti-CD3E (VH-CH1-V-LAMBDA-CH1-CH2-CH3) (1-674) [VH anti-MS4A1 humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-69*02 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17 (CH1 K26>E (149), K119>E (215), K120 (216) (120-217), charnière 1-6 (218-223)) (120-223) -10-mer bis(tétraglycyl-séryl) linker (224-233) -V-LAMDDA anti-CD3E (*Mus musculus* IGLV1*01 (81.2%) - IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (80.0%) - IGLJ3*01 (100%)) [9.3.9] (234-342) -2-mer biséryl linker (343-344) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17, G1m1 (CH1 K120 (441) (345-442), charnière 1-15 (443-457), CH2 L1.3>A (461), L1.2>A (462), P114>G (556) (458-567), CH3 S10>C (581), D12 (583), L14 (585), T22>W (593) (568-672), CHS (673-674)) (345-674)], (222-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa anti-MS4A1 humanisée (1'-219') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (87.0%) -IGKJ4*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (98.1%), E12>R (128), Q13>K (129), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; (447'-232'')-disulfure avec la chaîne légère VH-C-kappa anti-CD3E humanisée (1'''-232'') [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (87.0%) -IGKJ6*01 (90.9%)) [8.10.16] (1'''-125'') -*Homo sapiens* IGKC*01 (99.1%), T1.3>S (127), Km3 A45.1 (171), V101 (209) (126'''-232'')], chaîne lourde gamma1 anti-MS4A1 humanisée (1''-449'') [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-69*02 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.12] (1''-119'') -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K26>E (149), K119>E (215), K120 (216) (120''-217''), charnière 1-15 (218''-232''), CH2 L1.3>A (236), L1.2>A (237), P114>G (331) (233''-342''), CH3 Y5>C (351), D12 (358), L14 (360), T22>S (368), L24>A (370), Y86>V (409) (343''-447''), CHS (448''-449'') (120''-449'')], (222''-219''')-disulfure avec la chaîne légère kappa anti-MS4A1 humanisée (1'''-219''') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (87.0%) -IGKJ4*01 (100%)) [11.3.9] (1'''-112''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (98.1%), E12>R (128), Q13>K (129), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'''-219''')]; dimère (453-228'':456-231'':581-351'')-trisdysulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa immunomodulateur, antinéoplasique
- glofitamab inmunoglobulina G1-lambda/kappa con dominios cruzados, anti-[*Homo sapiens* MS4A1 (miembro 1 de la subfamilia A con 4 dominios transmembranarios, CD20)] y anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 épsilon, Leu-4)] anticuerpo monoclonal, biespecífico, trivalente; cadena pesada gamma-lambda anti-MS4A1 y anti-CD3E (VH-CH1-V-LAMBDA-CH1-CH2-CH3) (1-674) [VH anti-MS4A1 humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-69*02 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17 (CH1 K26>E (149), K119>E (215), K120 (216) (120-217), bisagra 1-6 (218-223)) (120-223) -conector 10-mer bis(tetraglicil-seril) (224-233) -V-LAMDDA anti-CD3E (*Mus musculus* IGLV1*01 (81.2%) - IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (80.0%) - IGLJ3*01 (100%)) [9.3.9] (234-342) -conector 2-mer biseryl (343-344) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17, G1m1 (CH1 K120 (441) (345-442), bisagra 1-15 (443-457), CH2 L1.3>A (461), L1.2>A (462), P114>G (556) (458-567), CH3 S10>C (581), D12 (583), L14 (585), T22>W (593) (568-672), CHS (673-674)) (345-674)], (222-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa anti-MS4A1 humanizada (1'-219') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (87.0%) -IGKJ4*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (98.1%), E12>R (128), Q13>K (129), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')];

(447-232''')-disulfuro con la cadena ligera VH-C-kappa anti-CD3E humanizada (1'''-232'') [VH humanizado (*Homo sapiens*IGHV3-23*03 (87.0%) -IGKJ6*01 (90.9%)) [8.10.16] (1'''-125'') -*Homo sapiens* IGKC*01 (99.1%), T1.3>S (127), Km3 A45.1 (171), V101 (209) (126'''-232'')],
cadena pesada gamma1 anti-MS4A1 humanizada (1''-449'') [VH humanizado (*Homo sapiens*IGHV1-69*02 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.12] (1''-119'') -*Homo sapiens*IGHG1*01, G1m17,1 (CH1 K26>E (149), K119>E (215), K120 (216) (120''-217''), bisagra 1-15 (218''-232''), CH2 L1.3>A (236), L1.2>A (237), P114>G (331) (233''-342''), CH3 Y5>C (351), D12 (358), L14 (360), T22>S (368), L24>A (370), Y86>V (409) (343''-447''), CHS (448''-449'')) (120''-449'')],
(222''-219''')-disulfuro con la cadena ligera kappa anti-MS4A1 humanizada (1'''-219''') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens*IGKV2-28*01 (87.0%) -IGKJ4*01 (100%)) [11.3.9] (1'''-112'') -*Homo sapiens* IGKC*01 (98.1%), E12>R (128), Q13>K (129), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'''-219'')];
dímero (453-228''-456-231''-581-351'')-trisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofoma alfa
inmunomodulador, antineoplásico

2229047-91-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (1-674 anti-MS4A1, anti-CD3)
QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGYAFS YSWINWVRQA PGQGLEWMGR 50
IFPGDGDITDY NGKFKGRVTI TADKSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCARNV 100
FDGYWLWYWG QGTLVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVED 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TTFPAVLQSSG LYSLSVVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN TKVDEKVEPK SCDGGGGSGG GGSQAVVTQE PSALTVPSTG 250
VTLTLCGSSSTG AVTTSNYANW VQEPKQQAER GLIGGTNKRA PGTPARFSGS 300
LLGGKAALTL SGAQPEDEAE YYCALWYSNL WVEFGGTGKLT VLSSASTKGP 350
SVFPLAPSSK STSGGTAAAG CLVKDYFPEP VTVSWNSGAL TSGVHTFPAV 400
LQSSGLYSLS SVVTVPSSSL GTQTYICNVN HKPSNTKVDK KVEPKSCDKT 450
HTCPCCPAPE AAGGPSVFLE PPKPKDTLMI SRTPEVTCVV VDVSHEDPEV 500
KFNWYVDGVE VHNAKTKPRE EQYNSTYRVV SVLTVLHQDW LNKKEYKCKV 550
SNKALGAPIE KTISKAKGQP REPQVYTLPP CRDELTKNQV SLWCLVKGFY 600
PSDIAVEWES NGQPENNYKT TTPVLDSDGS FFYLSKLTVD KSRWQQGNVF 650
SCSYMHEALH NHYTQKLSL SPGK 674

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (1''-449'' anti-MS4A1)
QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGYAFS YSWINWVRQA PGQGLEWMGR 50
IFPGDGDITDY NGKFKGRVTI TADKSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCARNV 100
FDGYWLWYWG QGTLVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVED 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TTFPAVLQSSG LYSLSVVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN TKVDEKVEPK SCDKTHTCP CPAPEAAGGP SVLFPKPKP 250
DTLMISRTPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL GAPIETISK AKGQPREPQV 350
CTLPPSRDEL TKNQVLSLCA VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTPEVL 400
DSGSGFFLV S KLTVDKSRWQ QGNVFCSCVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (1'-219' and 1'''-219''' anti-MS4A1)
DIVMTQTPLS LPVTPGEPAS ISCRSSKSL L HSGNITYLYW YLQKPGQSPQ 50
LLIYQMSNLV SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDGVV YYCAQNLELP 100
YTFGGGKVE IKRTVAAPSV FIFPPSRKLL KSGTASVVC L LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSYSL SPTLTLTKAD YERHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (1'''-232''' anti-CD3E)
EVQLLESQGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS TYAMNWVRQA PGKLEWVSR 50
IRSKYNNYAT YYADSVKGRF TISRDDSKNT LYLQMNLSLA EDTAVYYCVR 100
HGNFNGSYVS WFAYWGQGLT VTVSSASVAA PSVFIFPPSD EQLKSGTASV 150
VCLLNNFYPR EAKVQWKVDN ALQSGNSQES VTEQDSKDST YSLSSITLTS 200
KADYEKHKVY ACEVTHQGSL SPVTKSFNRG EC 232

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 255-323 371-427 488-548 594-652
22''-96'' 146''-202'' 263''-323'' 369''-427''
Intra-L (C23-C104) 23''-93'' 139''-199''
22'''-98''' 152'''-212'''
23'''-93''' 139'''-199'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-219'' 447-232'' 222''-219'''
Inter-H-H (h 11, h 14) 453-228'' 456-231''
Inter-H-H engineered 581-351''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
524, 299''
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

gontivimabum #

gontivimab

immunoglobulin single chain VH-VH-VH, anti-[human respiratory syncytial virus (RSV) fusion glycoprotein F], *Lama glama* monoclonal antibody, trivalent;
 scVH-VH-VH chain (1-408) [*Lama glama* VH (*Vicugna pacos* IGHV3-3 (77.3%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 E1>D (1) (66.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (78.6%)) [8.7.19] (1-126) - 15-mer linker tris(tetraglycyl-seryl) (127-141) -*Lama glama* VH (*Vicugna pacos* IGHV3-3 (76.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (67.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (78.6%)) [8.7.19] (142-267) -15-mer linker tris(tetraglycyl-seryl) (268-282) -*Lama glama* VH (*Vicugna pacos* IGHV3-3 (76.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (67.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (78.6%)) [8.7.19] (283-408), produced in the yeast *Pichia pastoris* (*Komagataella phaffii*), non-glycosylated
immunomodulator, antiviral

gontivimab

immunoglobuline chaîne unique VH-VH-VH, anti-[glycoprotéine de fusion F du virus respiratoire syncytial (VRS) humain], *Lama glama* anticorps monoclonal, trivalent;
 scVH-VH-VH chaîne (1-408) [*Lama glama* VH (*Vicugna pacos* IGHV3-3 (77.3%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 E1>D (1) (66.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (78.6%)) [8.7.19] (1-126) - 15-mer linker tris(tétraglycyl-séryl) (127-141) -*Lama glama* VH (*Vicugna pacos* IGHV3-3 (76.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (67.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (78.6%)) [8.7.19] (142-267) -15-mer linker tris(tétraglycyl-séryl) (268-282) -*Lama glama* VH (*Vicugna pacos* IGHV3-3 (76.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (67.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (78.6%)) [8.7.19] (283-408), produit dans la levure *Pichia pastoris* (*Komagataella phaffii*), non-glycosylé
immunomodulateur, antiviral

gontivimab

inmunoglobulina de cadena única VH-VH-VH, anti-[glicoproteína de fusión F del virus respiratorio sincitial (VRS) humano], *Lama glama* anticuerpo monoclonal, trivalente;
 scVH-VH-VH cadena (1-408) [*Lama glama* VH (*Vicugna pacos* IGHV3-3 (77.3%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 E1>D (1) (66.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (78.6%)) [8.7.19] (1-126) - conector 15-mer tris(tetraglicil-seril) (127-141) -*Lama glama* VH (*Vicugna pacos* IGHV3-3 (76.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (67.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (78.6%)) [8.7.19] (142-267) -conector 15-mer tris(tetraglicil-seril) (268-282) -*Lama glama* VH (*Vicugna pacos* IGHV3-3 (76.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (67.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (78.6%)) [8.7.19] (283-408), producido en la levadura *Pichia pastoris* (*Komagataella phaffii*), no glicosilado
inmunomodulador, antiviral

scVH-VH-VH chain / Chaîne scVH-VH-VH / Cadena scVH-VH-VH
 DVQLVESGGG LVQAGGSLSI SCAASGGSL NVYLWFRQA PGKEREFVAA 50
 INWRGDTITG PPNVEGRFTI SRDNAKNTGY LQMNSLAPDD TAVYYCGAGT 100
 PLNPGAYIYD WSYDYWGRGT QVTVSSGGGG SGGGSGGGG SEVQLVESGG 150
 GLVQAGGSLI ISCAASGGSL SNYVLWFRQ APGKEREFVA AINWRGDTIT 200
 GPPNVEGRFT ISRDNAKNTG YLQMNSLAPD DTAVYYCGAG TPLNPGAYIY 250
 DWSYDYWGRG TQVTVSSGGG SGGGSGGGG GSEVQLVESG GGLVQAGGSL 300
 SISCAASGGS LSNYVLWFR QAPGKEREFV AAINWRGDTI IGPPNVEGRF 350
 TISRDNKNT GYLQMNSLAP DDTAVYYCGA GTPLNPGAYI YDWSYDYWGR 400
 GTQVTVSS 408

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-single chain (C23-C104) 22-96 163-237 304-378

No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación

gremubamabum #

gremubamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Pseudomonas aeruginosa* psl (polysaccharide synthesis locus, surface exopolysaccharide) and anti-[*Pseudomonas aeruginosa* type III secretion system (TTSS, T3S) PcrV protein], monoclonal antibody, bispecific; gamma1 heavy chain VH-CH1-VH-V-KAPPA-CH2-CH3 humanized (1-720) [VH anti-PcrV (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (94.7%)) [8.8.17] (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3 (CH1 R120 (221) (125-222) -hinge 1-5 (223-227)) -10-mer linker (228-237) -VH anti-psl (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (89.7%), IGHV4-4*08 (89.7%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (93.3%)) [8.7.13] (238-356) -20-mer linker (357-376) -V-KAPPA anti-psl (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (94.5%) -IGKJ4*01 (90.0%)) [6.3.9] (377-483) -10-mer linker (484-493) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) nG1m1 (hinge 6-15 (494-503), CH2 (504-613), CH3 E12 (629), M14 (631) (614-718), CHS (719-720)) (494-720)], (227-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA anti-PcrV (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (97.9%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191)(108'-214')]; dimer (499-499':502"-502'")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO) cells, glycoform alfa immunomodulator, antibacterial

grémubamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Pseudomonas aeruginosa* psl (locus de synthèse des polysaccharides, exopolysaccharide de surface)] et anti-[protéine PcrV du système de sécrétion type III (TTSS, T3S) de *Pseudomonas aeruginosa*]], anticorps monoclonal bispécifique; chaîne lourde gamma1 VH-CH1-VH-V-KAPPA-CH2-CH3 humanisée (1-720) [VH anti-PcrV (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (94.7%)) [8.8.17] (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3 (CH1 R120 (221) (125-222) -charnière 1-5 (223-227)) -10-mer linker (228-237) -VH anti-psl (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (89.7%), IGHV4-4*08 (89.7%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (93.3%)) [8.7.13] (238-356) -20-mer linker (357-376) -V-KAPPA anti-psl (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (94.5%) -IGKJ4*01 (90.0%)) [6.3.9] (377-483) -10-mer linker (484-493) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) nG1m1 (charnière 6-15 (494-503), CH2 (504-613), CH3 E12 (629), M14 (631) (614-718), CHS (719-720)) (494-720)], (227-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA anti-PcrV (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (97.9%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191)(108'-214')]; dimère (499-499':502"-502'")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa immunomodulateur, antibactérien

gremubamab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Pseudomonas aeruginosa* psl (lugar de síntesis de los polisacáridos, exopolisacárido de superficie)] y anti-[proteína PcrV del sistema de secreción tipo III (TTSS, T3S) de *Pseudomonas aeruginosa*], anticuerpo monoclonal biespecífico;
cadena pesada gamma1 VH-CH1-VH-V-KAPPA-CH2-CH3 humanizada (1-720) [VH anti-PcrV (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (94.7%)) [8.8.17] (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3 (CH1 R120 (221) (125-222) -bisagra 1-5 (223-227)) -conector 10-mer (228-237) -VH anti-psl (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (89.7%), IGHV4-4*08 (89.7%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (93.3%)) [8.7.13] (238-356) -conector 20-mer (357-376) -V-KAPPA anti-psl (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (94.5%) -IGKJ4*01 (90.0%)) [6.3.9] (377-483) -conector 10-mer (484-493) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) nG1m1 (bisagra 6-15 (494-503), CH2 (504-613), CH3 E12 (629), M14 (631) (614-718), CHS (719-720)) (494-720)], (227-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA anti-PcrV (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (97.9%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191)(108'-214')]; dímero (499-499':502"-502'")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicoforma alfa *inmunomodulador, antibacteriano*

1800381-36-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada	
EVQLLESGGG	LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYAMNWVRQA PGKGLEWVSA 50
ITMSGITAYY	TDDVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAD TAVYYCAKEE 100
FLPGTHYYYG	MDVWGQGTTV TVSSASTKGP SVFPLAPSSK STSGGTAALG 150
CLVKDYFPEP	VTVSWNSGAL TSGVHTFPAV LQSSGLYSLY SVTVTPSSSL 200
GTQTYICNVN	HKPSNTKVDK RVEPKSCGGG GSGGGGSQVQ LQESGPGLVK 250
PSETLSLTCT	VSGGSIPIFY WTWIRQPPGK CLELIGYIHS SGYTDYNPSL 300
KSRVTISGDT	SKKQFSLKLS SVTAADTAVY YCARADWRDL RALDIWGQGT 350
MVTVSSGGGG	SGGGSGGGGG SGGGSDIQL TQSPSSLSAS VGDRTVITCR 400
ASQSIIRSHLN	WYQCKPGKAP KLLIYGASNL QSGVPSRFSG SSGGTDFTLT 450
ISSLQPEDFA	TYCQQSTGA WNWFGCGTKV EIKGGGSGSG GSGDKHTTCTP 500
PCPAPELLGG	PSVFLFPPKP KDTLMISRTF EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW 550
YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA 600
LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ VYTLPPSREE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI 650
AVEWESNGQP	ENNYKTTPEV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV 700
MHEALHNHYT	QKSLSLSPGK 720
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera	
AIQMTQSPSS	LSASVGDRTV ITCRASQGIR NDLGWYQQKP GKAPKLLIYS 50
ASTLQSGVPS	RFGSGSGSTD FTLTISLQPF EDFATYYCLQ DYNYPWTFGQ 100
GTKVEIKRTV	AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ	ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYKHKH VIACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN	RGEC 214
Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-H (C23-C104)	22'-96" 151'-207" 259'-332" 281'-476"
	22"-96" 151"-207" 259"-332" 281"-476"
	399'-464" 534'-594" 640'-698"
	399"-464" 534"-594" 640"-698"
Intra-L (C23-C104)	23'-88" 134'-194"
	23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126)	227'-214" 227"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14)	499'-499" 502'-502"
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación	
H CH2 N84.4:	
570, 570"	
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados	

imifoplatinum

imifoplatin

dihydrogen (*SP*-4-2)-[(1*R*,2*R*)-cyclohexane-1,2-diamine- κ^2N^1,N^2][diphosphato(4-)- κ^2O^1,O^3]platinate(2-)
antineoplastic

imifoplatine

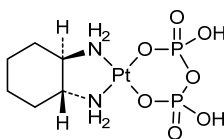
dihydrogène (*SP*-4-2)-[(1*R*,2*R*)-cyclohexane-1,2-diamine- $\kappa^2N^1,\kappa N^2$][diphosphato(4-)- κ^2O^1,O^3]platinate(2-)
antinéoplasique

imifoplatino

dihidrógeno (*SP*-4-2)-[(1*R*,2*R*)-ciclohexano-1,2-diamina- $\kappa^2N^1,\kappa N^2$][difosfato(4-)- κ^2O^1,O^3]platinato(2-)
antineoplásico

C₆H₁₆N₂O₇P₂Pt

1339960-28-9

**innopitantum**

innopitant

N-{[3,5-bis(trifluoromethyl)phenyl]methyl}-*N*-methyl-4-(2-methylphenyl)-6-(4-methylpiperazin-1-yl)pyridine-3-carboxamide
neurokinin NK1 receptor antagonist

innopitant

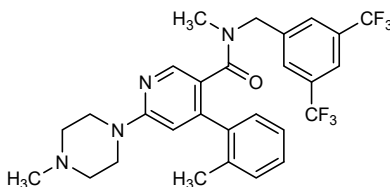
N-{[3,5-bis(trifluorométhyl)phényl]méthyl}-*N*-méthyl-4-(2-méthylphényl)-6-(4-méthylpipérazin-1-yl)pyridine-3-carboxamide
antagoniste du récepteur NK1 de la neurokinine

innopitant

N-{[3,5-bis(trifluorometil)fenil]metil}-*N*-metil-4-(2-metilfenil)-6-(4-metilpiperazin-1-il)piridina-3-carboxamida
antagonista del receptor NK1 de neurokinina

C₂₈H₂₈F₆N₄O

290297-57-3

**ivaltinostatum**

ivaltinostat

(2*E*)-*N*¹-[3-(dimethylamino)propyl]-*N*⁸-hydroxy-2-{{[naphthalen-1-yl]oxy}methyl}oct-2-enediamide
histone deacetylase inhibitor, antineoplastic

ivaltinostat

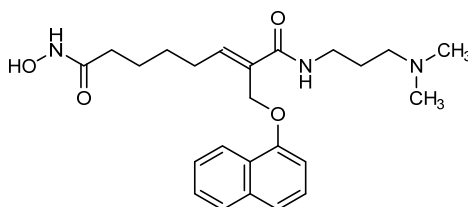
(2*E*)-*N*¹-[3-(diméthylamino)propyl]-*N*⁸-hydroxy-2-{{[naphtalén-1-yl]oxy}méthyl}oct-2-ènediamide
inhibiteur de l'histone désacétylase, antinéoplasique

ivaltinostat

(2*E*)-*N*¹-[3-(diméthylamino)propyl]-*N*⁶-hydroxi-2-
 {[naftalén-1-il]oxi]métil}oct-2-enodiamida
inhibidor de la histona desacetilasa, antineoplásico

C₂₄H₃₃N₃O₄

936221-33-9



ivuxolimabum #
 ivuxolimab

immunoglobulin G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF4 (tumor necrosis factor receptor (TNFR) superfamily member 4, OX40, CD134)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
 gamma2 heavy chain *Homo sapiens* (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-48*02 (99.0%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (CH1 (119-216), hinge 1-12 (217-228), CH2 (229-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (119-444)], (132-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1D-16*01 (100%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
 dimer (220-220":221-221":224-224":227-227")-tetrakisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO)-K1SV cell line, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

ivuxolimab

immunoglobuline G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF4 (membre 4 de la superfamille des récepteurs du facteur de nécrose tumorale, ACT35, OX40, CD134)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde gamma2 *Homo sapiens* (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-48*02 (99.0%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (CH1 (119-216), charnière 1-12 (217-228), CH2 (229-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (119-444)], (132-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1D-16*01 (100%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
 dimère (220-220":221-221":224-224":227-227")-tétrakisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO) lignée cellulaire K1SV, glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

ivuxolimab

inmunoglobulina G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF4 (miembro 4 de la superfamilia de los receptores del factor de necrosis tumoral, ACT35, OX40, CD134)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada gamma2 *Homo sapiens* (1-444) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-48*02 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens*IGHG2*01 (CH1 (119-216), bisagra 1-12 (217-228), CH2 (229-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (119-444)], (132-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1D-16*01 (100%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
dímero (220-220"-221-221":224-224":227-227")-tetrakisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO) línea celular K1SV, glicoforma alfa
inmunomodulador, antineoplásico

2128729-41-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYSMNWVRQA PGKGLEWVS Y 50
ISSSSSITDY ADSVKGRTIT SRDANKNSLY LQMNSLRDED TAVYYCARES 100
GWYLFDFYWGQ GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PCSRSTSEST AALGCLVKDY 150
FPEFPTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSNFGTQTYT 200
CNVDHKPSNT KVDKTVVERKQ CVECPCPCAP PVAGPSVFLF PPKPKDTLMI 250
SRTPEVTCVV VDVSHEDPEV QFNWYVDGVE VHNAKTKPRE EQFNSTFRVV 300
SVLTVVHQDW LNGKEYKCKV SNKGLPAPIE KTISKTKGQP REPQVYTLPP 350
SREEMTKNQV SLTCLVKGFY PSDIAVEWES NGQPENNYKT TPPLMDSGDS 400
FFLYSKLTVD KSRWQQGNVF SCSVMHEALH NHYTQKSLSL SPGK 444

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCRASQGIS SWLAWYQQKPK EKAPKSLIYA 50
ASSLQSGVPS RFGSGSGTD FTLTISSLQPEDFATYYCQY YNSYPPTFGG 100
GTRKVEIKRTV AAPSVEIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVEQDQSKD STYLSLSTLT LSKADYKEKH VYACEVTHQG 200
LSSEFVTKSFN RGECC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22"-96" 145"-201" 258"-318" 364"-422"
22"-96" 145"-201" 258"-318" 364"-422"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 132-214' 132"-214"
Inter-H-H (h 4, h 5, h 8, h 11) 220-220" 221-221" 224-224" 227-227"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
HCH2 N84.4:
294, 294"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

izencitinibum
izencitinib

3-[(1*R*,3*s*,5*S*)-3-{7-[(5-methyl-1*H*-pyrazol-3-yl)amino]-1,6-naphthyridin-5-yl}amino]-8-azabicyclo[3.2.1]octan-8-yl]propanenitrile
Janus kinase inhibitor

izencitinib

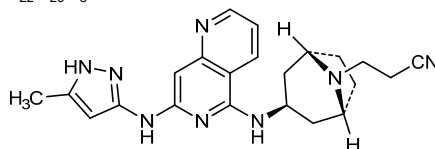
3-[(1*R*,3*s*,5*S*)-3-{7-[(5-méthyl-1*H*-pyrazol-3-yl)amino]-1,6-naphtyridin-5-yl}amino)-8-azabicyclo[3.2.1]octan-8-yl]propanenitrile
inhibiteur de la kinase de Janus

izencitinib

3-[(1*R*,3*s*,5*S*)-3-{7-[(5-metil-1*H*-pirazol-3-il)amino]-1,6-naftiridin-5-il}amino)-8-azabicyclo[3.2.1]octan-8-il]propanonitrilo
inhibidor de la quinasa de Janus

C₂₂H₂₆N₈

2051918-33-1

**lenacapavirum**

lenacapavir

N-[(1*S*)-1-{3-[4-chloro-3-(methanesulfonamido)-1-(2,2,2-trifluoroethyl)-1*H*-indazol-7-yl]-6-[3-(methanesulfonyl)-3-methylbut-1-yn-1-yl]pyridin-2-yl}-2-(3,5-difluorophenyl)éthyl]-2-[(3*bS*,4*aR*)-5,5-difluoro-3-(trifluorométhyl)-3*b*,4,4*a*,5-tétrahydro-1*H*-cyclopropa[3,4]cyclopenta[1,2-*c*]pyrazol-1-yl]acetamide
antiviral

lénacavavir

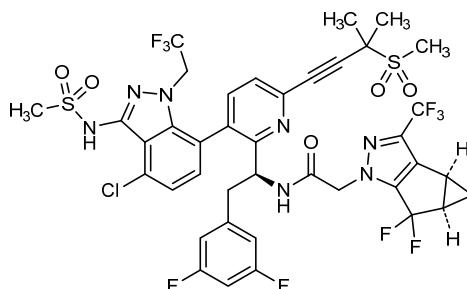
N-[(1*S*)-1-{3-[4-chloro-3-(méthanesulfonamido)-1-(2,2,2-trifluoroéthyl)-1*H*-indazol-7-yl]-6-[3-(méthanesulfonyl)-3-méthylbut-1-yn-1-yl]pyridin-2-yl}-2-(3,5-difluorophényl)éthyl]-2-[(3*bS*,4*aR*)-5,5-difluoro-3-(trifluorométhyl)-3*b*,4,4*a*,5-tétrahydro-1*H*-cyclopropa[3,4]cyclopenta[1,2-*c*]pyrazol-1-yl]acétamide
antiviral

lenacapavir

N-[(1*S*)-1-{3-[4-cloro-3-(metanosulfonamido)-1-(2,2,2-trifluoroetil)-1*H*-indazol-7-il]-6-[3-(metanosulfonil)-3-metilbut-1-in-1-il]piridin-2-il]-2-(3,5-difluorofenil)etil]-2-[(3*bS*,4*aR*)-5,5-difluoro-3-(trifluorometil)-3*b*,4,4*a*,5-tetrahidro-1*H*-ciclopropa[3,4]ciclopenta[1,2-*c*]pirazol-1-il]acetamida
antiviral

C₃₉H₃₂ClF₁₀N₇O₅S₂

2189684-44-2

**letetresgenum autoleucelum #**

letetresgene autoleucel

Autologous CD4⁺ and CD8⁺ T cells, transduced with a non-replicating human immunodeficiency virus (HIV)-derived self-inactivating (SIN) vector that comprises a 5' LTR (RSV^{*}-R-U5) and a 3' U3 deleted LTR (U5-R-HIV-1Delta 3'LTR), encoding an affinity enhanced NY-ESO-1 (autoimmunogenic cancer/testis antigen NY-ESO-1, CTAG1A, L antigen family member 2, LAGE-2) specific T cell receptor (TCR), under the control of elongation factor 1 alpha (EF1a) promoter. The vector is pseudotyped with vesicular stomatitis virus glycoprotein-G (VSV-G).

* RSV: Rous sarcoma virus
cell therapy (antineoplastic)

letetresgène autoleucel

Lymphocytes T CD4+ et CD8+ autologues, transduits par un vecteur auto-inactivant (SIN), non-répliquant, dérivé du virus de l'immunodéficience humaine (VIH), contenant une séquence LTR (terminale longue répétée) en 5' (RSV*-R-U5) et une séquence LTR dont le domaine U3 est supprimé (U5-R-HIV-1Delta 3'LTR), et qui code pour un récepteur des lymphocytes T (TCR) dont l'affinité est augmentée, spécifique du NY-ESO-1 (antigène autoimmunogénique associé au cancer du testicule NY-ESO-1, CTAG1A, membre 2 de la famille de l'antigène L, LAGE-2), sous le contrôle d'un promoteur du facteur d'élongation alpha 1 (EF1a). Le vecteur est pseudotypé avec la glycoprotéine G de l'enveloppe de la stomatite vésiculaire (VSV-G).

* RSV: virus du sarcome de Rous

thérapie cellulaire (antineoplasique)

letetresgèn autoleucel

Linfocitos T CD4+ y CD8+ autólogos, transducidos con un vector auto-inactivante (SIN), no replicativo, derivado del virus de la inmunodeficiencia humana (VIH), que contiene una LTR en 5' (RSV*-R-U5) y una LTR con U3 delecionada en 3' (U5-R-HIV-1Delta 3'LTR), y que codifica para un receptor de linfocitos T (TCR) con afinidad aumentada, específico para NY-ESO-1 (antígeno de cáncer/testículos autoimmunogénico NY-ESO-1, CTAG1A, miembro 2 de la familia de antígenos L, LAGE-2), bajo el control del promotor del factor de elongación alfa 1 (EF1a). El vector está seudotipado con la glicoproteína G del virus de la estomatitis vesicular (VSV-G).

* RSV: virus del sarcoma de Rous

terapia celular (antineoplásico)

linperlisibum

linperlisib

N-{5-[6-fluoro-8-[[4-(2-hydroxypropan-2-yl)piperidin-1-yl]methyl]-2-(morpholin-4-yl)quinazolin-4-yl]-2-methoxypyridin-3-yl}methanesulfonamide
phosphatidylinositol 3-kinase (PI3K) inhibitor, antineoplastic

linperlisib

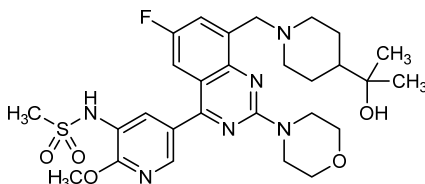
N-{5-[6-fluoro-8-[[4-(2-hydroxypropan-2-yl)pipéridin-1-yl]méthyl]-2-(morpholin-4-yl)quinazolin-4-yl]-2-méthoxypyridin-3-yl}méthanesulfonamide
inhibiteur de phosphatidylinositol 3-kinase (PI3K), antinéoplasique

linperlisib

N-{5-[6-fluoro-8-[[4-(2-hidroxipropan-2-il)piperidin-1-il]metil]-2-(morfolin-4-il)quinazolin-4-il]-2-metoxipiridin-3-il}metanosulfonamida
inhibidor de fosfatidilinositol 3-quinasa (PI3K), antineoplásico

C₂₈H₃₇FN₆O₅S

1702816-75-8



Iodapolimabum #

Iodapolimab

immunoglobulin G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*06 (100%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%)) [8.8.16] (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (220) (124-221), hinge 1-15 (222-236), CH2 L1.3>A (240), L1.2>E (241), G1>A (243), A115>S (336), P116>S (337) (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-215')-disulfide with lambda light chain *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-44*01 (91.8%) -IGLJ2*01 (90.9%)) [8.3.11] (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 T124>A (213) (99.1%) (111'-216')]; dimer (232-232":235-235")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

Iodapolimab

immunoglobuline G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*06 (100%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%)) [8.8.16] (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (220) (124-221), charnière 1-15 (222-236), CH2 L1.3>A (240), L1.2>E (241), G1>A (243), A115>S (336), P116>S (337) (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-215')-disulfure avec la chaîne légère lambda *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-44*01 (91.8%) -IGLJ2*01 (90.9%)) [8.3.11] (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 T124>A (213) (99.1%) (111'-216')]; dimère (232-232":235-235")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

Iodapolimab

inmunoglobulina G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*06 (100%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%)) [8.8.16] (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (220) (124-221), bisagra 1-15 (222-236), CH2 L1.3>A (240), L1.2>E (241), G1>A (243), A115>S (336), P116>S (337) (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-215')-disulfuro con la cadena ligera lambda *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-44*01 (91.8%) -IGLJ2*01 (90.9%)) [8.3.11] (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 T124>A (213) (99.1%) (111'-216')]; dímero (232-232":235-235")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofoma alfa
immunomodulador, antineoplásico

2118349-31-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGGTFS SYAISWVRQA PGQGLEWMGG 50
IIPFGTANY AQKFQGRVTI TADKSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCARSP 100
DYSFYYTYGM DVWGQGTITV VSSASTKGPS VFPLAPSSKS TSGGTAALGC 150
LVKDYFPEPV TVSWNSGALT SGVHTFPAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG 200
TQTYICNVNH KPSNTKVDKR VEPKSCDKTH TCPPCPAPEA EGAPSVFLFP 250
PKPKDTLMIS RTPEVTCVVV DVSHEDEPEK FNWYVDGVEV HNAKTKPREE 300
QYNSTYRVVS VLTVLHQDWL NGKEYCKCKV NKALPSSIEK TISKAKGQPR 350
EPQVYTLPPS REEMTKNQVS LTCVLKGFYP SDIAVEWESN GQPENNYKTT 400
PFVLDSDGSF FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSVMHEALHN HYTKQSLSL 450
PGK 453

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
QSVLTQPPSA SGTTPGQRTI SCSGSSSNIG SNTVNWYQQL PGTA PKLLIY 50
GNSNRPSGVP DRFSGSKSGT SASLAISGLQ SEDEADYYCQ SYDSSLSGSV 100
FGGGIKLTVL GQPKAAPSVT LFPSSSEELQ ANKATLVCL I SDFYPGAVTV 150
AWKADSSPVK AGVETTTFSK QSNNKYRASS YLSLTPEQWK SHRSYSCQVT 200
HEGSTVEETV APAECS 216

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 150-206 267-327 373-431
22"-96" 150"-206" 267"-327" 373"-431"
Intra-L (C23-C104) 22"-89" 138"-197"
22"-89" 138"-197"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 226-215" 226"-215"
Inter-H-H (h 11, h 14) 232-232" 235-235"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
303, 303"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados.
C-terminal lysine clipping:
H CHS K2:
453, 453"

lomardexamfetaminum
lomardexamfetamine

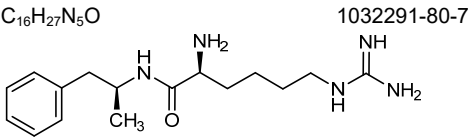
(2*S*)-2-amino-6-(carbamimidoylamino)-*N*-[(2*S*)-1-phenylpropan-2-yl]hexanamide
central nervous system stimulant

lomardexamfétamine

(2*S*)-2-amino-6-(carbamimidoylamino)-*N*-[(2*S*)-1-phénylpropan-2-yl]hexanamide
stimulant du système nerveux central

lomardexamfetamina

(2*S*)-2-amino-6-(carbamimidoylamino)-*N*-[(2*S*)-1-fenilpropan-2-il]hexanamida
estimulante del sistema nervioso central



lonodelestatum
lonodelestat

1,13-anhydro[L-alanyl-L-seryl-L-isoleucyl-L-prolyl-L-prolyl-L-glutaminy-L-lysyl-L-tyrosyl-D-prolyl-L-prolyl-(2*S*)-2-aminodecanoyl-L- α -glutamyl-L-threonine]
elastase inhibitor

lonodélestat

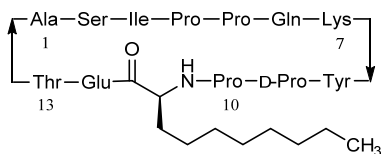
1,13-anhydro[L-alanyl-L-séryl-L-isoleucyl-L-prolyl-L-prolyl-L-glutaminy-L-lysyl-L-tyrosyl-D-prolyl-L-prolyl-(2*S*)-2-aminodécanoyl-L- α -glutamyl-L-thréonine]
inhibiteur de l'élastase

lonodelestat

1,13-anhidro[L-alanil-L-seril-L-isoleucil-L-prolil-L-prolil-L-glutaminil-L-lisil-L-tirosil-D-prolil-L-prolil-(2S)-2-aminodecanoil-L-α-glutamyl-L-treonina]
inhibidor de la elastasa

C₇₁H₁₁₁N₁₅O₁₉

906547-89-5



manelimabum #
manelimab

immunoglobulin G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* CD274 (programmed death ligand 1, PDL1, PD-L1, B7 homolog 1, B7H1)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-20*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)) [8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*01v, G1m17>G1m3, G1m1 (CH1 R120 (219) (123-220), hinge 1-15 (221-235), CH2 L1.3>A (239), L1.2>A (240) (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-215')-disulfide with lambda light chain (1'-216')] [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV8-61*01 (85.6%) -IGLJ2*01 (90.9%)) [9.3.10] (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (111'-216')]]; dimer (231-231":234-234")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO)-K1-S cell line, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

manélimab

immunoglobuline G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligand 1 de mort programmée, PDL1, PD-L1, homologue 1 de B7, B7H1)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde gamma1 (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-20*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)) [8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*01v, G1m17>G1m3,G1m1 (CH1 R120 (219) (123-220), charnière 1-15 (221-235), CH2 L1.3>A (239), L1.2>A (240) (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-215')-disulfure avec la chaîne légère lambda (1'-216')] [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV8-61*01 (85.6%) -IGLJ2*01 (90.9%)) [9.3.10] (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (111'-216')]]; dimère (231-231":234-234")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO) lignée cellulaire K1-S, glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

manelimab

immunoglobulina G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligando 1 de muerte programada, PDL1, PD-L1, homólogo 1 de B7, B7H1)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;

cadena pesada gamma1 (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-20*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)) [8.8.15] (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*01v, G1m17>G1m3,G1m1 (CH1 R120 (219) (123-220), bisagra 1-15 (221-235), CH2 L1.3>A (239), L1.2>A (240) (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-215')-disulfuro con la cadena ligera lambda (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV8-61*01 (85.6%) -IGLJ2*01 (90.9%)) [9.3.10] (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (111'-216')]; dímero (231-231":234-234")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO) línea celular K1-S, glicoforma alfa *immunomodulador, antineoplásico*

2168561-26-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG VVRPGGSLRL SCAASGFTFD DYAMSWVRQA PGKLEWVSD 50
ISWSSGNTNY ADSVKGRTLI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TALTHCARAP 100
LLAMTFTGVG SWGGTTLVTV SSASTKGPSV FFLAPSSKST SGGTAALGCL 150
VKDYFFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTFPSSSLGT 200
QTYICNVNHK PSNTKVDKRV EPKSCDKTHT CPFCFAPEAA GGPSVFLFFP 250
KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
YNSTYRVVSV LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KALPAPIEKT ISKAKGQPRE 350
PQVYTLPPSR DELTKNQVSL TCLVKGFYPS DIAVEWESNG QPENNYKTPP 400
PVLDSGSGFF LYSKLTVDKRS RWQQGNVFSC SVMHEALHNN YTQKSLSLSP 452
GK 452

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
QTVVVTQEPFL SVSPGGTTLV TGLSSGTVT AINYPGWYQQ TPGQAPRTLI 50
YNTNTRHSGV PDRFSGSISG NKAALTITGA QAEDEADYYC ALYMGNGGHH 100
FGGKTCLTVL GQPKAAPSVT LFPSSSEELQ ANKATLVCLII SDFYPGAVTV 150
AWKADSSPVK AGVETTTFSK QSNKNYAASS YLSLTPEQWK SHRSYSQCQVT 200
HEGSTVEKTV APTESCS 216

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 149-205 266-326 372-430
22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"
Intra-L (C23-C104) 22-90" 138"-197"
22"-90" 138"-197"
Inter-H-L (h5-CL 126) 225-215" 225"-215"
Inter-H-H (h 11, h 14) 231-231" 234-234"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
HCH2 N84.4:
302, 302"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

mavezelimabum #
mavezelimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* LAG3 (lymphocyte activating 3, lymphocyte-activation 3, CD223)], humanized monoclonal antibody; gamma4 heavy chain humanized (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-58*01 (85.6%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (91.7%)) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (120-217), hinge 1-12 (218-229), CH2 (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (120-446)], (133-218')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2D-29*01 (82.0%) -IGKJ4*01 (100%)) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimer (225-225":228-228")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO) cells, glycoform alfa *immunomodulator, antineoplastic*

mavézélimab	immunoglobuline G4-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> LAG3 (activateur 3 des lymphocytes, lymphocyte-activation 3, CD223)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma4 humanisée (1-446) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-58*01 (85.6%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (91.7%)) [8.8.12] (1-119) - <i>Homo sapiens</i> IGHG4*01 (CH1 (120-217), charnière 1-12 (218-229), CH2 (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (120-446)], (133-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-218') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV2D-29*01 (82.0%) -IGKJ4*01 (100%)) [10.3.9] (1'-111') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
mavezelimab	immunoglobulina G4-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> LAG3 (activador 3 de los linfocitos, linfocito-activación 3, CD223)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma4 humanizada (1-446) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-58*01 (85.6%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (91.7%)) [8.8.12] (1-119) - <i>Homo sapiens</i> IGHG4*01 (CH1 (120-217), bisagra 1-12 (218-229), CH2 (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (120-446)], (133-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-218') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV2D-29*01 (82.0%) -IGKJ4*01 (100%)) [10.3.9] (1'-111') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicoforma alfa <i>immunomodulador, antineoplásico</i>

2231068-83-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QMQLVQSGPE VKKPGTSVKV SCKASGYTFT DYNVDVVRQA RGQRLEWIGD 50
INPNDGGTIY AQKQERVTI TVDKSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCARNY 100
RWFQAMDHWG QGTTVTYSSA STKGPSVFFL APCSRSTSES TAALGCLVKD 150
YFPEPVTWSV NSGALTSGVH TTPAVLQSSG LYSLSVVTV PSSSLGKTTY 200
TCNVDPKPSN TKVDKRVESK YGPPCPQCPA PEFLLGGPSVF LFPKPKDTL 250
MISRTPEVTC VVVDVSGEDP EVQFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQFNSTYR 300
VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNGKLPS S EKTISKAKG QPREPQVYTL 350
PPSQEEMTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTTFPVLDS 400
GSFFLYSRLT VDKSRWQEGN VFSCSVMEHA LHNHYTQKSL SLSLKG 446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIVMTQTPLS LSVTPGQPAS ISCKASQSLD YEGDSMMWY LQKPGQPPQL 50
LIYGASNLIS GVPDRFSGSG SGTDFTLKIS RVEAEDVGVY YCQQTSTEDPR 100
TFGGGTKEVEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSL S TLTLTKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGEC 218

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 260-320 366-424
22"-96" 146"-202" 260"-320" 366"-424"
Intra-L (C23-C104) 23'-92' 138'-198"
23"-92'" 138"-198"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 133'-218' 133"-218"
Inter-H-H (h 11, h 14) 225-225" 228-228"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
296, 296"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.
C-terminal lysine clipping:
H CHSK2:
446, 446"

mesdopetamum

mesdopetam

N-(2-[3-fluoro-5-(methanesulfonyl)phenoxy]ethyl)propan-1-amine
dopamine D3 receptor blocker

mesdopétam

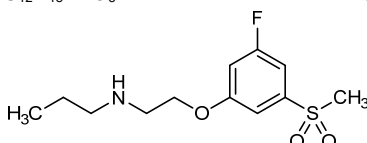
N-(2-[3-fluoro-5-(méthanesulfonyl)phénoxy]éthyl)propan-1-amine
bloqueur des récepteurs à la dopamine D3

mesdopetam

N-(2-[3-fluoro-5-(metanosulfonyl)fenoxi]etil)propan-1-amina
bloqueante del receptor de la dopamina D3

C₁₂H₁₈FNO₃S

1403894-72-3

**mevociclibum**

mevociclib

N-[(1*S*,3*R*)-3-[[5-chloro-4-(1*H*-indol-3-yl)pyrimidin-2-yl]amino]-1-methylcyclohexyl]-5-[(2*E*)-4-(dimethylamino)but-2-enamido]pyridine-2-carboxamide
cyclin-dependent kinase inhibitor, antineoplastic

mévociclib

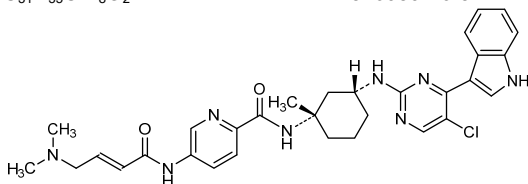
N-[(1*S*,3*R*)-3-[[5-chloro-4-(1*H*-indol-3-yl)pyrimidin-2-yl]amino]-1-méthylcyclohexyl]-5-[(2*E*)-4-(diméthylamino)but-2-énamido]pyridine-2-carboxamide
inhibiteur des kinases dépendantes des cyclines, antinéoplasique

mevociclib

N-[(1*S*,3*R*)-3-[[5-cloro-4-(1*H*-indol-3-il)pirimidin-2-il]amino]-1-metilciclohexil]-5-[(2*E*)-4-(dimetilamino)but-2-enamido]piridina-2-carboxamida
inhibidor de las quinasas dependientes de las ciclinas, antineoplásico

C₃₁H₃₅ClN₈O₂

1816989-16-8

**mezagitamabum #**

mezagitamab

immunoglobulin G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* CD38 (ADP-ribosyl cyclase 1)], monoclonal antibody; gamma1 heavy chain humanized (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (93.3%)) [8.8.16] (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (220) (124-221), hinge 1-15 (222-236), CH2 (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-215')-disulfide with lambda light chain humanized

	(1'-216') [V-LAMBDA (<i>Homo sapiens</i> IGLV1-47*01 (91.8%) -IGLJ2*01 (100%)) [8.3.11] (1'-110') - <i>Homo sapiens</i> IGLC1*02 (100%) (111-216')]; dimer (232-232":235-235")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO)-K1SV cell line, glycoform alfa <i>immunomodulator, antineoplastic</i>
mézagitamab	immunoglobuline G1-lambda, anti-[<i>Homo sapiens</i> CD38 (ADP-ribosyl cyclase 1)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 humanisée (1-453) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (93.3%)) [8.8.16] (1-123) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (220) (124-221), charnière 1-15 (222-236), CH2 (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-215')-disulfure avec la chaîne légère lambda humanisée (1'-216') [V-LAMBDA (<i>Homo sapiens</i> IGLV1-47*01 (91.8%) -IGLJ2*01 (100%)) [8.3.11] (1'-110') - <i>Homo sapiens</i> IGLC1*02 (100%) (111-216')]; dimère (232-232":235-235")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO) lignée cellulaire K1SV, glycoforme alfa <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
mezagitamab	immunoglobulina G1-lambda, anti-[<i>Homo sapiens</i> CD38 (ADP-ribosil ciclaza 1)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 humanizada (1-453) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (93.3%)) [8.8.16] (1-123) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (220) (124-221), bisagra 1-15 (222-236), CH2 (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-215')-disulfuro con la cadena ligera lambda humanizada (1'-216') [V-LAMBDA (<i>Homo sapiens</i> IGLV1-47*01 (91.8%) -IGLJ2*01 (100%)) [8.3.11] (1'-110') - <i>Homo sapiens</i> IGLC1*02 (100%) (111-216')]; dímero (232-232":235-235")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO) línea celular K1SV, glicoforma alfa <i>immunomodulador, antineoplásico</i>

2227490-52-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada	
EVQLLESGGG	LVQPGGSLRL SCAASGFTFD DYGMSSWRQA PGKGLEWVSD 50
ISWNGGKTHY	VDSVKQGFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARGS 100
LFHDSGGYFY	GHWGQGLTIV VSSASTKGPS VFPLAPSKS TSGGTAALGC 150
LVKDYFPEPV	TVSWNSGALT SGVHTFPAVL QSSGLYSLSL VVTVPSSSLG 200
TQTYICNVNH	KPSNTKVDKR VEPKSCDKTH TCPPCPAPEL LGGPSVFLFP 250
PKPKDTLMIS	RTPEVTCVVV DVSHPDPEVK FNWYVDGVEV HNAKTKPREE 300
QYNSTYRVVS	VLTVLHQDWL NGKEYCKKVS NKALPAPIEK TISKAKGQPR 350
EPQVITYLPPS	REEMTKNQVS LTCILVKGFYP SDIAVEMESN GQPENNYKTT 400
PFVLDSDGSF	FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSMVHEALHN HYTKSKLSLS 450
FGK	453
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera	
QSVLTQFPSSA	SGTPGQRVTI SCSSGSSNIG DNYVSWYQQI PGTAPKLLIY 50
RDSQRFSGVP	DRFSGSKSGT SASLAISGLR SEDEADYYCQ SYDSSLSGVS 100
FGGGTKLTVL	GQPKANPTVT LFPSSSEELQ ANKATLVCLII SDIFYGAVTV 150
AWKADGSPVK	AGVETTKPSK QSNNKYAASS YLSLTPEQWK SHRSYSCQVT 200
HEGSTVERKT	APTECS 216
Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-H (C23-C104)	22-96 150-206 267-327 373-431
	22"-96" 150"-206" 267"-327" 373"-431"
Intra-L (C23-C104)	22-89 138-197
	22"-89" 138"-197"
Inter-H-L (h 5-CL 126)	226-215 226"-215"
Inter-H-H (h 11, h 14)	232-232" 235-235"
N-terminal glutamine cyclization to pyroglutamate (pE, 5-oxoproline)	
L VL Q1:	
1, 1"	
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación	
H CH2 N84.4:	
303, 303"	
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.	

milategrastum

milategrast

1-(cyclopropylmethyl)-4-[2-(3,3,5,5-tetramethylcyclohexyl)phenyl]piperazine
non-steroidal anti-inflammatory

milatégrast

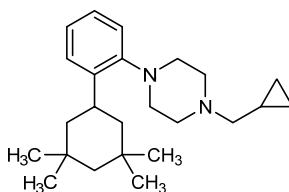
1-(cyclopropylméthyl)-4-[2-(3,3,5,5-tétraméthylcyclohexyl)phényl]pipérazine
anti-inflammatoire non-stéroïdien

milategrast

1-(ciclopropilmetil)-4-[2-(3,3,5,5-tetrametilciclohexil)fenil]piperazina
antiinflamatorio no esteroideo

 $C_{24}H_{38}N_2$

859217-52-0

**mipetresgenum autoleucelum #**

mipetresgene autoleucel

Autologous T cells, transduced with a replication incompetent Moloney murine leukemia virus (MoMLV) (a retrovirus) vector that encodes a T cell receptor (TCR) that recognizes NY-ESO-1 protein (cancer/testis antigen 1, autoimmunogenic cancer/testis antigen NY-ESO-1, CTAG1A, L antigen family member 2, LAGE-2).
cell therapy (antineoplastic)

mipetresgène autoleucel

Lymphocytes T autologues transduits par un vecteur du virus de la leucémie murine de Moloney (MoMLV) (un retrovirus) incompetent pour la replication et codant pour un récepteur des lymphocytes T (TCR) reconnaissant la protéine NY-ESO-1 (antigène autoimmunogénique associé au cancer du testicule NY-ESO-1, CTAG1A, membre 2 de la famille de l'antigène L, LAGE-2).
thérapie cellulaire (antinéoplasique)

mipetresgén autoleucel

Linfocitos T autólogos transducidos con un vector del virus de la leucemia murina de Moloney (MoMLV) (un retrovirus) incompetente para replicación que codifica para un receptor de linfocitos T (TCR) que reconoce la proteína NY-ESO-1 (antígeno 1 de cáncer/testículos, antígeno autoinmunogénico de cáncer/testículos NY-ESO-1, CTAG1A, miembro 2 de la familia de antígenos L, LAGE-2).
terapia celular (antineoplásico)

mirzotamabum #

mirzotamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD276 (B7H3, B7-H3, B7RP-2)], monoclonal antibody;

	gamma1 heavy chain chimeric (1-446) [VH (<i>Mus musculus</i> IGHV3-1*02 (86.6%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (86.7%)/<i>Homo sapiens</i> IGHV4-38-2*01 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%))] [9.7.9] (1-116) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (213) (117-214), hinge 1-15 (215-229), CH2 L1.3>A (233), L1.2>A (234) (230-339), CH3 E12 (355), M14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-39*01 (82.2%) -IGKJ2*02 (100%))] [6.3.9] (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (225-225":228-228")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO) cells, glycoform alfa <i>immunomodulator, antineoplastic</i>
mirzotamab	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> CD276 (B7H3, B7-H3, B7RP-2)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 chimérique (1-446) [VH (<i>Mus musculus</i> IGHV3-1*02 (86.6%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (86.7%)/<i>Homo sapiens</i> IGHV4-38-2*01 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%))] [9.7.9] (1-116) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (213) (117-214), charnière 1-15 (215-229), CH2 L1.3>A (233), L1.2>A (234) (230-339), CH3 E12 (355), M14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-39*01 (82.2%) -IGKJ2*02 (100%))] [6.3.9] (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
mirzotamab	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> CD276 (B7H3, B7-H3, B7RP-2)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 quimérica (1-446) [VH (<i>Mus musculus</i> IGHV3-1*02 (86.6%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (86.7%)/<i>Homo sapiens</i> IGHV4-38-2*01 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%))] [9.7.9] (1-116) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (213) (117-214), bisagra 1-15 (215-229), CH2 L1.3>A (233), L1.2>A (234) (230-339), CH3 E12 (355), M14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-39*01 (82.2%) -IGKJ2*02 (100%))] [6.3.9] (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicoforma alfa <i>immunomodulador, antineoplásico</i>

2229859-11-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLQESGPG LVKPSSETLSL TCAVTGYSIT SGYSWHWIRQ FPGNGLEWMG 50
YIHSSGSGTNY NPSLKSRLSI SRDTSKNQFF LKLSSTVTAAD TAVYYCAGYD 100
DYFEYWGQGT TTVTSSASTK GPSVFPLAPL SKSTSGGTAA LGCLVKDYFP 150
EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVTVFPSS SLGTQTYICN 200
VNHKPSNTKV DKKVEPKSCD KTHTCPPCPA PEAAGGPSVF LFPPKPKDTL 250
MISRTPEVTC VVVDVSHEDP EVKFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR 300
VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNNKALPAP IEKTISKAKG QPREPQVYTL 350
PPSREMTKN QVSLTCLVKG FYPDSIAVEW ESNQGPENNY KTTTPVLDSD 400
GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCSVMHFA LHNHYTQKSL SLSPGK 446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGRDVT ITCKASQNVG FNVAWYQQKPK GKSPKALIYS 50
ASYRYSGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDAFAYFCQQ YNWYPTFTGQ 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNFFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22°-96' 143°-199' 260°-320' 366°-424'
22°-96" 143°-199" 260°-320" 366°-424"
Intra-L (C23-C104) 23°-88' 134°-194'
23°-88" 134°-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 219°-214' 219°-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 225°-225" 228°-228"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
296, 296°
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

mirzotamabum clezutoclauxum #

mirzotamab clezutoclaux immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD276 (B7H3, B7-H3, B7RP-2)], monoclonal antibody, conjugated with clezutoclaux, an inhibitor of BCL2L1 (BCL2-like 1, BCL-XL); gamma1 heavy chain chimeric (1-446) [VH (*Mus musculus* IGHV3-1*02 (86.6%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (86.7%)/*Homo sapiens* IGHV4-38-2*01 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%))] [9.7.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (213) (117-214), hinge 1-15 (215-229), CH2 L1.3>A (233), L1.2>A (234) (230-339), CH3 E12 (355), M14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (82.2%) -IGKJ2*02 (100%))] [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (225-225":228-228")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO) cells, glycoform alfa; conjugated, on an average of 2 cysteinyl, with clezutoclaux, comprising a cleavable dipeptide (valine-alanine) linker
immunomodulator, antineoplastic

mirzotamab clezutoclaux immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD276 (B7H3, B7-H3, B7RP-2)], anticorps monoclonal; conjugué au clézutoclaux, un inhibiteur de BCL2L1 (protéine 1 apparentée au BCL2, BCL-XL); chaîne lourde gamma1 chimérique (1-446) [VH (*Mus musculus* IGHV3-1*02 (86.6%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (86.7%)/*Homo sapiens* IGHV4-38-2*01 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%))] [9.7.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17,1, nG1m1 (CH1 R120>K (213) (117-214), charnière 1-15 (215-229), CH2 L1.3>A (233), L1.2>A (234) (230-339), CH3 E12 (355), M14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (82.2%) -IGKJ2*02 (100%))] [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa; conjugué,

sur 2 cystéines en moyenne, au clézutoclax, comprenant un linker dipeptide (valine-alanine) clivable
immunomodulateur, antinéoplasique

mirzotamab clezutoclax

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD276 (B7H3, B7-H3, B7RP-2)], anticuerpo monoclonal; conjugado con clezutoclax, un inhibidor de BCL2L1 (proteína 1 vinculada con BCL2, BCL-XL); cadena pesada gamma1 quimérica (1-446) [VH (*Mus musculus* IGHV3-1*02 (86.6%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (86.7%)/*Homo sapiens* IGHV4-38-2*01 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%)) [9.7.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17.1, nG1m1 (CH1 R120>K (213) (117-214), bisagra 1-15 (215-229), CH2 L1.3>A (233), L1.2>A (234) (230-339), CH3 E12 (355), M14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (82.2%) -IGKJ2*02 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (225-225"-228-228")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicoforma alfa; conjugado, con 2 restos de cisteínas por término medio, con clézutoclax, que comprende un vinculador dipéptido (valina-alanina) escindible
immunomodulador, antineoplásico

2229859-12-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLQESGPG LYPKSETLSL TCAVTGYSIT SGYSWHWIRQ FPGNGLEWMMG 50
YHSSGSNNY NPSLKSRLSI SDTSNQQFF LKLSVTAAD TAVITYCAGYD 100
DYFEYWGQGT TTYVSSASTK GPSVFPLAPL SKSTSGGTAA LGLAKDYFF 150
EPVTYVSNWG ALTSGVHTFF AVLQSSGLYS LSSVTVFSS SLGTPQYICN 200
VNHKPSNTKV DKKVPEKSCD THTCPPCPA PEAAGGPSVF LFFPKYKDTL 250
MISRTPEVTC VVVDVSHEDP EVKFNWYVDG VEVHNAKTFP REEQYNSTYR 300
VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNAKLPAP IEKTSKAKG QPREPQVYTL 350
PFSREEMTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTFPFVLDS 400
GSFFLYSKLT VDKSRWQGN VFSGSVMEHA LHNHYTQKSL SLSPGK 446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGRVIT ITCKASQNVG FNVAVYQKPK GKSPKALIYS 50
ASYRYSQVPS RFGSGSGSDT FTLTISLQPE EDFAEYFCQQ YNWYPTFFGQ 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96 143"-199 260"-320 366"-424

22"-96" 143"-199" 260"-320" 366"-424"

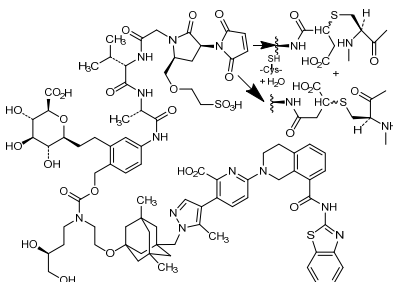
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"

23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126)" 219"-214" 219"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 225"-225" 228"-228"

*One of the inter-chain disulfide bridges is not present, an average of 2 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker. *Un des ponts disulfures inter-chaînes n'est pas présent, 2 cysteinyl en moyenne étant chacun conjugué via uncliaison thioéthérà un linker-principe actif. *Falta uno de los puentes disulfuro inter-catenarios, una media de 2 cisteinil está conjugada a conector / principio activo.



N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
HCH2 N84.4:

296, 296"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenariros complejos fucosilados

mobocertinibum

mobocertinib

propan-2-yl 2-[4-[[2-(diméthylamino)éthyl](méthyl)amino]-2-méthoxy-5-(prop-2-énamido)anilino]-4-(1-méthyl-1*H*-indol-3-yl)pyrimidine-5-carboxylate
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

mobocertinib

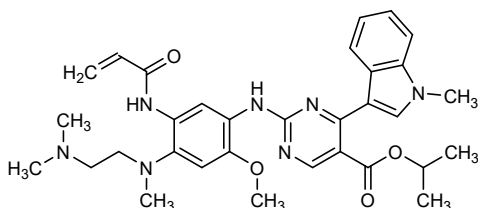
2-[4-[[2-(diméthylamino)éthyl](méthyl)amino]-2-méthoxy-5-(prop-2-énamido)anilino]-4-(1-méthyl-1*H*-indol-3-yl)pyrimidine-5-carboxylate de propan-2-yle
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

mobocertinib

2-[4-[[2-(dimetilamino)etil](metil)amino]-2-metoxi-5-(prop-2-enamido)anilino]-4-(1-metil-1*H*-indol-3-il)pirimidina-5-carboxilato de propan-2-ilo
inhibidor de la tirosina quinasa, antineoplásico

C₃₂H₃₉N₇O₄

1847461-43-1

**monomethylis fumaras**

monomethyl fumarate

(2*E*)-4-methoxy-4-oxobut-2-enoic acid
anti-inflammatory

fumarate de monométhyle

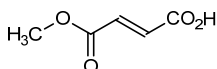
acide (2*E*)-4-méthoxy-4-oxobut-2-énoïque
anti-inflammatoire

fumarato de monometilo

ácido (2*E*)-4-metoxi-4-oxobut-2-enoico
antiinflamatorio

C₅H₆O₄

2756-87-8

**narsoplimabum #**

narsoplimab

immunoglobulin G4-lambda, anti-[*Homo sapiens* MASP2 (mannan-binding lectin serine peptidase 2, mannan-binding lectin serine protease 2, mannan-binding lectin serine protease 1 pseudogene 1, MASP1P1)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-26*01 (94.0%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (100%)) [10.7.10] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (119-216), hinge 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-211')-disulfide with lambda light chain *Homo sapiens* (1'-212') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-1*01 (93.5%) -IGLJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-106') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (107'-212')];

	dimer (224-224"-227-227")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO)-S cell line, glycoform alfa <i>immunomodulator</i>
narsoplimab	immunoglobuline G4-lambda, anti-[<i>Homo sapiens</i> MASP2 (sérine peptidase 2 de la lectine liant le mannane, sérine protéase 2 de la lectine liant le mannane, pseudogène 1 de la protéase 1 de la lectine liant le mannane, MASP1P1)], anticorps monoclonal <i>Homo sapiens</i> ; chaîne lourde gamma1 <i>Homo sapiens</i> (1-445) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV2-26*01 (94.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [10.7.10] (1-118) - <i>Homo sapiens</i> IGHG4*01 (CH1 (119-216), charnière 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-211')-disulfure avec la chaîne légère lambda <i>Homo sapiens</i> (1'-212') [V-LAMBDA (<i>Homo sapiens</i> IGLV3-1*01 (93.5%) -IGLJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-106') - <i>Homo sapiens</i> IGLC2*01 (100%) (107'-212')]; dimère (224-224"-227-227")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO) lignée cellulaire S, glycoforme alfa <i>immunomodulateur</i>
narsoplimab	inmunoglobulina G4-lambda, anti-[<i>Homo sapiens</i> MASP2 (serina peptidasa 2 de la lectina que se une al manano, serina proteasa 2 de la lectina unida al manano, pseudogen 1 de la proteasa 1 de la lectina unida al manano, MASP1P1)], anticuerpo monoclonal <i>Homo sapiens</i> ; cadena pesada gamma1 <i>Homo sapiens</i> (1-445) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV2-26*01 (94.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [10.7.10] (1-118) - <i>Homo sapiens</i> IGHG4*01 (CH1 (119-216), bisagra 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-211')-disulfuro con la cadena ligera lambda <i>Homo sapiens</i> (1'-212') [V-LAMBDA (<i>Homo sapiens</i> IGLV3-1*01 (93.5%) -IGLJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-106') - <i>Homo sapiens</i> IGLC2*01 (100%) (107'-212')]; dímero (224-224"-227-227")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO) línea celular S, glicofoma alfa <i>immunomodulador</i>

2108782-45-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVTLKESGPV LVKPTETLT LTCTVSGFSLR GRKMGVSWIR QPPGKALEWL 50
AHIFSSDEKS YRTSLKSRIT ISKDTGSKNQV VLTMTNMDPV DTATYYCARI 100
RRGGIDYWGQ GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PCRSRSTSEST AALGCLVKDY 150
FPEPVTWSNV SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTRKTYT 200
CNVDHKPSNT KVDRKVESKY GPCCPPCPAP EFLGGPSVFL FPPKPKDTLM 250
ISRTPEVTCV VVDVSQEDPE VQFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQFNSTYRV 300
VSVLTVLHQD WLNGKEYKCK VSNKGLPSSI EKTISKAKGQ PREPQVYTLF 350
PSQEEMTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400
SFFLYSRLTV DKSRWQEGNV FSCSVMEAL HNHYTKQSLR LSLGK 445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
QPVLTPPFL SVSPGQTASI TCSGEKLGDK YAYWYQQKPG QSPVLVWYQD 50
KQRPSGIPER FSGNSNGNTA TLITISGTQAM DEADYYCQAW DSSTAVFGGG 100
TKLTVLQGPK AAPSVTLFPP SSELQANKA TLVCLISDFY PGAVTVAWKA 150
DSSPVKAGVE TTTPSKQSNK KYAASSYLSL TPEQWKSHRS YSCQVTHEGS 200
TVEKTVAPTE CS 212

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22'-97' 145"-201' 259'-319' 365'-423'
22"-97" 145"-201" 259"-319" 365"-423"
Intra-L (C23-C104) 22'-87' 134'-193'
22"-87" 134"-193"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 132-211' 132"-211"
Inter-H-H (h 8, h 11) 224-224" 227-227"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
HCH2 N84.4:
295, 295"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping:
HCHS K2:
445, 445"

navafenterolum

navafenterol

trans-4-[[3-[5-(((2*R*)-2-hydroxy-2-(8-hydroxy-2-oxo-1,2-dihydroquinolin-5-yl)ethyl)amino)methyl]-1*H*-1,2,3-benzotriazol-1-yl)propyl](methyl)amino]cyclohexyl hydroxydi(thiophen-2-yl)acetate
bronchodilator

navafentérol

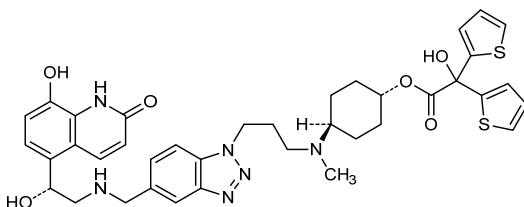
hydroxydi(thiophén-2-yl)acétate de *trans*-4-[[3-[5-(((2*R*)-2-hydroxy-2-(8-hydroxy-2-oxo-1,2-dihydroquinoléin-5-yl)éthyl)amino)méthyl)-1*H*-1,2,3-benzotriazol-1-yl]propyl](méthyl)amino]cyclohexyle
bronchodilatateur

navafenterol

hidroxidi(tiofen-2-il)acetato de *trans*-4-[[3-[5-(((2*R*)-2-hidroxi-2-(8-hidroxi-2-oxo-1,2-dihidroquinolein-5-il)etil)amino)metil]-1*H*-1,2,3-benzotriazol-1-il]propil](metil)amino)ciclohexilo
broncodilatador



1435519-06-4



navocastorum

navocafter

(5-{3-amino-5-[4-(trifluoromethoxy)benzene-1-sulfonyl]pyridin-2-yl}-1,3,4-oxadiazol-2-yl)methanol
cystic fibrosis transmembrane regulator (CFTR)
protein modulator

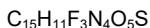
navocafter

(5-{3-amino-5-[4-(trifluorométhoxy)benzène-1-sulfonyl]pyridin-2-yl}-1,3,4-oxadiazol-2-yl)méthanol

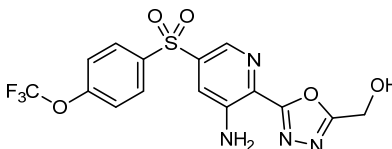
modulateur de la protéine régulatrice de la perméabilité transmembranaire impliquée dans la mucoviscidose (CFTR)

navocafter

(5-{3-amino-5-[4-(trifluorometoxi)benzeno-1-sulfonil]piridin-2-il}-1,3,4-oxadiazol-2-il)metanol
modulador de la proteína reguladora de la conductancia transmembrana de la fibrosis quística (CFTR)



2159103-66-7



nelonemdazum

nelonemdaz

2-hydroxy-5-({[2,3,5,6-tetrafluoro-4-(trifluoromethyl)phenyl]methyl}amino)benzoic acid
N-methyl-D-aspartate (NMDA) receptor antagonist

nélonemdaz

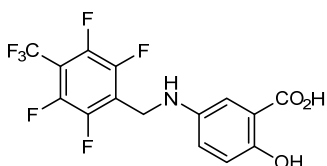
acide 2-hydroxy-5-({[2,3,5,6-tétrafluoro-4-(trifluorométhyl)phényl]méthyl}amino)benzoïque
antagoniste des récepteurs du NMDA

nelonemdaz

ácido 2-hidroxi-5-({[2,3,5,6-tetrafluoro-4-(trifluorometil)fenil]metil}amino)benzoico
antagonista del receptor de NMDA

C₁₅H₈F₇NO₃

640290-67-1

**nerindocianinum**

nerindocianine

2-((1*E*)-2-[3-((2*E*)-2-[3,3-dimethyl-5-sulfo-1-(4-sulfobutyl)-1,3-dihydro-2*H*-indol-2-ylidene]ethylidene)-2-(4-sulfophenoxy)cyclohex-1-en-1-yl]ethen-1-yl)-3,3-dimethyl-1-(4-sulfobutyl)-3*H*-indol-1-ium-5-sulfonate
fluorescent diagnostic contrast agent

nérindocianine

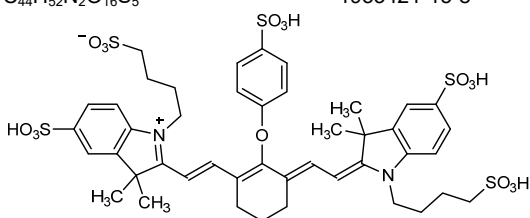
2-((1*E*)-2-[3-((2*E*)-2-[3,3-diméthyl-5-sulfo-1-(4-sulfobutyl)-1,3-dihydro-2*H*-indol-2-ylidène]éthylidène)-2-(4-sulfophénoxy)cyclohex-1-én-1-yl]éthén-1-yl)-3,3-diméthyl-1-(4-sulfobutyl)-3*H*-indol-1-ium-5-sulfonate
substance fluorescente à usage diagnostique

nerindocianina

2-((1*E*)-2-[3-((2*E*)-2-[3,3-dimetil-5-sulfo-1-(4-sulfobutil)-1,3-dihidro-2*H*-indol-2-ilideno]etilideno)-2-(4-sulfofenoxi)ciclohex-1-en-1-il]eten-1-il)-3,3-dimetil-1-(4-sulfobutil)-3*H*-indol-1-ium-5-sulfonato
agente de contraste fluorescente de diagnóstico

C₄₄H₅₂N₂O₁₆S₅

1933421-15-8

**nogapendekinum alfa #**

nogapendekin alfa

human interleukin 15 [72-aspartic acid] (human IL-15 N72>D isoform), produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
interleukin type substance

nogapendékine alfa

interleukine 15 humaine [72-acide aspartique] (IL-15 humaine, isoforme N72>D), produit par des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
dérivé de l'interleukine

nogapendekina alfa

interleukina 15 humana [72-ácido aspártico] (IL-15 humana, isoforma N72>D), producido por las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicoforma alfa
derivado de la interleukina

1622189-43-8

Sequence / Séquence / Secuencia:

NWNVVISDLK KIEDLIQSMH IDATLYTESD VHPSCKVTAM KCFLLELQVI 50
SLESGDASIH DTVENLILIA NDSLSSNGNV TESGCKECEE LEEKNIKEFL 100
QSFVHIVQMF INTS 114

Disulfide bridge locations / Positions des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
35-85, 42-88

Glycosylation site (N) / Site de glycosylation (N) / Posición de glicosilación (N)
Asn-79 (partially)

numidargistatum

numidargistat

(3*R*,4*S*)-3-amino-1-[(2*S*)-2-aminopropanoyl]-4-(3-boronopropyl)pyrrolidine-3-carboxylic acid
arginase inhibitor, antineoplastic

numidargistat

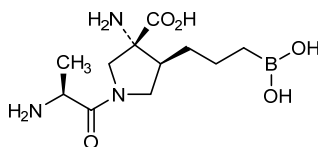
acide (3*R*,4*S*)-3-amino-1-[(2*S*)-2-aminopropanoyl]-4-(3-boronopropyl)pyrrolidine-3-carboxylique
inhibiteur de l'arginase, antinéoplasique

numidargistat

ácido (3*R*,4*S*)-3-amino-1-[(2*S*)-2-aminopropanoil]-4-(3-boronopropil)pirrolidina-3-carboxílico
inhibidor de la arginasa, antineoplásico

C₁₁H₂₂BN₃O₅

2095732-06-0



nurulimabum #

nurulimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CTLA4 (cytotoxic T-lymphocyte associated protein 4, CTLA-4, CD152)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-446) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-30*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens*IGHG1*01v, G1m17>G1m3, G1m1 (CH1 K120>R (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS G1>del, K2>del) (119-446)], (221-215')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-20*01 (97.9%) -IGKJ1*01 (100%)) [7.3.9] (1'-108') - *Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimer (227-227'':230-230'')-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO)-K1-S cell line, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

nurulimab	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> CTLA4 (protéine 4 associée aux lymphocytes T cytotoxiques, CTLA-4, CD152)], anticorps monoclonal <i>Homo sapiens</i> ; chaîne lourde gamma1 <i>Homo sapiens</i> (1-446) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-30*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.11] (1-118) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*01v, G1m17>G1m3, G1m1 (CH1 K120>R (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS G1>del, K2>del) (119-446)], (221-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa <i>Homo sapiens</i> ((1'-215') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-20*01 (97.9%) -IGKJ1*01 (100%)) [7.3.9] (1'-108') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimère (227-227'':230-230'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO) lignée cellulaire K1-S, glycoforme alfa <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
nurulimab	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> CTLA4 (proteína 4 asociada con linfocitos T citotóxicas, CTLA-4, CD152)], anticuerpo monoclonal <i>Homo sapiens</i> ; cadena pesada gamma1 <i>Homo sapiens</i> (1-446) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-30*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.11] (1-118) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*01v, G1m17>G1m3, G1m1 (CH1 K120>R (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS G1>del, K2>del) (119-446)], (221-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa <i>Homo sapiens</i> ((1'-215') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-20*01 (97.9%) -IGKJ1*01 (100%)) [7.3.9] (1'-108') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dímero (227-227'':230-230'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO) línea celular K1-S, glicoforma alfa <i>immunomodulador, antineoplásico</i>

2168561-20-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada			
EVQLVESGGG	VVQPGRLRL	SCAASGFTFS	SYTMHWVRQA PGKGLEWVTF 50
ISYDGNKKYY	ADSVKGRFTI	SRDSKNTLY	LQMNLSRAED TAIYYCARTG 100
WLGPFDYNGQ	GTLVTVSSAS	TKGPSVFPLA	PSLSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN	SGALTSGVHT	FFAVLQSSGL	YSLSSVTVTP SSSLGTQTYI 200
CNVNHHKPSNT	KVDKRVEPKS	CDKHTCTPCP	PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMSIRTPFV	TCVVVDVSHE	DPEVKFNWYV	DGVEVHNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL	HQDWLNGKEY	KCKVSNKALP	APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSRDELDT	KNQVSLTCLV	KGFYPSDIAV	EWESNGQPEN NYKTPFPVLD 400
SDGSFFLYSK	LTVDKSRWQQ	GNVFSCSMVH	EALHNHYTQK SLSLSP 446
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera			
EIVLTQSPGT	LSLSPGERAT	LSCRASQSVG	SSYLAWYQQK PGQAPRLLIY 50
GAFSRATGIP	DRFSGSGSGT	DFLTLSIRLE	PEDFAVYYCQ QYGSSPWTFG 100
QGTKEIKRT	VAAPSVFIFP	PSDEQLKSGT	ASVVCLLNMF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS	QESVTEQDSK	DSTYISLSSTL	TLSKADYEKH KVAACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF	NRGEC		215
Post-translational modifications			
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro			
Intra-H (C23-C104)	22-96	145-201	262-322 368-426
	22"-96"	145"-201"	262"-322" 368"-426"
Intra-L (C23-C104)	23'-89'	135'-195'	
	23'''-89'''	135'''-195'''	
Inter-H-L (h 5-CL 126)	221-215'	221"-215"	
Inter-H-H (h 11, h 14)	227-227"	230-230"	
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación			
H CH2 N84.4:			
298, 298"			
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados			

obafistat

obafistat

[8-(3-fluorobenzène-1-sulfonyl)-3,8-diazabicyclo[3.2.1]octan-3-yl](1*H*-1,2,3-triazol-4-yl)méthanone
aldo-keto reductase AKR1C3 inhibitor

obafistat

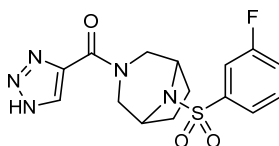
[8-(3-fluorobenzène-1-sulfonyl)-3,8-diazabicyclo[3.2.1]octan-3-yl](1*H*-1,2,3-triazol-4-yl)méthanone
inhibiteur de l'aldo-cétoréductase AKR1C3

obafistat

[8-(3-fluorobenceno-1-sulfonil)-3,8-diazabicyclo[3.2.1]octan-3-il](1*H*-1,2,3-triazol-4-il)metanona
inhibidor de la aldo-ceto reductasa AKR1C3

C₁₅H₁₆FN₅O₃S

2160582-57-8

**odesivimabum #**

odesivimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Zaire ebolavirus* (*Zaire Ebola virus* (EBOV)) envelope glycoprotein (GP)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-448) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-13*01 (100%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (100%)) [8.7.12] (1-118) -*Homo sapiens*IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV4-1*01 (97.0%) -IGKJ4*01 (100%)) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')];
 dimer (227-227'':230-230'')-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antiviral

odésivimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[glycoprotéine d'enveloppe (GP) de *Zaire ebolavirus* (virus Ebola Zaïre (EBOV))], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
 chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-448) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-13*01 (100%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (100%)) [8.7.12] (1-118) -*Homo sapiens*IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV4-1*01 (97.0%) -IGKJ4*01 (100%)) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dimère (227-227'':230-230'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antiviral

odesivimab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[glicoproteína de envoltura (GP) de *Zaire ebolavirus* (virus Ebola Zaire (EBOV))], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-13*01 (100%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.7.12] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (97.0%) -IGKJ4*01 (100%)) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicoforma alfa *immunomodulador, antiviral*

2135632-30-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPQGSLRL SCAASGFTFS SYDMHWVRQA TKGLEWVSA 50
IGTAGDTYYP GSVKGRFTIS RENAKNSLYL QMNSLRAGDT AVYYCARTWF 100
GELYFDYWQG GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSKVHT FPAVLQSSGL YSLSSVTVTP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKKVEPKS CDKTHTCPPC PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMIISRTPEV TCVVVDVSHH DPEVKFNWYV DGEVHNNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSRDELDT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQFEN NYKTTFPVLD 400
SDGSFPLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALNNHYTQK SLSLSPGK 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIVMTQSPDS LAVSLGERAT INCKSSQSVL YSSNNKNYLA WYQCKPGQPF 50
KLLIYWASTR ESGVPDRFSG SGSGTEFTLT ITSLQAEDVA VYYCQYYSS 100
PLTFGGGTKV EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 150
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKDSITYS LSTLTLSKA DYKHKRVYAC 200
EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC 220

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-95 145-201 262-322 368-426
22"-95" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
Intra-L (C23-C104) 23"-94" 140"-200"
23"-94" 140"-200"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-220" 221"-220"
Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
298, 298"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

odronextamabum #
odronextamab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MS4A1 (membrane-spanning 4-domains subfamily A member 1, CD20)] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon)], *Homo sapiens* monoclonal antibody, bispecific; gamma4 heavy chain *Homo sapiens* anti-MS4A1 (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-9*01 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (95.0%)) [8.8.20] (1-127) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (128-225), hinge 1-12 S10>P (235) (226-237), CH2 EF(1.4-1.3)>P (240), L1.2>V(241), G1.1>A (242) (238-346), CH3 (347-451), CHS (452-453)) (128-453)], (141-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (97.9%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')],

	gamma4 heavy chain <i>Homo sapiens</i> anti-CD3E (1"-449") [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-9*01 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (89.5%)) [8.8.16] (1"-123") -<i>Homo sapiens</i> IGHG4*01 (CH1 (124-221), hinge 1-12 S10>P (231) (222"-233"), CH2 EF(1.4-1.3)>P (236), L1.2>V(237), G1.1>A (238) (234"-342"), CH3 H115>R (437), Y116>F(438) (343"-447"), CHS (448-449)) (124"-449")], (137"-214")-disulfide with kappa light chain <i>Homo sapiens</i> (1"-214") [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-15*01 (97.9%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1"-107") -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108"-214")]; dimer (233-229":236-232")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO) cells, glycoform alfa <i>immunomodulator, antineoplastic</i>
odronextamab	immunoglobuline G4-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> MS4A1 (membre 1 de la sous-famille A à 4 domaines transmembranaires, CD20)] et anti-[<i>Homo sapiens</i>CD3E (CD3 epsilon)], anticorps monoclonal <i>Homo sapiens</i> bispécifique; chaîne lourde gamma4 <i>Homo sapiens</i> anti-MS4A1 (1-453) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-9*01 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (95.0%)) [8.8.20] (1-127) -<i>Homo sapiens</i> IGHG4*01 (CH1 (128-225), charnière 1-12 S10>P (235) (226-237), CH2 EF(1.4-1.3)>P (240), L1.2>V(241), G1.1>A (242) (238-346), CH3 (347-451), CHS (452-453)) (128-453)], (141-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa <i>Homo sapiens</i> (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-15*01 (97.9%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; chaîne lourde gamma4 <i>Homo sapiens</i> anti-CD3E (1"-449") [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-9*01 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (89.5%)) [8.8.16] (1"-123") -<i>Homo sapiens</i> IGHG4*01 (CH1 (124-221), charnière 1-12 S10>P (231) (222-233), CH2 EF(1.4-1.3)>P (236), L1.2>V(237), G1.1>A (238) (234-342), CH3 H115>R (437), Y116>F(438) (343-447), CHS (448-449)) (124"-449")], (137"-214")-disulfure avec la chaîne légère kappa <i>Homo sapiens</i> (1"-214") [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-15*01 (97.9%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1"-107") -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108"-214")]; dimère (233-229":236-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
odronextamab	immunoglobulina G4-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> MS4A1 (miembro 1 de la sub-familia A de 4 dominios transmembranarios, CD20)] y anti-[<i>Homo sapiens</i>CD3E (CD3 épsilon)], anticuerpo monoclonal <i>Homo sapiens</i> biespecífico; cadena pesada gamma4 <i>Homo sapiens</i> anti-MS4A1 (1-453) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-9*01 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (95.0%)) [8.8.20] (1-127) -<i>Homo sapiens</i> IGHG4*01 (CH1 (128-225), bisagra 1-12 S10>P (235) (226-237), CH2 EF(1.4-1.3)>P (240), L1.2>V(241), G1.1>A (242) (238-346), CH3 (347-451), CHS (452-453)) (128-453)], (141-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa <i>Homo sapiens</i> (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-15*01 (97.9%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (191) (108'-214')];

cadena pesada gamma4 *Homo sapiens* anti-CD3E (1"-449") [VH (*Homo sapiens* IGHV3-9*01 (98.0%) - (IGHD) -IGHJ6*01 (89.5%)] [8.8.16] (1"-123") -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (124-221), bisagra 1-12 S10>P (231) (222-233), CH2 EF(1.4-1.3)>P (236), L1.2>V(237), G1.1>A (238) (234-342), CH3 H115>R (437), Y116>F(438) (343-447), CHS (448-449)) (124"-449")], (137"-214")-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1"-214") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (97.9%) -IGKJ4*01 (100%)] [6.3.9] (1"-107") -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108"-214")]; dímero (233-229":236-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofoma alfa
inmunomodulador, antineoplásico

1801338-64-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-CD20)	
EVQLVESGGG	LVQPGRSLRL SCVASGFTFN DYAMHWVRQA PGKGLEWVSV 50
ISWNSDSIGY	ADSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMHSRLRAED TALYYCAKDN 100
HYGSGSYIYY	QYGMDFVWGQ TTVTVSSAST KGPSVFPLAP CSRSTSESTA 150
ALGCLVKDYF	PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVTVTPS 200
SSLGTKITYC	NVDHKPSNTK VDKRVESKYG PPCPPCPAPP VAGPSVFLFP 250
PKPKDTLMIS	RTPEVTCVVV DVSQEDPEVQ FNNVYDGEV HNAKTKPREE 300
QFNSTYRVVS	VLTVLHQDML NGKEYCKVYS NKGLPSSIEK TISKAKGQPR 350
EPQVYTLPPS	QEEMTKNQVS LTLCKVGFYP SDIAVEWESN GQPENNYKTT 400
PPVLDSDGSF	FLYSRLTVDK SRWQEGNVFS CSMVHEALHN HTYQKSLSL 450
LGK	453
Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-CD3)	
EVQLVESGGG	LVQPGRSLRL SCAASGFTFD DYTMMHWVRQA PGKGLEWVSG 50
ISWNSDSIGY	ADSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSRLRAED TALYYCAKDN 100
SGYGHYYIGM	DVWGQGTITV VASASTKGPS VFPLAPCSRS TSESTAALGC 150
LVKDYFPEPV	TVSWNSGALT SGVHTFPAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG 200
TKTYTCNVDH	KPSNTKVDKR VESKYGPCCP PCPAPPVAGP SVFLFPKPK 250
DTLMISRTPE	VTCVVVDVSG EDPEVQFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQFNS 300
TYRVVSVLTV	LHQDMLNGKE YKCKVSNKGL PSSIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSQEEM	TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
DSGGSFFLYS	RLTVDKSRWQ EGNVFSQSVV HEALHNRTQ KSLSLSLGK 449
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera	
EIVMTQSPAT	LSVSPGERAT LSCRASQSVS SNLAWYQKPK GQAPRLLIYG 50
ASTRATGIPA	RFGSGSGSTE FTLTISLSQS EDFAVYYCQH YINWPLTFGG 100
GTKVEIKRTV	AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQMKV 150
DNALQSGNSQ	ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN	RGEC 214
Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-H (C23-C104) 22-96 154-210 267-327 373-431	
22"-96" 150"-206" 263"-323" 369"-427"	
Intra-L (C23-C104) 23"-88' 134'-194'	
23"-88" 134"-194"	
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 141-214' 137"-214"	
Inter-H-H (h 8, h 11) 233-229" 236-232"	
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación	
H CH2 N84.4:	
303, 299"	
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados	

olafertinibum
olafertinib

N-[3-(2-{2,3-difluoro-4-[4-(2-hydroxyethyl)piperazin-1-yl]anilino}quinazolin-8-yl)phenyl]prop-2-enamide
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

olafertinib

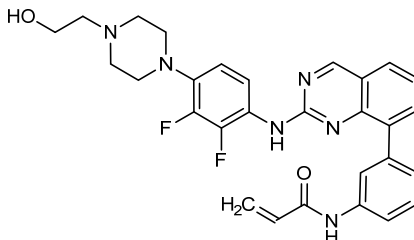
N-[3-(2-{2,3-difluoro-4-[4-(2-hydroxyéthyl)pipérazin-1-yl]anilino}quinazolin-8-yl)phényl]prop-2-énamide
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

olafertinib

N-[3-(2-{2,3-difluoro-4-[4-(2-hidroxietyl)piperazin-1-il]anilino}quinazolin-8-il)fenil]prop-2-enamida
inhibidor de la tirosina quinasa, antineoplásico

C₂₉H₂₈F₂N₆O₂

1660963-42-7



olitresgenum autoleucelum #
 olitresgene autoleucel

autologous CD4⁺ and CD8⁺ T cells, transduced with a non-replicating human immunodeficiency virus (HIV)-derived self-inactivating (SIN) vector that comprises a 5' LTR (RSV*-R-U5) and a 3' U3 deleted LTR (U5-R-HIV-1Delta 3'LTR), encoding a MAGEA10 (MAGE family member A10, MAGE-10 antigen, melanoma antigen family A10) specific T cell receptor (TCR), under the control of elongation factor 1 alpha (EF1a) promoter. The vector is pseudotyped with vesicular stomatitis virus glycoprotein-G (VSV-G).

* RSV: Rous sarcoma virus
cell therapy (antineoplastic)

olitresgène autoleucel

lymphocytes T CD4⁺ et CD8⁺ autologues, transduits par un vecteur auto-inactivant (SIN), non-répliquant, dérivé du virus de l'immunodéficience humaine (VIH), contenant une séquence LTR (terminale longue répétée) en 5' (RSV*-R-U5) et une séquence LTR dont le domaine U3 est supprimé (U5-R-VIH-1Delta 3'LTR), et qui code pour un récepteur des lymphocytes T (TCR) spécifique du MAGEA10 (membre A10 de la famille MAGE, antigène MAGE-10, famille des antigènes de mélanome A10), sous le contrôle d'un promoteur du facteur d'élongation alpha 1 (EF1a). Le vecteur est pseudotypé avec la glycoprotéine G de l'enveloppe de la stomatite vésiculaire (VSV-G).

* RSV: virus du sarcome de Rous
thérapie cellulaire (antinéoplasique)

olitresgén autoleucel

linfocitos T CD4⁺ y CD8⁺ autólogos, transducidos con un vector auto-inactivante (SIN), no replicativo, derivado del virus de la inmunodeficiencia humana (VIH), que contiene una LTR en 5' (RSV*-R-U5) y una LTR con U3 delecionada en 3' (U5-R-HIV-1Delta 3'LTR), y que codifica para un receptor de linfocitos T (TCR) específico para MAGEA10 (miembro A10 de la familia MAGE, antígeno MAGE-10, familia de antígenos de melanoma A10), bajo el control del promotor del factor de elongación alfa 1 (EF1a). El vector está seudotipado con la glicoproteína G del virus de la estomatitis vesicular (VSV-G).

* RSV: virus del sarcoma de Rous
terapia celular (antineoplásico)

olpasiranum

olpasiran

*all-P-ambo-5'-O-((25S,30S)-39-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-25,30-bis[(2-{[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]ethoxy}ethyl)carbamoyl]-1-hydroxy-23,28,33-trioxo-1-sulfanylidene-2,5,8,11,14,17,20,37-octaosa-24,29,34-triaza-1λ⁵-phosphanonatriacontan-1-yl)-2'-O-methyl-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-O-methyladenyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidyl-(3'→5')-2'-O-methyluridyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridyl-(3'→5')-2'-O-methyluridyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridyl-(3'→5')-2'-O-methyluridyl-(3'→5')-2'-O-methyladenyl-(3'→5')-2'-O-methyluridyl-(3'→5')-2'-O-methyladenyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidyl-(3'→5')-2'-O-methyl-*P*-thioguanlyl-(3'→3')-2'-deoxyadenosine duplex with *all-P-ambo-2'-O-methyl-*P*-thioguanlyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thiouridyl-(5'→3')-2'-O-methylcytidyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroguanlyl-(5'→3')-2'-O-methylguanylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroguanlyl-(5'→3')-2'-O-methylguanylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenyl-(5'→3')-2'-O-methyladenyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorouridyl-(5'→3')-2'-O-methyladenyl-(5'→3')-2'-O-methyladenyl-(5'→3')-2'-O-methylcytidyl-(5'→3')-2'-O-methyladenyl-(5'→3')-2'-O-methyladenyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorouridyl-(5'→3')-2'-O-methyladenyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorouridyl-(5'→3')-2'-O-methyl-*P*-thioguanlyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thiocytidyl-(5'→3')-2'-O-methyluridine**

antiatherosclerosis

olpasiran

*tout-P-ambo-5'-O-((25S,30S)-39-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-25,30-bis[(2-{[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]éthoxy}éthyl)carbamoyl]-1-hydroxy-23,28,33-trioxo-1-sulfanylidène-2,5,8,11,14,17,20,37-octaosa-24,29,34-triaza-1λ⁵-phosphanonatriacontan-1-yl)-2'-O-méthyl-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-O-méthyladényl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorouridyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroadényl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorouridyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridyl-(3'→5')-2'-O-méthyladényl-(3'→5')-2'-O-méthyluridyl-(3'→5')-2'-O-méthyladényl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thioguanlyl-(3'→3')-2'-désoxyadénosine duplex avec *tout-P-ambo-2'-O-méthyl-*P*-thioguanlyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thiouridyl-(5'→3')-2'-O-méthylcytidyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroguanlyl-(5'→3')-2'-O-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroguanlyl-(5'→3')-2'-O-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadényl-(5'→3')-2'-O-méthyladényl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridyl-(5'→3')-2'-O-méthyladényl-(5'→3')-2'-O-méthyladényl-(5'→3')-2'-O-méthylcytidyl-(5'→3')-2'-O-méthyladényl-(5'→3')-2'-O-méthyladényl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridyl-(5'→3')-2'-O-méthyladényl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thiocytidyl-(5'→3')-2'-O-méthyluridine**

antiathérosclérose

onvansertibum

onvansertib

1-(2-hydroxyethyl)-8-[5-(4-methylpiperazin-1-yl)-2-(trifluoromethoxy)anilino]-4,5-dihydro-1*H*-pyrazolo[4,3-*h*]quinazoline-3-carboxamide
antineoplastic

onvansertib

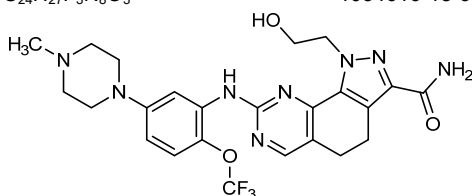
1-(2-hydroxyéthyl)-8-[5-(4-méthylpipérazin-1-yl)-2-(trifluorométhoxy)anilino]-4,5-dihydro-1*H*-pyrazolo[4,3-*h*]quinazoline-3-carboxamide
antinéoplasique

onvansertib

1-(2-hidroxietil)-8-[5-(4-metilpiperazin-1-il)-2-(trifluorometoxi)anilino]-4,5-dihidro-1*H*-pirazolo[4,3-*h*]quinazolina-3-carboxamida
antineoplásico

C₂₄H₂₇F₃N₈O₃

1034616-18-6

**orismilastum**

orismilast

3,5-dichloro-4-{2-[7-(difluoromethoxy)-1',1'-dioxo-1'^λ₆-spiro[[1,3]benzodioxole-2,4'-thian]-4-yl]-2-oxoethyl}pyridine 1-oxide
phosphodiesterase IV inhibitor

orismilast

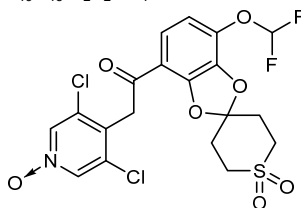
1-oxyde de 3,5-dichloro-4-{2-[7-(difluorométhoxy)-1',1'-dioxo-1'^λ₆-spiro[[1,3]benzodioxole-2,4'-thian]-4-yl]-2-oxoéthyl}pyridine
inhibiteur de la phosphodiesterase IV

orismilast

1-óxido de 3,5-dicloro-4-{2-[7-(difluorometoxi)-1',1'-dioxo-1'^λ₆-spiro[[1,3]benzodioxol-2,4'-tian]-4-il]-2-oxoetil}piridina
inhibidor de la fosfodiesterasa IV

C₁₉H₁₅Cl₂F₂NO₇S

1353546-86-7

**otenaproxesulum**

otenaproxesul

4-carbamothioylphenyl (2*S*)-2-(6-methoxynaphthalen-2-yl)propanoate
non-steroidal anti-inflammatory

oténaproxésul

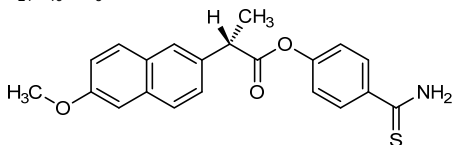
(2S)-2-(6-méthoxynaphtalén-2-yl)propanoate de 4-carbamothioylphényle
anti-inflammatoire non-stéroïdien

otenaproxesul

(2S)-2-(6-metoxinaftalen-2-il)propanoato de 4-carbamotioilfenilo
antiinflamatorio no esteroideo

C₂₁H₁₉NO₃S

1000700-29-7



pacmilimabum #
 pacmilimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD274 (programmed cell death 1 ligand 1, B7H1, B7-H1, PDL1, PD-L1, PDCD1L1, B7 homolog 1, B7 homologue 1)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-442) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (92.9%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (117-214), hinge 1-12 S10>P (224) (215-226), CH2 (227-336), CH3 (337-441), CHS K2>del (442)) (117-442)], (130-264')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-264') [N-terminal region (1'-21') -13-mer linker (22'-34') -protease cleavable region (35'-47') -3-mer linker (48'-50') -V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (95.8%) - IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (51'-157') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (203), V101 (241) (158'-264')]; dimer (222-222":225-225")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO)-derived cell line, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

pacmilimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligand 1 de mort programmée, B7H1, B7-H1, PDL1, PD-L1, PDCD1L1, homologue 1 de B7)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde gamma4 *Homo sapiens* (1-442) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (92.9%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (117-214), charnière 1-12 S10>P (224) (215-226), CH2 (227-336), CH3 (337-441), CHS K2>del (442)) (117-442)], (130-264')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* ((1'-264') [région N-terminale (1'-21') -13-mer linker (22'-34') -région clivable par des protéases (35'-47') -3-mer linker (48'-50') -V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (95.8%) - IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (51'-157') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (203), V101 (241) (158'-264')]; dimère (222-222":225-225")-bisdisulfure, produite dans une lignée cellulaire dérivée des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

pacmilimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligano 1 de muerte programada, B7H1, B7-H1, PDL1, PD-L1, PDCD1L1, homólogo 1 de B7)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada gamma4 *Homo sapiens* (1-442) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens*IGHG4*01 (CH1 (117-214), bisagra 1-12 S10>P (224) (215-226), CH2 (227-336), CH3 (337-441), CHS K2>del (442)) (117-442)], (130-264')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* ((1'-264') [región N-terminal (1'-21') -conector 13-mer (22'-34') -región escindible por las proteasas (35'-47') -conector 3-mer (48'-50') -V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (95.8%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (51'-157') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (203), V101 (241) (158'-264')]; dímero (222-222''-225-225'')-bisdisulfuro, producido en una línea celular derivada de las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofoma alfa
immunomodulador, antineoplásico

2145091-51-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada	
EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYAMSWVRQA PGKGLEWVSS	50
IWRNGIVTVY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMSLSRAED TAVYYCAKWS	100
AAFDYWGQGT LVTVSSASTK GPSVFPLAPC SRSTSESTAA LGCLVKDYFP	150
EPFVTVSWNSG ALTSGVHTFF AVLQSSGLYS LSSVTVTPSS SLGTKTYTCN	200
VDHKPSNTKV DKRVESKYGF PCPPCPAPEF LGGPSVFLEP PKPKDTLMIS	250
RTPEVTCVVV DVSQEDPEVQ FNNYVDGVEV HNAKTKPREE QFNSTYRVVS	300
VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKGLPSSIEK TISKAKGQPR EPQVYTLPPS	350
QEEMTKQNVS LTCLVKGFYP SDIAVEWESN GPENNYKTT PPVLDSDGSF	400
FLYSRLTVDK SRWQEGNVFS CSVMHEALHN HYTKQKSLSL LG	442
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera	
QQSGSGSIAL CPSHFCQLPQ TGGSSSGGSG GSGGISSGLL SGRSDNHGGS	50
DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCRASQIS SYLNWYQKPK GKAPKLLIYA	100
ASSLQSGVPS RFGSGSGSTD FTLTISLSLPQ EDFATYYCQQ DNGYPTFGG	150
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLNNFY PREAKVQWKV	200
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG	250
LSSPFTKSFN RGEK	264
Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-H (C23-C104) 22"-96" 143"-199" 257"-317" 363"-421"	
22"-96" 143"-199" 257"-317" 363"-421"	
Intra-L (C23-C104) 73"-138" 184"-244"	
73"-138" 184"-244"	
Intra-L N-terminal region 11'-16" 11"-16"	
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 130-264' 130"-264"	
Inter-H-H (h 8, h 11) 222-222" 225-225"	
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación	
H CH2 N84.4:	
293, 293"	
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenariós complejos fucosilados	

paltusotinum
paltusotine

3-[4-(4-aminopiperidin-1-yl)-3-(3,5-difluorophenyl)quinolin-6-yl]-2-hydroxybenzonitrile
somatostatin receptor agonist

paltusotine

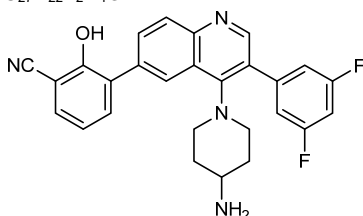
3-[4-(4-aminopiperidin-1-yl)-3-(3,5-difluorophenyl)quinoléin-6-yl]-2-hydroxybenzonitrile
agoniste des récepteurs de la somatostatine

paltusotina

3-[4-(4-aminopiperidin-1-il)-3-(3,5-difluorofenil)quinolein-6-il]-2-hidroxi-benzonitrilo
agonista de los receptores de la somatostatina

C₂₇H₂₂F₂N₄O

2172870-89-0

**pamufetinibum**

pamufetinib

4-(2-fluoro-4-
 {[[(phenylacetyl)carbamothioyl]amino}phenoxy)-7-
 methoxy-*N*-methylquinoline-6-carboxamide
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

pamufétinib

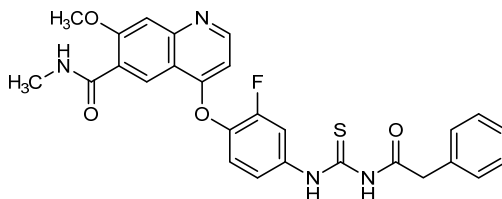
4-(2-fluoro-4-
 {[[(phénylacétyl)carbamoéthioyl]amino}phénoxy)-7-
 méthoxy-*N*-méthylquinoléine-6-carboxamide
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

pamufetinib

4-(2-fluoro-4-[[[(fenilacetil)carbamoetioil]amino]fenoxy]-7-
 metoxi-*N*-metilquinoleína-6-carboxamida
inhibidor de la tirosina quinasa, antineoplásico

C₂₇H₂₃FN₄O₄S

1190836-34-0

**patritumabum deruxtecanum #**

patritumab deruxtecan

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB3 (receptor tyrosine-protein kinase erbB-3, HER3)], *Homo sapiens* monoclonal antibody, conjugated to deruxtecan, comprising a linker and a camptothecin derivative;
 gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-34*01 (99.0%) -(IGHD) - IGHJ2*01 (100%)) [8.7.11] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (214) (118-215), hinge 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (123-452)], (220-220')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (95.0%) -IGKJ1*01 (100%)) [12.3.9] (1'-113') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')];

	dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO) cell line, glycoform alfa; conjugated, on an average of 8 cysteinyl, to deruxtecán, comprising a linker and a camptothecin derivative For the <i>deruxtecán</i> part, please refer to the prop.INN List 116, published in the <i>WHO Drug Information</i>, Vol.30, No.4, 2016. <i>immunomodulator, antineoplastic</i>
patritumab déruxtecán	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> ERBB3 (récepteur tyrosine-protéine kinase erbB3, HER3)], anticorps monoclonal <i>Homo sapiens</i>, conjugué au déruxtecán, comprenant un linker et un dérivé de la camptothécine; chaîne lourde gamma1 <i>Homo sapiens</i> (1-447) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV4-34*01 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%)) [8.7.11] (1-117) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (214) (118-215), charnière 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (123-452)], (220-220')-disulfure avec la chaîne légère kappa <i>Homo sapiens</i> (1'-220') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV4-1*01 (95.0%) -IGKJ1*01 (100%)) [12.3.9] (1'-113') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa; conjugué, sur une moyenne de 8 cystéinyl, au déruxtecán, comprenant un linker et un dérivé de la camptothécine Pour la partie <i>déruxtecán</i>, veuillez-vous référer à la Liste 116 des DCI prop, publiée dans le <i>WHO Drug Information</i>, Vol.30, No.4, 2016. <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
patritumab deruxtecán	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> ERBB3 (receptor tirosina-proteína kinasa erbB3, HER3)], anticuerpo monoclonal <i>Homo sapiens</i>, conjugado con deruxtecán, que comprende un conector y un derivado de la camptotecina; cadena pesada gamma1 <i>Homo sapiens</i> (1-447) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV4-34*01 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%)) [8.7.11] (1-117) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (214) (118-215), bisagra 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (123-452)], (220-220')-disulfuro con la cadena ligera kappa <i>Homo sapiens</i> (1'-220') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV4-1*01 (95.0%) -IGKJ1*01 (100%)) [12.3.9] (1'-113') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofoma alfa; conjugado, con 8 restos cisteinil por término medio, con deruxtecán, que comprende un conector y un derivado de la campotecina Para la fracción <i>déruxtecán</i>, se puede referir a la Lista 116 de DCI prop., publicada en el <i>WHO Drug Information</i>, Vol.30, No.4, 2016. <i>immunomodulador, antineoplásico</i>

2227102-46-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLQQWGAG LLKPSETLSL TCAVYGGGSF GYYWSWIRQP PGKGLEWIGE 50
INHSGSTNYN PSLKSRVTIS VETSKNQFSL KLSSVTAADT AVYYCARDKW 100
TWYFDLWGRG TLVTVSSAST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVPS SSLGTQTYIC 200
NVNHKPSNTK VDKRVEPKSC DKHTTCPPCP APELLGGPSV FLFPPKPKDT 250
LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNMYVD GVEVHNAKTK PREEQYNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK GQPREPQVYT 350
LPPSREEMTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPPVLD 400
DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVME ALHNHYTQKS LSLSPGK 447

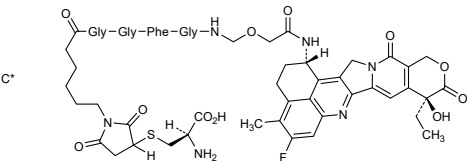
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIEMTQSPDS LAVSLGERAT INCRSSQSVL YSSSNRNYLA WYQNPGQPP 50
KLLIYWASTR ESGVPDRFSG SSGTDFTLT ISSLQAEDVA VYQCQYYST 100
PRTFGQGTKV EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 150
KVQWRVDNAL QSGNSQESVT EQDSKDSITY LSSTLTLSKA DYEKHKVYAC 200
EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC 220

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22°-95° 144°-200° 261°-321° 367°-425°
22°-95° 144°-200° 261°-321° 367°-425°
Intra-L (C23-C104) 23°-94° 140°-200°
23°-94° 140°-200°
Inter-H-L (h 5-CL 126)* 220°-220° 220°-220°
Inter-H-H (h 11, h 14)* 226°-226° 229°-229°
*None of the four inter-chain disulfide bridges is present, an average of 8 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.
*Aucun des quatre ponts disulfures inter-chaînes est présent, 8 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.
*Ninguno de los cuatro puentes disulfuro inter-catenarios está presente, una media de 8 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
297, 297°
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping:
H CHS K2:
447, 447°

Potential modified residues / résidus modifiés potentiels / restos modificados potenciales



paxalisibum
paxalisib

5-[6,6-dimethyl-4-(morpholin-4-yl)-8,9-dihydro-6H-[1,4]oxazino[4,3-e]purin-2-yl]pyrimidin-2-amine
phosphatidylinositol 3-kinase (PI3K) inhibitor, antineoplastic

paxalisib

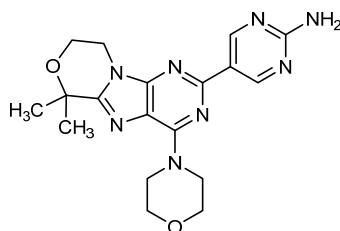
5-[6,6-diméthyl-4-(morpholin-4-yl)-8,9-dihydro-6H-[1,4]oxazino[4,3-e]purin-2-yl]pyrimidin-2-amine
inhibiteur de phosphatidylinositol 3-kinase (PI3K), antinéoplasique

paxalisib

5-[6,6-dimetil-4-(morfolin-4-il)-8,9-dihidro-6H-[1,4]oxazino[4,3-e]purin-2-il]pirimidin-2-amina
inhibidor de fosfatidilinositol 3-quinasa (PI3K), antineoplásico

$C_{18}H_{22}N_8O_2$

1382979-44-3

**petosemtamabum #**

petosemtamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EGFR (epidermal growth factor receptor, receptor tyrosine-protein kinase erbB-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB)], and anti-[*Homo sapiens* LGR5 (leucine rich repeat containing G protein-coupled receptor 5, G protein-coupled receptor 49, GPR67, GPR49)], *Homo sapiens* monoclonal antibody, bispecific;
 gamma1 heavy chain *Homo sapiens* anti-EGFR (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV7-4-1*02 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%))] [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens*IGHG1*03 (100%), G1m3,nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 L7>D (354), E12 (359), M14 (361), L24>E (371) (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%))] [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
 gamma1 heavy chain *Homo sapiens* anti-LGR5 (1-456) [VH (*Homo sapiens*IGHV7-4-1*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%))] [8.8.20] (1-127) -*Homo sapiens*IGHG1*03 (100%), G1m3,nG1m1 (CH1 R120 (224) (128-225), hinge 1-15 (226-240), CH2 (241-350), CH3 L7>K (361), E12 (366), M14 (368), T22>K (376) (351-455), CHS K2>del (456)) (128-456)], (230-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%))] [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
 dimer (229-236"-232-239")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

pétosemtamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EGFR (récepteur du facteur de croissance épidermique, récepteur tyrosine-protéine kinase erb-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB)], et anti-[*Homo sapiens* LGR5 (récepteur 5 à répétitions riches en leucine couplé à la protéine G, récepteur 49 couplé à la protéine G, GPR67, GPR49)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*, bispécifique;
 chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* anti-EGFR (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV7-4-1*02 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%))] [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens*IGHG1*03 (100%), G1m3,nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 L7>D (354), E12 (359), M14 (361), L24>E (371) (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%))] [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];

chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* anti-LGR5 (1-456) [VH (*Homo sapiens* IGHV7-4-1*01 (92.9%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [8.8.20] (1-127) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3,nG1m1 (CH1 R120 (224) (128-225), charnière 1-15 (226-240), CH2 (241-350), CH3 L7>K (361), E12 (366), M14 (368), T22>K (376) (351-455), CHS K2>del (456)) (128-456)], (230-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (229-236":232-239")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

petosemtamab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EGFR (receptor del factor de crecimiento epidérmico, receptor tirosina-proteína kinasa erb-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB)], y anti-[*Homo sapiens* LGR5 (receptor de 5 a repeticiones ricas en leucina acoplada a la proteína G; receptor 49 acoplado a la proteína G, GPR67, GPR49)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*, biespecífico;
cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* anti-LGR5 (1-456) [VH (*Homo sapiens* IGHV7-4-1*01 (92.9%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [8.8.20] (1-127) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3,nG1m1 (CH1 R120 (224) (128-225), bisagra 1-15 (226-240), CH2 (241-350), CH3 L7>K (361), E12 (366), M14 (368), T22>K (376) (351-455), CHS K2>del (456)) (128-456)], (230-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* anti-EGFR (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV7-4-1*02 (91.8%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3,nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), bisagra1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 L7>D (354), E12 (359), M14 (361), L24>E (371) (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (229-236":232-239")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofoma alfa
immunomodulador, antineoplásico

2213450-26-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-EGFR)

QVQLVQSGSE	LKQASAAVGI	SKDASGVDT	NYAMNWRRQA	PGHLEWMRGG	50
INANTDGTPT	AKGFGTRFV	SLDTVSVTY	QIQLSKALD	SAVYYCTRW	100
FLFWLHFDWY	GGQTLTVSS	ASTFGSPVFP	GLPSSKSTSG	GTAALGCLVK	150
YDFPEPTVYS	WNSGALSTG	HTFPAVLQGS	LYLSSLSVTV	PFSSSLGTQ	200
YICNVNKHPS	NTKVDKRVPE	SKCDKTHCTP	CPDAPELLGG	PSVFLPFPPK	250
KDILMIKRFT	ETVICVVDYS	HEDPEVGVNH	YCVGEVHINA	KFTKPREQYN	300
SDSGVSLVTS	VLKQDWNLNG	EYGVKVSINA	LPAGLSTGSA	KAKGQFPREQ	350
LYSDTSTGSA	SLKTVGKSRW	OGYGVNCSV	MEWELNNGH	QKSLISLFG	400
YDSDGSEFLY	SLKTVGKSRW	OGYGVNCSV	MEWELNNGH	QKSLISLFG	449

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-LGR5)

EVLQVQSGSK	LKKPGASVVK	SKCAGSTVTF	SYTNMWRQA	PQGGLEMMWG	500
INTDGTDPYT	LDGQGTGRFV	GLTDSVSTAF	LQINSLKRA	TAVVYCAQG	100
CDSTSCSVRY	YGXYEDWNGS	GLTIVTSAST	KGVSFFPLA	SKKSTSGGTA	150
ADGSLKVDYF	PEPVTVSWGO	GALVSGVHTF	PVQLSSGSLP	LLSSVVTGTA	200
SSLGQTYKTI	NMNSTKPTK	VDKRVEPKSC	DKTHTCPCPD	APELLGGPSV	250
FLFPKPKYD	LMNISTPEVT	CVVDVDSHD	PEVKFNHVP	GEVHNHAKT	300
PREEQYNVT	KPVSRLTVLH	QDWLNGKEV	KFVSNKALPA	PIETKISKAS	350
QGPREPQVY	RKPSREMTK	QNLGSLCKLV	GFYPSDIAE	WESNGQPENN	400
YKLTFFPLDS	DGSFFLYSKL	TVDKSRWQG	NVFCSCVMHE	ALHNHYTQKS	450
LSLSPG					456

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

Light chain / Chain length / Cauda nigra		
D1QM7QSPSS	LSASVGDVRT	ITCRASQGIS SYLNWYQQKP GKAPKLLIYA 50
ASSLQSGVPS	RFSGSGSGTD	FTLTISSLQP EDFATYYCQQ SYSTPPTFGQ 100
GTKVEIKRTV	AAPSVFIFPP	SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY BREAKVQWKV 150
DNALQSGNSG	ESVTEQDSKD	STYLSLSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPCTKSFN	RGTE	
		214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Distance bridge location / Position des ponts disanture / Posteleo.				
Intra-H (C23-C104)	22-96	147-203	264-324	370-428
	22"-96"	154"-210"	271"-331"	377"-435"

Intra-CDR3 (C109-C111.3) 101"-106"

Intra-L (C23-C104)	23'-88'	134'-194'
--------------------	---------	-----------

23^m-88^m 134^m-194^m

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-214' 230"-214'''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH₂ N84.4:

300,307"

Defucosylated (>90%) complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes défucosylés (>90%) / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos defucosilados (>90%)

pimitepibum

pimitespib

3-ethyl-4-{4-[4-(1-methyl-1*H*-pyrazol-4-yl)-1*H*-imidazol-1-yl]-3-(propan-2-yl)-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridin-1-yl}benzamide
antineoplastic

pimitespib

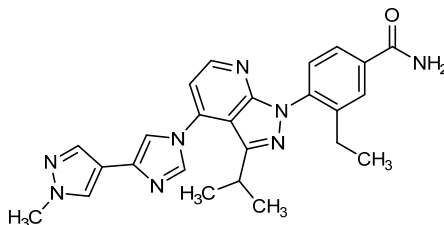
3-éthyl-4-{4-[4-(1-méthyl-1*H*-pyrazol-4-yl)-1*H*-imidazol-1-yl]-3-(propan-2-yl)-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridin-1-yl}benzamide
antinéoplasique

pimitespib

3-etil-4-{4-[4-(1-metil-1*H*-pirazol-4-il)-1*H*-imidazol-1-il]-3-(propan-2-il)-1*H*-pirazolo[3,4-*b*]piridin-1-il}benzamida
antineoplásico

$$\text{C}_{25}\text{H}_{26}\text{N}_8\text{O}$$

1260533-36-5



praluzatamabum #

praluzatamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD166 (activated leucocyte cell adhesion molecule, ALCAM)], humanized monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain humanized (1-450) [VH (*Homo sapiens*IGHV2-5*01 (88.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [10.7.13] (1-121) -*Homo sapiens*IGHG1*03v G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 K120 (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS K2>del (450)) (122-450)], (224-270')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-270'') [N-terminal region (1'-22') -8-mer linker (23'-30') -protease cleavable region (31'-48') -3-mer linker (49'-51') -V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV2-28*01 (89.0%) -IGKJ2*01 (100%)) [11.3.9] (52'-112') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (209), V101 (247) (164'-270'')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO)-derived cell line, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

praluzatamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD166 (molécule d'adhésion cellulaire de leucocytes activée, ALCAM)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde gamma1 humanisée (1-450) [VH (*Homo sapiens*IGHV2-5*01 (88.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [10.7.13] (1-121) -*Homo sapiens*IGHG1*03v G1m3>G1m17,1, nG1m1 (CH1 K120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS K2>del (450)) (122-450)], (224-270')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1"-270'') [région N-terminale (1'-22') -8-mer linker (23'-30') -région clivable par des protéases (31'-48') -3-mer linker (49'-51') -V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV2-28*01 (89.0%) -IGKJ2*01 (100%)) [11.3.9] (52'-112') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (209), V101 (247) (164'-270'')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produite dans une lignée cellulaire dérivée des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

praluzatamab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD166 (molécula de adhesión celular de leucocitos activados, ALCAM)], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada gamma1 humanizada (1-450) [VH (*Homo sapiens*IGHV2-5*01 (88.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [10.7.13] (1-121) -*Homo sapiens*IGHG1*03v G1m3>G1m17,1, nG1m1 (CH1 K120 (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS K2>del (450)) (122-450)], (224-270')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1"-270'') [región N-terminal (1'-22') -conector 8-mer (23'-30') -región escindible por las proteasas (31'-48') -conector 3-mer (49'-51') -V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV2-28*01 (89.0%) -IGKJ2*01 (100%)) [11.3.9] (52'-112') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (209), V101 (247) (164'-270'')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido en una línea celular derivada de las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicoforma alfa
inmunomodulador, antineoplásico

2145109-70-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QITLKESGPT LVKPTQTILT TCTFSGFSLG TYMGVGWIR QPPGKALEWL 50
ANINWSEDKH YSPSLKSRLT ITKDTSRKNQV VLTITNVDPV DTATYYCVQI 100
DYGNDYAFY WQGGLTVTS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAAALGCLV 150
KDYFPPEPTV SWNSGALTSG VHTFFAVLQS SGLYSLSSVV TYPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP SNTKVDKVE PKSCDKTHTC PPCAPELLG GPSVFLFPFK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP 350
QVYTLPPSRE EMTKNQVSLT CLVKGFPYSD IAVEWESNGQ PENNYKTPP 400
VLDSGGSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFSQS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
QGQSGQGLCH PAVLSAWESC SSGGGSSGGS AVGLLAPPGG LSGRSDNHGG 50
SDIVMTQSPS LPLVTPGEPA SISRSSKSL LHSNGITYLY WYLQKPGQSP 100
QLLIYQMSNL ASGVPRDFSG SSGSGTDFTLK ISRVEADVQ VYYCAQNLEL 150
PYTFGQGTKL EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 200
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKSTYS LSSTLTLSKA DYEKKHYVAC 250
EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC 270

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-97 148-204 265-325 371-429
22"-97" 148"-204" 265"-325" 371"-429"
Intra-L (C23-C104) 74'-144' 190"-250'
74"-144" 190"-250"
Intra-L N-terminal region 9'-20' 9"-20"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 224-270' 224"-270"
Inter-H-H (h 11, h 14) 230-230" 233-233"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
HCH2 N84.4:
301, 301"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

praluzatamabum ravtansinum #
praluzatamab ravtansine

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD166 (activated leucocyte cell adhesion molecule, ALCAM)], humanized monoclonal antibody conjugated to maytansinoid DM4;
gamma1 heavy chain humanized (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-5*01 (88.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [10.7.13] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03v G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 K120 (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS K2>del (450)) (122-450)], (224-270')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-270') [N-terminal region (1'-22') -8-mer linker (23'-30') -protease cleavable region (31'-48') -3-mer linker (49'-51') -V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (89.0%) -IGKJ2*01 (100%)) [11.3.9] (52'-163') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (209), V101 (247) (164'-270')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO)-derived cell line, glycoform alfa; conjugated, on an average of 3 to 4 lysyl, to maytansinoid DM4 [*N*²-deacetyl-*N*²-(4-mercapto-4-methyl-1-oxopentyl)-maytansine] via the reducible SPDB linker [*N*-succinimidyl 4-(2-pyridyldithio)butanoate]
For the ravtansine part, please refer to the document "INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others"
immunomodulator, antineoplastic

praluzatamab ravtansine

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD166 (molécule d'adhésion cellulaire de leucocytes activée, ALCAM)], anticorps monoclonal humanisé conjugué au maytansinoïde DM4;

cadena pesada gamma1 humanizada (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-5*01 (88.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [10.7.13] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03v G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 K120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS K2>del (450)) (122-450)], (224-270')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1"-270") [región N-terminal (1'-22') -8-mer linker (23'-30') -región escindible por las proteasas (31'-48') -3-mer linker (49'-51') -V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (89.0%) -IGKJ2*01 (100%)) [11.3.9] (52'-163') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (209), V101 (247) (164'-270')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro; producida en una línea celular derivada de las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofórmula alfa; conjugado, en 3 o 4 residuos lisil por término medio, con el maitansinoide DM4 [N²-deacetil-N²-(4-mercapto-4-metil-1-oxopentil)-maitansina] mediante el espaciador SPDB reducible [4-(2-piridilditio)butanoato de N-succinimidilo] Para la parte *ravtansina*, vea el documento "INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others".
inmunomodulador, antineoplásico

praluzatamab ravtansina

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD166 (molécula de adhesión celular de leucocitos activados, ALCAM)], anticuerpo monoclonal humanizado conjugado con maitansinoide DM4; cadena pesada gamma1 humanizada (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-5*01 (88.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [10.7.13] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03v G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 K120 (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS K2>del (450)) (122-450)], (224-270')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1"-270") [región N-terminal (1'-22') -conector 8-mer (23'-30') -región escindible por las proteasas (31'-48') -conector 3-mer (49'-51') -V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (89.0%) -IGKJ2*01 (100%)) [11.3.9] (52'-163') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (209), V101 (247) (164'-270')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro; producido en una línea celular derivada de las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofórmula alfa; conjugado, en 3 o 4 residuos lisil por término medio, con el maitansinoide DM4 [N²-deacetil-N²-(4-mercapto-4-metil-1-oxopentil)-maitansina] mediante el espaciador SPDB reducible [4-(2-piridilditio)butanoato de N-succinimidilo] Para la fracción *ravtansina*, se puede referir al documento "INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others".
inmunomodulador, antineoplásico

2145115-85-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QITLKESGPT LVKPTQTTLT TCTFSGFSL TYGMGVGWIR QPPGKALEWL 50
ANIWWSDEKH YSPSLKSRIT ITKDTSKNQV VLTITNVDPV DTATYYCVQI 100
DYGNDYAFY WGQGLTVTS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFPFVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ 200
TYICNVNHPK SNTKVDKVE PKSCDKTHTC PPCPAPELLG GPSVFLFPPK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP 350
QVYTLPPSRE EMTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTTP 400
VLDSGDGSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFSCS VMHEALHNNH TQKSLSLSPG 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
QQQSGGGLCH PAVLSAWESC SSGGGSSGGS AVGLLAPPGG LSGRSDNHGG 50
SDIVMTQSPL SLFVTPGEPA SISCRSSKSL LHSNGITYLY WYLQKPGQSP 100
QLLIYQMSNL ASGVDPDRFG SSGSDTFTLK ISRVEADVG VVYCAQNLEL 150
PYTFGQGTKL EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 200
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKDSYTS LSSTLTLSKA DYEKHKVYAC 250
EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC 270

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22°-97' 148°-204' 265°-325' 371°-429'
22°-97' 148°-204' 265°-325' 371°-429"
Intra-L (C23-C104) 74°-144' 190°-250'
74°-144" 190°-250"
Intra-L N-terminal region 9°-20' 9°-20"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 224°-270' 224°-270"
Inter-H-H (h 11, h 14) 230°-230' 233°-233"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
301, 301"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

For the *ravansine* part, please refer to the document "INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others".
Pour la partie *ravansine*, veuillez vous référer au document "INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others".
Para la fracción *ravansina*, se pueden dirigir al documento "INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others".

pregabalinum arenacarbilum
pregabalin arenacarbil

(3*S*)-5-methyl-3-[[[[(1*R*)-1-[(2-methylpropanoyl)oxy]ethoxy]carbonyl]amino]methyl]hexanoic acid
gabamimetic

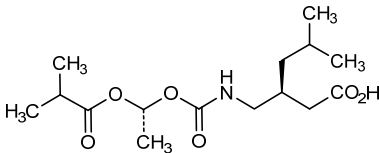
prégabaline arénacarbil

acide (3*S*)-5-méthyl-3-[[[[(1*R*)-1-[(2-méthylpropanoyl)oxy]éthoxy]carbonyl]amino]méthyl]hexanoïque
gabamimétique

pregabalina arenacarbilo

ácido (3*S*)-5-metil-3-[[[[(1*R*)-1-[(2-metilpropanoil)oxi]etoxi]carbonil]amino]metil]hexanoico
gabamimético

C₁₅H₂₇NO₆ 1174748-30-1



ralmitarontum
ralmitaront

5-ethyl-4-methyl-*N*-[4-[(2*S*)-morpholin-2-yl]phenyl]-1*H*-pyrazole-3-carboxamide
neuroleptic

ralmitaront

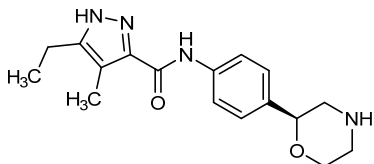
5-éthyl-4-méthyl-*N*-(4-[(2*S*)-morpholin-2-yl]phényl)-1*H*-pyrazole-3-carboxamide
neuroleptique

ralmitaront

5-etil-4-metil-*N*-(4-[(2*S*)-morfolin-2-il]fenil)-1*H*-pirazol-3-carboxamida
neuroléptico

 $C_{17}H_{22}N_4O_2$

2133417-13-5

**rebamipidum mofetilum**

rebamipide mofetil

rac-2-(morpholin-4-yl)ethyl (2*R*)-2-(4-chlorobenzamido)-3-(2-oxo-1,2-dihydroquinolin-4-yl)propanoate
antiulcer

rébamipide mofétíl

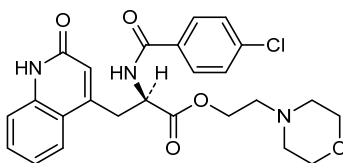
rac-(2*R*)-2-(4-chlorobenzamido)-3-(2-oxo-1,2-dihydroquinoléin-4-yl)propanoate de 2-(morpholin-4-yl)éthyle
antiulcéreux

rebamipida de mofetilo

rac-(2*R*)-2-(4-clorobenzamido)-3-(2-oxo-1,2-dihidroquinolein-4-il)propanoato de 2-(morfolin-4-il)etilo
antiulceroso

 $C_{25}H_{26}ClN_3O_5$

1527495-76-6



and enantiomer
et énantiomère
y enantiómero

remestemcelum

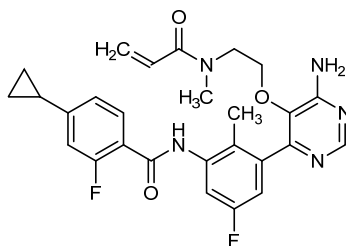
remestemcel

human culture expanded allogeneic adherent mesenchymal-like stromal cells derived from bone marrow of human leukocyte antigen (HLA)–unmatched healthy adult donors. Cells express cell surface markers CD29, CD44, CD71, CD73, CD90, CD105, CD106, CD120a, CD124 and CD166, and secrete interleukin 6 (IL-6), interleukin 8 (IL-8), vascular endothelial growth factor (VEGF), prostaglandin E2 (PGE2), stromal-derived factor-1 (SDF-1), indoleamine 2,3-dioxygenase (IDO) and keratinocyte growth factor (KGF). The cells are negative for CD14, CD34, CD45, CD80, CD86 and HLA class II histocompatibility antigen gamma chain (HLA-DR) markers
cell therapy (acute graft versus host disease)

réstemcel	cellules stromales semblables au mésenchyme, humaines, allogéniques, dérivées de la moelle osseuse d'un donneur adulte sain incompatible pour l'antigène leucocytaire humain (HLA), en culture d'expansion pour thérapie cellulaire. Les cellules expriment à leur surface les marqueurs CD29, CD44, CD71, CD73, CD90, CD105, CD106, CD120a, CD124 and CD166, et secrètent l'interleukine 6 (IL-6), l'interleukine 8 (IL-8), facteur de croissance de l'endothélium vasculaire (VEGF), prostaglandine E2 (PGE2), facteur 1 dérivé du parenchyme (SDF-1), indoleamine 2,3-dioxygénase (IDO) et le facteur de croissance des kératinocytes. Les cellules sont négatives pour CD14, CD34, CD45, CD80, CD86 et la chaîne gamma de l'antigène majeur d'histocompatibilité (CMH) de classe II (HLA-DR). <i>thérapie cellulaire (maladie aiguë du greffon contre l'hôte)</i>
remestemcel	células estromales parecidas a mesenquimales, alogénicas, humanas, adherentes y expandidas en cultivo derivadas de la médula ósea de donantes adultos sanos no compatibles para el antígeno leucocitario humano (HLA). Las células expresan los marcadores de superficie CD29, CD44, CD71, CD73, CD90, CD106, CD120a, CD124 y CD166, y secretan interleukina (IL-6), interleukina 8 (IL-8), factor de crecimiento del endotelio vascular (VEGF), prostaglandina E2 (PGE2), factor derivado del estroma 1 (SDF-1), indoleamina 2,3-dioxigenasa (IDO) y factor de crecimiento de queratinocitos (KGF). Las células son negativas para los marcadores CD14, CD34, CD45, CD80, CD86 y la cadena gamma del antígeno de histocompatibilidad de HLA clase II (HLA-DR). <i>terapia celular (enfermedad aguda de injerto contra huésped)</i>
remibrutinibum	
remibrutinib	<i>N</i> -(3-{6-amino-5-[2-(<i>N</i> -methylprop-2-enamido)ethoxy]pyrimidin-4-yl}-5-fluoro-2-methylphenyl)-4-cyclopropyl-2-fluorobenzamide <i>Bruton's tyrosine kinase inhibitor</i>
rémb Brutinib	<i>N</i> -(3-{6-amino-5-[2-(<i>N</i> -méthylprop-2-énamido)éthoxy]pyrimidin-4-yl}-5-fluoro-2-méthylphényl)-4-cyclopropyl-2-fluorobenzamide <i>inhibiteur de la tyrosine kinase de Bruton</i>
remibrutinib	<i>N</i> -(3-{6-amino-5-[2-(<i>N</i> -metilprop-2-enamido)etoxi]pirimidin-4-il}-5-fluoro-2-metilfenil)-4-ciclopropil-2-fluorobenzamida <i>inhibidor de la tirosina quinasa de Bruton</i>

$C_{27}H_{27}F_2N_5O_3$

1787294-07-8



retifanlimabum #
retifanlimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], monoclonal antibody;
gamma4 heavy chain humanized (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (120-217), hinge 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 (230-339), CH3 (340-444), CHS K2>del (445)) (120-445)], (133-218')-disulfide with kappa light chain chimeric (1'-218') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV3-2*01 (80.8%) -IGKJ2 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (77.7%) -IGKJ4*01 (100%)) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimer (225-225':228-228'')-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO) cell line, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

rétifanlimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal;
chaîne lourde gamma4 humanisée (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (120-217), charnière 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 (230-339), CH3 (340-444), CHS K2>del (445)) (120-445)], (133-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa chimérique (1'-218') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV3-2*01 (80.8%) -IGKJ2 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (77.7%) -IGKJ4*01 (100%)) [10.3.9] (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dimère (225-225':228-228'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

retifanlimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal;

cadena pesada gamma4 humanizada (1-445) [VH (Homo sapiens IGHV1-46*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.12] (1-119) -Homo sapiens IGHG4*01 (CH1 (120-217), bisagra 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 (230-339), CH3 (340-444), CHS K2>del (445)) (120-445)], (133-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa quimérica (1'-218') [V-KAPPA (Mus musculus IGKV3-2*01 (80.8%) -IGKJ2 (91.7%)/Homo sapiens IGKV3D-11*02 (77.7%) -IGKJ4*01 (100%)) [10.3.9] (1'-111') -Homo sapiens IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; dímero (225-225"-228-228")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicoforma alfa
inmunomodulador, antineoplásico

2079108-44-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYST SYWMNWVRQA PGQGLEWIGV 50
IHPSDSEWL DQKFKDRVTI TVDKSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCAREH 100
YGTSPFAYWG QGTLTVSSA STKGPSVFLP APCSRSTSES TAALGCLVKD 150
YFPPEVTVSW NSGALTSGVH TTPAVLQSSG LYSLSSTVTV PSSSLGTRKY 200
TCNVDHKPSN TKVDKRVESEK YGPCCPPCPA PEFLGGPSVF LFPPKPKDTL 250
MISRTPEVTC VVVDVSQEDP EVQFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQFNSTYR 300
VVSIVTLVHQ DWLNGKEYKC KVSNGKLPSSE IEKTIKAKG QPREPQVYTL 350
PPSQEEMTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQPENNY KTTTPVLDSD 400
GSFFLYSLRT VDKSRWQEGN VFSCSVMEHA LHHYTTQKSL SLSLG 445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASESVD NYGMSFMNWF QQKPGQPPKL 50
LIHAASNGQS GVPSRFSGSG SGTDFLTITIS SLEPEDFAVY FCQQSKEVPY 100
TFGGGTKEVEI KRTVAAPSVF IFPPSDQLK SGTASVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLT STLTLSKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGEC 218

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22"-96" 146"-202" 260"-320" 366"-424"
22"-96" 146"-202" 260"-320" 366"-424"
Intra-L (C23-C104) 23"-92" 138"-198"
23"-92" 138"-198"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 133"-218" 133"-218"
Inter-H-H (h 8, h 11) 225"-225" 228"-228"

N-terminal glutamine cyclization to pyroglutamate (pE, 5-oxoproline)
H V H Q I:
I, I"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
296, 296"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados.

rilzabrutinibum
rilzabrutinib

(4Ξ,7³R)-8⁴-amino-9²-fluoro-3,3-dimethyl-6-oxo-10-oxa-8(1,3)-pyrazolo[3,4-d]pyrimidina-2(1,4)-piperazina-7(1,3)-piperidina-1(3)-oxetana-9(1,4),11(1)-dibenzenaundecaphan-4-ene-5-carbonitrile
Bruton's tyrosine kinase inhibitor

rilzabrutinib

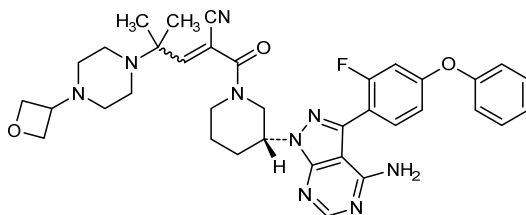
(4Ξ,7³R)-8⁴-amino-9²-fluoro-3,3-dimethyl-6-oxo-10-oxa-8(1,3)-pyrazolo[3,4-d]pyrimidina-2(1,4)-pipérazina-7(1,3)-pipéridina-1(3)-oxétana-9(1,4),11(1)-dibenzénaundécaphan-4-ène-5-carbonitrile
inhibiteur de la tyrosine kinase de Bruton

rilzabrutinib

(4*E*,7³*R*)-8⁴-amino-9²-fluoro-3,3-dimetil-6-oxo-10-oxa-8(1,3)-pirazolo[3,4-*d*]pirimidina-2(1,4)-piperazina-7(1,3)-piperidina-1(3)-oxetana-9(1,4),11(1)-dibencenaundecafan-4-eno-5-carbonitrilo
inhibidor de la tirosina quinasa de Bruton

C₃₆H₄₀FN₉O₃

1575591-66-0



rimituzalcapum

rimituzalcap

N-(4,4-difluorocyclohexyl)-2-(3-methyl-1*H*-pyrazol-1-yl)-6-(morpholin-4-yl)pyrimidin-4-amine
modulator of small-conductance calcium-activated potassium channels

rimituzalcap

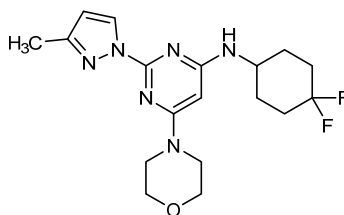
N-(4,4-difluorocyclohexyl)-2-(3-méthyl-1*H*-pyrazol-1-yl)-6-(morpholin-4-yl)pyrimidin-4-amine
modulateur des canaux potassiques actives par le calcium de petite conductance

rimituzalcap

N-(4,4-difluorociclohexil)-2-(3-metil-1*H*-pirazol-1-il)-6-(morfolin-4-il)pirimidin-4-amina
modulador de los canales de potasio activados por calcio de pequeña conductancia

C₁₈H₂₄F₂N₆O

2167246-24-2



ritlecitinibum

ritlecitinib

1-((2*S*,5*R*)-2-methyl-5-[(7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin-4-yl)amino]piperidin-1-yl}prop-2-en-1-one
Janus kinase inhibitor

ritlecitinib

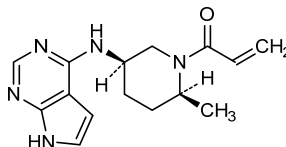
1-((2*S*,5*R*)-2-méthyl-5-[(7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin-4-yl)amino]pipéridin-1-yl}prop-2-én-1-one
inhibiteur de la kinase de Janus

ritlecitinib

1-((2*S*,5*R*)-2-metil-5-[(7*H*-pirrolo[2,3-*d*]pirimidin-4-il)amino]piperidin-1-il)prop-2-en-1-ona
inhibidor de la quinasa de Janus

C₁₅H₁₉N₅O

1792180-81-4



ropocamptidum
 ropocamptide

antibacterial peptide LL-37 (human):

L-leucyl-L-leucylglycyl-L-α-aspartyl-L-phenylalanyl-L-phenylalanyl-L-arginyl-L-lysyl-L-seryl-L-lysyl-L-α-glutamyl-L-lysyl-L-isoleucylglycyl-L-lysyl-L-α-glutamyl-L-phenylalanyl-L-lysyl-L-arginyl-L-isoleucyl-L-valyl-L-glutamyl-L-arginyl-L-isoleucyl-L-lysyl-L-α-aspartyl-L-phenylalanyl-L-leucyl-L-arginyl-L-asparagyl-L-leucyl-L-valyl-L-prolyl-L-arginyl-L-threonyl-L-α-glutamyl-L-serine
antimicrobial, immunomodulator

ropocamptide

peptide antibactérien LL-37 (humain):

L-leucyl-L-leucylglycyl-L-α-aspartyl-L-phénylalanil-L-phénylalanil-L-arginil-L-lysyl-L-séryl-L-lysyl-L-α-glutamyl-L-lysyl-L-isoleucylglycyl-L-lysyl-L-α-glutamyl-L-phénylalanil-L-lysyl-L-arginil-L-isoleucyl-L-valyl-L-glutamyl-L-arginil-L-isoleucyl-L-lysyl-L-α-aspartyl-L-phénylalanil-L-leucyl-L-arginil-L-asparagil-L-leucyl-L-valyl-L-prolyl-L-arginil-L-thréonyl-L-α-glutamyl-L-sérine
antimicrobien, immunomodulateur

ropocamptida

péptido antibacterial LL-37 (humano):

L-leucyl-L-leucylglycyl-L-α-aspartyl-L-phenylalanyl-L-phenylalanyl-L-arginyl-L-lysyl-L-seryl-L-lysyl-L-α-glutamyl-L-lysyl-L-isoleucylglycyl-L-lysyl-L-α-glutamyl-L-phenylalanyl-L-lysyl-L-arginyl-L-isoleucyl-L-valyl-L-glutamyl-L-arginyl-L-isoleucyl-L-lysyl-L-α-aspartyl-L-phenylalanyl-L-leucyl-L-arginyl-L-asparagyl-L-leucyl-L-valyl-L-prolyl-L-arginyl-L-threonyl-L-α-glutamyl-L-serine
antimicrobiano, inmunomodulador

C₂₀₅H₃₄₀N₆₀O₅₃

154947-66-7

LLGDFFRKSK EKIGKEFKRI VQRIKDFLRN LVPRTES 37

rovaleucelum
 rovaleucel

human culture enriched/expanded autologous Epstein-Barr virus-specific cytotoxic T cells (EBV-CTL) derived from peripheral blood mononuclear cells (PBMCs) for cell-based therapy. Cells are generated by coculture with gamma irradiated autologous lymphoblastoid cell lines (LCL) and interleukin-2 (IL-2) stimulation.
cell therapy (antineoplastic)

rovaleucel lymphocytes T cytotoxiques spécifiques du virus d'Epstein-Barr (EBV-CTL) humains, autologues, en culture d'expansion/enrichie, dérivés des cellules mononuclées du sang périphérique (PBMCs) pour thérapie cellulaire. Les cellules sont générées par coculture avec des lignées cellulaires lymphoblastoïdes (LCL) autologues irradiées par des rayons gamma et une stimulation par interleukine 2 (IL-2).
thérapie cellulaire (antineoplasique)

rovaleucel linfocitos T citotóxicos específicos del virus de Epstein-Barr (EBV-CTL), autólogos, humanos, expandidos/enriquecidos en cultivo, derivados de células mononucleares de sangre periférica (PBMCs) para terapia celular. Las células se generan mediante cocultivo con líneas celulares linfoblastoides autólogas irradiadas con radiación gamma y estimulación con interleukina-2 (IL-2).
terapia celular (antineoplásico)

samotolisibum

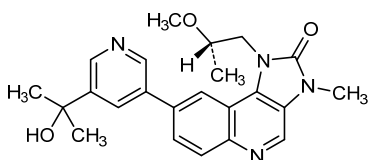
samotolisib 8-[5-(2-hydroxypropan-2-yl)pyridin-3-yl]-1-[(2S)-2-methoxypropyl]-3-methyl-1,3-dihydro-2H-imidazo[4,5-c]quinolin-2-one
phosphatidylinositol 3-kinase (PI3K) inhibitor, antineoplastic

samotolisib 8-[5-(2-hydroxypropan-2-yl)pyridin-3-yl]-1-[(2S)-2-méthoxypropyl]-3-méthyl-1,3-dihydro-2H-imidazo[4,5-c]quinoléin-2-one
inhibiteur de phosphatidylinositol 3-kinase (PI3K), antinéoplasique

samotolisib 8-[5-(2-hidroxiopropan-2-il)piridin-3-il]-1-[(2S)-2-metoxipropil]-3-metil-1,3-dihidro-2H-imidazo[4,5-c]quinolein-2-ona
inhibidor de fosfatidilinositol 3-quinasa (PI3K), antineoplásico

C₂₃H₂₆N₄O₃

1386874-06-1

**sasanlimabum #**

sasanlimab immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], humanized monoclonal antibody;
gamma4 heavy chain humanized (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (85.7%) -IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)] [8.8.10] (1-117)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (118-215), hinge S10>P (225) (216-227), CH2 (228-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (118-444)], (131-220')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (87.1%) -IGKJ4*01 (100%)] [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')];
dimer (223-223":226-226")-bisdisulfide, produced in a glutamine synthetase knockout-Chinese Hamster Ovary (CHO) based expression system (CHO-K1SV GS-KO), glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

sasanlimab immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma4 humanisée (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (118-215), charnière S10>P (225) (216-227), CH2 (228-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (118-444)], (131-220')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (87.1%) -IGKJ4*01 (100%)) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dimère (223-223":226-226")-bisdisulfure, produit dans un système d'expression basé sur des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO) glutamine-synthétase knockout (CHO-K1SV GS-KO), glycoforme alfa immunomodulateur, antinéoplasique

sasanlimab inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma4 humanizada (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) [8.8.10] (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (118-215), bisagraS10>P (225) (216-227), CH2 (228-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (118-444)], (131-220')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (87.1%) -IGKJ4*01 (100%)) [12.3.9] (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dímero (223-223":226-226")-bisdisulfuro, producido en un sistema de expresión basado en células ováricas de hamsters chinos (CHO) glutamina sintetasa knockout (CHO-K1SV GS-KO), glicoforma alfa inmunomodulador, antineoplásico

2206792-50-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SKASGYTFT SYWINWVRQA PGQGLEWMGN 50
IYPGSSLTNY NEKFKNRVTM TRDTSTSTVY MELSSLSRSED TAVYVCARLS 100
GTTFAYWGQG TLTVSSAST KGPSVFPLAP CSRSTSESTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTWSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVTVPS SSLGKTKYTC 200
NVDHKPSNTK VDKRVESKYG PPCPPCPAPE FLGGPSVFLF PPKFKDTLMI 250
SRTPEVTCVV VDSQEDPEV QFNWYVDGVE VHNAKTKPRE EQFNSTYRVV 300
SVLTVLHQDW LNGKEYKCKV SNKGLPSSIE KTISKAKGQP REPQVYTLPP 350
SQEEMTKNQV SLTCLVKGFY PSDIAVEWES NGQPENNYKT TFPVLDSDGS 400
FFLYSRLTVD KSRWQEGNVF SCSVMHEALH NHYTQKSLSL SLGK 444

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIVMTQSPDS LAVSLGERAT INCKSSQSLW DSGNQKNFLT WYQKPGQPP 50
KLLIYWTSYR ESGVPDRFSG SGSGTDFTLT ISSLQAEDVA VVYQNDYFY 100
PHTFGGGTKV EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LNNFYPREA 150
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKSTYS LSSITLTLSKA DYERKRVAC 200
EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC 220

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22"-96" 144"-200" 258"-318" 364"-422"
22"-96" 144"-200" 258"-318" 364"-422"
Intra-L (C23-C104) 23"-94" 140"-200"
23"-94" 140"-200"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 131"-220' 131"-220"
Inter-H-H (h 8, h 11) 223-223" 226-226"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
294, 294"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping:
H CHS K2:
444, 444"

sepoparsenum

sepoparsen

all-P-ambo-2'-O-methyl-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-methyl-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-methyl-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-methyl-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-methyl-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-methyl-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-methyl-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-methyl-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-methyl-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenosine promotion of functional centrosomal protein (Cep290) synthesis

sépoparsen

tout-P-ambo-2'-O-méthyl-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthyladénosine stimulation de la synthèse de la protéine centrosomale (Cep290) fonctionnelle

sepoparsén

todo-P-ambo-2'-O-metil-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-O-metil-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-O-metil-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-metil-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-O-metil-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-O-metil-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-metil-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-metil-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-metil-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-O-metil-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-metil-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-O-metil-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-metil-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-metiladenosina estimulación de la síntesis de proteína centrosomal (Cep290) funcional

C₁₈₀H₂₃₅N₆₇O₁₀₁P₁₆S₁₆

2227173-68-2

(3'-5')(2'-O-methyl-P-thio)[G-G-U-G-G-A-U-C-A-C-G-A-G-U-U-C-A]

serplulimabum #

serplulimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], humanized monoclonal antibody;
gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-443) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-11*01 (93.8%) -(IGHD) - IGHJ1*01 (90.9%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (117-214), hinge 1-12 S10>P (224) (215-226), CH2 (227-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (117-443)], (130-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (83.2%) -IGKJ4*01 (90.9%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
dimer (222-222":225-225")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

serplulimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde gamma4 *Homo sapiens* (1-443) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-11*01 (93.8%) -(IGHD) - IGHJ1*01 (90.9%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (117-214), charnière 1-12 S10>P (224) (215-226), CH2 (227-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (117-443)], (130-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (83.2%) -IGKJ4*01 (90.9%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (222-222":225-225")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

serplulimab

munoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada gamma4 *Homo sapiens* (1-443) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-11*01 (93.8%) -(IGHD) - IGHJ1*01 (90.9%)) [8.8.9] (1-116) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (117-214), bisagra 1-12 S10>P (224) (215-226), CH2 (227-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (117-443)], (130-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (83.2%) -IGKJ4*01 (90.9%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (222-222":225-225")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicoforma alfa
immunomodulador, antineoplásico

2231029-82-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS NYGMSWIRQA PGKLEWVST 50
ISGGGSNIYY ADSVKGRFTI SRDANKNSLY LQMNSLRAED TAVYCVSYYY 100
YGIDFWGQGT SVTVSSASTK GPSVFLAPC SRSTSESTAA LGCLVKDYFP 150
EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVVTVPSS SLGKTYTCN 200
VDHKPSNTKV DKRVESKYGP PCPPCPAPEF LGGPSVFLFP PKPKDTLMIS 250
RTPEVTVCVV DVSQEDPEVQ FNWYVDGVEV HNAKTKPREE QFNSTYRVVS 300
VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKGLPSSIEK TISKAKGQPR EPQVYTLPPS 350
QEEMTKNQVS LTCLVKGFYP SDIAVEWESN QGPENNYKTT PPVLDSGGSF 400
FLYSRLTVDK SRWQEGNVFS CSVMHEALHN HYTKRSLSLG LGK 443

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGRVIT ITCKASQDVT TAVAWYQQKPK GKAPKLLIYW 50
ASTRHTGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ HTYIPWTFGG 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLNNFY PREAKVQWQKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSPVTKSFN RGECE 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22"-96" 143"-199" 257"-317" 363"-421"
22"-96" 143"-199" 257"-317" 363"-421"
Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 130-214' 130"-214"
Inter-H-H (h 8, h 11) 222-222" 225-225"

N-terminal glutamine cyclization to pyroglutamate (pE, 5-oxoproline)
H VH Q1:
I, I"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
293, 293"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping:
H CHS K2:
443, 443"

setamevetcelum

setamevetcel

canine culture expanded adipose-derived allogeneic mesenchymal-like stromal cells for cell-based therapy. Cells express cell surface markers CD44 and CD90 (thy-1 membrane glycoprotein), and secrete interleukin-8 (IL-8), monocyte chemotactic protein 1 (MCP-1, C-C motif chemokine 2), hepatocyte growth factor (HGF, scatter factor, SF, hepatopoietin A), metalloproteinase inhibitor 2 (TIMP-2), C-X-C motif chemokine 10 (CXCL10, 10 kDa interferon gamma-induced protein, IP-10), interleukin-1 receptor antagonist protein (IL-1RN, IL-1ra) and indoleamine 2,3-dioxygenase 1 (IDO-1, IDO). The cells are negative for CD34, CD45 and for the major histocompatibility complex (MHC) class II markers.
cell therapy (veterinary use)

sétamévetcel

cellules stromales semblables au mésenchyme, canines, allogéniques, dérivées de tissus adipeux, en culture d'expansion pour thérapie cellulaire. Les cellules expriment les marqueurs de surface CD44 et CD90 (glycoprotéine membranaire thy-1) et sécrètent de l'interleukine 8 (IL-8), protéine 1 chimio-attractrice du monocyte (MCP-1, chimiokine 2 de motif C-C), facteur de croissance de l'hépatocyte (HGF, facteur dispersant, SF, hépatopoïétine A), inhibiteur 2 de metalloproteinase (TIMP-2), chimiokine 10 de motif C-X-C (CXCL10, protéine de 10kDa induite par l'interféron gamma, IP-10), protéine antagoniste du récepteur de l'interleukine-1 (IL-1RN, IL-1ra) et l'indoleamine 2,3-dioxygénase 1 (IDO-1, IDO). Les cellules sont négatives pour les marqueurs CD34, CD45 et l'antigène majeur d'histocompatibilité (CMH) de classe II.
thérapie cellulaire (usage vétérinaire)

setamevetcel

células estromales parecidas a mesenquimales, alogénicas, de perro, derivadas de tejido adiposo y expandidas en cultivo para terapia celular. Las células expresan los marcadores de superficie CD44 y CD90 (glicoproteína de membrana thy-1), y secretan interleukina 8 (IL-8), proteína quimiotáctica de monocitos 1 (MCP-1, quimoquina con motivo C-C 2), factor de crecimiento de hepatocitos (HGF, factor dispersante, SF, hepatopoyetina A), inhibidor de metaloproteinasa 2 (TIMP-2), quimoquina con motivo C-X-C 10 (CXCL10, proteína de 10 kDa inductora de interferón gamma, IP-10), proteína antagonista del receptor de interleukina-1 (IL-1RN, IL-1ra) e indoleamina 2,3-dioxigenasa 1 (IDO-1, IDO). Las células son negativas para los marcadores CD34, CD45 y el antígeno principal de histocompatibilidad (MHC) de clase II.
terapia celular (uso veterinario)

simlukafuspum alfa #

simlukafusp alfa

immunoglobulin G1-kappa (anti-(human seprase (surface-expressed protease, fibroblast activation protein alpha, FAP α , prolyl endopeptidase FAP)), engineered human monoclonal antibody) fused to one interleukin 2 (IL2) chain, heterodimer:

gamma1 heavy chain (1-447) [*Homo sapiens* VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 -(IGHD)- IGHJ4*01 [CDRKabatH1: SYAMS (31-35); CDRKabatH2: AIIGSGASTYYADSVKG (50-66); CDRKabatH3: GWFGGFNY (99-106)] (1-117) - *Homo sapiens* IGHG1*01 (CH1 (118-215), hinge (216-230), CH2 (L²³⁴>A, L²³⁵>A, P³²⁹>G) (231-340), CH3 (Y³⁴⁹>C, T³⁶⁶>S, L³⁶⁸>A, Y⁴⁰⁷>V) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-215')-disulfide with kappa light chain (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 -IGKJ1*01 [CDRKabatL1: RASQSVTSSYLA (24'-35'); CDRKabatL2[1]: VGSRRAT (51'-57'); CDRKabatL3[1]: QQGIMLPPT (90'-98')]) (1'-108') - *Homo sapiens* IGKC*01 (109'-215')];

gamma1 heavy chain fused to IL2 (1"-594") [*Homo sapiens* VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 -(IGHD)- IGHJ4*01 [CDRKabatH1: SYAMS (31"-35"); CDRKabatH2: AIIGSGASTYYADSVKG (50"-66"); CDRKabatH3: GWFGGFNY (99"-106")]) (1"-117") - *Homo sapiens* IGHG1*01 (CH1 (118"-215"), hinge (216"-230"), CH2 (L²³⁴>A, L²³⁵>A, P³²⁹>G) (231"-340"), CH3 (S³⁵⁴>C, T³⁶⁶>W,) (341"-445"), CHS (446"-446") (K447del)) (118"-446") -(G₄S)₃ linker (447"-461") - *Homo sapiens* IL2 (Pr21-153) T²³>A (464"), F⁶²>A (503"), Y⁶⁵>A (506"), L⁹²>G (533"), C¹⁴⁵>A (586") (462"-594")], (220"-215'")-disulfide with kappa light chain (1'"-215'") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 -IGKJ1*01 [CDRKabatL1: RASQSVTSSYLA (24'"-35'"), CDRKabatL2: VGSRRAT (51'"-57'"), CDRKabatL3: QQGIMLPPT (90'"-98'")]) (1'"-108'") - *Homo sapiens* IGKC*01 (109'"-215'")]; dimer (226-226":229-229":349-354")-trisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa

immunomodulator, antineoplastic

simlukafusp alfa

immunoglobuline G1-kappa, anti-[séprase humaine (protéase exprimée à la surface, protéine alpha d'activation des fibroblastes, FAPα, prolyl endopeptidase FAP)], anticorps monoclonal humain issu de l'ingénierie) fusionnée à une chaîne de l'interleukine 2 humaine (IL2), hétérodimère: chaîne lourde gamma1 (1-447) [*Homo sapiens* VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 -(IGHD)- IGHJ4*01 [CDRKabatH1: SYAMS (31-35); CDRKabatH2: AIIGSGASTYYADSVKG (50-66); CDRKabatH3: GWFGGFNY (99-106)] (1-117) - *Homo sapiens* IGHG1*01 (CH1 (118-215), charnière (216-230), CH2 (L²³⁴>A, L²³⁵>A, P³²⁹>G) (231-340), CH3 (Y³⁴⁹>C, T³⁶⁶>S, L³⁶⁸>A, Y⁴⁰⁷>V) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 -IGKJ1*01 [CDRKabatL1: RASQSVTSSYLA (24'-35'); CDRKabatL2[1]: VGSRRAT (51'-57'); CDRKabatL3[1]: QQGIMLPPT (90'-98')]) (1'-108') - *Homo sapiens* IGKC*01 (109'-215')];

chaîne lourde gamma1 fusionné à l'IL2 (1"-594") [*Homo sapiens* VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 -(IGHD)- IGHJ4*01 [CDRKabatH1: SYAMS (31"-35"); CDRKabatH2: AIIGSGASTYYADSVKG (50"-66"); CDRKabatH3: GWFGGFNY (99"-106")]) (1"-117") - *Homo sapiens* IGHG1*01 (CH1 (118"-215"), charnière (216"-230"), CH2 (L²³⁴>A, L²³⁵>A, P³²⁹>G) (231"-340"), CH3 (S³⁵⁴>C, T³⁶⁶>W,) (341"-445"), CHS (446"-446") (K447del)) (118"-446") -(G₄S)₃ linker (447"-461") - *Homo sapiens* IL2 (Pr21-153) T²³>A (464"), F⁶²>A (503"), Y⁶⁵>A (506"), L⁹²>G (533"), C¹⁴⁵>A (586") (462"-594")], (220"-215'")-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'"-215'")]

[V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 -IGKJ1*01 [CDRKabatL1: RASQSVTSSYLA (24"-35"), CDRKabatL2: VGSRRAT (51"-57"), CDRKabatL3: QQGIMLPPT (90"-98")]) (1"-108") - *Homo sapiens* IGKC*01 (109"-215")]; dímero (226-226"-229-229":349-354")-trisdifuro, producido por des células ováricas de hamster chino (CHO), glicofóma alfa *inmunomodulador, antineoplásico*

simlukafusp alfa

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[seprasa humana (proteasa expresada en la superficie, proteína alfa de activación de los fibroblastos, FAP α , prolil endopeptidasa FAP)], anticuerpo monoclonal humano realizado a través de Ingeniería fusionada con una cadena de la interleucina 2 humana (IL2), heterodímero:
cadena pesada gamma1 (1-447) [*Homo sapiens* VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 - (IGHD)- IGHJ4*01 [CDRKabatH1: SYAMS (31-35); CDRKabatH2: AIIGSGASTYYADSVKG (50-66); CDRKabatH3: GWFGGFNY (99-106)]) (1-117) - *Homo sapiens* IGHG1*01 (CH1 (118-215), bisagra (216-230), CH2 (L²³⁴>A, L²³⁵>A, P³²⁹>G) (231-340), CH3 (Y³⁴⁹>C, T³⁶⁶>S, L³⁶⁸>A, Y⁴⁰⁷>V) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-215")-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 -IGKJ1*01 [CDRKabatL1: RASQSVTSSYLA (24'-35'); CDRKabatL2[1]: VGSRRAT (51'-57'); CDRKabatL3[1]: QQGIMLPPT (90'-98')]) (1'-108') - *Homo sapiens* IGKC*01 (109'-215')];
cadena pesada gamma1 fusionada al IL2 (1"-594") [*Homo sapiens* VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 - (IGHD)- IGHJ4*01 [CDRKabatH1: SYAMS (31"-35"); CDRKabatH2: AIIGSGASTYYADSVKG (50"-66"); CDRKabatH3: GWFGGFNY (99"-106")]) (1"-117") - *Homo sapiens* IGHG1*01 (CH1 (118"-215"), bisagra (216"-230"), CH2 (L²³⁴>A, L²³⁵>A, P³²⁹>G) (231"-340"), CH3 (S³⁵⁴>C, T³⁶⁶>W,) (341"-445"), CHS (446"-446") (K447del)) (118"-446") - (G₄S)₃ linker (447"-461") - *Homo sapiens* IL2 (Pr21-153) T²³>A (464"), F⁶²>A (503"), Y⁶⁵>A (506"), L⁹²>G (533"), C¹⁴⁵>A (586") (462"-594")], (220"-215")-disulfuro con la cadena ligera kappa (1"-215") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 -IGKJ1*01 [CDRKabatL1: RASQSVTSSYLA (24"-35"), CDRKabatL2: VGSRRAT (51"-57"), CDRKabatL3: QQGIMLPPT (90"-98")]) (1"-108") - *Homo sapiens* IGKC*01 (109"-215")]; dímero 226-226"-229-229":349-354")-trisdifuro, producido por las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofóma alfa *inmunomodulador, antineoplásico*

1776942-10-9

Sequence / Séquence / Secuencia:

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-FAP):			
EVQLLESGGG	LVQPGGSLRL	SCAASGFTFS	SYAMSWVRQA PGKGLEWVSA 50
IIGSGASTYY	ADSVKGRFTI	SRDNSKNTLY	LQMNSLRAED TAVVYCAKGW 100
FGGPNYWGQG	TLVTVSSAST	KGPSVFPLAP	SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWNS	GALTSGVHTF	PAVLQSSGLY	SLSSVVTVPSSSLGTQTYIC 200
NVNHKPSNTK	VDKVEPKSC	DKHTCPCPC	APEAAGGPSV FLFPPKPKDT 250
LMISRTPEVT	CVVVDVSHED	PEVKFNWYVD	GVEVHNATK PREEQYNSTY 300
RVVSVLTVLH	QDWLNGKEYK	CKVSNKALGA	PIEKTISKAK GQPREPQVCT 350
LPPSRDELTK	NQVSLSCAVK	GFYPSDIAVE	WESNGQPENN YKTTTPPVLD 400
DGSFFLVSKL	TVDKSRWQGG	NVFSCSVMHE	ALHNHYTQKS LSLSPGK 447

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera:

EIVLTQSPGT	LSLSPGERAT	LSCRASQSVT	SSYLAWYQQK PGQAPRLLIN 50
VGSRRTATGIP	DRFSGSGSGT	DFTLTISRLE	PEDFAVYYCQ QGIMLPPTFG 100
QGTKEIKRT	VAAPSVFIFP	PSDEQLKSGT	ASVVCLLNNF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS	QESVTEQDSK	DSTYSLSSLT	TLSKADYEKH KVVACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF	NRGEC		215

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-FAP fused with IL2):

EVQLLESGGG	LVQPGGSLRL	SCAASGFTFS	SYAMSWVRQA PGKGLEWVSA 50
IIGSGASTYY	ADSVKGRFTI	SRDNSKNTLY	LQMNSLRAED TAVVYCAKGW 100
FGGPNYWGQG	TLVTVSSAST	KGPSVFPLAP	SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWNS	GALTSGVHTF	PAVLQSSGLY	SLSSVVTVPSSSLGTQTYIC 200
NVNHKPSNTK	VDKVEPKSC	DKHTCPCPC	APEAAGGPSV FLFPPKPKDT 250
LMISRTPEVT	CVVVDVSHED	PEVKFNWYVD	GVEVHNATK PREEQYNSTY 300
RVVSVLTVLH	QDWLNGKEYK	CKVSNKALGA	PIEKTISKAK GQPREPQVCT 350
LPPSRDELTK	NQVSLWCLVK	GFYPSDIAVE	WESNGQPENN YKTTTPPVLD 400
DGSFFLVSKL	TVDKSRWQGG	NVFSCSVMHE	ALHNHYTQKS LSLSPGGGGG 450
SGGGGGGGGG	SAPASSSTKK	TQLQLEHLL	DLQMILNGIN NYKNPKLTRM 500
LTAKFAMPKK	ATELKHQLCL	EEELKPLEEV	LNGAQSKNFH LRPRDLISNI 550
NVIVLELKG	ETTFMCEYAD	ETATIVEFLN	RWITFAQSII STLT 694

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera:

EIVLTQSPGT	LSLSPGERAT	LSCRASQSVT	SSYLAWYQQK PGQAPRLLIN 50
VGSRRTATGIP	DRFSGSGSGT	DFTLTISRLE	PEDFAVYYCQ QGIMLPPTFG 100
QGTKEIKRT	VAAPSVFIFP	PSDEQLKSGT	ASVVCLLNNF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS	QESVTEQDSK	DSTYSLSSLT	TLSKADYEKH KVVACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF	NRGEC		215

Disulfide bridge location / Position de la pont disulfure / Posición del puente disulfuro:

intra-H: IgG1:	22-96, 144-200, 261-321, 367-425,
	22"-96", 144"-200", 261"-321", 367"-425"
:IL-2:	519"-566"
intra-L:	23'-89', 135'-195', 23"-89", 135"-195"
inter-H-L:	220-215', 220"-215"
inter-H-H:	226-226", 229-229", 349-354"

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación
N297, N297"

sinbaglustatum
sinbaglustat

(2*S*,3*R*,4*R*,5*S*)-2-(hydroxymethyl)-1-pentylpiperidine-3,4,5-triol
ceramide glucosyltransferase inhibitor

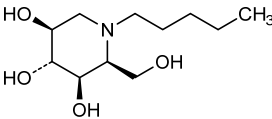
sinbaglustat

(2*S*,3*R*,4*R*,5*S*)-2-(hydroxyméthyl)-1-pentylpipéridine-3,4,5-triol
inhibiteur de la céramide glucosyltransférase

sinbaglustat

(2*S*,3*R*,4*R*,5*S*)-2-(hidroximetil)-1-pentilpiperidina-3,4,5-triol
inhibidor de la ceramida glucosiltransferasa

C₁₁H₂₃NO₄ 441061-33-2



sonelokimabum #

sonelokimab

immunoglobulin single chain VH-VH'-VH, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukin 17A, IL-17A) and *Homo sapiens* IL17F (interleukin 17F, IL-17F)] and anti-[*Homo sapiens* ALB (albumin, human serum albumin, HAS)], humanized *Lama glama* monoclonal antibody, bispecific trivalent; scVH-VH'-VH (1-378) [humanized VH anti-IL17F (*Vicugna pacos* IGHV3-3*01 (85.6%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (83.3%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)) [8.8.16] (1-123) -9-mer linker (tetraglycyl-seryl-triglycyl-seryl) (124-132) -humanized VH' anti-ALB (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (89.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 W118>S (237), G119 (238) (90.9%)) [8.8.8] (133-247) -9-mer linker (tetraglycyl-seryl-triglycyl-seryl) (248-256) -humanized VH anti-IL17A and anti-IL17F (*Vicugna pacos* IGHV3-3*01 (86.6%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (92.3%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (85.6%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (75.0%)) [6.8.17] (257-378), produced in the yeast *Pichia pastoris* (*Komagataella phaffii*), non-glycosylated
immunomodulator

sonelokimab

immunoglobuline chaîne unique VH-VH'-VH, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukine 17A, IL-17A) et *Homo sapiens* IL17F (interleukine 17F, IL-17F)] et anti-[*Homo sapiens* ALB (albumine, sérum albumine humaine, SAH)], anticorps monoclonal *Lama glama* humanisé, bispécifique trivalent; scVH- VH'-VH (1-378) [VH chimérique anti-IL17F (*Vicugna pacos* IGHV3-3*01 (85.6%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (83.3%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)) [8.8.16] (1-123) -9-mer linker (tétraglycyl-séryl-triglycyl-séryl) (124-132) -VH' humanisé anti-ALB (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (89.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 W118>S (237), G119 (238) (90.9%)) [8.8.8] (133-247) -9-mer linker (tétraglycyl-séryl-triglycyl-séryl) (248-256) -VH chimérique anti-IL17A et anti-IL17F (*Vicugna pacos* IGHV3-3*01 (86.6%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (92.3%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (85.6%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (75.0%)) [6.8.17] (257-378), produit dans la levure *Pichia pastoris* (*Komagataella phaffii*), non-glycosylé
immunomodulateur

sonelokimab

inmunoglobulina cadena única VH-VH'-VH, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukina 17A, IL-17A) y *Homo sapiens* IL17F (interleukina 17F, IL-17F)] y anti-[*Homo sapiens* ALB (albúmina, albúmina sérica humana, SAH)], anticuerpo monoclonal *Lama glama* humanizado, biespecífico trivalente; scVH- VH'-VH (1-378) [VH quimérico anti-IL17F (*Vicugna pacos* IGHV3-3*01 (85.6%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (83.3%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)) [8.8.16] (1-123) - conector 9-mer (tetraglicil-seril-triglicil-seril) (124-132) -VH' humanizado anti-ALB (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (89.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 W118>S (237), G119 (238) (90.9%)) [8.8.8] (133-247) -conecto 9-mer (tetraglicil-seril-triglicil-seril) (248-256) -VH quimérico anti-IL17A y anti-IL17F (*Vicugna pacos* IGHV3-3*01 (86.6%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (92.3%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (85.6%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (75.0%)) [6.8.17] (257-378), producido en la levadura *Pichia pastoris* (*Komagataella phaffii*), no glicosilado
inmunomodulador

1414386-05-2

scVH-VH-VH chain / Chaîne scVH-VH-VH / Cadena scVH-VH-VH
DVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGRFTS SYVVGWFRQA PGKEREFIGA 50
ISGSGESIYY AVSEKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRPED TAVYYCTADQ 100
EFGYLRFRGS EYWGQGLTIVT VSSGGGGSGG GSEVQLVESG GGLVQPGNSL 150
RLSCAASGFT FSSFGMSWVR QAPGKGLEWV SSISGSGSDT LYADSVKGRF 200
TISRDNAKTT LYLQMNSLRP EDTAVYYCTI GGSLSRSSQG TLVTVSSGGG 250
GSGGGSEVQL VESGGGLVQP GGSRLRLSCAA SGRTYDAMGW LRQAPGKERE 300
FVAAISGSGD DTYYADSVKG RFTISRDNKS NTLYLQMNSL RPEDTAVYYC 350
ATRRGLYYVW DANDYENWGQ GTLVTVSS 378

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-single chain (C23-C104) 22-96 154-228 278-350

No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación

sovateitidum
sovateitide

*N*¹-(3-carboxypropanoyl)endothelin-1 (human) (8-21)-peptide (1-14) [K2>E,C4>A,C8>A];
N-(3-carboxypropanoyl)-L-α-aspartyl-L-α-glutamyl-L-α-glutamyl-L-alanyl-L-valyl-L-tyrosyl-L-phenylalanyl-L-alanyl-L-histidyl-L-leucyl-L-α-aspartyl-L-isoleucyl-L-isoleucyl-L-tryptophan
endothelin receptor agonist

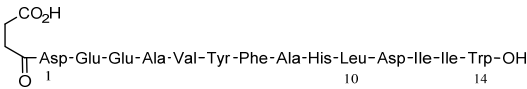
sovateitide

*N*¹-(3-carboxypropanoyl)endothéline-1 (humaine) (8-21)-peptide (1-14) [K2>E,C4>A,C8>A];
N-(3-carboxypropanoyl)-L-α-aspartyl-L-α-glutamyl-L-α-glutamyl-L-alanyl-L-valyl-L-tyrosyl-L-phénylalanyl-L-alanyl-L-histidyl-L-leucyl-L-α-aspartyl-L-isoleucyl-L-isoleucyl-L-tryptophane
antagoniste du récepteur de l'endothéline

sovateitida

*N*¹-(3-carboxipropanoil)endotelina-1 (humana) (8-21)-péptido (1-14) [K2>E,C4>A,C8>A];
N-(3-carboxipropanoil)-L-α-aspartil-L-α-glutamil-L-α-glutamil-L-alanil-L-valil-L-tirosil-L-fenilalanil-L-alanil-L-histidil-L-leucil-L-α-aspartil-L-isoleucil-L-isoleucil-L-triptófano
antagonista del receptor de la endotelina

C₈₆H₁₁₇N₁₇O₂₇ 142569-99-1



stapuldencelum
stapuldencel

human autologous monocyte-derived dendritic cells (MoDCs) generated *ex-vivo* from patient's peripheral blood mononuclear cells (PBMCs) for cell-based therapy. The cells are differentiated from autologous adherent monocytes by culturing in the presence of interleukin-4 (IL-4) and granulocyte-macrophage colony-stimulating factor (GM-CSF), and pulsed with a killed human prostate adenocarcinoma cell line.
cell therapy (antineoplastic)

stapuldencel

cellules dendritiques autologues humaines dérivées des monocytes, générées *ex vivo* à partir de cellules mononuclées du sang périphérique des patients, pour thérapie cellulaire. Les cellules se différencient à partir des monocytes adhérents autologues par culture en présence d'interleukine 4 (IL-4) et du facteur stimulant les colonies de granulocytes et de macrophages (GM-CSF), et pulsées par des cellules tuées d'une lignée cellulaire humaine d'adénocarcinome de la prostate.
thérapie cellulaire (antineoplasique)

estapuldencel

células dentríticas autólogas humanas derivadas de monocitos, generadas *ex vivo* a partir de células mononucleares de sangre periférica de pacientes, para terapia celular. Las células se diferencian a partir de monocitos adherentes autólogos mediante cultivo en presencia de interleucina-4 (IL-4) y factor estimulador de colonias de granulocitos y macrófagos (GM-CSF), y pulsadas con células matadas de una línea celular de adenocarcinoma prostático humana. *terapia celular (antineoplásico)*

suvodirsenum

suvodirsén

[*all-P^S-(S)*]-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thioguanlylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thioguanlylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methyl-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridine *promotion of functional dystrophin synthesis*

suvodirsén

[*tout-P^S-(S)*]-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thioguanlylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thioguanlylyl-(3'→5')-2'-O-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorouridine *stimulation de la synthèse de dystrophine fonctionnelle*

suvodirsén

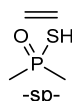
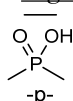
[*todo-P^S-(S)*]-2'-desoxi-2'-fluoro-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoro-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoro-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoro-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoro-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoro-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-metil-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoro-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoro-*P*-

tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoro-*P*-tioadenilil-
 (3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoro-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-
 desoxi-2'-fluoro-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoro-
P-tiouridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoro-*P*-tiocitidilil-
 (3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorouridina
estimulación de la síntesis de distrofina funcional

C₁₉₆H₂₃₀F₁₅N₇₆O₁₀₈P₁₉S₁₅

2095270-67-8

(3'-5') U=C=A=A=G=G=A-A=G-A=U=G-G-C=A=
 U=U=U=C=U

Legend :

A, C, G & U =

2'-deoxy-2'-fluoronucleotide

A & G =

2'-O-methylnucleotide

tafolecimabum #
 tafolecimab

immunoglobulin G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* PCSK9 (proprotein convertase subtilisin/kexin type 9, neural apoptosis-regulated convertase 1, NARC1, NARC-1, proproteine convertase 9, PC9)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
 gamma2 heavy chain *Homo sapiens* (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-39*01 (96.0%) -(IGHD) - IGHJ5*02 (93.8%)) [10.7.18] (1-126) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (CH1 (127-224), hinge 1-12 (225-236), CH2 (237-345), CH3 (346-450), CHS K2>del (451)) (127-451)], (140-213')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (98.9%) -IGKJ4*01 (91.7%)) [6.3.8] (1'-106') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dimer (228-228":229-229":232-232":235-235")-tetrakisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO)-S cell line, glycoform alfa
antihypercholesterolemic

tafolécimab

immunoglobuline G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* PCSK9 (proprotéine convertase subtilisine/kexine type 9, convertase 1 régulée par l'apoptose neuronale, NARC1, NARC-1, proprotéine convertase 9, PC9)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
 chaîne lourde gamma2 *Homo sapiens* (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-39*01 (96.0%) -(IGHD) - IGHJ5*02 (93.8%)) [10.7.18] (1-126) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (CH1 (127-224), charnière 1-12 (225-236), CH2 (237-345), CH3 (346-450), CHS K2>del (451)) (127-451)], (140-213')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (98.9%) -IGKJ4*01 (91.7%)) [6.3.8] (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dimère (228-228":229-229":232-232":235-235")-tétrakisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa
antihypercholestérolémique

tafolecimab

inmunoglobulina G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* PCSK9 (proteína convertasa subtilisina/kexina tipo 9, convertasa 1 regulada por la apoptosis neuronal, NARC1, NARC-1, proteína convertasa 9, PC9)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada gamma2 *Homo sapiens* (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-39*01 (96.0%) -(IGHD) -IGHJ5*02 (93.8%)) [10.7.18] (1-126) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (CH1 (127-224), bisagra 1-12 (225-236), CH2 (237-345), CH3 (346-450), CHS K2>del (451)) (127-451)], (140-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (98.9%) -IGKJ4*01 (91.7%)) [6.3.8] (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dímero (228-228":229-229":232-232":235-235")-tetrakisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO) línea celular CHO-S, glicoforma alfa antihipercolesterolémico

2225109-03-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QLQLQESGPG LVKPSSETLSL TCTVSGGSGS SASYYWSWIR QPPGKGLEWI 50
GSINRYRGSTY YNPSLKSRTV ISVDTSKNQF SLKLSSTVTA DTAVYYCARE 100
NSGVVFAAGP NWFPGWGGT LVTVSSASTK GPSVFPLAPC SRSTSESTAA 150
LGCLVKDYFF EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVTVFPSS 200
NFGDTQYTCN VDHKPSNTRV DKTVERKCCV ECPGPCAPPV AGPSVFLFPP 250
KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSHEDPEVQF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
FNSTFRVVSV LTVVHQDWLN GKEYCKVSN KGLPAPIEKT ISKTKGPPE 350
PQVYTLPPSR EEMTKNQVSL TCLVKGFYPS DIAVEWESNG QPENNYKTPP 400
PMLDSDGSEFF LYSKLTVDKRS RWQQGNVFSC SVMHEALHNN YTQKSLSLSP 450
G 451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQSVS SYLAWYQQKP GQAPRLLIYD 50
ASNRATGIPA RFGSGSGSDT FTLTISSELP EDFAVYYCQ RRNWFTFGGG 100
TKVEIKRTVA APSVFIFPPS DEQLKSGTAS VVCLNNFYP REAKVQWKVD 150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYSLSSTLT L SKADYEKKHV YACEVTHQGL 200
SSPVTKSFNR GEC 213

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-97 153-209 266-326 372-430
22"-97" 153"-209" 266"-326" 372"-430"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 133'-193'
23"-88" 133"-193"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 140-213' 140"-213"
Inter-H-H (h 4, h 5, h 8, h 11) 228-228" 229-229" 232-232" 235-235"
N-terminal glutamine cyclization to pyroglutamate (pE, 5-oxoproline)
H VH Q1:
I, I"
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
302, 302"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.

talquetamabum #
talquetamab

immunoglobulin G4-kappa/G4-lambda, anti-[*Homo sapiens* GPRC5D (G protein-coupled receptor class C group 5 member D)], and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], humanized and chimeric monoclonal antibody, bispecific; gamma4 heavy chain humanized anti-GPRC5D (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (119-216), hinge 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 F1.3>A (232), L1.2>A (233) (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-214')-disulfide with kappa light chain humanized

- anti-GPRC5D (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-17*02 (85.3%) - IGKJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
 gamma4 heavy chain chimeric anti-CD3E (1-452) [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (89.8%)/*Homo sapiens* IGHV3-72*01 (88.0%) -(IGHD) - IGHJ6*01 (90.9%)) [8.10.16] (1-125) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (126-223), hinge 1-12 S10>P (233) (224-235), CH2 F1.3>A (239), L1.2>A (240) (236-345), CH3 F85.1>L (410), R88>K (414) (346-450), CHS (451-452)) (126-452)], (139-214')-disulfide with lambda light chain humanized anti-CD3E (1'-215') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (81.9%) - IGLJ3*02 (100%)) [9.3.9] (1'-109') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (110'-215')];
 dimer (224-231":227-234")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO)-K1 cell line, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic
- talquétamab immunoglobuline G4-kappa/G4-lambda, anti-[*Homo sapiens* GPRC5D (membre D du groupe 5 de la classe C du récepteur couplé aux protéines G)], et anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], anticorps monoclonal humanisé et chimérique, bispécifique;
 chaîne lourde gamma4 anti-GPRC5D humanisée (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (119-216), charnière 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 F1.3>A (232), L1.2>A (233) (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa anti-GPRC5D humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-17*02 (85.3%) -IGKJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
 chaîne lourde gamma4 anti-CD3 chimérique (1-452) [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (89.8%)/*Homo sapiens* IGHV3-72*01 (88.0%) -(IGHD) - IGHJ6*01 (90.9%)) [8.10.16] (1-125) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (126-223), charnière 1-12 S10>P (233) (224-235), CH2 F1.3>A (239), L1.2>A (240) (236-345), CH3 F85.1>L (410), R88>K (414) (346-450), CHS (451-452)) (126-452)], (139-214')-disulfure avec la chaîne légère lambda anti-CD3E humanisée (1'-215') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (81.9%) -IGLJ3*02 (100%)) [9.3.9] (1'-109') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (110'-215')]; dimère (224-231":227-234")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO) lignée cellulaire K1, glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique
- talquetamab inmunoglobulina G4-kappa/G4-lambda, anti-[*Homo sapiens* GPRC5D (miembro D del grupo 5 de la clase C del receptor acoplado con proteínas G)], y anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 épsilon, Leu-4)], anticuerpo monoclonal humanizado y quimérico, biespecífico;
 cadena pesada gamma4 anti-GPRC5D humanizada (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) [8.8.11] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (119-216), bisagra 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 F1.3>A (232), L1.2>A (233) (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa anti-GPRC5D humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-17*02 (85.3%) -IGKJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
 cadena pesada gamma4 anti-CD3 quimérica (1-452) [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (89.8%)/*Homo sapiens* IGHV3-72*01 (88.0%) -(IGHD) - IGHJ6*01 (90.9%)) [8.10.16] (1-125) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (126-223), bisagra 1-12 S10>P (233) (224-235), CH2 F1.3>A (239), L1.2>A (240) (236-345), CH3 F85.1>L (410), R88>K (414) (346-450), CHS (451-452)) (126-452)], (139-214')-disulfuro con la cadena ligera

lambda anti-CD3E humanizada (1'-215') [V-LAMBDA
(*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (81.9%) -IGLJ3*02
(100%)) [9.3.9] (1'-109') -*Homo sapiens* IGLC2*01
(100%) (110'-215')]; dímero (224-231":227-234")-
bisdisulfuro, producido en las células ováricas de
hamsters chinos (CHO) línea celular K1, glicoforma
alfa
inmunomodulador, antineoplásico

2226212-40-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-GPRC5D)	
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYST GTYMNWVRQA PGQGLEWMGL	50
INPYNSDTNY AQKLQGRVTM TTDSTSTAY MELRSLRSD TAVYYCARVA	100
LRVALDYNGQ GTLTVTVSSAS TKGPSVFPLA PCSRSTSEST AALGCLVKDY	150
FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTKYTT	200
CNVDHKPSNT KVDKRVESKY GPFCPPCPAP EAAGGPSVFL FPPKPKDTLM	250
ISRTPEVTCV VVDVSQEDPE VQFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQNSTYRV	300
VSVLTVLHQD WLNKEYKCK VSNKGLPSSI EKTISKAKGQ PREPQVYTL	350
PSQEMTKNQ VSLTCLVKG FYPDIAVEWE SNGQEPENNYK TTPVLDSDG	400
SFFLYSRLTV DKSRWQEGNV FSCVMHEAL HNHYTQKSL LSLGK	445
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-GPRC5D)	
DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCASQNV A THVGWYQQKP GKAPKRLIYS	50
ASRYSGVPS RFGSGSGTE FTLTISNLQP EDFATYYCQ YNRYPTTFGQ	100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNFY PREAKVQWKV	150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG	200
LSSPVTKSFN RGE	214

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-CD3E)	
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR	50
IRSKYNNYAT YYAASVKGRF TISRDSKNS LYLQMNSLKT EDTAVYYCAR	100
HGNFNGSYVS WFAYWQGTL VTVSSASTKG PSVFPLAPCS RSTSESTAAL	150
GCLVKDYFPE PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVPS	200
LGTKTYTCNV DHKPSNTKVD KRVESKYGP CPPCAPEAA GGPSVFLFP	250
KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSQEDPEVQF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ	300
FNSTYRVVSV LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KGLPSSIEKT ISKAKGPRE	350
PQVYTLPPSQ EEMTKNQVSL TCLVKGFPYS DIAVEWESNG QPENNYKTTP	400
PVLDSDGSFL LYSKLTVDKS RWQEGNVFSC SVMHEALHNN YTQKSLSLSL	450
GK	452
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-CD3E)	
QTVVTQEPST TVSPGGTVTL TCRSSTGAVT TSNYANWVQQ KPGQAPRGLI	50
GGTNKRAPGT PARFSGSLLG GKAAITLSGV QPEDEAEYIC ALWYSLNWF	100
GGGKLTIVLG QPKAAPSVTL FPPSSEELQA NKATLIVCLIS DFYPGAVTVA	150
WKADSSPVKA QVETTTPSKQ SNNKYAASSY LSLTPEQWKS HRSYSCQVTH	200
EGSTVEKTVA PTECS	215

Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-H (C23-C104)	22-96 145-201 259-319 365-423
	22"-98" 152"-208" 266"-326" 372"-430"
Intra-L (C23-C104)	23"-88" 134"-194"
	22"-90" 137"-196"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126)	132-214' 139"-214"
Inter-H-H (h 8, h 11)	224-231" 227-234"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación	
H CH2 N84.4:	
295, 302"	
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados	

tanamilastum
tanamilast

3,5-dichloro-4-[(2S)-2-[3-(cyclopropylmethoxy)-4-(difluoromethoxy)phenyl]-2-[[3-(cyclopropylmethoxy)-4-(methanesulfonamido)benzoyl]oxy]ethyl]pyridine 1-oxide
phosphodiesterase IV inhibitor

tanamilast

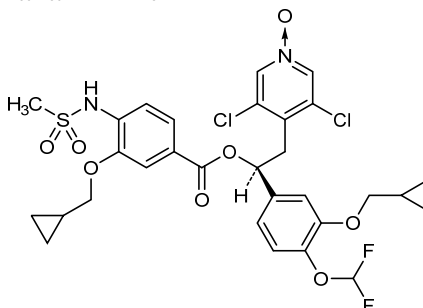
1-oxyde de 3,5-dichloro-4-[(2S)-2-[3-(cyclopropylméthoxy)-4-(difluorométhoxy)phényl]-2-[[3-(cyclopropylméthoxy)-4-(méthanesulfonamido)benzoyl]oxy]éthyl]pyridine
inhibiteur de la phosphodiésterase IV

tanimilast

1-óxido de 3,5-dicloro-4-[(2*S*)-2-[3-(ciclopropilmetoxi)-4-(difluorometoxi)fenil]-2-[[3-(ciclopropilmetoxi)-4-(metanosulfonamido)benzoil]oxi]etil]piridina
inhibidor de la fosfodiesterasa IV

C₃₀H₃₀Cl₂F₂N₂O₈S

1239278-59-1



tapotoclaxum

tapotoclax

(1³*S*,3¹*R*,3²*R*,4*S*,5*E*,8*S*,9*R*)-6'-chloro-4-methoxy-8,9-dimethyl-3',4'-dihydro-1²*H*,1⁴*H*,2'*H*-10λ⁶-thia-11-azaspiro[1(5,7)-[1,5]benzoxazepina-3(1,2)-cyclobutanacyclododecaphan-5-ene-1³,1'-naphthalene]-10,10,12-trione
antineoplastic

tapotoclax

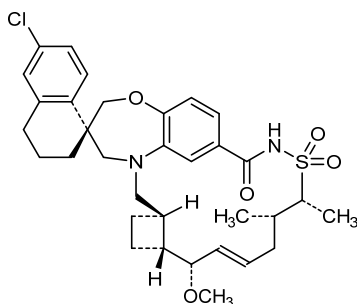
(1³*S*,3¹*R*,3²*R*,4*S*,5*E*,8*S*,9*R*)-6'-chloro-4-méthoxy-8,9-diméthyl-3',4'-dihydro-1²*H*,1⁴*H*,2'*H*-10λ⁶-thia-11-azaspiro[1(5,7)-[1,5]benzoxazépina-3(1,2)-cyclobutanacyclododécaphan-5-ène-1³,1'-naphtalène]-10,10,12-trione
antinéoplasique

tapotoclax

(1³*S*,3¹*R*,3²*R*,4*S*,5*E*,8*S*,9*R*)-6'-cloro-4-metoxi-8,9-dimetil-3',4'-dihidro-1²*H*,1⁴*H*,2'*H*-10λ⁶-tia-11-azaspiro[1(5,7)-[1,5]benzoxazepina-3(1,2)-ciclobutanaciclododecafán-5-eno-1³,1'-naftaleno]-10,10,12-triona
antineoplásico

C₃₃H₄₁ClN₂O₅S

1883727-34-1



tebrocabtagenum autoleucelum #

tebrocabtagene autoleucel

autologous T cells, transduced with a replication incompetent Moloney murine leukemia virus (MoMLV) (a retrovirus) vector that encodes a chimeric antigen receptor (CAR) targeting human B-lymphocyte antigen CD19 (CD19 molecule, B-Lymphocyte Surface Antigen B4, T-Cell Surface Antigen Leu-12, CVID3).
cell therapy (antineoplastic)

tébrocabtagène autoleucel

lymphocytes T autologues transduits par un vecteur du virus de la leucémie murine de Moloney (MoMLV) (un retrovirus) incompetent pour la replication et codant pour un récepteur antigénique chimérique (CAR) dirigé contre l'antigène CD19 des lymphocytes B humains (molécule CD19, antigène de surface B4 des lymphocytes B, antigène de surface Leu-12 des lymphocytes T, CVID3).
thérapie cellulaire (antineoplasique)

tebrocabtagén autoleucel

linfocitos T autólogos transducidos con un vector del virus de la leucemia murina de Moloney (MoMLV) (un retrovirus) incompetente para replicación que codifica para un receptor de antígenos quimérico (CAR) dirigido al antígeno de linfocitos B humanos CD19 (molécula CD19, antígeno B4 de superficie de linfocitos B, antígeno de superficie de linfocitos T Leu-12, CVID3).
terapia celular (antineoplásico)

tilvestamabum #

tilvestamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* AXL (AXL receptor tyrosine kinase, tyrosine-protein kinase receptor UFO)], humanized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain humanized (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (76.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.7.12] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*03v G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-219')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (80.0%) -IGKJ2*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

tilvestamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* AXL (récepteur tyrosine kinase AXL, récepteur tyrosine-protéine kinase UFO)], anticorps monoclonal humanisé;

tilvestamab

chaîne lourde gamma1 humanisée (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (76.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.7.12] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*03v G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (80.0%) -IGKJ2*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112) -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa immunomodulateur, antinéoplasique

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* AXL (receptor tirosina kinasa AXL, receptor tirosina-proteína kinasa UFO)], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada gamma1 humanizada (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (76.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.7.12] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*03v G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (80.0%) -IGKJ2*01 (100%)) [11.3.9] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofoma alfa inmunomodulador, antineoplásico

2226775-26-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGYSTF DFYINWVRQA PGKLEWVAR 50
IFPGGDNTYY NEKFKGRFTL SADTSKSTAY LQMNLSRAED TAVYYCARRG 100
LYYAMDYWGQ GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEFVTVSWN SGALTSVGHV FPAVLQSSGL YSLSSVTVTP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKKVEPKS CDKTHTCPPC PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHR DPEVKFNWYV DGEVHNNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSREEMT KNQVSLTCLV KGFVPSDIAV EWESNGQFEN NYKTTTFFVLD 400
SDGSFPLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRSSQSLV HSNIGIFYLHW YQKPKGKAPK 50
LLIYRVSNRF SGVPSRFGSG GSGTDFTLTI SSLQPEDFAT YYCSQGTHTV 100
PTFQCGTKVE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVCLL LNNFYPREAK 150
VQWKKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSYSTL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNRRGEC 219

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426
22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
Intra-L (C23-C104) 23"-93" 139"-199"
23"-93" 139"-199"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-219" 221"-219"
Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
298, 298"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping:
H CHS K2:
448, 448"

tinlarebantum

tinlarebant

1-(3-{4-[3,4-difluoro-2-(trifluoromethyl)phenyl]piperidine-1-carbonyl}-1,4,5,7-tetrahydro-6H-pyrazolo[3,4-c]pyridin-6-yl)ethan-1-one
retinol binding protein-4 antagonist

tinlarébant

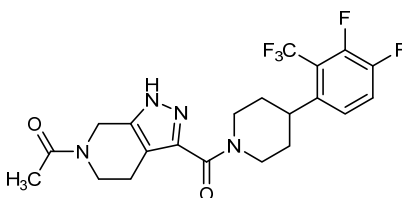
1-(3-{4-[3,4-difluoro-2-(trifluorométhyl)phényl]pipéridine-1-carbonyl}-1,4,5,7-tétrahydro-6H-pyrazolo[3,4-c]pyridin-6-yl)éthan-1-one
antagoniste de la protéine 4 se liant au rétinol

tinlarebant

1-(3-{4-[3,4-difluoro-2-(trifluorometil)fenil]piperidina-1-carbonil}-1,4,5,7-tetrahidro-6H-pirazolo[3,4-c]piridin-6-il)etan-1-ona
antagonista de la proteína 4 de unión a retinol

C₂₁H₂₁F₅N₄O₂

1821327-95-0

**tinurilimabum #**

tinurilimab

immunoglobulin G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* CEACAM6 (carcinoembryonic antigen related cell adhesion molecule 6, CD66c)], humanized monoclonal antibody;
gamma2 heavy chain *Homo sapiens* (1-443) [VH (*Homo sapiens*IGHV2-70*01 (92.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01(86.7%)) [10.7.10] (1-118) -*Homo sapiens*IGHG2*01 (CH1 (119-216), hinge 1-12 (217-228), CH2 (229-337), CH3 (338-442), CHS K2>del (443)) (119-443)], (132-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-9*01 (85.3%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
dimer (220-220":221-221":224-224":227-227")-tetrakisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

tinurilimab

immunoglobuline G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* CEACAM6 (molécule d'adhésion cellulaire 6 apparentée à l'antigène carcinoembryonnaire, CD66c)], anticorps monoclonal humanisé;

tinurilimab

chaîne lourde gamma2 *Homo sapiens* (1-443) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-70*01 (92.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01(86.7%)) [10.7.10] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (CH1 (119-216), charnière 1-12 (217-228), CH2 (229-337), CH3 (338-442), CHS K2>del (443)) (119-443)], (132-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-9*01 (85.3%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (220-220":221-221":224-224":227-227")-tétrakisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa immunomodulateur, antinéoplasique

immunoglobulina G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* CEACAM6 (molécula de adhesión celular 6 relacionada con el antígeno carcinoembrionario, CD66c)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma2 *Homo sapiens* (1-443) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-70*01 (92.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01(86.7%)) [10.7.10] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG2*01 (CH1 (119-216), bisagra 1-12 (217-228), CH2 (229-337), CH3 (338-442), CHS K2>del (443)) (119-443)], (132-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-9*01 (85.3%) -IGKJ4*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (220-220":221-221":224-224":227-227")-tetrakisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofoma alfa immunomodulador, antineoplásico

2226224-30-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada				
QVTLRESGPA	LVKPTQTLTL	TCFTSGFSL	TYGIGVGWIR	QPPGKALEWL 50
AHIWWDNKKY	YSTSLKTRLT	ISKDTSRKNQV	VLTMNMDPV	DTATYYCARI 100
SLPYFDYWGQ	GTTLTVSSAS	TGKPSVFPLA	PCSRSTSEST	AALGLVKRDY 150
FPEPVTWSWN	SGALTSGVHT	FPAVLQSSGL	YSLSSVVTVP	SSNFGTQTYT 200
CNVDHKPSNT	KVDKTVKRC	CVECPPCPA	PVAGPSVFLF	PPKPKDTLMI 250
SRTPEVTCVV	VDVSHEDPEV	QFNWYVDGVE	VHNAKTKPRE	EQNFSTFRVV 300
SVLTVVHQDW	LNGKEYKCKV	SNKGLPAPIE	KTISKTKGQP	REPQVYTLPP 350
SREEMTKNQV	SLTCLVKGFY	PSDIAVEWES	NGQPENNYKT	TPPMLSDSGS 400
FFLYSKLTVD	KSRWQQGNVF	SCSVMHEALS	NHYTQKSLSL	SPG 443
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera				
DIQLTQSPSF	LSASVGDRTV	ITCKASQNVG	TAVAWYQKQP	GKAPKLLIYS 50
ASNRYTGVP	RFSGSGSGTE	FTLTISLQPE	EDFATYYCQ	YSSYPLTFGG 100
GTRVEIKRTV	AAPSVFIFFP	SDEQLKSGTA	SVVCLLNIFY	PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ	ESVTEQDSKD	STYLSSTLT	LSKADYEKHK	VYACEVTHQG 200
LSPEVTKSFN	RGEC			214
Post-translational modifications				
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro				
Intra-H (C23-C104) 22"-97" 145"-201" 258"-318" 364"-422"				
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194" 23"-88" 134"-194"				
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 132"-214" 132"-214"				
Inter-H-H (h 4, h 5, h 8, h 11) 220-220" 221-221" 224-224" 227-227"				
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación				
HCH2 N84.4: 294, 294"				
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.				

toludesvenlafaxinum

toludesvenlafaxine

rac-4-[(1*R*)-2-(dimethylamino)-1-(1-hydroxycyclohexyl)ethyl]phenyl 4-methylbenzoate
antidepressant

toludesvenlafaxine

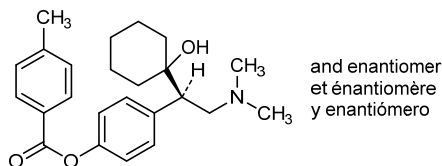
4-méthylbenzoate de *rac*-4-[(1*R*)-2-(diméthylamino)-1-(1-hydroxycyclohexyl)éthyl]phényle
antidépresseur

toludesvenlafaxina

4-metilbenzoato de *rac*-4-[(1*R*)-2-(dimetilamino)-1-(1-hidroxiciclohexil)etil]fenilo
antidepressivo

C₂₄H₃₁NO₃

916918-80-4

**tominersenum**

tominersen

all-P-ambo-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyluridyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)adenyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-*P*-thioguanyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)adenyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-*P*-thioadenyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidine
reduction of abnormal huntingtin synthesis

tominersen

tout-P-ambo-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)adényl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioguanyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadényl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadényl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadényl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-*P*-thiothymidyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadényl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-*P*-thiocytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)adényl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioadényl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidine
réduction de la synthèse de huntingtine anormale

tominersén

todo-P-ambo-2'-O-(2-metoxietil)-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metiluridilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)adenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioguanilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)adenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metilcitidina

reducción de la síntesis de huntingtina anormale

 $C_{230}H_{319}N_{74}O_{122}P_{19}S_{13}$

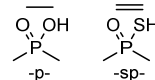
1709886-74-7

(3'-5') mC=mU-mC-A-G=d(T=A=A=mC=A=T=T=G=A=mC)=A-mC-mC-A=mC

Legend: A & G = 2'-O-(2-methoxyethyl)nucleotide

mC & mU = 2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylnucleotide

d(A, G & T) = 2'-deoxynucleotide



d(mC) = 2'-deoxy-5-methylcytidine

trazpirobenum

trazpiroben

3-[[1-cyclohexyl-4-oxo-8-(4-oxo-4-phenylbutyl)-1,3,8-triazaspiro[4.5]decan-3-yl]methyl]benzoic acid
prokinetic agent

trazpirobène

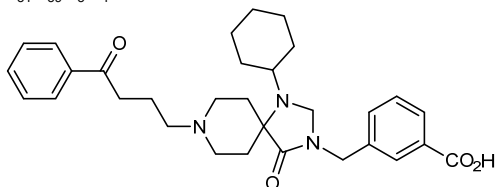
acide 3-[[1-cyclohexyl-4-oxo-8-(4-oxo-4-phénylbutyl)-1,3,8-triazaspiro[4.5]décan-3-yl]méthyl]benzoïque
accélérateur du transit intestinal

trazpirobén

ácido 3-[[1-ciclohexil-4-oxo-8-(4-oxo-4-fenilbutil)-1,3,8-triazaspiro[4.5]decan-3-il]metil]benzoico
estimulante de la motilidad intestinal

 $C_{31}H_{39}N_3O_4$

1352993-39-5



treprostiniilum palmitilum

treprostiniil palmitil

hexadecyl (((1*R*,2*R*,3*a*S,9*a*S)-2-hydroxy-1-[(3*S*)-3-hydroxyoctyl]-2,3,3*a*,4,9,9*a*-hexahydro-1*H*-cyclopenta[*b*]naphthalen-5-yl)oxy)acetate
vasodilator

tréprostinil palmitil

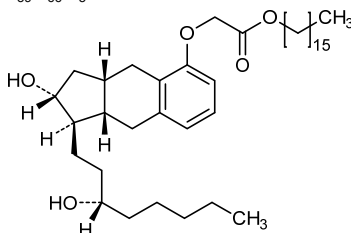
{{(1*R*,2*R*,3*aS*,9*aS*)-2-hydroxy-1-[(3*S*)-3-hydroxyoctyl]-2,3,3*a*,4,9,9*a*-hexahydro-1*H*-cyclopenta[*b*]naphtalén-5-yl}oxy)acétate de hexadécyle
vasodilatateur

treprostinil palmitilo

{{(1*R*,2*R*,3*aS*,9*aS*)-2-hidroxi-1-[(3*S*)-3-hidroxiocetil]-2,3,3*a*,4,9,9*a*-hexahidro-1*H*-ciclopenta[*b*]naftalen-5-il}oxi)acetato de hexadecilo
vasodilatador

C₃₉H₆₆O₅

1706528-83-7

**velsecoratum**

velsecorat

3-{5-[(1*R*,2*S*)-2-(2,2-difluoropropanamido)-1-(2,3-dihydro-1,4-benzodioxin-6-yl)propoxy]-1*H*-indazol-1-yl}-*N*-[(3*R*)-oxolan-3-yl]benzamide
glucocorticoid receptor agonist, anti-inflammatory

velsécorat

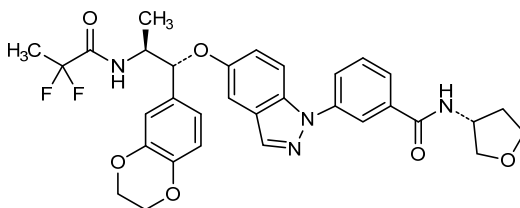
3-{5-[(1*R*,2*S*)-2-(2,2-difluoropropanamido)-1-(2,3-dihydro-1,4-benzodioxin-6-yl)propoxy]-1*H*-indazol-1-yl}-*N*-[(3*R*)-oxolan-3-yl]benzamide
agoniste des récepteurs glucocorticoïdes, anti-inflamatoire

velsecorat

3-{5-[(1*R*,2*S*)-2-(2,2-difluoropropanamido)-1-(2,3-dihydro-1,4-benzodioxin-6-il)propoxi]-1*H*-indazol-1-il}-*N*-[(3*R*)-oxolan-3-il]benzamida
agonista de los receptores glucocorticoides, antiinflamatorio

C₃₂H₃₂F₂N₄O₆

1196509-60-0

**veverimerum**

veverimer

poly[*N*¹,*N*²-di(prop-2-en-1-yl)ethane-1,2-diamine-co-*N*¹,*N*³-di(prop-2-en-1-yl)propane-1,3-diamine-co-prop-2-en-1-amine (≈ 2:2:5)], produced by crosslinking of poly[*N*¹,*N*³-di(prop-2-en-1-yl)propane-1,3-diamine)-co-prop-2-en-1-amine (≈ 2:9)] with 1,2-dichloroethane (2 mol) and neutralization
hydrochloric acid binding polymer

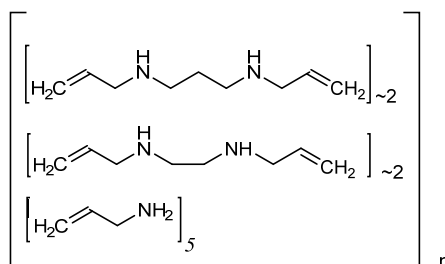
vévérimère

poly[N^1, N^2 -di(prop-2-én-1-yl)éthane-1,2-diamine-co- N^1, N^3 -di(prop-2-én-1-yl)propane-1,3-diamine-co-prop-2-én-1-amine ($\approx 2:2:5$)], produit par réticulation de poly[N^1, N^3 -di(prop-2-én-1-yl)propane-1,3-diamine)-co-prop-2-én-1-amine ($\approx 2:9$)] avec le 1,2-dichloroéthane (2 mol) et neutralisation
polymère liant l'acide chlorhydrique

vevérimero

poli[N^1, N^2 -di(prop-2-en-1-il)etano-1,2-diamina-co- N^1, N^3 -di(prop-2-en-1-il)propano-1,3-diamina-co-prop-2-en-1-amina ($\approx 2:2:5$)], producido por entrecruzamiento de poli[N^1, N^3 -di(prop-2-en-1-il)propano-1,3-diamina)-co-prop-2-en-1-amina ($\approx 2:9$)] con 1,2-dicloroetano (2 mol) y neutralización
polímero de unión al ácido clorhídrico

$[(C_3H_7N)_5(C_9H_{18}N_2)_2(C_8H_{16}N_2)_2]_n, n = \infty$ 2099678-27-8

**vibostolimabum #**

vibostolimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TIGIT (T-cell immunoreceptor with Ig domain and ITIM, V-set Ig member 9, VSIG9, V-set and transmembrane member 3, VSTM3)], humanized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain humanized (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*02 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%)) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-27*01 (85.3%) -IGKJ5*01 (91.7%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (228-231":228-231")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

vibostolimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TIGIT (immunorécepteur des lymphocytes T avec domaine Ig et ITIM, membre 9 de l'Ig V-set, VSIG9, membre 3 de l'Ig V-set et région transmembrane, VSTM3)], anticorps monoclonal humanisé;

vibostolimab

chaîne lourde gamma1 humanisée (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*02 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%)) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-27*01 (85.3%) -IGKJ5*01 (91.7%)) [6.3.9] (1'-107') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
dimère (228-231":228-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TIGIT (immunoreceptor de los linfocitos T con dominio Ig e ITIM, miembro 9 de la Ig V-set, VSIG9, miembro 3 de la Ig V-set y región transmembrana, VSTM3)], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada gamma1 humanizada (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*02 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%)) [8.8.12] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-27*01 (85.3%) -IGKJ5*01 (91.7%)) [6.3.9] (1'-107') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
dímero (228-231":228-231")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicoforma alfa
immunomodulador, antineoplásico

2231305-30-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada		
EVQLVQSGAE	VKKPGSSVKV	SCKASGYTFS SYVMHWVRQA PGQGLEWIGY 50
IDPYNDGAKY	AQKFKQGRVTL	TSDKSTSTAY MELSSLRSED TAVYICARGG 100
PYGWFYFDWG	QGTITVTSSA	STKGPSVFLP APSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTVSW	NSGALTSGVH	TTPAVLQSSG LYSLSVVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN	TKVDKKVEPK	SCDKTHTCPP CPAPELLGSP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTPE	VTCVVVDVSH	EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLTV	LHQDMLNGKE	YKCKVSNKAL PAPIETISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSRDEL	TKNQVSLTCL	VKGFPYSDIA VEWESNGQPE NNYKTTFPVL 400
DSGDSFFLYS	KLTVDKSRWQ	QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera		
DIQMTQSPSS	LSASVGRDRT	ITCRASEHIY SYLSWYQQKP GKVPKLLIYN 50
AKTLAEGVPS	RFGSGSGSTD	FTLTISLQFP EDVATYYCQH HFGSPLTFQG 100
GTRLEIKRTV	AAPSVFIFPP	SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ	ESVTEQDSKD	STYLSSTLT LSKADYERKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN	RGEC	
		214

Post-translational modifications				
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro				
Intra-H (C23-C104)	22-96	146-202	263-323	369-427
	22"-96"	146"-202"	263"-323"	369"-427"
Intra-L (C23-C104)	23'-88'	134'-194'		
	23"-88"	134"-194"		
Inter-H-L (h 5-CL 126)	222-214'	222"-214"		
Inter-H-H (h 11, h 14)	228-228"	231-231"		

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
299, 299"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping:
H CHS K2:
449, 449"

vupanorsenum

vupanorsen

*all-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis{[3-({6-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]hexyl)amino]-3-oxopropoxy}methyl)-1-hydroxy-1,10,14,21-tetraoxo-2,18-dioxo-9,15,22-triaza-1λ⁵-phosphaoctacosan-1-yl)-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)guanylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)adenylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)adenylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanlyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)adenosine
antihyperlipidaemic*

vupanorsen

*tout-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis{[3-({6-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]hexyl)amino]-3-oxopropoxy}méthyl)-1-hydroxy-1,10,14,21-tétraoxo-2,18-dioxa-9,15,22-triaza-1λ⁵-phosphaoctacosan-1-yl)-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)guanylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)adénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)adénylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)adénosine
antihyperlipidémiant*

vupanorsén

*todo-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]-16,16-bis{[3-({6-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]hexil)amino]-3-oxopropoxi}metil)-1-hidroxi-1,10,14,21-tetraoxo-2,18-dioxa-9,15,22-triaza-1λ⁵-fosfaoctacosan-1-il)-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)guanilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)adenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metilcitolilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)adenilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metiluridilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metilcitolilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)adenosina
antihiperlipémico*

C₂₉₆H₄₃₄N₈₆O₁₅₂P₂₀S₁₃

2097587-62-5

(3'-5') R1-G-G-A-C-A-d(T=T=G=C=A=G=T=A=A=)U-C-G-C=A

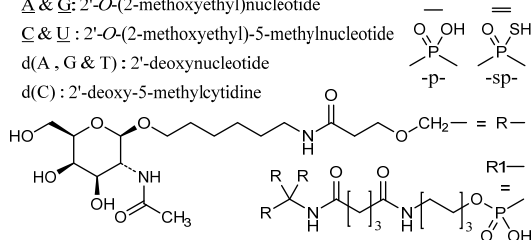
Legend:

A & G: 2'-O-(2-methoxyethyl)nucleotide

C & U: 2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylnucleotide

d(A, G & T): 2'-deoxynucleotide

d(C): 2'-deoxy-5-methylcytidine

**xiliertinibum**

xiliertinib

(3*aR*,6*aR*)-*N*-[4-(3-ethynylanilino)-7-methoxyquinazolin-6-yl]-1-methylhexahydropyrrolo[3,4-*b*]pyrrole-5(1*H*)-carboxamide*tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic*

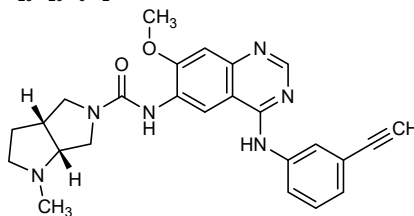
xiliertinib

(3*aR*,6*aR*)-*N*-[4-(3-éthynylanilino)-7-méthoxyquinazolin-6-yl]-1-méthylhexahydropyrrolo[3,4-*b*]pyrrole-5(1*H*)-carboxamide*inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique*

xiliertinib

(3*aR*,6*aR*)-*N*-[4-(3-etinilanilino)-7-metoxiquinazolin-6-il]-1-metilhexahidropirrol[3,4-*b*]pirrol-5(1*H*)-carboxamida*inhibidor de la tirosina quinasa, antineoplásico*C₂₅H₂₆N₆O₂

1353644-70-8

**zagotenemabum #**

zagotenemab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MAPT (microtubule-associated protein tau)], humanized monoclonal antibody;
 gamma4 heavy chain humanized (1-442) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%)) [8.8.9] (1-116)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (117-214), hinge 1-12 S10>P (224) (215-226), CH2 (227-336), CH3 (337-441), CHS K2>del (442)) (117-442)], (130-219)-disulfide with kappa light chain humanized (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (79.0%) -IGKJ4*01 (100%)) [9.4.11] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimer (222-222"-225-225")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO)-GS cell line, glycoform alfa immunomodulator (Alzheimer's disease)

zagoténémab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MAPT (protéine tau associée aux microtubules, tau)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma4 humanisée (1-442) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%)) [8.8.9] (1-116)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (117-214), charnière 1-12 S10>P (224) (215-226), CH2 (227-336), CH3 (337-441), CHS K2>del (442)) (117-442)], (130-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (79.0%) -IGKJ4*01 (100%)) [9.4.11] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dimère (222-222":225-225")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO) lignée cellulaire GS, glycoforme alfa
immunomodulateur (maladie d'Alzheimer)

zagotenemab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* MAPT (proteína tau asociada a los microtúbulos, tau)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma4 humanizada (1-442) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%)) [8.8.9] (1-116)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (117-214), bisagra 1-12 S10>P (224) (215-226), CH2 (227-336), CH3 (337-441), CHS K2>del (442)) (117-442)], (130-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (79.0%) -IGKJ4*01 (100%)) [9.4.11] (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')]; dímero (222-222":225-225")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO) línea celular GS, glicoforma alfa
inmunomodulador (enfermedad de Alzheimer)

2019133-28-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVQSGAE VKKPGESLKI SCRGSQGYTFS NYWIEWVRQM PGKGLEWMGE 50
ILPGSDSIKY EKNFKGQVTI SADKSISTAY LQWSSLKASD TAMYYCARRG 100
NYVDDWGGQT LVTSSASTK GPSVFELAPC SRSTSESTAA LGCLVKDYFP 150
EPVTVSWNSG ALTSVGHTEP AVLQSSGLYS LSSVVTVPSS SLGKTYTCN 200
VDHKPSTNKV DKRVESKYGP PCPPCPAPEA AGGPSVFLEP PKPKDTLMIS 250
RTPEVTCVVV DVSQEDPEVQ FNWYVDGVEV HNAKTKPREE QFNSTYRVVS 300
VLTVLHGDWL NGKEYKCKVS NKGLPSSIEK TISKAKQQR EPQVYTLPPS 350
QEEMTKQVS LTCLVKGYFP SDIAVENESN GQFENNYKTT PPVLDSDGSF 400
FLYSRLTVDK SRWQEGNVFS CSMHEALHN HYTKQSLSLG LG 442

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRSSQSLV HSNQNTYLHW YQKPGQAPR 50
LLIYKVDNRF SGIPDRFSGS GSGTDFTLTI SRLEPEDFAV YYCSQSTLVP 100
LTFGGGTVKE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCCL LNNEYFREAK 150
VQWFKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSITYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22°-96' 143°-199' 257°-317' 363°-421'
22°-96" 143°-199" 257°-317" 363°-421"
Intra-L (C23-C104) 23°-93' 139°-194'
23°-93" 139°-199"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 130°-219' 130°-219"
Inter-H-H (h 8, h 11) 222°-222" 225°-225"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
HCH2 N84.4:
293, 293"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

zanidatamabum #**zanidatamab**

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (epidermal growth factor receptor 2, receptor tyrosine protein kinase erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], humanized monoclonal antibody, biparatopic (targeting two different non-overlapping epitopes on ERBB2); gamma1 heavy chain humanized (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (78.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.12] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 T6>V (353), L7>Y (354), D12 (359), L14 (361), F85.1>A (408), Y86>V (410) (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-215')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (84.2%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; gamma1 heavy chain V-KAPPA-VH-CH2-CH3 humanized (1"-481") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1"-108") -20-mer linker (109"-128") -VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.13] (129"-248") -dialanyl (249"-250") -*Homo sapiens* IGHG1*01 (hinge 1-15, C5>S (255) (251-265), CH2 (266-375), CH3 T6>V (385), D12 (391), L14 (393), T22>L (401), K79>L (427), T81>W (429) (376-480), CHS K2>del (481)) (251"-481")]; dimer (229-261":232-264")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO), glycoform alfa immunomodulator, antineoplastic

zanidatamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (récepteur 2 du facteur de croissance épidermique, récepteur tyrosine-protéine kinase erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticorps monoclonal humanisé, biparatopique (ciblant deux épitopes différents non chevauchants sur ERBB2); chaîne lourde gamma1 humanisée (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (78.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.12] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1 (CH1 120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 T6>V (353), L7>Y (354), D12 (359), L14 (361), F85.1>A (408), Y86>V (410) (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (84.2%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; chaîne lourde gamma1 V-KAPPA-VH-CH2-CH3 humanisée (1"-481") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1"-108") -20-mer linker (109"-128") -VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.13] (129"-248") -dialanyl (249"-250") -*Homo sapiens* IGHG1*01 (charnière 1-15 C5>S (255) (251-265), CH2 (266-375), CH3 T6>V (385), D12 (391), L14 (393), T22>L (401), K79>L (427), T81>W (429) (376-480), CHS K2>del (481)) (251"-481")]; dimère (229-261":232-264")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), glycoforme alfa immunomodulateur, antinéoplasique

zanidatamab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (receptor 2 del factor de crecimiento epidérmico, receptor tirosina-proteína quinasa erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticuerpo monoclonal humanizado, biparatópico (cuya diana son dos epítomos diferentes no solapables en ERBB2);
cadena pesada gamma1 humanizada (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-66*01 (78.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.12] (1-120) -*Homo sapiens*IGHG1*01 G1m17,1 (CH1 120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 T6>V (353), L7>Y (354), D12 (359), L14 (361), F85.1>A (408), Y86>V (410) (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-16*01 (84.2%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')];
cadena pesada gamma1 V-KAPPA-VH-CH2-CH3 humanizada (1"-481") [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1"-108") -conector 20-mer (109"-128") -VH (*Homo sapiens*IGHV3-66*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.8.13] (129"-248") -dialanil (249"-250") -*Homo sapiens*IGHG1*01 (bisagra 1-15 C5>S (255) (251-265), CH2 (266-375), CH3 T6>V (385), D12 (391), L14 (393), T22>L (401), K79>L (427), T81>W (429) (376-480), CHS K2>del (481)) (251"-481")];
dímero (229-261":232-264")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), glicofoma alfa *immunomodulador, antineoplásico*

2169946-15-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

GEVQLVESGG	GLVQPGGSLR	LSCAASGFTF	ADYTMDWVRQ	APGKGLEWVG	50
DVNPNSGGSI	YNQRFKGRFT	FSVDRSKNTL	YLQMNSLRAE	DTAVYYCARN	100
LGPSFYFDYW	GQGTLTVTSS	ASTKGPSVF	LAPSSKSTSG	GTAALGCLVK	150
DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPVQLQSS	GLYSLSVVT	VPSSSLGTQT	200
YICNVNHHKS	NTKVDKKEVP	KSCDKTHTCP	PCPAPELLGG	PSVFLFPPKP	250
KDTLMSIRTP	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW	YVDGVEVHNA	KTKPREEQYN	300
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA	LPAPIEKTIS	KAKGQPREPQ	350
VYVYPPSRDE	LTKNQVSLTC	LVKGFYPDSI	AVEWESNGQP	ENNYKTTTPV	400
LDSDGSEFALV	SKLTVDKSRW	QQGNVFSCSV	MHEALHNHYT	QKSLSLSPG	449

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

GDIQMTQSPS	SLSASVGDVR	TITCRASQDV	NTAVAWYQQK	PGKAPKLLIY	50
SASFLYSGVP	SFRSGSGRGT	DFTLTISSLQ	PEDFATYYCQ	QHYTTPPTFG	100
QGTKVEIKGG	SGGSGGGSGG	GGSGGGSGEV	QLVESGGGLV	QPGGSLRLSC	150
AASGFNIKDT	YIHWRVQAPG	KGLEWVARIY	PTNGYTRYAD	SVKGRFTISA	200
DTSKNTAYLQ	MNSLRAEDTA	VYYCSRWGGD	GFYAMDYWGQ	GTLVTYSSAA	250
EPKSSDKTHT	CPPCPAPELL	GGPSVFLFPP	KPKDTLMISR	TPEVTCVVVD	300
VSHEDPEVKF	NWYVDGVEVH	NAKTKPREEQ	YNSTYRVVSV	LTVLHQDWLN	350
GKEYKCKVSN	KALPAPIEKT	ISKAKGQPRE	PQVYVLPSPR	DELTKNQVSL	400
LCLVKGFPYS	DIAVEWESNG	QPENNYLTWP	PVLDSGSEFF	LYSKLTVDKKS	450
RWQQGNVFSC	SVMHEALHNH	YTQKSLSLSP	G		481

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

GDIQMTQSPS	SLSASVGDVR	TITCRASQDV	SIGVAVYQQK	PGKAPKLLIY	50
SASYRYTGVP	SFRSGSGSGT	DFTLTISSLQ	PEDFATYYCQ	QYIYIPATFG	100
QGTKVEIKRT	VAAPSVFIFP	PSDEQLKSGT	ASVVCLLNPF	YPREAKVQWK	150
VDNALQSGNS	QESVTEQDSK	DSTYSLSSLT	TLISKADYEKH	KVYACEVTHQ	200
GLSSPVTKSF	NRGEC				215

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 23-97 147-203 264-324 370-428
24"-89" 150"-224" 296"-356" 402"-460"

Intra-L (C23-C104) 24'-89' 135'-195'

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-215'

Inter-H-H (h 11, h 14) 229-261" 232-264"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 332"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados

zelminemabum #

zelminemab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ADCYAP1R1 (adenylate cyclase-activating polypeptide (ADCYAP) type I receptor, pituitary adenylate cyclase-activating polypeptide (PACAP) type I receptor, PAC1, PAC1R)], monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain humanized (1-450) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 K120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 N84.4>G (300) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-5*01 (85.6%) -IGKJ3*02 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
 dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO) cell line, non-glycosylated
immunomodulator

zelminémab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ADCYAP1R1 (récepteur de type I du polypeptide activant l'adénylate cyclase (ADCYAP), récepteur de type I du polypeptide activant l'adénylate cyclase pituitaire (PACAP), PAC1, PAC1R)], anticorps monoclonal;
 chaîne lourde gamma1 humanisée (1-450) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 K120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 N84.4>G (300) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-5*01 (85.6%) -IGKJ3*02 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
 dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), non glycosylé
immunomodulateur

zelminemab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ADCYAP1R1 (receptor de tipo I de polipéptido activador de la adenilato ciclase (ADCYAP), receptor de tipo I de polipéptido activador de la adenilato ciclase pituitaria (PACAP), PAC1, PAC1R)], anticuerpo monoclonal;
 cadena pesada gamma1 humanizada (1-450) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 K120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 N84.4>G (300) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-5*01 (85.6%) -IGKJ3*02 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
 dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO), no glicosilado
inmunomodulador

2225850-33-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVESGAE VVKPGASVKV SKASGFTFS RFAMHWVRQA PGQGLEWMGV 50
ISYDGGNKYY AESVKGRVTM TRDTSTSTLY MELSSLRSED TAVYYCARGY 100
DVLGTGYPDW GQGTLTVTSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSVVV VPSSSLGTQT 200
YICNVNHPKS NTKVDKKVEP KSCDKHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTF EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYG 300
STYRVVSVLT VLVHQQWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
LDSGGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQLTQSPSF LSASVGRVIT ITCRASQSIG RSLHWYQQKP GKAPKLLIKY 50
ASQSLSGVPS RFGSGSGSTE FTLTISLQP EDFATYYCHQ SSRLPPTFGP 100
GTRVDIKRTV AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEHKK VYACEVTHQG 200
LSPFVTKSFN RGE 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126)* 223-214" 223"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14)* 229-229" 232-232"
N-terminal glutamine cyclization to pyroglutamate (pE, 5-oxoproline)
H V H Q I:
I, I"

No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación:
HCH2 N84,4>G:
300,300"

C-terminal lysine clipping:
HCHS K2:
450,450"

zelquistinelum
zelquistinel

tert-butyl (4*S*)-2-[(2*S*,3*R*)-1-amino-3-hydroxy-1-oxobutan-2-yl]-1-oxo-2,5-diazaspiro[3.4]octane-5-carboxylate
N-methyl-*D*-aspartate (NMDA) receptor partial agonist

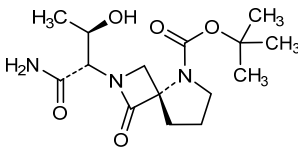
zelquistinel

(4*S*)-2-[(2*S*,3*R*)-1-amino-3-hydroxy-1-oxobutan-2-yl]-1-oxo-2,5-diazaspiro[3.4]octane-5-carboxylate de *tert*-butyle
agoniste partiel des récepteurs du NMDA

zelquistinel

(4*S*)-2-[(2*S*,3*R*)-1-amino-3-hidroxi-1-oxobutan-2-il]-1-oxo-2,5-diazaspiro[3.4]octano-5-carboxilato de *terc*-butilo
agonista parcial del receptor de NMDA

C₁₅H₂₅N₃O₅ 2151842-64-5



zildistrogenum varoparvovecum #
zildistrogene varoparvovec

A recombinant non-replicating adeno-associated virus type 2/9 (rAAV Rep2-Cap9) vector, encoding human microdystrophin 5 (h-μD5) under control of CK8 muscle creatine kinase promoter and enhancer elements
gene therapy (Duchenne muscular dystrophy)

zildistrogène varoparovec	vecteur viral adéno-associé de type 2/9 recombinant non-répliquant (rAAV Rep2-Cap9) codant pour la microdystrophine 5 humaine (h-mD5) sous le contrôle de l'activateur/promoteur de la créatine kinase musculaire CK8 <i>thérapie génique (dystrophie musculaire de Duchenne)</i>
zildistrogén varoparovec	Un vector de virus adenoasociado recombinante no replicativo del tipo 2/9 (rAAV Rep2-Cap9), que codifica para la microdistrofina 5 humana (h-mD5) bajo el control del promotor y elementos potenciadores (enhancer) de la creatina quinasa CK8 de músculo. <i>terapia génica (distrofia muscular de Duchenne)</i>
2220231-04-7	
ziltivekimabum # ziltivekimab	immunoglobulin G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> IL6 (interleukin 6, IL-6)], monoclonal antibody; gamma1 heavy chain humanized (1-450) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-66*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (90.9%)) [8.8.13] (1-120) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*03 G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 M15.1>Y (255), S16>T (257), T18>E (259) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-213')-disulfide with kappa light chain <i>Homo sapiens</i> (1'-213') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-5*03 (96.7%) -IGKJ2*03 (100%)) [6.3.8] (1'-106') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO)-GS cell line, glycoform alfa <i>immunomodulator</i>
ziltivékimab	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> IL6 (interleukine 6, IL-6)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 humanisée (1-450) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-66*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (90.9%)) [8.8.13] (1-120) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*03 G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 M15.1>Y (255), S16>T (257), T18>E (259) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-213')-disulfure avec la chaîne légère kappa <i>Homo sapiens</i> (1'-213') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-5*03 (96.7%) -IGKJ2*03 (100%)) [6.3.8] (1'-106') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO) lignée cellulaire GS, glycoforme alfa <i>immunomodulateur</i>
ziltivekimab	immunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> IL6 (interleukina 6, IL-6)], anticuerpo monoclonal;

cadena pesada gamma1 humanizada (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (88.8%) -(IGHD) - IGHJ1*01 (90.9%)) [8.8.13] (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 M15.1>Y (255), S16>T (257), T18>E (259) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*03 (96.7%) -IGKJ2*03 (100%)) [6.3.8] (1'-106') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamsters chinos (CHO) línea celular GS, glicoforma alfa *immunomodulador*

2226654-05-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada	
EVQLVESGGG	LVQPGGSLRL SCAASGFTIS SNYMIWVRQA PGKGLEWVSD 50
LYYYAGDTYY	ADSVKGRFTM SRDISKNTVY LQMNSLRAED TAVYYCARNA 100
DDHPFWIDLW	GRGTLVTVSS ASTKGPSVFV LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS	WNSGALTSKV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS	NTKVDKRVLP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLYITREP	EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE	MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
LDSDGSFFLY	SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera	
DIQMTQSPST	LSASVGDRTV ITCRASQGIS SWLAWYQQKP GKAPKVLIIK 50
ASTLESQVPS	RFSGSGSGTE FTLTISSLQP DDFATYYCQQ SWLGSGFQQG 100
TKLEIKRTVA	APSVFIFPPS DEQLKSGTAS VVCLLNNFYP REAKVQWKVD 150
NALQSGNSQE	SVTEQDSKDS TYSLSSLTTL SKADYEKKHK YACEVTHQGL 200
SSPVTKSFNR	GEC 213
Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-H (C23-C104)	22-96 147'-203" 264"-324 370"-428"
	22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
Intra-L (C23-C104)	23"-88" 133"-193"
	23"-88" 133"-193"
Inter-H-L (h 5-CL 126)	223'-213" 223"-213"
Inter-H-H (h 11, h 14)	229-229" 232-232"
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación	
H CH2 N84.4:	
300, 300'	
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.	

zorifertinibum
zorifertinib

4-(3-chloro-2-fluoroanilino)-7-methoxyquinazolin-6-yl
(2*R*)-2,4-dimethylpiperazine-1-carboxylate
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

zorifertinib

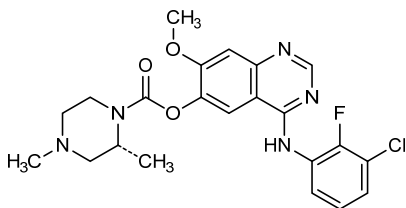
(2*R*)-2,4-diméthylpipérazine-1-carboxylate de 4-(3-chloro-2-fluoroanilino)-7-méthoxyquinazolin-6-yle
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

zorifertinib

(2*R*)-2,4-dimetilpiperazina-1-carboxilato de 4-(3-cloro-2-fluoroanilino)-7-metoxiquinazolin-6-ilo
inhibidor de la tirosina quinasa, antineoplásico

$C_{22}H_{23}ClFN_5O_3$

1626387-80-1



Electronic structure available on Mednet: <http://mednet.who.int/>

Structure électronique disponible sur Mednet: <http://mednet.who.int/>

Estructura electrónica disponible en Mednet: <http://mednet.who.int/>

* <http://www.who.int/medicines/services/inn/publication/en/>

Names for Radicals and Groups

Some substances for which a proposed international nonproprietary name has been established may be used in the form of salts or esters. The radicals or groups involved may be of complex composition and it is then inconvenient to refer to them in a systematic chemical nomenclature. Consequently, shorter nonproprietary names for some radicals and groups have been devised or selected, and they are suggested for use with the proposed international nonproprietary names.

Dénominations applicables aux radicaux et groupes

Certaines substances pour lesquelles une dénomination commune internationale proposée a été établie sont parfois utilisées sous forme de sels ou d'esters. Les radicaux ou groupes correspondants sont alors quelques fois si complexes qu'il est malcommode de les désigner conformément à la nomenclature chimique systématique. Des dénominations communes abrégées ont donc été formées ou choisies pour certains d'entre eux et il est suggéré de les employer avec les dénominations communes internationales proposées.

Denominaciones para Radicales y Grupos

Ciertas sustancias para las cuales hay establecidas una denominación común internacional pueden usarse en forma de sales o de ésteres. Los radicales o grupos correspondientes pueden llegar a tener una composición tan compleja que resulte incómodo referirse a ellos mediante la nomenclatura química sistemática. Las siguientes denominaciones comunes abreviadas han sido ideadas o elegidas para algunos de estos radicales y grupos y se sugiere que se empleen con las denominaciones comunes internacionales propuestas

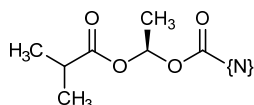
arenacarbilum

arenacarbil $\{(1R)-1-[(2\text{-methylpropanoyl})\text{oxy}]\text{ethoxy}\}\text{carbonyl}$

aréncarbil $\{(1R)-1-[(2\text{-méthylpropanoyl})\text{oxy}]\text{éthoxy}\}\text{carbonyle}$

arenacarbil $\{(1R)-1-[(2\text{-metilpropanoil})\text{oxi}]\text{etoxi}\}\text{carbonilo}$

$C_7H_{11}O_4$



clezutocilaxum

clezutocilax

$(2RS)-1-(((19S,22S,26^3S,26^5S)-16^2-(2,6\text{-anhydro-}7,8\text{-dideoxy-L-glycero-L-gulo-oct-8-ylonic acid})-5^6\text{-carboxy-}12-[(3S)-3,4\text{-dihydroxybutyl}]-6^5,8^5,8^7,19\text{-tetramethyl-}3,13,18,21,24,26^2\text{-hexaoxo-}22\text{-}(\text{propan-}2\text{-yl})-26^5\text{-}[(2\text{-sulfoethoxy})\text{methyl}]-4^3,4^4\text{-dihydro-}4^1H\text{-}9,14\text{-dioxo-}2,12,17,20,23\text{-pentaaza-}4(8,2)\text{-isoquinolina-}1(2)\text{-} [1,3]\text{benzothiazola-}5(2,5)\text{-pyridina-}6(4,1)\text{-pyrazola-}26(1)\text{-pyrrolidina-}8(1,3)\text{-adamantana-}16(1,4)\text{-benzenahexacosaphan-}26^3\text{-yl}\}\text{amino})\text{-}3\text{-carboxy-}1\text{-oxopropan-}2\text{-yl and } (1RS)\text{-}3-(((19S,22S,26^3S,26^5S)\text{-} \dots \text{hexacosaphan-}26^3\text{-yl})\text{amino})\text{-}1\text{-carboxy-}3\text{-oxopropyl}$

clézutoclaix

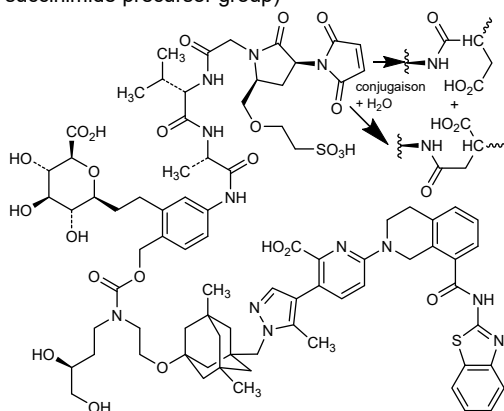
(2*RS*)-1-(((19*S*,22*S*,26³*S*,26⁵*S*)-16²-(acide 2,6-anhydro-7,8-didésoxy-L-*glycéro*-L-*gulo*-oct-8-ylonique)-5⁶-carboxy-12-[(3*S*)-3,4-dihydroxybutyl]-6⁵,8⁵,8⁷,19-tétraméthyl-3,13,18,21,24,26²-hexaoxo-22-(propan-2-yl)-26⁵-[(2-sulfoéthoxy)méthyl]-4³,4⁴-dihydro-4¹-*H*-9,14-dioxa-2,12,17,20,23-pentaaza-4(8,2)-isoquinolina-1(2)-[1,3]benzothiazola-5(2,5)-pyridina-6(4,1)-pyrazola-26(1)-pyrrolidina-8(1,3)-adamantana-16(1,4)-benzénahexacosaphan-26³-yl)amino)-3-carboxy-1-oxopropan-2-yle et (1*RS*)-3-(((19*S*,22*S*,26³*S*,26⁵*S*)-...hexacosaphan-26³-yl)amino)-1-carboxy-3-oxopropyle

clezutoclaix

(2*RS*)-1-(((19*S*,22*S*,26³*S*,26⁵*S*)-16²-(ácido 2,6-anhidro-7,8-didesoxy-L-*glicero*-L-*gulo*-oct-8-ilónico)-5⁶-carboxi-12-[(3*S*)-3,4-dihidroxitil]-6⁵,8⁵,8⁷,19-tetrametil-3,13,18,21,24,26²-hexaoxo-22-(propan-2-il)-26⁵-[(2-sulfoetoxi)metil]-4³,4⁴-dihidro-4¹-*H*-9,14-dioxa-2,12,17,20,23-pentaaza-4(8,2)-isoquinolina-1(2)-[1,3]benzotiazola-5(2,5)-piridina-6(4,1)-pirazola-26(1)-pirrolidina-8(1,3)-adamantana-16(1,4)-bencenahexacosafan-26³-il)amino)-3-carboxi-1-oxopropan-2-ilo y (1*RS*)-3-(((19*S*,22*S*,26³*S*,26⁵*S*)-...hexacosafan-26³-il)amino)-1-carboxi-3-oxopropilo

C₈₃H₁₀₃N₁₂O₂₄S₂ (for the succinimide precursor group)

1949843-71-3 (for the reagent)



corixetanium

corixetan

4-{4-[3-{bis[2-(3-hydroxy-1-méthyl-2-oxo-1,2-dihydropyridine-4-carboxamido)éthyl]amino}-2-({bis[2-(3-hydroxy-1-méthyl-2-oxo-1,2-dihydropyridine-4-carboxamido)éthyl]amino)méthyl]propyl]anilino)-4-oxobutanoyl

corixétan

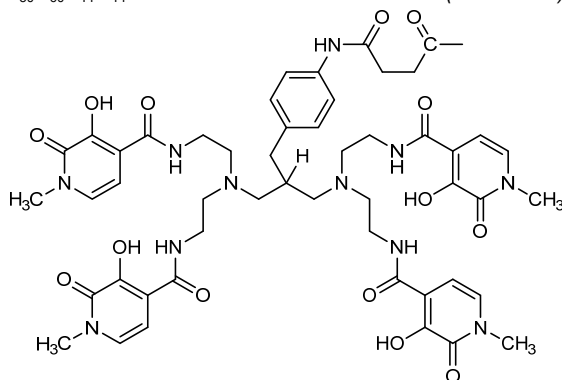
4-{4-[3-{bis[2-(3-hydroxy-1-méthyl-2-oxo-1,2-dihydropyridine-4-carboxamido)éthyl]amino}-2-({bis[2-(3-hydroxy-1-méthyl-2-oxo-1,2-dihydropyridine-4-carboxamido)éthyl]amino)méthyl]propyl]anilino)-4-oxobutanoyle

corixetán

4-{4-[3-{bis[2-(3-hidroxi-1-metil-2-oxo-1,2-dihidropiridina-4-carboxamido)etil]amino}-2-({bis[2-(3-hidroxi-1-metil-2-oxo-1,2-dihidropiridina-4-carboxamido)etil]amino)metil]propil]anilino)-4-oxobutanoilo

$C_{50}H_{60}N_{11}O_{14}$

1952359-26-0 (for the acid)

**deruxtecane**

deruxtecane

(3*RS*)-1-[(10*S*)-10-benzyl-1-[[[(1*S*,9*S*)-9-ethyl-5-fluoro-9-hydroxy-4-methyl-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolin-1-yl]amino]-1,6,9,12,15,18-hexaoxo-3-oxa-5,8,11,14,17-pentaazatricosan-23-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl

déruxtécane

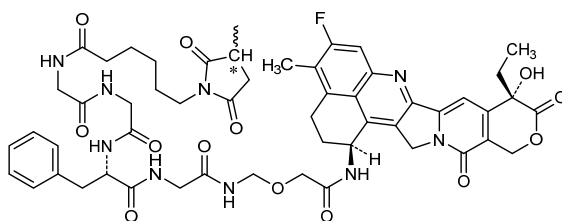
(3*RS*)-1-[(10*S*)-10-benzyl-1-[[[(1*S*,9*S*)-9-éthyl-5-fluoro-9-hydroxy-4-méthyl-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolin-1-yl]amino]-1,6,9,12,15,18-hexaoxo-3-oxa-5,8,11,14,17-pentaazatricosan-23-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle

deruxtecán

(3*RS*)-1-[(10*S*)-10-bencil-1-[[[(1*S*,9*S*)-9-etil-5-fluoro-9-hidroxi-4-metil-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahidro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pirano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolin-1-il]amino]-1,6,9,12,15,18-hexaoxo-3-oxa-5,8,11,14,17-pentaazatricosan-23-il]-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo

 $C_{52}H_{57}FN_9O_{13}$

1599440-13-7 (reagent)

**palmitilum**

palmitil

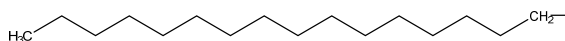
hexadecyl

palmitil

héxadécyle

palmitil

hexadecilo

 $C_{16}H_{33}$ 

**AMENDMENTS TO PREVIOUS LISTS
MODIFICATIONS APPORTÉES AUX LISTES ANTÉRIEURES
MODIFICACIONES A LAS LISTAS ANTERIORES**

**Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 25
(Crónica de la OMS, Vol. 25, No. 3, 1971)**

p. 131	<i>suprimáse</i> fluocinónido	<i>insertese</i> fluocinonida
--------	----------------------------------	----------------------------------

**Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 28
(Crónica de la OMS, Vol. 26, No. 9, 1972)**

p. 5	<i>suprimáse</i> cicortónido	<i>insertese</i> cicortonida
------	---------------------------------	---------------------------------

**Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 33
(Crónica de la OMS, Vol. 29, No. 3, 1975)**

p. 3	<i>suprimáse</i> amcinónido	<i>insertese</i> amcinonida
------	--------------------------------	--------------------------------

**Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 37
(Crónica de la OMS, Vol. 31, No. 3, 1976)**

p. 5	<i>suprimáse</i> budesónido	<i>insertese</i> budesonida
------	--------------------------------	--------------------------------

**Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 95
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 95
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 95
(WHO Drug Information, Vol. 20, No. 2, 2006)**

p. 132	imisopasemum manganum	
-133	imisopasem manganese imisopasem manganèse imisopasem manganeso	<i>replace the chemical name by the following remplacer le nom chimique par le suivant sustitúyase el nombre químico por el siguiente</i>

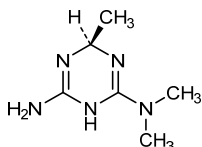
(PBPY-7-11-2344'3')-dichlorido[(1¹R,1²R,7¹R,7²R)-2,6,8,11-tetraaza-4(2,6)-pyridina-1,7(1,2)-dicyclohexanacycloundecaphane-κ⁵N²,N^{1,4},N⁶,N⁸,N¹¹]manganese

(PBPY-7-11-2344'3')-dichlorido[(1¹R,1²R,7¹R,7²R)-2,6,8,11-tetraaza-4(2,6)-pyridina-1,7(1,2)-dicyclohexanacycloundécaphane-κ⁵N²,N^{1,4},N⁶,N⁸,N¹¹]manganèse

(PBPY-7-11-2344'3')-diclorido[(1¹R,1²R,7¹R,7²R)-2,6,8,11-tetraaza-4(2,6)-piridina-1,7(1,2)-díciclohexanacicloundecafano-κ⁵N²,N^{1,4},N⁶,N⁸,N¹¹]manganeso

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 98**Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 98****Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 98****(WHO Drug Information, Vol. 21, No. 4, 2007)****p. 336 imegliminum**

imeglimin *replace the chemical name and the structure by the following ones*
 iméglimine *remplacer le nom chimique et la structure par les suivants*
 imeglimina *sustitúyase el nombre químico y la estructura por los siguientes*

(6*R*)-*N*²,*N*²,6-trimethyl-3,6-dihydro-1,3,5-triazine-2,4-diamine(6*R*)-*N*²,*N*²,6-triméthyl-3,6-dihydro-1,3,5-triazine-2,4-diamine(6*R*)-*N*²,*N*²,6-trimetil-3,6-dihidro-1,3,5-triazina-2,4-diamina**Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 99****Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 99****Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 99****(WHO Drug Information, Vol. 22, No. 2, 2008)****p. 133***suprimáse*
derquantel*insertese*
dercuantel**Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 104****Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 104****Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 104****(WHO Drug Information, Vol. 24, No. 4, 2010)****p. 394 solithromycin**

solithromycin *replace the chemical name by the following one*
 solithromycine *remplacer le nom chimique par le suivant*
 solitromicina *sustitúyase el nombre químico por el siguiente*

(3*aS*,4*R*,7*S*,9*R*,10*R*,11*R*,13*R*,15*R*,15*aR*)-1-{4-[4-(3-aminophenyl)-1*H*-1,2,3-triazol-1-yl]butyl}-4-ethyl-7-fluoro-11-methoxy-3*a*,7,9,11,13,15-hexamethyl-10-[[3,4,6-trideoxy-3-(dimethylamino)-β-*D*-xylo-hexopyranosyl]oxy]octahydro-2*H*-[1]oxacyclotetradecino[4,3-*d*][1,3]oxazole-2,6,8,14(1*H*,7*H*,9*H*)-tetrone

(3*aS*,4*R*,7*S*,9*R*,10*R*,11*R*,13*R*,15*R*,15*aR*)-1-{4-[4-(3-aminophényl)-1*H*-1,2,3-triazol-1-yl]butyl}-4-éthyl-7-fluoro-11-méthoxy-3*a*,7,9,11,13,15-hexaméthyl-10-[[3,4,6-tridésoxy-3-(diméthylamino)-β-*D*-xylo-hexopyranosyl]oxy]octahydro-2*H*-[1]oxacyclotétradécino[4,3-*d*]oxazole-2,6,8,14(1*H*,7*H*,9*H*)-tétrone

(3*aS*,4*R*,7*S*,9*R*,10*R*,11*R*,13*R*,15*R*,15*aR*)-1-{4-[4-(3-aminofenil)-1*H*-1,2,3-triazol-1-il]butil}-4-etil-7-fluoro-3*a*,7,9,11,13,15-hexametil-11-metoxi-10-[[3,4,6-tridesoxi-3-(dimetilamino)-β-*D*-xilo-hexopiranosil]oxi]octahidro-2*H*-[1]oxaciclótetradecino[4,3-*d*][1,3]oxazol-2,6,8,14(1*H*,7*H*,9*H*)-tetrona

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 117
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 117
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 117
(WHO Drug Information, Vol. 31, No. 2, 2017)

- p. 246 **arfolitixorinum**
arfolitixorin *replace the CAS RN by the following*
arfolitixorine *remplacer le numéro de registre du CAS par le suivant*
arfolitixorina *sustitúyase el número de registro del CAS por el siguiente*

31690-11-6

- p. 249- **avalglucosidasum alfa #**
250 avalglucosidase alfa *replace the description by the following one*
avalglucosidase alfa *remplacer la description par la suivante*
avalglucosidasa alfa *sustitúyase la descripción por la siguiente*

modified human acid α -glucosidase produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa, conjugated to a synthetic branched hexasaccharide containing two terminal mannose-6-phosphate (M6P), via aminoxy linkers; prepro-lysosomal α -glucosidase (EC=3.2.1.20) (human) (57-952)-peptide, natural [Arg¹⁴³,His¹⁶⁷,Ile⁷²⁴] variant, expressed in CHO cells, glycoform alfa, with 5~9 sialyl end groups of glycan residues being oxidized and chemically modified to 5-acetamido-3,5,7-trideoxy-7-[(E)-(2-oxo-2-{2-[4-({O-(6-O-phosphono- α -D-mannopyranosyl)-(1 $\rightarrow$ 2)-O- α -D-mannopyranosyl-(1 $\rightarrow$ 6)-O- α -D-mannopyranosyl-(1 $\rightarrow$ 6)-O-[O-(6-O-phosphono- α -D-mannopyranosyl)-(1 $\rightarrow$ 2)-O- α -D-mannopyranosyl-(1 $\rightarrow$ 3)]- β -D-mannopyranosyl]oxy)butanoyl]hydrazinyl]ethoxy]imino]- β -L-arabino-2-heptulo-2,6-pyranosylonic acid groups

α -glucosidase acide humaine modifiée, produite dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa, liée à un hexasaccharide de synthèse dont les résidus terminaux sont deux mannose-6-phosphates via un groupe aminoxy; prépro- α -glucosidase lysosomale (EC=3.2.1.20) (humaine) (57-952)-peptide, variant naturel [Arg¹⁴³,His¹⁶⁷,Ile⁷²⁴], exprimé dans des cellules CHO, glycoforme alfa: 5~9 résidus sialyl terminaux sont oxydés et chimiquement modifiés en acide 5-acétamido-3,5,7-tridésoxy-7-[(E)-(2-oxo-2-{2-[4-({O-(6-O-phosphono- α -D-mannopyranosyl)-(1 $\rightarrow$ 2)-O- α -D-mannopyranosyl-(1 $\rightarrow$ 6)-O- α -D-mannopyranosyl-(1 $\rightarrow$ 6)-O-[O-(6-O-phosphono- α -D-mannopyranosyl)-(1 $\rightarrow$ 2)-O- α -D-mannopyranosyl-(1 $\rightarrow$ 3)]- β -D-mannopyranosyl]oxy)butanoyl]hydrazinyl]éthoxy]imino]- β -L-arabino-2-heptulo-2,6-pyranosylonique

α -glucosidasa ácida humana modificada, producida en las células ováricas de hamster chino (CHO), glicofoma alfa, conjugada con un glicano hexasacárido sintético que contiene dos manosa-6-fosfatos (M6Ps) terminales, vía un grupo aminoxi; prepro- α -glucosidasa lisosomal (EC=3.2.1.20) (humana) (57-952)-péptido, variante natural [Arg¹⁴³,His¹⁶⁷,Ile⁷²⁴], expresada en las células CHO, glicofoma alfa, con los 5~9 restos sialil terminales están oxidados y químicamente modificados en ácido 5-acetamido-3,5,7-tridesoxi-7-[(E)-(2-oxo-2-{2-[4-({O-(6-O-fosfono- α -D-manopiranosil)-(1 $\rightarrow$ 2)-O- α -D-manopiranosil-(1 $\rightarrow$ 6)-O- α -D-manopiranosil-(1 $\rightarrow$ 6)-O-[O-(6-O-fosfono- α -D-manopiranosil)-(1 $\rightarrow$ 2)-O- α -D-manopiranosil-(1 $\rightarrow$ 3)]- β -D-manopiranosil]oxi)butanoyl]hidrazinil]etoxi]imino]- β -L-arabino-2-heptulo-2,6-piranosilónico

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 119
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 119
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 119
(WHO Drug Information, Vol. 32, No. 2, 2018)

p. 290- **avoplacelum**
291 avoplacel *replace the description by the following one*
avoplacel *remplacer la description par la suivante*
avoplacel *sustitúyase la descripción por la siguiente*

human culture expanded allogenic mesenchymal-like adherent stromal cells for cell-based therapy. Cells are of fetal origin and derived from placenta of healthy donors following a cesarean section. Cells express cell surface markers CD29, CD73, and CD105 and secrete the factors IL-6, IL-8 and MCP-1.

cellules stromales semblables au mésenchyme, humaines, allogéniques, adhérentes, en culture d'expansion, pour thérapie cellulaire. Les cellules sont d'origine fœtale et dérivent du placenta de donneuses en bonne santé, à la suite d'une césarienne. Les cellules expriment les marqueurs de surface CD29, CD73 et CD105 et sécrètent les facteurs IL-6, IL-8 et MCP-1.

células similares a mesenquimales, estromales, alogénicas, humanas, adherentes, expandidas en cultivo para terapia celular. Las células son de origen fetal y derivadas de placentas de donantes sanas tras una cesárea. Las células expresan los marcadores de superficie CD29, CD73 y CD105, y secretan los factores IL-6, IL-8 y MCP-1.

p.295 **bintrafuspum alfa #**
bintrafusp alfa *replace the structure by the following one*
bintrafusp alfa *remplacer la structure par la suivante*
bintrafusp alfa *sustitúyase la estructura por la siguiente*

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYIMMWVRQA PGKGLEWVSS 50
IYPSGGITFY ADTVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARIK 100
LGTVTVDYDW GQGITLVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHNKPS NTKVDKRVPE KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPFK 250
KDTLMISRTPEVTCVVVDVS HEDPEVKENW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTI S KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTRNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
LDSGSGFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGA 450
GGGSGGGGGS GGGSGGGGGS GIPPHVQKSV NNDMIVTDNN GAVKFPQLCK 500
FCDVRFSTCD NQKSCMSNCS ITSICEKPE VCVAVWRKND ENITLETVCH 550
DPKLPYHDFI LEDAASPKCI MKEKKKPGET FFMVCSRSSD CNDNLIIFSEE 600
YNTSNPD 607

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
QSALTQPASV SGSPGQSITI SCTGTSSDVG GYNYVSWYQQ HPGKAPKLM 50
YDVSNRPSGV SNRFGSKSG NTASLTISGL QAEDADYYC SSYTSSSTRV 100
FGTGTKVTVL GQPKANPTVT LFPPSSEELQ ANKATLVCLI SDFYPGAVTV 150
AWKADGSPVK AGVETTKPSK QSNNKYAASS YLSLTPEQWK SHRSYSCQVT 200
HEGSTVEPTV APTECS 216

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H: 22-96 147-203 264-324 370-428
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
Intra-H (TGFR-2) 499-532 502-519 509-515 525-549 569-584 586-591
499"-532" 502"-519" 509"-515" 525"-549" 569"-584" 586"-591"
Intra-L: 22-90" 138"-197"
22"-90" 138"-197"
Inter-H-L: 223-215" 223"-215"
Inter-H-H: 229-229" 232-232"

Glycosylation sites (N) / Sites de glycosylation (N) / Posiciones de glicosilación (N)
H CH2: Asn-300
TGFR-2: Asn-518, Asn-542, Asn-602

p.301

cintirorgonum

cintirorgon

cintirorgon

cintirorgón

*replace the CAS RN by the following one**remplacer le numéro de registre du CAS par le suivant**sustitúyase el número de registro del CAS por el siguiente*

2055536-64-4

p. 307

dilpacimabum #

dilpacimab

dilpacimab

dilpacimab

*replace the structure by the following one**remplacer la structure par la suivante**sustitúyase la estructura por la siguiente***Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada**

```

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS NFPMAWVRQA PGKGLEWVAT 50
ISSSDGTTYI RDSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TAVYYCARGY 100
YNSPFAYWGQ GTLVTVSSAS TKGPEVQLVE SGGGLVQPGG SLRLSCAASG 150
YTFTNYGMNW VRQAPGKGLE WVGWINTYTG EPTYAADFKR RFTFSLDTSK 200
STAYLQMNSL RAEDTAVYYC AKYPHYYGSS HWYFDVWVGQ TLVTVSSAST 250
KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF PEPVTVSWNS GALTSGVHTF 300
PAVLQSSGLY SLSSVVTVP SSLGTQTYIC NVNHKPSNTK VDKKVEPKSC 350
DKTHTCPPCP APEAAGGPSV FLFPKPCKDT LMISRTPEVT CVVVDVSHED 400
PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQYNSTY RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK 450
CKVSNKALPA PIEKTISKAK GQPREPQVYT LPPSREEMTK NQVSLTCLVK 500
GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPVLDS DGSFFLYSKL TVDKSRWQGG 550
NVFSCSVMEH ALHNHYTQKS LSLSPGK 577

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASEDIY SNLAWYQQKP GKAPKLLIYD 50
TNNLADGVPS RFGSGSGSTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ YNNYPPTFGQ 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCSASQDIS 150
NYLWNWYQQK GKAPKVLIIY TSSLHSGVPS RFGSGSGSTD FTLTISSLQP 200
EDFATYYCQQ YSTVPWTFGQ GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA 250
SVVCLLNNFY PREAKVQWKV DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT 300
LSKADYEKHK VYACEVTHQG LSSPVTKSFN RGEC 334

```

Post-translational modifications**Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro**

Intra-H (C23-C104) 22-96 146-220 274-330 391-451 497-555

22"-96" 146"-220" 274"-330" 391"-451" 497"-555"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 143'-208' 254'-314'

23'"-88'" 143'"-208'" 254'"-314'"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 350-334' 350"-334"

Inter-H-H (h 11, h 14) 356-356" 359-359"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

427, 427"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

p. 311

elopultidum #

elopultide

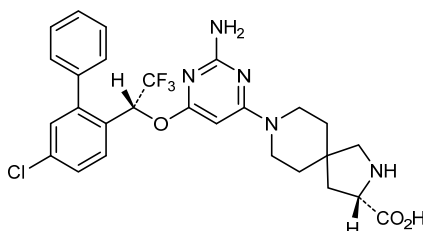
élopultide

elopultida

*replace the structure by the following one**remplacer la structure par la suivante**sustitúyase la estructura por la siguiente*IPSSPVHLKR LKLLLLLLLL ILLLLICALL LGL

33

p. 351 -352	rodatristatum # rodatristat	<i>replace the chemical name, the molecular formula, the CAS RN and the structure by the following ones</i>
	rodatristat	<i>remplacer le nom chimique, la formule moléculaire brute, le numéro de registre du CAS et la structure par les suivants</i>
	rodatristat	<i>sustitúyase el nombre químico, la fórmula molecular, el número de registro del CAS y la estructura por los siguientes</i>
		(3S)-8-{2-amino-6-[(1R)-1-(5-chloro[1,1'-biphenyl]-2-yl)-2,2,2-trifluoroethoxy]pyrimidin-4-yl}-2,8-diazaspiro[4.5]decane-3-carboxylic acid
		acide (3S)-8-{2-amino-6-[(1R)-1-(5-chloro[1,1'-biphényl]-2-yl)-2,2,2-trifluoroéthoxy]pyrimidin-4-yl}-2,8-diazaspiro[4.5]décano-3-carboxylique
		ácido (3S)-8-{2-amino-6-[(1R)-1-(5-cloro[1,1'-bifenil]-2-il)-2,2,2-trifluoroetoxi]pirimidin-4-il}-2,8-diazaspiro[4.5]decano-3-carboxílico
		$C_{27}H_{27}ClF_3N_5O_3$ 1673568-73-4



p. 357	<i>delete/supprimer/suprimáse</i> setogepramum setogepram sétoyépram setogepram	<i>insert/insérer/insertese</i> fezageprasum fezagepras fézagépras fezagepras
p. 365 -366	<i>delete/supprimer/suprimáse</i> talditerceptum alfa talditercept alfa talditercept alfa talditercept alfa	<i>insert/insérer/insertese</i> taldefgrobep alfa taldefgrobep alfa taldefgrobep alfa taldefgrobep alfa

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 120
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 120
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 120
(WHO Drug Information, Vol. 32, No. 4, 2018)

p. 568- 569	bedinvetmabum # bedinvetmab bédivetmab bedinvetmab	<i>replace the description by the following one</i> <i>remplacer la description par la suivante</i> <i>sustitúyase la descripción por la siguiente</i>
		immunoglobulin G2-lambda, anti-[<i>Canis lupus familiaris</i> NGF (nerve growth factor beta polypeptide, NGFB)], <i>Canis lupus familiaris</i> monoclonal antibody;

gamma2 heavy chain *Canis lupus familiaris* (1-460) [VH (Canlupfam IGHV3-19*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%)) [8.8.18] (1-125) -Canlupfam IGHG2*02 (CH1 (126-222), hinge 1-19 (223-241), CH2 M1.3>A (245), L1.2>A (246), G1>A (248) (242-351), CH3 (352-458), CHS (459-460)) (126-460)], (140-215')-disulfide with lambda light chain *Canis lupus familiaris* (1'-216') [V-LAMBDA (Canlupfam IGLV1-141*01 (89.8%) -IGLJ3*01 (100%)) [8.3.11] (1'-108') -Canlupfam C-LAMBDA IGLC3*01 (109'-216')]; dimer (237-237":240-240")-bisdisulfide

immunoglobuline G2-lambda, anti-[*Canis familiaris* NGF (facteur de croissance du nerf polypeptide bêta)], anticorps monoclonal *Canis lupus familiaris*;

chaîne lourde gamma2 *Canis lupus familiaris* (1-460) [VH (Canlupfam IGHV3-19*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%)) [8.8.18] (1-125) -Canlupfam IGHG2*02 (CH1 (126-222), charnière 1-19 (223-241), CH2 M1.3>A (245), L1.2>A (246), G1>A (248) (242-351), CH3 (352-458), CHS (459-460)) (126-460)], (140-215')-disulfure avec la chaîne légère lambda *Canis lupus familiaris* (1'-216') [V-LAMBDA (Canlupfam IGLV1-141*01 (89.8%) -IGLJ3*01 (100%)) [8.3.11] (1'-108') -Canlupfam C-LAMBDA IGLC3*01 (109'-216')]; dimère (237-237":240-240")-bisdisulfure

inmunoglobulina G2-lambda, anti-[*Canis familiaris* NGF (factor de crecimiento del nervio polipéptido beta)], anticuerpo monoclonal *Canis lupus familiaris*;

cadena pesada gamma2 *Canis lupus familiaris* (1-460) [VH (Canlupfam IGHV3-19*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%)) [8.8.18] (1-125) -Canlupfam IGHG2*02 (CH1 (126-222), bisagra 1-19 (223-241), CH2 M1.3>A (245), L1.2>A (246), G1>A (248) (242-351), CH3 (352-458), CHS (459-460)) (126-460)], (140-215')-disulfuro con la cadena ligera lambda *Canis lupus familiaris* (1'-216') [V-LAMBDA (Canlupfam IGLV1-141*01 (89.8%) -IGLJ3*01 (100%)) [8.3.11] (1'-108') -Canlupfam C-LAMBDA IGLC3*01 (109'-216')]; dímero (237-237":240-240")-bisdisulfuro

p. 583 **devafidugenum civaparovovecum #**

devafidugene civaparovovec
devafidugène civaparovovec
devafidugén civaparovovec

replace the description by the following one
remplacer la description par la suivante
sustitúyase la descripción por la siguiente

a recombinant non-replicating adeno-associated virus type 2/6 (rAAV Rep2-Cap6) vector, which contains a promoter-less human alpha-L-iduronidase (hIDUA) transgene cassette, encoding partial exon 1 and full exons 2-14 with the first 28 amino acids removed, and splice acceptor site sequence (SA) from hF9 exon 2, flanked by a sequence homologous to the zinc-finger nuclease (ZFN) cleavage site of the human albumin (hALB) intron 1

vecteur viral adéno-associé de type 2/6 recombinant (rAAV Rep2-Cap6), non-répliquant, contenant la cassette du transgène de l'alpha-L-iduronidase humaine (hIDUA) sans promoteur, codant partiellement l'exon 1 et entièrement les exons 2-14 dont la partie correspondant aux 28 premiers acides aminés a été retirée, et la séquence du site accepteur (SA) d'épissage de l'exon 2 de l'hF9, flanqué d'une séquence homologue au site de clivage de la nucléase à doigts de zinc (ZFN) de l'intron 1 de

l'albumine humaine (hALB)

un vector de virus adeno asociado tipo 2/6 recombinante (rAAV Rep2-Cap6), no replicativo, que contiene un casete con el transgen de la alfa-L-iduronidasa humana (hIDUA) sin promotor, que codifica para el exón 1 parcial y los exones 2-14 completos con los primeros 28 amino ácidos eliminados, y la secuencia del sitio aceptor (SA) del splicing del exón 2 de hF9, flanqueado por una secuencia homóloga al sitio de rotura por la nucleasa con dedos de zinc (ZFN) del intron 1 de la albúmina humana (hALB)

p.606 **lacutamabum #**

lacutamab
lacutamab
lacutamab

replace the CAS RN by the following one
remplacer le numéro de registre du CAS par le suivant
sustitúyase el número de registro del CAS por el siguiente

2187368-16-5

p. 631 **ranuzifigenum civaparvovecum #**

ranuzifigene civaparvovec
ranuzifigène civaparvovec
ranuzifigén civaparvovec

replace the description by the following one
remplacer la description par la suivante
sustitúyase la descripción por la siguiente

a recombinant non-replicating adeno-associated virus type 2/6 (rAAV Rep2-Cap6) vector, expressing a cDNA that targets 468-485 bp of the albumin locus (relative to the transcription initiation site), fused to the obligate heterodimeric FokI nuclease domain KKR, under the control of an apolipoprotein E hepatic control region and human alpha-1-antitrypsin promoter (ApoE/hAAT)

vecteur viral adéno-associé de type 2/6 recombinant (rAAV Rep2-Cap6), non-répliquant, exprimant un ADNc ciblant les paires de bases 468-485 du locus de l'albumine (en relation avec le site initial de transcription), fusionné au domaine hétérodimérique KKR de la nucléase FokI, sous le contrôle d'une région de contrôle de l'apolipoprotéine E (ApoE) spécifique du foie et du promoteur de l'alpha1-antitrypsine humaine (ApoE/hAAT)

un vector de virus adeno asociado tipo 2/6 recombinante (rAAV Rep2-Cap6), no replicativo, que expresa un cDNA dirigido a unirse a los pares de bases 468-485 (en relación al sitio de iniciación de la transcripción) del locus de la albúmina, fusionado al dominio heterodimérico KKR de la nucleasa FokI, bajo el control de una región de control hepático de la apolipoproteína E y el promotor de la alfa 1 antitripsina humana (ApoE/hAAT)

ANNEX 1

PROCEDURE FOR THE SELECTION OF RECOMMENDED INTERNATIONAL NONPROPRIETARY NAMES FOR PHARMACEUTICAL SUBSTANCES¹

The following procedure shall be followed by the World Health Organization (hereinafter also referred to as "WHO") in the selection of recommended international nonproprietary names for pharmaceutical substances, in accordance with resolution WHA3.11 of the World Health Assembly, and in the substitution of such names.

Article 1 - Proposals for recommended international nonproprietary names and proposals for substitution of such names shall be submitted to WHO on the form provided therefore. The consideration of such proposals shall be subject to the payment of an administrative fee designed only to cover the corresponding costs of the Secretariat of WHO ("the Secretariat"). The amount of this fee shall be determined by the Secretariat and may, from time to time, be adjusted.

Article 2 - Such proposals shall be submitted by the Secretariat to the members of the Expert Advisory Panel on the International Pharmacopoeia and Pharmaceutical Preparations designated for this purpose, such designated members hereinafter referred to as "the INN Expert Group", for consideration in accordance with the "General principles for guidance in devising International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances", annexed to this procedure². The name used by the person discovering or first developing and marketing a pharmaceutical substance shall be accepted, unless there are compelling reasons to the contrary.

Article 3 - Subsequent to the examination provided for in article 2, the Secretariat shall give notice that a proposed international nonproprietary name is being considered.

a) Such notice shall be given by publication in *WHO Drug Information*³ and by letter to Member States and to national and regional pharmacopoeia commissions or other bodies designated by Member States.

i) Notice shall also be sent to the person who submitted the proposal ("the original applicant") and other persons known to be concerned with a name under consideration.

b) Such notice shall:

i) set forth the name under consideration;

ii) identify the person who submitted the proposal for naming the substance, if so requested by such person;

iii) identify the substance for which a name is being considered;

iv) set forth the time within which comments and objections will be received and the person and place to whom they should be directed;

v) state the authority under which WHO is acting and refer to these rules of procedure.

¹ See Annex 1 in WHO Technical Report Series, No. 581, 1975. The original text was adopted by the Executive Board in resolution EB15.R7 and amended in resolutions EB43.R9 and EB115.R4.

² See Annex 2.

³ Before 1987, lists of international nonproprietary names were published in the *Chronicle of the World Health Organization*.

c) In forwarding the notice, the Secretariat shall request that Member States take such steps as are necessary to prevent the acquisition of proprietary rights in the proposed name during the period it is under consideration by WHO.

Article 4 - Comments on the proposed name may be forwarded by any person to WHO within four months of the date of publication, under article 3, of the name in *WHO Drug Information*.

Article 5 - A formal objection to a proposed name may be filed by any interested person within four months of the date of publication, under article 3, of the name in *WHO Drug Information*.

Such objection shall:

- i) identify the person objecting;
- ii) state his or her interest in the name;
- iii) set forth the reasons for his or her objection to the name proposed.

Article 6 - Where there is a formal objection under article 5, WHO may either reconsider the proposed name or use its good offices to attempt to obtain withdrawal of the objection. Without prejudice to the consideration by WHO of a substitute name or names, a name shall not be selected by WHO as a recommended international nonproprietary name while there exists a formal objection thereto filed under article 5 which has not been withdrawn.

Article 7 - Where no objection has been filed under article 5, or all objections previously filed have been withdrawn, the Secretariat shall give notice in accordance with subsection (a) of article 3 that the name has been selected by WHO as a recommended international nonproprietary name.

Article 8 - In forwarding a recommended international nonproprietary name to Member States under article 7, the Secretariat shall:

- a) request that it be recognized as the nonproprietary name for the substance; and
- b) request that Member States take such steps as are necessary to prevent the acquisition of proprietary rights in the name and to prohibit registration of the name as a trademark or trade name.

Article 9

a) In the extraordinary circumstance that a previously recommended international nonproprietary name gives rise to errors in medication, prescription or distribution, or a demonstrable risk thereof, because of similarity with another name in pharmaceutical and/or prescription practices, and it appears that such errors or potential errors cannot readily be resolved through other interventions than a possible substitution of a previously recommended international nonproprietary name, or in the event that a previously recommended international nonproprietary name differs substantially from the nonproprietary name approved in a significant number of Member States, or in other such extraordinary circumstances that justify a substitution of a recommended international nonproprietary name, proposals to that effect may be filed by any interested person. Such proposals shall be submitted on the form provided therefore and shall:

- i) identify the person making the proposal;
- ii) state his or her interest in the proposed substitution; and

iii) set forth the reasons for the proposal; and

iv) describe, and provide documentary evidence regarding the other interventions undertaken in an effort to resolve the situation, and the reasons why these other interventions were inadequate.

Such proposals may include a proposal for a new substitute international nonproprietary name, devised in accordance with the General principles, which takes into account the pharmaceutical substance for which the new substitute international nonproprietary name is being proposed.

The Secretariat shall forward a copy of the proposal, for consideration in accordance with the procedure described in subsection (b) below, to the INN Expert Group and the original applicant or its successor (if different from the person bringing the proposal for substitution and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations).

In addition, the Secretariat shall request comments on the proposal from:

i) Member States and national and regional pharmacopoeia commissions or other bodies designated by Member States (by including a notice to that effect in the letter referred to in article 3(a), and

ii) any other persons known to be concerned by the proposed substitution.

The request for comments shall:

i) state the recommended international nonproprietary name that is being proposed for substitution (and the proposed substitute name, if provided);

ii) identify the person who submitted the proposal for substitution (if so requested by such person);

iii) identify the substance to which the proposed substitution relates and reasons put forward for substitution;

iv) set forth the time within which comments will be received and the person and place to whom they should be directed; and

v) state the authority under which WHO is acting and refer to these rules of procedure.

Comments on the proposed substitution may be forwarded by any person to WHO within four months of the date of the request for comments.

b) After the time period for comments referred to above has elapsed, the Secretariat shall forward any comments received to the INN Expert Group, the original applicant or its successor and the person bringing the proposal for substitution. If, after consideration of the proposal for substitution and the comments received, the INN Expert Group, the person bringing the proposal for substitution and the original applicant or its successor all agree that there is a need to substitute the previously recommended international nonproprietary name, the Secretariat shall submit the proposal for substitution to the INN Expert Group for further processing.

Notwithstanding the foregoing, the original applicant or its successor shall not be entitled to withhold agreement to a proposal for substitution in the event the original applicant or its successor has no demonstrable continuing interest in the recommended international nonproprietary name proposed for substitution.

In the event that a proposal for substitution shall be submitted to the INN Expert Group for further processing, the INN Expert Group will select a new international nonproprietary name in accordance with the General principles referred to in article 2 and the procedure set forth in articles 3 to 8 inclusive. The notices to be given by the Secretariat under article 3 and article 7, respectively, including to the original applicant or its successor (if not the same as the person proposing the substitution, and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations), shall in such event indicate that the new name is a substitute for a previously recommended international nonproprietary name and that Member States may wish to make transitional arrangements in order to accommodate existing products that use the previously recommended international nonproprietary name on their label in accordance with national legislation.

If, after consideration of the proposal for substitution and the comments received in accordance with the procedure described above, the INN Expert Group, the original applicant or its successor and the person bringing the proposal for substitution do not agree that there are compelling reasons for substitution of a previously recommended international nonproprietary name, this name shall be retained (provided always that the original applicant or its successor shall not be entitled to withhold agreement to a proposal for substitution in the event that the original applicant or its successor has no demonstrable continuing interest in the recommended international nonproprietary name proposed to be substituted). In such an event, the Secretariat shall advise the person having proposed the substitution, as well as the original applicant or its successor (if not the same as the person proposing the substitution, and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations), Member States, national and regional pharmacopoeia commissions, other bodies designated by Member States, and any other persons known to be concerned by the proposed substitution that, despite a proposal for substitution, it has been decided to retain the previously recommended international nonproprietary name (with a description of the reason(s) why the proposal for substitution was not considered sufficiently compelling).

ANNEX 2

GENERAL PRINCIPLES FOR GUIDANCE IN DEVISING INTERNATIONAL NONPROPRIETARY NAMES FOR PHARMACEUTICAL SUBSTANCES¹

1. International Nonproprietary Names (INN) should be distinctive in sound and spelling. They should not be inconveniently long and should not be liable to confusion with names in common use.
2. The INN for a substance belonging to a group of pharmacologically related substances should, where appropriate, show this relationship. Names that are likely to convey to a patient an anatomical, physiological, pathological or therapeutic suggestion should be avoided.

These primary principles are to be implemented by using the following secondary principles:

3. In devising the INN of the first substance in a new pharmacological group, consideration should be given to the possibility of devising suitable INN for related substances, belonging to the new group.

4. In devising INN for acids, one-word names are preferred; their salts should be named without modifying the acid name, e.g. "oxacillin" and "oxacillin sodium", "ibufenac" and "ibufenac sodium".

5. INN for substances which are used as salts should in general apply to the active base or the active acid. Names for different salts or esters of the same active substance should differ only in respect of the name of the inactive acid or the inactive base.

For quaternary ammonium substances, the cation and anion should be named appropriately as separate components of a quaternary substance and not in the amine-salt style.

6. The use of an isolated letter or number should be avoided; hyphenated construction is also undesirable.

7. To facilitate the translation and pronunciation of INN, "f" should be used instead of "ph", "t" instead of "th", "e" instead of "ae" or "oe", and "i" instead of "y"; the use of the letters "h" and "k" should be avoided.

8. Provided that the names suggested are in accordance with these principles, names proposed by the person discovering or first developing and marketing a pharmaceutical preparation, or names already officially in use in any country, should receive preferential consideration.

9. Group relationship in INN (see General principle 2) should if possible be shown by using a common stem. The following list contains examples of stems for groups of substances, particularly for new groups. There are many other stems in active use.² Where a stem is shown without any hyphens it may be used anywhere in the name.

<i>Latin</i>	<i>English</i>	
<i>-acum</i>	<i>-ac</i>	anti-inflammatory agents, ibufenac derivatives analgesics
<i>-adolum</i>	<i>-adol }</i>	
<i>-adol-</i>	<i>-adol- }</i>	
<i>-astum</i>	<i>-ast</i>	antiasthmatic, antiallergic substances not acting primarily as antihistaminics
<i>-astinum</i>	<i>-astine</i>	antihistaminics
<i>-azepamum</i>	<i>-azepam</i>	diazepam derivatives
<i>bol</i>	<i>bol</i>	steroids, anabolic
<i>-cain-</i>	<i>-cain-</i>	class I antiarrhythmics, procainamide and lidocaine derivatives
<i>-cainum</i>	<i>-caine</i>	local anaesthetics
<i>cef-</i>	<i>cef-</i>	antibiotics, cephalosporanic acid derivatives
<i>-cillinum</i>	<i>-cillin</i>	antibiotics, 6-aminopenicillanic acid derivatives
<i>-conazolom</i>	<i>-conazole</i>	systemic antifungal agents, miconazole derivatives
<i>cort</i>	<i>cort</i>	corticosteroids, except prednisolone derivatives
<i>-coxibum</i>	<i>-coxib</i>	selective cyclo-oxygenase inhibitors

¹ In its Twentieth report (WHO Technical Report Series, No. 581, 1975), the WHO Expert committee on Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances reviewed the general principles for devising, and the procedures for selecting, INN in the light of developments in pharmaceutical compounds in recent years. The most significant change has been the extension to the naming of synthetic chemical substances of the practice previously used for substances originating in or derived from natural products. This practice involves the use of a characteristic "stem" indicative of a common property of the members of a group. The reason for, and the implications of, the change are fully discussed.

The guiding principles were updated during the 13th consultation on nonproprietary names for pharmaceutical substances (Geneva, 27-29 April 1983) (PHARM S/NOM 928 13 May 1983, revised 18 August 1983).

² A more extensive listing of stems is contained in the working document WHO/EMP/RHT/TSN/2018.1 which is regularly updated and can be requested from the INN Programme, WHO, Geneva.

<i>-entanum</i>	<i>-entan</i>	endothelin receptor antagonists
<i>gab</i>	<i>gab</i>	gabamimetic agents
<i>gado-</i>	<i>gado-</i>	diagnostic agents, gadolinium derivatives
<i>-gatanum</i>	<i>-gatan</i>	thrombin inhibitors, antithrombotic agents
<i>gest</i>	<i>gest</i>	steroids, progestogens
<i>gli</i>	<i>gli</i>	antihyperglycaemics
<i>io-</i>	<i>io-</i>	iodine-containing contrast media
<i>-metacinum</i>	<i>-metacin</i>	anti-inflammatory, indometacin derivatives
<i>-mycinum</i>	<i>-mycin</i>	antibiotics, produced by <i>Streptomyces</i> strains
<i>-nidazolum</i>	<i>-nidazole</i>	antiprotozoal substances, metronidazole derivatives
<i>-ololum</i>	<i>-olol</i>	β -adrenoreceptor antagonists
<i>-oxacinum</i>	<i>-oxacin</i>	antibacterial agents, nalidixic acid derivatives
<i>-platinum</i>	<i>-platin</i>	antineoplastic agents, platinum derivatives
<i>-poetinum</i>	<i>-poetin</i>	erythropoietin type blood factors
<i>-pril(at)um</i>	<i>-pril(at)</i>	angiotensin-converting enzyme inhibitors
<i>-profenum</i>	<i>-profen</i>	anti-inflammatory substances, ibuprofen derivatives
<i>prost</i>	<i>prost</i>	prostaglandins
<i>-relinum</i>	<i>-relin</i>	pituitary hormone release-stimulating peptides
<i>-sartanum</i>	<i>-sartan</i>	angiotensin II receptor antagonists, antihypertensive (non-peptidic)
<i>-vaptanum</i>	<i>-vaptan</i>	vasopressin receptor antagonists
<i>vin- / -vin-</i>	<i>vin- / -vin-</i>	vinca-type alkaloids

ANNEXE 1

PROCEDURE A SUIVRE EN VUE DU CHOIX DE DENOMINATIONS COMMUNES INTERNATIONALES RECOMMANDEES POUR LES SUBSTANCES PHARMACEUTIQUES¹

L'Organisation mondiale de la Santé (également désignée ci-après sous l'appellation « OMS ») observe la procédure exposée ci-dessous pour l'attribution de dénominations communes internationales recommandées pour les substances pharmaceutiques, conformément à la résolution WHA3.11 de l'Assemblée mondiale de la Santé, et pour le remplacement de telles dénominations.

Article 1 - Les propositions de dénominations communes internationales recommandées et les propositions de remplacement de telles dénominations sont soumises à l'OMS sur la formule prévue à cet effet. L'examen de telles propositions est soumis au paiement d'une taxe administrative destinée uniquement à couvrir les coûts correspondants assumés par le Secrétariat de l'OMS (« le Secrétariat »). Le montant de cette taxe est déterminé par le Secrétariat et peut être modifié de temps à autre.

Article 2 - Ces propositions sont soumises par le Secrétariat aux experts désignés à cette fin parmi les personnalités inscrites au Tableau d'experts de la Pharmacopée internationale et des Préparations pharmaceutiques, ci-après désignés sous l'appellation « le Groupe d'experts des DCI » ; elles sont examinées par les experts conformément aux « Directives générales pour la formation de dénominations communes internationales pour les substances pharmaceutiques » reproduites ci-après². La dénomination acceptée est la dénomination employée par la personne qui découvre ou qui, la première, fabrique et lance sur le marché une substance pharmaceutique, à moins que des raisons majeures n'obligent à s'écarter de cette règle.

¹ Voir annexe 1 dans OMS, Série de Rapports techniques, N° 581, 1975. Le texte original a été adopté par le Conseil exécutif dans sa résolution EB15.R7 et amendé dans ses résolutions EB43.R9 et EB115.R4.

² Voir annexe 2.

Article 3 - Après l'examen prévu à l'article 2, le Secrétariat notifie qu'un projet de dénomination commune internationale est à l'étude.

a) Cette notification est faite par une insertion dans *WHO Drug Information*¹ et par l'envoi d'une lettre aux Etats Membres et aux commissions nationales et régionales de pharmacopée ou autres organismes désignés par les Etats Membres.

i) Notification est également faite à la personne qui a soumis la proposition (« le demandeur initial ») et à d'autres personnes portant à la dénomination mise à l'étude un intérêt notoire.

b) Cette notification contient les indications suivantes :

i) dénomination mise à l'étude;

ii) nom de l'auteur de la proposition tendant à attribuer une dénomination à la substance, si cette personne le demande ;

iii) définition de la substance dont la dénomination est mise à l'étude ;

iv) délai pendant lequel seront reçues les observations et les objections à l'égard de cette dénomination ; nom et adresse de la personne habilitée à recevoir ces observations et objections ;

v) mention des pouvoirs en vertu desquels agit l'OMS et référence au présent règlement.

c) En envoyant cette notification, le Secrétariat demande aux Etats Membres de prendre les mesures nécessaires pour prévenir l'acquisition de droits de propriété sur la dénomination proposée pendant la période au cours de laquelle cette dénomination est mise à l'étude par l'OMS.

Article 4 - Des observations sur la dénomination proposée peuvent être adressées à l'OMS par toute personne, dans les quatre mois qui suivent la date de publication de la dénomination dans *WHO Drug Information* (voir l'article 3).

Article 5 - Toute personne intéressée peut formuler une objection formelle contre la dénomination proposée dans les quatre mois qui suivent la date de publication de la dénomination dans *WHO Drug Information* (voir l'article 3).

Cette objection doit s'accompagner des indications suivantes :

i) nom de l'auteur de l'objection ;

ii) intérêt qu'il ou elle porte à la dénomination en cause ;

iii) raisons motivant l'objection contre la dénomination proposée.

Article 6 - Lorsqu'une objection formelle est formulée en vertu de l'article 5, l'OMS peut soit soumettre la dénomination proposée à un nouvel examen, soit intervenir pour tenter d'obtenir le retrait de l'objection. Sans préjudice de l'examen par l'OMS d'une ou de plusieurs

¹ Avant 1987, les listes de dénominations communes internationales étaient publiées dans la *Chronique de l'Organisation mondiale de la Santé*.

appellations de remplacement, l'OMS n'adopte pas d'appellation comme dénomination commune internationale recommandée tant qu'une objection formelle présentée conformément à l'article 5 n'est pas levée.

Article 7 - Lorsqu'il n'est formulé aucune objection en vertu de l'article 5, ou que toutes les objections présentées ont été levées, le Secrétariat fait une notification conformément aux dispositions du paragraphe a) de l'article 3, en indiquant que la dénomination a été choisie par l'OMS en tant que dénomination commune internationale recommandée.

Article 8 - En communiquant aux Etats Membres, conformément à l'article 7, une dénomination commune internationale recommandée, le Secrétariat :

- a) demande que cette dénomination soit reconnue comme dénomination commune de la substance considérée ; et
- b) demande aux Etats Membres de prendre les mesures nécessaires pour prévenir l'acquisition de droits de propriété sur cette dénomination et interdire le dépôt de cette dénomination comme marque ou appellation commerciale.

Article 9 -

a) Dans le cas exceptionnel où une dénomination commune internationale déjà recommandée donne lieu à des erreurs de médication, de prescription ou de distribution ou en comporte un risque démontrable, en raison d'une similitude avec une autre appellation dans la pratique pharmaceutique et/ou de prescription, et où il apparaît que ces erreurs ou ces risques d'erreur ne peuvent être facilement évités par d'autres interventions que le remplacement éventuel d'une dénomination commune internationale déjà recommandée, ou dans le cas où une dénomination commune internationale déjà recommandée diffère sensiblement de la dénomination commune approuvée dans un nombre important d'Etats Membres, ou dans d'autres circonstances exceptionnelles qui justifient le remplacement d'une dénomination commune internationale recommandée, toute personne intéressée peut formuler une proposition dans ce sens. Cette proposition est présentée sur la formule prévue à cet effet et doit s'accompagner des indications suivantes :

- i) nom de l'auteur de la proposition ;
- ii) intérêt qu'il ou elle porte au remplacement proposé ;
- iii) raisons motivant la proposition ; et
- iv) description, faits à l'appui, des autres interventions entreprises pour tenter de régler le problème et exposé des raisons pour lesquelles ces interventions ont échoué.

Les propositions peuvent comprendre une proposition de nouvelle dénomination commune internationale de remplacement, établie conformément aux Directives générales, compte tenu de la substance pharmaceutique pour laquelle la nouvelle dénomination commune internationale de remplacement est proposée.

Le Secrétariat transmet une copie de la proposition pour examen, conformément à la procédure exposée plus loin au paragraphe b), au Groupe d'experts des DCI et au demandeur initial ou à son successeur (s'il s'agit d'une personne différente de celle qui a formulé la proposition de remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles).

De plus, le Secrétariat demande aux entités et personnes ci-après de formuler des observations sur la proposition :

i) les Etats Membres et les commissions nationales et régionales de pharmacopée ou d'autres organismes désignés par les Etats Membres (en insérant une note à cet effet dans la lettre mentionnée à l'article 3.a), et

ii) toutes autres personnes portant au remplacement proposé un intérêt notoire.

La demande d'observations contient les indications suivantes :

i) dénomination commune internationale recommandée pour laquelle un remplacement est proposé (et la dénomination de remplacement proposée, si elle est fournie) ;

ii) nom de l'auteur de la proposition de remplacement (si cette personne le demande) ;

iii) définition de la substance faisant l'objet du remplacement proposé et raisons avancées pour le remplacement ;

iv) délai pendant lequel seront reçus les commentaires et nom et adresse de la personne habilitée à recevoir ces commentaires ; et

v) mention des pouvoirs en vertu desquels agit l'OMS et référence au présent règlement.

Des observations sur la proposition de remplacement peuvent être communiquées par toute personne à l'OMS dans les quatre mois qui suivent la date de la demande d'observations.

b) Une fois échu le délai prévu ci-dessus pour la communication d'observations, le Secrétariat transmet les observations reçues au Groupe d'experts des DCI, au demandeur initial ou à son successeur et à l'auteur de la proposition de remplacement. Si, après avoir examiné la proposition de remplacement et les observations reçues, le Groupe d'experts des DCI, l'auteur de la proposition de remplacement et le demandeur initial ou son successeur reconnaissent tous qu'il est nécessaire de remplacer la dénomination commune internationale déjà recommandée, le Secrétariat soumet la proposition de remplacement au Groupe d'experts des DCI pour qu'il y donne suite.

Nonobstant ce qui précède, le demandeur initial ou son successeur n'est pas habilité à refuser son accord à une proposition de remplacement au cas où il ne peut être démontré qu'il porte un intérêt durable à la dénomination commune internationale recommandée qu'il est proposé de remplacer.

Dans le cas où une proposition de remplacement est soumise au Groupe d'experts des DCI pour qu'il y donne suite, le Groupe choisit une nouvelle dénomination commune internationale conformément aux Directives générales mentionnées à l'article 2 et selon la procédure décrite dans les articles 3 à 8 inclus. La notification faite par le Secrétariat en vertu de l'article 3 et de l'article 7, respectivement, y compris au demandeur initial ou à son successeur (si ce n'est pas la même personne que celle qui a proposé le remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles), doit dans un tel cas indiquer que la nouvelle dénomination remplace une dénomination commune internationale déjà recommandée et que les Etats Membres peuvent souhaiter prendre des mesures transitoires pour les produits existants qui utilisent la dénomination commune internationale déjà recommandée sur leur étiquette conformément à la législation nationale.

Si, après examen de la proposition de remplacement et des observations communiquées conformément à la procédure exposée plus haut, le Groupe d'experts des DCI, le demandeur initial ou son successeur et l'auteur de la proposition de remplacement ne s'accordent pas sur le fait qu'il y a des raisons impératives de remplacer une dénomination commune internationale déjà recommandée, cette dernière est conservée (étant entendu toujours que le demandeur initial ou son successeur n'est pas habilité à refuser son accord à une proposition de remplacement au cas où il ne peut être démontré qu'il porte un intérêt durable à la dénomination commune internationale recommandée qu'il est proposé de remplacer). Dans un tel cas, le Secrétariat informe l'auteur de la proposition de remplacement, ainsi que le demandeur initial ou son successeur (s'il s'agit d'une personne différente de celle qui a formulé la proposition de remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles), les Etats Membres, les commissions nationales et régionales de pharmacopée, les autres organismes désignés par les Etats Membres et toutes autres personnes portant un intérêt notoire au remplacement proposé que, malgré une proposition de remplacement, il a été décidé de conserver la dénomination commune internationale déjà recommandée (avec une brève description de la ou des raisons pour lesquelles la proposition de remplacement n'a pas été jugée suffisamment impérative).

ANNEXE 2

DIRECTIVES GENERALES POUR LA FORMATION DE DENOMINATIONS COMMUNES INTERNATIONALES APPLICABLES AUX SUBSTANCES PHARMACEUTIQUES¹

1. Les dénominations communes internationales (DCI) devront se distinguer les unes des autres par leur consonance et leur orthographe. Elles ne devront pas être d'une longueur excessive, ni prêter à confusion avec des appellations déjà couramment employées.
2. La DCI de chaque substance devra, si possible, indiquer sa parenté pharmacologique. Les dénominations susceptibles d'évoquer pour les malades des considérations anatomiques, physiologiques, pathologiques ou thérapeutiques devront être évitées dans la mesure du possible.

Outre ces deux principes fondamentaux, on respectera les principes secondaires suivants :

3. Lorsqu'on formera la DCI de la première substance d'un nouveau groupe pharmacologique, on tiendra compte de la possibilité de former ultérieurement d'autres DCI appropriées pour les substances apparentées du même groupe.
4. Pour former des DCI des acides, on utilisera de préférence un seul mot. Leurs sels devront être désignés par un terme qui ne modifie pas le nom de l'acide d'origine : par exemple «oxacilline» et «oxacilline sodique», «ibufénac» et «ibufénac sodique».
5. Les DCI pour les substances utilisées sous forme de sels devront en général s'appliquer à la base active (ou à l'acide actif). Les dénominations pour différents sels ou esters d'une même substance active ne différeront que par le nom de l'acide inactif (ou de la base inactive).

¹ Dans son vingtième rapport (OMS, Série de Rapports techniques, N° 581, 1975), le Comité OMS d'experts des Dénominations communes pour les Substances pharmaceutiques a examiné les directives générales pour la formation des dénominations communes internationales et la procédure à suivre en vue de leur choix, compte tenu de l'évolution du secteur pharmaceutique au cours des dernières années. La modification la plus importante a été l'extension aux substances de synthèse de la pratique normalement suivie pour désigner les substances tirées ou dérivées de produits naturels. Cette pratique consiste à employer des syllabes communes ou groupes de syllabes communes (segments-clés) qui sont caractéristiques et indiquent une propriété commune aux membres du groupe des substances pour lequel ces segments-clés ont été retenus. Les raisons et les conséquences de cette modification ont fait l'objet de discussions approfondies. Les directives ont été mises à jour lors de la treizième consultation sur les dénominations communes pour les substances pharmaceutiques (Genève, 27-29 avril 1983) (PHARM S/NOM 928, 13 mai 1983, révision en date du 18 août 1983).

En ce qui concerne les substances à base d'ammonium quaternaire, la dénomination s'appliquera de façon appropriée au cation et à l'anion en tant qu'éléments distincts d'une substance quaternaire. On évitera de choisir une désignation évoquant un sel aminé.

6. On évitera d'ajouter une lettre ou un chiffre isolé ; en outre, on renoncera de préférence au trait d'union.

7. Pour simplifier la traduction et la prononciation des DCI, la lettre « f » sera utilisée à la place de « ph », « t » à la place de « th », « e » à la place de « ae » ou « oe », et « i » à la place de « y » ; l'usage des lettres « h » et « k » sera aussi évité.

8. On retiendra de préférence, pour autant qu'elles respectent les principes énoncés ici, les dénominations proposées par les personnes qui ont découvert ou qui, les premières, ont fabriqué et lancé sur le marché les préparations pharmaceutiques considérées, ou les dénominations déjà officiellement adoptées par un pays.

9. La parenté entre substances d'un même groupe (voir Directive générale 2) sera si possible indiquée dans les DCI par l'emploi de segments-clés communs. La liste ci-après contient des exemples de segments-clés pour des groupes de substances, surtout pour des groupes récents. Il y a beaucoup d'autres segments-clés en utilisation active.¹ Les segments-clés indiqués sans trait d'union pourront être insérés n'importe où dans une dénomination.

Latin	Français	
<i>-acum</i>	<i>-ac</i>	substances anti-inflammatoires du groupe de l'ibufénac analgésiques
<i>-adolum</i>	<i>-adol</i>	
<i>-adol-</i>	<i>-adol-</i>	
<i>-astum</i>	<i>-ast</i>	antiasthmatiques, antiallergiques n'agissant pas principalement en tant qu'antihistaminiques
<i>-astinum</i>	<i>-astine</i>	antihistaminiques
<i>-azepamum</i>	<i>-azéпам</i>	substances du groupe du diazépam
<i>bol</i>	<i>bol</i>	stéroïdes anabolisants
<i>-cain-</i>	<i>-caïn-</i>	antiarythmiques de classe I, dérivés du procainamide et de la lidocaïne
<i>-cainum</i>	<i>-caïne</i>	anesthésiques locaux
<i>cef-</i>	<i>céf-</i>	antibiotiques, dérivés de l'acide céphalosporanique
<i>-cillinum</i>	<i>-cilline</i>	antibiotiques, dérivés de l'acide 6-aminopénicillanique
<i>-conazolum</i>	<i>-conazole</i>	agents antifongiques systémiques du groupe du miconazole
<i>cort</i>	<i>cort</i>	corticostéroïdes, autres que les dérivés de la prednisolone
<i>-coxibum</i>	<i>-coxib</i>	inhibiteurs sélectifs de la cyclo-oxygénase
<i>-entanum</i>	<i>-entan</i>	antagonistes du récepteur de l'endothéline
<i>gab</i>	<i>gab</i>	gabamimétiques
<i>gado-</i>	<i>gado-</i>	agents diagnostiques, dérivés du gadolinium
<i>-gatrانum</i>	<i>-gatrان</i>	antithrombines, antithrombotiques
<i>gest</i>	<i>gest</i>	stéroïdes progestogènes
<i>gli</i>	<i>gli</i>	antihyperglycémiant
<i>io-</i>	<i>io-</i>	produits de contraste iodés
<i>-metacinum</i>	<i>-métacine</i>	substances anti-inflammatoires du groupe de l'indométacine
<i>-mycinum</i>	<i>-mycine</i>	antibiotiques produits par des souches de <i>Streptomyces</i>

¹ Une liste plus complète de segments-clés est contenue dans le document de travail WHO/EMP/RHT/TSN/2018.1 qui est régulièrement mis à jour et qui peut être demandé auprès du programme des DCI, OMS, Genève.

<i>-nidazolum</i>	<i>-nidazole</i>	substances antiprotozoaires du groupe du métronidazole
<i>-ololum</i>	<i>-olol</i>	antagonistes des récepteurs β -adrénergiques
<i>-oxacinum</i>	<i>-oxacine</i>	substances antibactériennes du groupe de l'acide nalidixique
<i>-platinum</i>	<i>-platine</i>	antinéoplasiques, dérivés du platine
<i>-poetinum</i>	<i>-poétine</i>	facteurs sanguins de type érythropoïétine
<i>-pril(at)um</i>	<i>-pril(ate)</i>	inhibiteurs de l'enzyme de conversion de l'angiotensine
<i>-profenum</i>	<i>-profène</i>	substances anti-inflammatoires du groupe de l'ibuprofène
<i>prost</i>	<i>prost</i>	prostaglandines
<i>-relinum</i>	<i>-réline</i>	peptides stimulant la libération d'hormones hypophysaires
<i>-sartanum</i>	<i>-sartan</i>	antagonistes d'un récepteur de l'angiotensine II, antihypertenseurs (non peptidiques)
<i>-vaptanum</i>	<i>-vaptan</i>	antagonistes du récepteur de la vasopressine
<i>vin-</i>	<i>vin-</i>	} alcaloïdes du type vinca
<i>-vin-</i>	<i>-vin-</i>	

ANEXO 1

PROCEDIMIENTO DE SELECCIÓN DE DENOMINACIONES COMUNES INTERNACIONALES RECOMENDADAS PARA SUSTANCIAS FARMACÉUTICAS¹

La Organización Mundial de la Salud (OMS) seguirá el procedimiento que se expone a continuación tanto para seleccionar denominaciones comunes internacionales recomendadas para las sustancias farmacéuticas, de conformidad con lo dispuesto en la resolución WHA3.11, como para sustituir esas denominaciones.

Artículo 1 - Las propuestas de denominaciones comunes internacionales recomendadas y las propuestas de sustitución de esas denominaciones se presentarán a la OMS en los formularios que se proporcionen a estos efectos. El estudio de estas propuestas estará sujeto al pago de una tasa destinada a sufragar los costos de administración que ello suponga para la Secretaría de la OMS («la Secretaría»). La Secretaría establecerá la cuantía de esa tasa y podrá ajustarla periódicamente.

Artículo 2 - Estas propuestas serán sometidas por la Secretaría a los miembros del Cuadro de Expertos en Farmacopea Internacional y Preparaciones Farmacéuticas encargados de su estudio, en adelante designados como «el Grupo de Expertos en DCI», para que las examinen de conformidad con los «Principios generales de orientación para formar denominaciones comunes internacionales para sustancias farmacéuticas», anexos a este procedimiento.² A menos que haya poderosas razones en contra, la denominación aceptada será la empleada por la persona que haya descubierto o fabricado y comercializado por primera vez esa sustancia farmacéutica.

Artículo 3 - Tras el examen al que se refiere el artículo 2, la Secretaría notificará que está en estudio un proyecto de denominación internacional.

a) Esa notificación se hará mediante una publicación en *Información Farmacéutica OMS*³ y el envío de una carta a los Estados Miembros y a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas u otros organismos designados por los Estados Miembros.

¹ Véase el anexo 1 en OMS, Serie de Informes Técnicos, N° 581, 1975. El texto vigente fue adoptado por el Consejo Ejecutivo en su resolución EB15.R7 y modificado en las resoluciones EB43.R9 y EB115.R4..

² Véase el anexo 2.

³ Hasta 1987 las listas de DCI se publicaban en la *Crónica de la Organización Mundial de la Salud*.

h) La notificación será enviada también a la persona que haya presentado la propuesta («el solicitante inicial») y a otras personas que tengan un interés especial en una denominación objeto de estudio.

b) En esa notificación se incluirán los siguientes datos:

i) la denominación sometida a estudio;

ii) la identidad de la persona que ha presentado la propuesta de denominación de la sustancia, si lo pide esa persona;

iii) la identidad de la sustancia cuya denominación está en estudio;

iv) el plazo fijado para recibir observaciones y objeciones, así como el nombre y la dirección de la persona a quien deban dirigirse; y

v) los poderes conferidos para el caso a la OMS y una referencia al presente procedimiento.

c) Al enviar esa notificación, la Secretaría solicitará de los Estados Miembros la adopción de todas las medidas necesarias para impedir la adquisición de derechos de patente sobre la denominación propuesta, durante el periodo en que la OMS la tenga en estudio.

Artículo 4 - Toda persona puede formular a la OMS observaciones sobre la denominación propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a su publicación en *Información Farmacéutica OMS*, conforme a lo dispuesto en el artículo 3.

Artículo 5 - Toda persona interesada puede presentar una objeción formal a una denominación propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a su publicación en *Información Farmacéutica OMS*, conforme a lo dispuesto en el artículo 3. Esa objeción deberá acompañarse de los siguientes datos:

i) la identidad de la persona que formula la objeción;

ii) las causas que motivan su interés por la denominación; y

iii) las causas que motivan su objeción a la denominación propuesta.

Artículo 6 - Cuando se haya presentado una objeción formal en la forma prevista en el artículo 5, la OMS podrá reconsiderar el nombre propuesto o utilizar sus buenos oficios para intentar lograr que se retire la objeción. La OMS no seleccionará como denominación común internacional una denominación a la que se haya hecho una objeción formal, presentada según lo previsto en el artículo 5, que no haya sido retirada, todo ello sin perjuicio de que la Organización examine otra denominación o denominaciones sustitutivas.

Artículo 7 - Cuando no se haya formulado ninguna objeción en la forma prevista en el artículo 5, o cuando todas las objeciones presentadas hayan sido retiradas, la Secretaría notificará, conforme a lo dispuesto en el párrafo a) del artículo 3, que la denominación ha sido seleccionada por la OMS como denominación común internacional recomendada.

Artículo 8 - Al comunicar a los Estados Miembros una denominación común internacional, conforme a lo previsto en el artículo 7, la Secretaría:

a) solicitará que esta denominación sea reconocida como denominación común para la sustancia de que se trate; y

b) solicitará a los Estados Miembros que adopten todas las medidas necesarias para impedir la adquisición de derechos de patente sobre la denominación, y prohíban que sea registrada como marca de fábrica o como nombre comercial.

Artículo 9

a) En el caso excepcional de que, debido a su semejanza con otra denominación utilizada en las prácticas farmacéuticas y/o de prescripción, una denominación común internacional recomendada anteriormente ocasione errores de medicación, prescripción o distribución, o suponga un riesgo manifiesto de que esto ocurra, y parezca que tales errores o potenciales errores no sean fácilmente subsanables con otras medidas que no sean la posible sustitución de esa denominación común internacional recomendada anteriormente; en el caso de que una denominación común internacional recomendada anteriormente difiera considerablemente de la denominación común aprobada en un número importante de Estados Miembros, o en otras circunstancias excepcionales que justifiquen el cambio de una denominación común internacional recomendada, cualquier persona interesada puede presentar propuestas en este sentido. Esas propuestas se presentarán en los formularios que se proporcionen a estos efectos e incluirán los siguientes datos:

i) la identidad de la persona que presenta la propuesta;

ii) las causas que motivan su interés en la sustitución propuesta;

iii) las causas que motivan la propuesta; y

iv) una descripción, acompañada de pruebas documentales, de las otras medidas que se hayan adoptado con el fin de resolver la situación y de los motivos por los cuales dichas medidas no han sido suficientes.

Entre esas propuestas podrá figurar una relativa a una nueva denominación común internacional sustitutiva, formulada con arreglo a los Principios generales y que tenga en cuenta la sustancia farmacéutica para la que se proponga la nueva denominación común internacional sustitutiva.

La Secretaría enviará al Grupo de Expertos en DCI y al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que sea una persona diferente de la que ha presentado la propuesta de sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales) una copia de la propuesta, para que sea examinada de conformidad con el procedimiento descrito en el párrafo b) *infra*.

Además, la Secretaría solicitará observaciones sobre la propuesta:

λ a los Estados Miembros y a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas u otros organismos designados por los Estados Miembros (ello se hará incluyendo una notificación a tal efecto en la carta a la que se refiere el párrafo a) del artículo 3), y

λ a cualquier persona que tenga un interés especial en la sustitución propuesta.

Al solicitar que se formulen estas observaciones se facilitarán los siguientes datos:

λ la denominación común internacional recomendada que se propone sustituir (y la denominación sustitutiva propuesta, si se ha facilitado);

- ii)* la identidad de la persona que ha presentado la propuesta de sustitución (si lo pide esa persona);
- iii)* la identidad de la sustancia a la que se refiere la sustitución propuesta y las razones para presentar la propuesta de sustitución;
- iv)* el plazo fijado para recibir observaciones, así como el nombre y la dirección de la persona a quien deban dirigirse; y
- v)* los poderes conferidos para el caso a la OMS y una referencia al presente procedimiento.

Toda persona puede formular a la OMS observaciones sobre la sustitución propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a la fecha en que se realizó la solicitud de observaciones.

b) Una vez agotado el mencionado plazo para la formulación de observaciones, la Secretaría enviará todos los comentarios recibidos al Grupo de Expertos en DCI, al solicitante inicial o a su sucesor, y a la persona que haya presentado la propuesta de sustitución. Si después de examinar la propuesta de sustitución y las observaciones recibidas, el Grupo de Expertos en DCI, la persona que haya presentado la propuesta de sustitución y el solicitante inicial, o su sucesor, están de acuerdo en la necesidad de sustituir la denominación común internacional recomendada anteriormente, la Secretaría remitirá la propuesta de sustitución al Grupo de Expertos en DCI para que la tramite.

No obstante lo anterior, el solicitante inicial o su sucesor no tendrán derecho a impedir el acuerdo sobre una propuesta de sustitución en el caso de que hayan dejado de tener un interés demostrable en la denominación común internacional cuya sustitución se propone.

En caso de que la propuesta de sustitución sea presentada al Grupo de Expertos en DCI para que la tramite, este grupo seleccionará una nueva denominación común internacional de conformidad con los Principios generales a los que se refiere el artículo 2 y al procedimiento establecido en los artículos 3 a 8 inclusive. En ese caso, en las notificaciones que la Secretaría ha de enviar con arreglo a los artículos 3 y 7, respectivamente, incluida la notificación al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que no sea la misma persona que propuso la sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales), se indicará que la nueva denominación sustituye a una denominación común internacional recomendada anteriormente y que los Estados Miembros podrán, si lo estiman oportuno, adoptar disposiciones transitorias aplicables a los productos existentes en cuya etiqueta se utilice, con arreglo a la legislación nacional, la denominación común internacional recomendada anteriormente que se haya sustituido.

En caso de que, después de haber estudiado la propuesta de sustitución y los comentarios recibidos de conformidad con el procedimiento descrito anteriormente, el Grupo de Expertos en DCI, el solicitante inicial o su sucesor y la persona que haya presentado la propuesta de sustitución no lleguen a un acuerdo sobre la existencia de razones poderosas para sustituir una denominación común internacional recomendada anteriormente, esta denominación se mantendrá (siempre en el entendimiento de que el solicitante inicial o su sucesor no tendrán derecho a impedir el acuerdo sobre una propuesta de sustitución en el caso de que hayan dejado de tener un interés demostrable en la denominación común internacional cuya sustitución se propone). En ese caso, la Secretaría comunicará a la persona que haya propuesto la sustitución, así como al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que no sea la misma persona que propuso la sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales), a los Estados Miembros, a las comisiones

nacionales y regionales de las farmacopeas o a otros organismos designados por los Estados Miembros y a cualquier otra persona que tenga interés en la sustitución propuesta, que, pese a la presentación de una propuesta de sustitución, se ha decidido mantener la denominación común internacional recomendada anteriormente (con una descripción de la o las razones por las que se ha considerado que la propuesta de sustitución no estaba respaldada por razones suficientemente poderosas).

ANEXO 2

PRINCIPIOS GENERALES DE ORIENTACIÓN PARA FORMAR DENOMINACIONES COMUNES INTERNACIONALES PARA SUSTANCIAS FARMACÉUTICAS¹

1. Las denominaciones comunes internacionales (DCI) deberán diferenciarse tanto fonética como ortográficamente. No deberán ser incómodamente largas, ni dar lugar a confusión con denominaciones de uso común.

2. La DCI de una sustancia que pertenezca a un grupo de sustancias farmacológicamente emparentadas deberá mostrar apropiadamente este parentesco. Deberán evitarse las denominaciones que puedan tener connotaciones anatómicas, fisiológicas, patológicas o terapéuticas para el paciente.

Estos principios primarios se pondrán en práctica utilizando los siguientes principios secundarios:

3. Al idear la DCI de la primera sustancia de un nuevo grupo farmacológico, deberá tenerse en cuenta la posibilidad de poder formar DCI convenientes para las sustancias emparentadas que se agreguen al nuevo grupo.

4. Al idear DCI para ácidos, se preferirán las de una sola palabra; sus sales deberán denominarse sin modificar el nombre del ácido: p. ej. «oxacilina» y «oxacilina sódica», «ibufenaco» y «ibufenaco sódico».

5. Las DCI para las sustancias que se usan en forma de sal deberán en general aplicarse a la base activa o al ácido activo. Las denominaciones para diferentes sales o ésteres de la misma sustancia activa solamente deberán diferir en el nombre del ácido o de la base inactivos. En los compuestos de amonio cuaternario, el catión y el anión deberán denominarse adecuadamente por separado, como componentes independientes de una sustancia cuaternaria y no como sales de una amina.

6. Deberá evitarse el empleo de letras o números aislados; también es indeseable el empleo de guiones.

7. Para facilitar la traducción y la pronunciación, se emplearán de preferencia las letras «f» en lugar de «ph», «t» en lugar de «th», «e» en lugar de «ae» u «oe», e «i» en lugar de «y»; se deberá evitar el empleo de las letras «h» y «k».

8. Siempre que las denominaciones propuestas estén de acuerdo con estos principios, recibirán una consideración preferente las denominaciones propuestas por la persona que haya descubierto las sustancias, o que fabrique y comercialice por primera vez una sustancia farmacéutica, así como las denominaciones ya adoptadas oficialmente en cualquier país.

¹ En su 20º informe (OMS, Serie de Informes Técnicos, N° 581, 1975), el Comité de Expertos de la OMS en Denominaciones Comunes para las Sustancias Farmacéuticas revisó los Principios generales para formar denominaciones comunes internacionales (DCI), y su procedimiento de selección, a la luz de las novedades registradas en los últimos años en materia de compuestos farmacéuticos. El cambio más importante había consistido en hacer extensivo a la denominación de sustancias químicas sintéticas el método utilizado hasta entonces para las sustancias originadas en productos naturales o derivadas de éstos. Dicho método conlleva la utilización de una «partícula» característica que indica una propiedad común a los miembros de un grupo. En el citado informe se examinan en detalle las razones y consecuencias de este cambio.

Los Principios generales de orientación se actualizaron durante la 13ª consulta sobre denominaciones comunes para sustancias farmacéuticas (Ginebra, 27 a 29 de abril de 1983) (PHARM S/NOM 928, 13 de mayo de 1983, revisado el 18 de agosto de 1983).

9. El parentesco entre sustancias del mismo grupo se pondrá de manifiesto en las DCI (véase el Principio 2) utilizando una partícula común. En la lista que figura a continuación se indican ejemplos de partículas para grupos de sustancias, en particular para grupos nuevos. Existen muchas otras partículas que se usan habitualmente.¹ Cuando una partícula aparece sin guión al final, puede utilizarse en cualquier lugar de la palabra.

Latín	Español	
-acum	-aco	antiinflamatorios derivados del ibufenaco
-adolum	-adol)	analgésicos
-adol-	-adol-)	
-astum	-ast	antiasmáticos, sustancias antialérgicas cuya acción principal no es la antihistamínica
-astinum	-astina	antihistamínicos
-azepamum	-azepam	derivados del diazepam
bol	bol	esteroides anabolizantes
-cain-	-caína-	antiarrítmicos de clase I, derivados de procainamida y lidocaína
-cainum	-caína-	anestésicos locales
cef-	cef-	antibióticos, derivados del ácido cefalosporánico
-cillinum	-cilina	antibióticos derivados del ácido 6-aminopenicilánico
-conazolum	-conazol	antifúngicos sistémicos derivados del miconazol
cort	cort	corticosteroides, excepto derivados de prednisolona
-coxibum	-coxib	inhibidores selectivos de ciclooxigenasa
-entanum	-entán	antagonistas del receptor de endotelina
gab	gab	gabamiméticos
gado-	gado-	agentes para diagnóstico derivados de gadolinio
-gartranum	-gatrán	inhibidores de la trombina antitrombóticos
gest	gest	esteroides progestágenos
gli	gli	hipoglucemiantes, antihiper glucémicos
io-	io-	medios de contraste iodados
-metacinum	-metacina	antiinflamatorios derivados de indometacina
-mycinum	-micina	antibióticos producidos por cepas de <i>Streptomyces</i>
-nidazolum	-nidazol	antiprotozoarios derivados de metronidazol
-ololum	-olol	antagonistas de receptores β-adrenérgicos
-oxacinum	-oxacino	antibacterianos derivados del ácido nalidíxico
-platinum	-platino	antineoplásicos derivados del platino
-poetinum	-poetina	factores sanguíneos similares a la eritropoyetina
-pril(at)um	-pril(at)	inhibidores de la enzima convertidora de la angiotensina
-profenum	-profeno	antiinflamatorios derivados del ibuprofeno
prost	prost	prostaglandinas
-relinum	-relina	péptidos estimulantes de la liberación de hormonas hipofisarias
-sartanum	-sartán	antihipertensivos (no peptídicos) antagonistas del receptor de angiotensina II
-vaptanum	-vaptán	antagonistas del receptor de vasopresina
vin-	vin-)	alcaloides de la vinca
-vin-	-vin-)	

¹ En el documento de trabajo WHO/EMP/RHT/TSN/2018.1, que se actualiza periódicamente y puede solicitarse al Programa sobre Denominaciones Comunes Internacionales, OMS, Ginebra, figura una lista más amplia de partículas.