

International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances (INN)

Notice is hereby given that, in accordance with article 3 of the Procedure for the Selection of Recommended International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances, the names given in the list on the following pages are under consideration by the World Health Organization as Proposed International Nonproprietary Names. The inclusion of a name in the lists of Proposed International Nonproprietary Names does not imply any recommendation of the use of the substance in medicine or pharmacy.

Lists of Proposed (1–117) and Recommended (1–78) International Nonproprietary Names can be found in *Cumulative List No. 17, 2017* (available in CD-ROM only). The statements indicating action and use are based largely on information supplied by the manufacturer. **This information is merely meant to provide an indication of the potential use of new substances at the time they are accorded Proposed International Nonproprietary Names.** WHO is not in a position either to uphold these statements or to comment on the efficacy of the action claimed. Because of their provisional nature, these descriptors will neither be revised **nor included in the Cumulative Lists of INNs.**

Dénominations communes internationales des Substances pharmaceutiques (DCI)

Il est notifié que, conformément aux dispositions de l'article 3 de la Procédure à suivre en vue du choix de Dénominations communes internationales recommandées pour les Substances pharmaceutiques les dénominations ci-dessous sont mises à l'étude par l'Organisation mondiale de la Santé en tant que dénominations communes internationales proposées. L'inclusion d'une dénomination dans les listes de DCI proposées n'implique aucune recommandation en vue de l'utilisation de la substance correspondante en médecine ou en pharmacie.

On trouvera d'autres listes de Dénominations communes internationales proposées (1–117) et recommandées (1–78) dans la *Liste récapitulative No. 17, 2017* (disponible sur CD-ROM seulement). Les mentions indiquant les propriétés et les indications des substances sont fondées sur les renseignements communiqués par le fabricant. **Elles ne visent qu'à donner une idée de l'utilisation potentielle des nouvelles substances au moment où elles sont l'objet de propositions de DCI.** L'OMS n'est pas en mesure de confirmer ces déclarations ni de faire de commentaires sur l'efficacité du mode d'action ainsi décrit. En raison de leur caractère provisoire, ces informations **ne figureront pas dans les listes récapitulatives de DCI.**

Denominaciones Comunes Internacionales para las Sustancias Farmacéuticas (DCI)

De conformidad con lo que dispone el párrafo 3 del "Procedimiento de Selección de Denominaciones Comunes Internacionales Recomendadas para las Sustancias Farmacéuticas", se comunica por el presente anuncio que las denominaciones detalladas en las páginas siguientes están sometidas a estudio por la Organización Mundial de La Salud como Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas. La inclusión de una denominación en las listas de las DCI Propuestas no supone recomendación alguna en favor del empleo de la sustancia respectiva en medicina o en farmacia.

Las listas de Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (1–117) y Recomendadas (1–78) se encuentran reunidas en *Cumulative List No. 17, 2017* (disponible sólo en CD-ROM). Las indicaciones sobre acción y uso que aparecen se basan principalmente en la información facilitada por los fabricantes. **Esta información tiene por objeto dar una idea únicamente de las posibilidades de aplicación de las nuevas sustancias a las que se asigna una DCI Propuesta.** La OMS no está facultada para respaldar esas indicaciones ni para formular comentarios sobre la eficacia de la acción que se atribuye al producto. Debido a su carácter provisional, esos datos descriptivos **no deben incluirse en las listas recapitulativas de DCI.**

Proposed International Nonproprietary Names: List 133

Comments on, or formal objections to, the proposed names may be forwarded by any person to the INN Programme of the World Health Organization within four months of the date of their publication in *WHO Drug Information*, i.e., for **List 133 of Proposed INN not later than 10 November 2025. Publication date: 11.07.2025**

Dénominations communes internationales proposées: Liste 133

Des observations ou des objections formelles à l'égard des dénominations proposées peuvent être adressées par toute personne au Programme des Dénominations communes internationales de l'Organisation mondiale de la Santé dans un délai de quatre mois à compter de la date de leur publication dans *WHO Drug Information*, c'est à dire pour la **Liste 133 de DCI Proposées le 10 novembre 2025 au plus tard. Date de publication : 11.07.2025**

Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas: Lista 133

Cualquier persona puede dirigir observaciones u objeciones respecto de las denominaciones propuestas, al Programa de Comunes Internacionales de la Organización Mundial de la Salud, en un plazo de cuatro meses, contados desde la fecha de su publicación en *WHO Drug Information*, es decir, para **la Lista 133 de DCI Propuestas el 10 de Noviembre de 2025 a más tardar.**

Fecha de publicación: 11.07.2025

Proposed INN (Latin, English, French, Spanish)	Chemical name or description: Action and use: Molecular formula, Chemical Abstracts Service (CAS) registry number: Graphic formula
DCI Proposée	Nom chimique ou description: Propriétés et indications: Formule brute, Numéro dans le registre du CAS: Formule développée
DCI Propuesta	Nombre químico o descripción: Acción y uso: Fórmula molecular, Número de registro del CAS: Fórmula desarrollada

abdakibartum #
abdakibart

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL1B
(interleukin 1 beta, IL-1B, 1L1F2)], humanized
monoclonal antibody;

	H-gamma4 heavy chain humanized (1-447) [VH (<i>Homo sapiens</i>IGHV1-69*08 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (92.9%) R120>Q (112), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -<i>Homo sapiens</i>IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (121-218), hinge 1-12 S10>P (228) (219-230), CH2 L92 (309) (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (121-447)], (134-214')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i>IGKV1-16*01 (82.1%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i>IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa <i>interleukin-1 beta inhibitor, immunomodulator</i>
abdakibart	immunoglobuline G4-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> IL1B (interleukine 1 bêta, IL-1B, 1L1F2)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde H-gamma4 humanisée (1-447) [VH (<i>Homo sapiens</i>IGHV1-69*08 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (92.9%) R120>Q (112), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -<i>Homo sapiens</i>IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (121-218), charnière 1-12 S10>P (228) (219-230), CH2 L92 (309) (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (121-447)], (134-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i>IGKV1-16*01 (82.1%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i>IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa <i>inhibiteur de l'interleukine-1 bêta, immunomodulateur</i>
abdakibart	immunoglobulina G4-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> IL1B (interleukina 1 beta, IL-1B, 1L1F2)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada H-gamma4 humanizada (1-447) [VH (<i>Homo sapiens</i>IGHV1-69*08 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (92.9%) R120>Q (112), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -<i>Homo sapiens</i>IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (121-218), bisagra 1-12 S10>P (228) (219-230), CH2 L92 (309) (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (121-447)], (134-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i>IGKV1-16*01 (82.1%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i>IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa <i>inhibidor de la interleukina-1 beta, inmunomodulador</i>

3034641-53-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H⁺)
QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SKASGYTFD RYWIEWVRQA PGQGLEWMGE 50
ILPGSGDINY NEKFKGRVTI TADKSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCARMY 100
YDYPDQGFDLW GQGTLTVTSS ASTKGPSVFP LAPCSRSTSE STAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTTK 200
YTCNVDHKPS NTKVDKRVES KYGPPCPFCF APEFLGGPSV FLFPKPKD 250
LMISRTPEVT CVVVDVVSQED FEVQFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQFNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKGLPS SIEKTISKAK GQPREPQVYT 350
LPFSQEMTK NQVSLTCLVR GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTPEVLDS 400
DGSFFLYSRL TVDKSRWQEG NVFSCSVME ALHNHYTQKS LSLSLGK 447

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L⁺)
DIQMTQSPSS LSASVGRVIT ITCKFSQDID RFLSWFQQKP GKAPKSLIYR 50
VKRLVDGVPS RFGSGSGSDT FTLTISLQPD EDFATYYCVQ YDEFPYGFPG 100
GTRKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNEY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSEFVTKSFN RGEIC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 261-321 367-425
22"-96" 147"-203" 261"-321" 367"-425"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 134-214' 134"-214"
Inter-H-H (h 8, h 11) 226-226" 229-229"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxopropyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxopropilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 297, 297"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 447, 447"

acmopatidium
acmopatide

N-[2-[[[2-(2-oxopiperidin-1-yl)ethyl]amino]-2-oxoethyl]thio]acetyl]-L-α-glutamylglycyl-L-threonyl-L-phenylalanyl-L-threonyl-L-seryl-L-α-aspartyl-L-tyrosyl-L-seryl-L-isoleucyl-L-tyrosyl-L-leucyl-L-α-aspartyl-L-lysyl-L-glutaminy-L-alanyl-L-alanyl-2-methylalanyl-L-α-glutamyl-L-phenylalanyl-L-valyl-L-asparaginy-L-tryptophyl-L-leucyl-L-leucyl-L-alanylglycylglycyl-L-prolyl-L-seryl-L-serylglycyl-L-alanyl-L-prolyl-L-prolyl-L-prolyl-L-seryl-*N*⁶-[*N*-hexadecanoyl-L-γ-glutamyl]-L-lysineamide *dual gastric inhibitory polypeptide (GIP) and glucagon-like peptide 1 (GLP-1) receptor agonist, antidiabetic*

acmopatide

N-[2-[[[2-(2-oxopiperidin-1-yl)éthyl]amino]-2-oxoéthyl]thio]acétyl]-L-α-glutamylglycyl-L-thréonyl-L-phénylalanyl-L-thréonyl-L-séryl-L-α-aspartyl-L-tyrosyl-L-séryl-L-isoleucyl-L-tyrosyl-L-leucyl-L-α-aspartyl-L-lysyl-L-glutaminy-L-alanyl-L-alanyl-2-méthylalanyl-L-α-glutamyl-L-phénylalanyl-L-valyl-L-asparaginy-L-tryptophyl-L-leucyl-L-leucyl-L-alanylglycylglycyl-L-prolyl-L-séryl-L-sérylglycyl-L-alanyl-L-prolyl-L-prolyl-L-prolyl-L-séryl-*N*⁶-[*N*-hexadécanoyl-L-γ-glutamyl]-L-lysineamide *agoniste double des récepteurs du polypeptide inhibiteur gastrique (GIP) et du peptide de type glucagon 1 (GLP-1), antidiabétique*

acmopatida

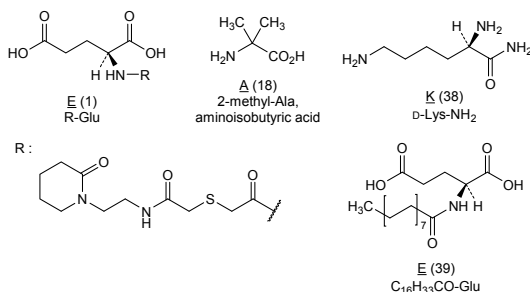
N-[2-[[2-[[2-(2-oxopiperidin-1-yl)etil]amino]-2-oxoetil]tio]acetil]-L- α -glutamylglycyl-L-treonil-L-fenilalanil-L-treonil-L-seril-L- α -aspartil-L-tirosil-L-seril-L-isoleucil-L-tirosil-L-leucil-L- α -aspartil-L-lisil-L-glutaminil-L-alanil-L-alanil-2-metilalanil-L- α -glutamyl-L-fenilalanil-L-valil-L-asparaginil-L-triptofil-L-leucil-L-leucil-L-alanilglycylglycyl-L-prolil-L-seril-L-serilglycyl-L-alanil-L-prolil-L-prolil-L-prolil-L-seril-*N*⁶-[*N*-hexadecanoil-L- γ -glutamyl]-L-lisinamida
agonista dual de los receptores del polipéptido inhibidor gástrico (GIP) y del péptido 1 similar al glucagón (GLP-1), antidiabético

C₂₁₄H₃₂₃N₇₄O₆₄S

2377239-31-9

EGTFTSDYSI YLDKQAAAEF VNWLLAGGPS SGAPPPSKE 39

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados

**actinium (²²⁵Ac) felivotidum mopaxetanum**actinium (²²⁵Ac) felivotide mopaxetan

trihydrogen [(16S)-16-[(31S)-31-carboxylato-40-(4-iodophényl)-29,37-dioxo-5,8,11,14,17,20,23,26-octaoxa-2,30,36-triazatetracontan-1-oyl]-1³-[({N²-[(L-glutamato-*N*-yl)carbonyl]-L-lysinato-*N*⁶-yl}carbonyl)amino]-14-oxo-22-sulfanylidene-5,8,11,27,30⁴,30⁷,30¹³,30¹⁶-octaoxa-15,21,23,30¹,30¹⁰-pentaaza-28(4,2),32(2)-dipyridina-2(4,1)-[1,2,3]triazola-30(1,10)-cyclooctadecana-1(1),24(1,4)-dibenzenadotriacontaphane- $\kappa^8 N^{28.1}, N^{30.1}, N^{30.10}, N^{32.1}, O^{30.4}, O^{30.7}, O^{30.13}, O^{30.16}, 28^6, 32^6$ -di(carboxylato- κO)](²²⁵Ac)actinate(3-)
antineoplastic

actinium (²²⁵Ac) félivetide mopaxétan

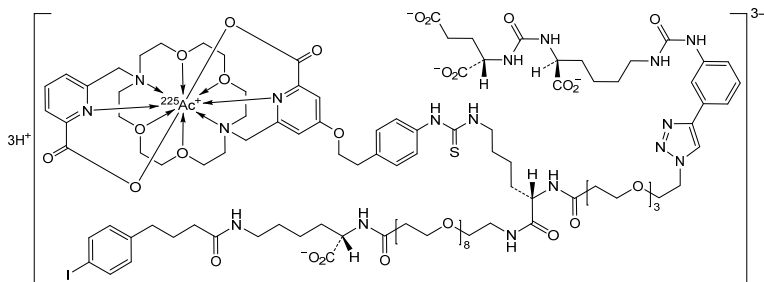
trihidrogéno[(16S)-16-[(31S)-31-carboxylato-40-(4-iodophényl)-29,37-dioxo-5,8,11,14,17,20,23,26-octaoxa-2,30,36-triazatétracontan-1-oyl]-1³-[({N²-[(L-glutamato-*N*-yl)carbonyl]-L-lysinato-*N*⁶-yl}carbonyl)amino]-14-oxo-22-sulfanylidène-5,8,11,27,30⁴,30⁷,30¹³,30¹⁶-octaoxa-15,21,23,30¹,30¹⁰-pentaaza-28(4,2),32(2)-dipyridina-2(4,1)-[1,2,3]triazola-30(1,10)-cyclooctadécana-1(1),24(1,4)-dibenzénadotriacontaphane- $\kappa^8 N^{28.1}, N^{30.1}, N^{30.10}, N^{32.1}, O^{30.4}, O^{30.7}, O^{30.13}, O^{30.16}, 28^6, 32^6$ -di(carboxylato- κO)](²²⁵Ac)actinate(3-)
antineoplasique

actinio (^{225}Ac) felivotida mopaxetán

trihidrógeno[(16S)-16-[(31S)-31-carboxilato-40-(4-iodofenil)-29,37-dioxo-5,8,11,14,17,20,23,26-octaoxa-2,30,36-triazatetracontan-1-oi]-1³-[({N²-[L-glutamato-N-il)carbonil]-L-lisinato-N⁶-il}carbonil)amino]-14-oxo-22-sulfanilideno-5,8,11,27,30⁴,30⁷,30¹³,30¹⁶-octaoxa-15,21,23,30¹,30¹⁰-pentaaza-28(4,2),32(2)-dipiridina-2(4,1)-[1,2,3]triazola-30(1,10)-ciclooctadecana-1(1),24(1,4)-dibenzenadotriacontafano- $\kappa^8\text{N}^{28.1},\text{N}^{30.1},\text{N}^{30.10},\text{N}^{32.1},\text{O}^{30.4},\text{O}^{30.7},\text{O}^{30.13},\text{O}^{30.16},28^6,32^6$ -di(carboxilato- κO)](^{225}Ac)actinato(3-)
antineoplásico

 $\text{C}_{106}\text{H}_{153}^{225}\text{AcIN}_{17}\text{O}_{34}\text{S}$

3036453-82-1

actinium (^{225}Ac) pelgifatamabum mopaxetanumactinium (^{225}Ac) pelgifatamab mopaxetan

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FOLH1 (folate hydrolase, prostate specific membrane antigen, PSMA)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; conjugated to mopaxetan and radiolabeled with actinium-225;

H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-453) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-33*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112)) (1-123) -*Homo sapiens*IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (220) (124-221), hinge 1-15 (222-236), CH2 (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-27*01 (94.7%) -IGKJ3*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (232-232":235-235")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-K1 cell line, glycoform alfa; conjugated via the side chain nitrogen of an average of 0.8 lysine residues to (^{225}Ac)actinium radiolabeled [4-(2-{[2-carboxy-6-({16-[(6-carboxypyridin-2-yl)methyl]-1,4,10,13-tetraoxa-7,16-diazacyclooctadecan-7-yl)methyl}pyridin-4-yl]oxy}ethyl)phenyl]carbamothioyl (mopaxetan) groups
antineoplastic

actinium (^{225}Ac) pelgifatamab mopaxétan

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FOLH1 (folate hydrolase, antigène membranaire spécifique de la prostate, PSMA)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*, conjugué au mopaxetan et radiomarké à l'actinium-225; chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (96.9%) -(IGHD) - IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112)) (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (220) (124-221), charnière 1-15 (222-236), CH2 (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-27*01 (94.7%) -IGKJ3*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (232-232''-235-235'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa; conjugué par l'azote de la chaîne latérale de 0.8 résidus de lysine en moyenne au groupe [4-(2-{{[2-carboxy-6-{{16-[[6-carboxypyridin-2-yl)méthyl]-1,4,10,13-tétraoxa-7,16-diazacyclooctadécan-7-yl)méthyl}pyridin-4-yl]oxy}éthyl)phényl]carbamoithioyle (*mopaxetan*) radiomarké au (^{225}Ac)actinium
antinéoplasique

actinio (^{225}Ac) pelgifatamab mopaxétan

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FOLH1 (folato hidrolasa, antígeno membranario específico de la próstata, PSMA)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*, conjugado con mopaxetan y radiomarcado con el actinio-225; cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (96.9%) -(IGHD) - IGHJ6*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112) (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (220) (124-221), bisagra 1-15 (222-236), CH2 (237-346), CH3 E12 (362), M14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-27*01 (94.7%) -IGKJ3*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (232-232''-235-235'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa; conjugado por el nitrógeno de la cadena lateral de 0.8 residuos de lisina en promedio al grupo [4-(2-{{[2-carboxi-6-{{16-[[6-carboxipiridin-2-il]metil]-1,4,10,13-tetraoxa-7,16-diazaciclooctadecan-7-il]metil}piridin-4-il]oxi}etil)fenil]carbamoitioilo (*mopaxetan*) radiomarcado con el (^{225}Ac)actinio
antineoplásico

3034630-52-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H')

QVQLVESGGG VVQPGSRSLRL SCAASGFAFS RYGMHWVRQA PGKGLEWVAV 50
 IWYDGSNKYY ADSVKGRFTI SRDNSKNTQY LQMNSLRAED TAVYYCARGG 100
 DFLYYYYYGM DVWGQGTITVT VSSASTKGPS VFPLAPSSKS TSGGTAALGC 150
 LVKDYFFPEPV TVSWNSGALT SGVHTFPAVL QSSGLYSLS VVTVPSSSLG 200
 TQTYICNVNH KPSNTKVDKR VEPKSCDKTH TCPPCPAPEL LGGPSVFLFP 250
 PKPKDTLMIS RTPEVTCVVV DVSHEDPEVK FNWYVDGVEV HNAKTKPREE 300
 QYNSTYRVVS VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKALPAPIEK TISKAKGQPR 350
 EPQVYTLPPS REEMTKNQVS LTCLVKGFYP SDIAVEWESN GPENNYKTT 400
 PPVLDSDGSF FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSVMHEALHN HYTKSLSLS 450
 PGK 453

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L')

DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQGIS NYLAWYQOKT GKVPKFLIYE 50
 ASTLQSGVPS RFSGGSGGTD FTLTISLQD EDVATYYCQN YNSAPTFPG 100
 GTKVDIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
 LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 150-206 267-327 373-431

22"-96" 150"-206" 267"-327" 373"-431"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'

23'''-88''' 134'''-194'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 226-214' 226"-214'''

Inter-H-H (h 11, h 14) 232-232" 235-235"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxopropyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)

H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 303, 303"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados

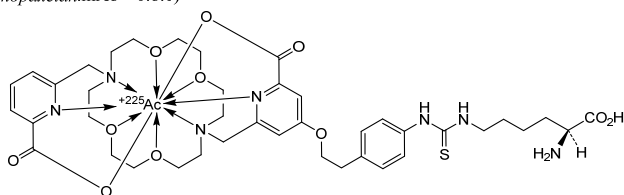
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 453, 453"

Modified residues / résidus modifiés / restos modificados*

K

*(mopaxetan:mAb ~ 0.8:1)

actinium (²²⁵Ac) vipivotidum tetraacetanumactinium (²²⁵Ac) vipivotide tetraacetan

{N-[(N⁶-{3-(naphthalen-2-yl)-N-[trans-4-((2-[4,7,10-tris(carboxylato-κO-methyl)-1,4,7,10-tetraazacyclododecan-1-yl-κ⁴N¹,N⁴,N⁷,N¹⁰]acetamido-κO)methyl)cyclohexane-1-carbonyl]-L-alanyl]-N²-L-lysino)carbonyl]-L-glutamic acid}{²²⁵Ac)actinium
antineoplastic

actinium (^{225}Ac) vipivotide tétraxétan

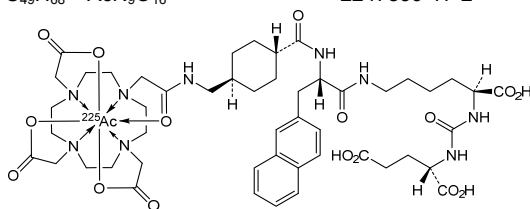
{acide N -[(N^6 -{3-(naphtalén-2-yl)- N -[*trans*-4-({2-[4,7,10-tris(carboxylato- κ O-méthyl)-1,4,7,10-tétrazacyclododécan-1-yl- $\kappa^4 N^1, N^4, N^7, N^{10}$]acétamido- κ O)méthyl}cyclohexane-1-carbonyl]-L-alanyl)- N^2 -L-lysino)carbonyl]-L-glutamique)}(^{225}Ac)actinium
antinéoplasique

actinio (^{225}Ac) vipivotida tetraxetán

{ácido N -[(N^6 -{3-(naftalen-2-il)- N -[*trans*-4-({2-[4,7,10-tris(carboxilato- κ O-metil)-1,4,7,10-tetraazaciclododecan-1-il- $\kappa^4 N^1, N^4, N^7, N^{10}$]acetamido- κ O)metil}ciclohexano-1-carbonil]-L-alanil)- N^2 -L-lisino)carbonil]-L-glutámico)}(^{225}Ac)actinio
antineoplásico

 $\text{C}_{49}\text{H}_{68}^{225}\text{AcN}_9\text{O}_{16}$

2247839-17-2



adibelivirum

adibelivir

2-(2',5'-difluoro[1,1'-biphenyl]-4-yl)- N -[5-(S)-methanesulfonimidoyl]-4-methyl-1,3-thiazol-2-yl]- N -methylacetamide
HSV helicase primase inhibitor, antiviral

adibélivir

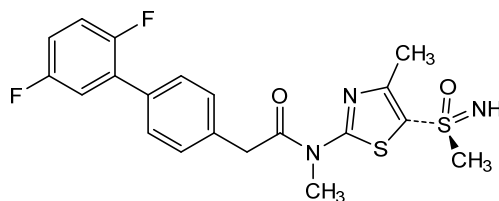
2-(2',5'-difluoro[1,1'-biphényl]-4-yl)- N -[5-(S)-méthanesulfonimidoyl]-4-méthyl-1,3-thiazol-2-yl]- N -méthylacétamide
inhibiteur de la HSV hélicase primase, antiviral

adibelivir

2-(2',5'-difluoro[1,1'-bifenil]-4-yl)- N -[5-(S)-metanosulfonimidoil]-4-metil-1,3-thiazol-2-yl]- N -metilacetamida
inhibidor de la HSV helicasa primasa, antiviral

 $\text{C}_{20}\text{H}_{19}\text{F}_2\text{N}_3\text{O}_2\text{S}_2$

2305750-23-4



adupegimerum

adupegimer

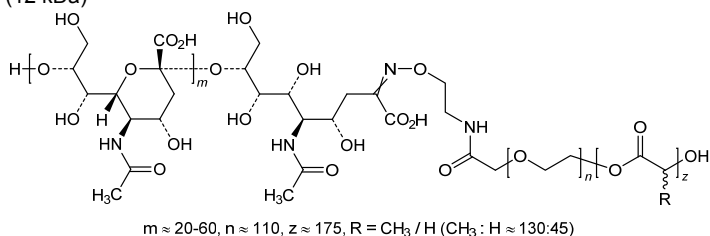
poly-($\alpha 2 \rightarrow 8$)-(N-acetylneuraminic acid), terminal 2-[O-(2-aminoethyl)oxime], N -acylated with O-(carboxymethyl)polyethylene glycol O'-ester with poly(glycolic acid-co-DL-lactic acid);

α -(2-[[2-[[[(2 $\rightarrow$ 8)-5-acetamido-3,5-dideoxy- α -D-glycero-D-galacto-non-2-ulopyranonan- α -osyl-(2 $\rightarrow$ 8)-(2 Ξ)-5-acetamido-2,3,5-trideoxy- α -D-glycero-D-galacto-nononic acid-2-ylidene]amino]oxy]ethyl]amino)-2-oxoethyl)- ω -hydroxypoly{(oxyethylene)-*block*-[[oxy[(2RS)-2-methyl-1-oxoethylene]]-co-[oxy(1-oxoethylene)]] (130:45))
anti-inflammatory, immunosuppressant

adupéguimère poly-(α 2 $\rightarrow$ 8)-(acide *N*-acétylneuraminique), 2-[O-(2-aminoéthyl)oxime] terminal, *N*-acilé avec O-(carboxyméthyl)polyéthylène glycol O'-ester avec poly(acide glycolique-co-acide DL-lactique);
 α -(2-[[2-[[[(2 $\rightarrow$ 8)-5-acétamido-3,5-didésoxy- α -D-glycéro-D-galacto-non-2-ulopyranonan- α -osyl-(2 $\rightarrow$ 8)-acide (2 Ξ)-5-acétamido-2,3,5-tridésoxy- α -D-glycéro-D-galacto-nononique-2-ylidène]amino]oxy]éthyl]amino)-2-oxoéthyl)- ω -hydroxypoly{(oxyéthylène)-*bloc*-[[oxy[(2RS)-2-méthyl-1-oxoéthylène]]-co-[oxy(1-oxoéthylène)]] (130:45))
anti-inflammatoire, immunosupresseur

adupegíméro poli-(α 2 $\rightarrow$ 8)-(ácido *N*-acetilneuramínico), 2-[O-(2-aminoetil)oxima] terminal, *N*-acilado con O-(carboximetil)polietilenglicol O'-ester con poli(ácido glicólico-co-ácido DL-láctico);
 α -(2-[[2-[[[(2 $\rightarrow$ 8)-5-acetamido-3,5-didesoxi- α -D-glicero-D-galacto-non-2-ulopiranonano- α -osil-(2 $\rightarrow$ 8)-ácido (2 Ξ)-5-acetamido-2,3,5-tridesoxi- α -D-glicero-D-galacto-nonónico-2-ilideno]amino]oxi]etil]amino)-2-oxoetil)- ω -hidroxipoli{(oxietileno)-*bloque*-[[oxi[(2RS)-2-metil-1-oxoetileno]]-co-[oxi(1-oxoetileno)]] (130:45))
antiinflamatorio, inmunosupresor

$C_{15}H_{27}N_3O_{11} (C_{11}H_{17}NO_8)_m (C_2H_4O)_n (C_3H_4O_2)_x$ 3080244-88-5
 $(C_2H_2O_2)_y$
 $m \approx 20-60, n \approx 110$ (5 kDa), $x + y \approx 130 + 45 = 175$
 (12 kDa)



alcudacigibum
 alcudacigib

N-[2-[(3S)-3-(aminométhyl)piperidin-1-yl]-4-phénoxy-3-(trifluorométhyl)phényl]-2-(pyridazin-4-yl)-1,3-thiazole-4-carboxamide
diacylglycerol kinase inhibitor, antineoplastic

alcudacigib

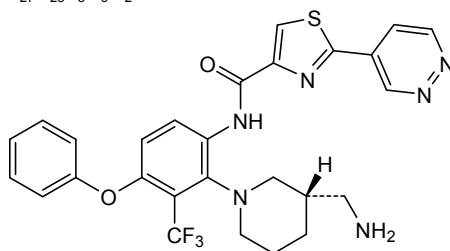
N-[2-[(3S)-3-(aminométhyl)pipéridin-1-yl]-4-phénoxy-3-(trifluorométhyl)phényl]-2-(pyridazin-4-yl)-1,3-thiazole-4-carboxamide
inhibiteur de la diacylglycérol kinase, antinéoplasique

alcudacigib

N-[2-[(3S)-3-(aminometil)piperidin-1-il]-4-fenoxi-3-(trifluorometil)fenil]-2-(piridazin-4-il)-1,3-tiazol-4-carboxamida
inhibidor de la diacilglicerol kinasa, antineoplásico

$C_{27}H_{25}F_3N_6O_2S$

2660218-70-0

**amdigluraxum**

amdiglurax

(4-benzylpiperazin-1-yl){2-[(3-methylbutyl)amino]pyridin-3-yl}methanone
glutamate receptor positive allosteric modulator, antidepressant

amdiglurax

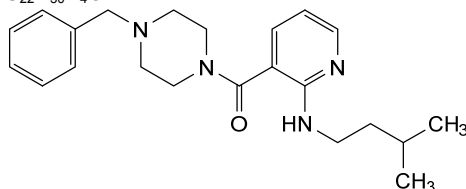
(4-benzylpipérazin-1-yl){2-[(3-méthylbutyl)amino]pyridin-3-yl}méthanone
modulateur allostérique positif du récepteur du glutamate, antidépresseur

amdiglurax

(4-bencilpiperazin-1-il){2-[(3-metilbutil)amino]piridin-3-il}metanona
modulador alostérico positivo del receptor de glutamato, antidepresivo

 $C_{22}H_{30}N_4O$

1270138-40-3

**ameteftgenum parvecum #**

ameteftgene parvec

recombinant non-replicating adeno-associated virus serotype 2 (rAAV2) vector encoding human glial cell line-derived neurotrophic factor (GDNF; also known as astrocyte-derived trophic factor (ATF)) pro-peptide under control of the cytomegalovirus (CMV) enhancer/immediate early promoter and a human growth hormone polyadenylation signal. The expression cassette also contains a human β -globin intron upstream of the transgene and is flanked by AAV2 inverted terminal repeats
gene therapy (Parkinson's disease)

améteftgène parvec

vecteur recombinant non réplcatif du virus adéno-associé de sérotype 2 (rAAV2) codant le pro-peptide du facteur neurotrophique dérivé de la lignée cellulaire gliale humaine (GDNF; également connu sous le nom de facteur trophique dérivé des astrocytes (ATF)) sous le contrôle de l'activateur/promoteur précoce immédiat du cytomégalovirus (CMV) et d'un signal de polyadénylation de l'hormone de croissance humaine. La cassette d'expression contient également un intron de la β -globine humaine en amont du transgène et est flanquée de répétitions terminales inversées du gène AAV2
thérapie génique (maladie de Parkinson)

ameteftg n parvec

vector de virus adenoasociado del serotipo 2, recombinante (rAAV2), no replicativo, que codifica el pro-p ptido del factor neurotr fico derivado de la l nea celular glial (GDNF: tambi n conocido como factor tr fico derivado de astrocitos (ATF)) humano bajo el control del potenciador de citomegalovirus (CMV)/promotor intermedio temprano y una se al de poliadenilaci n de la hormona de crecimiento humana. El casete de expresi n tambi n contiene un intr n de la  -globina humana m s arriba del transg n, y est  flanqueado por repeticiones terminales invertidas de AAV2
terapia g nica (enfermedad de Parkinson)

3035440-66-2

amsokigenum autoleucelum #

amsokigene autoleucel

autologous tumour-infiltrating lymphocytes (TILs) derived from patient tumour tissue such as melanoma or non-small cell lung cancer, transduced with a self-inactivating (SIN) gamma-retroviral vector encoding a fusion protein comprised of interleukin-15 (IL-15) fused to the C-terminal part of human CD80 that ensures membrane tethering of IL-15 via the CD80 transmembrane domain, separated by a GS linker from a human carbonic anhydrase 2 derived drug (*acetazolamide*) responsive domain (mbIL15-CA2DRD). The transgene is preceded by an immunoglobulin kappa light chain leader sequence and is under control of a retroviral MP71 promoter derived from a fragment of the myeloproliferative sarcoma virus U3 promoter, and the Woodchuck hepatitis virus post-transcriptional regulatory element (WPRE; viral X-protein deleted). The vector also contains the Moloney murine leukemia virus (MMLV) psi packaging sequence, the MMLV psi+ region, and is flanked by 5' and 3' long terminal repeats (LTRs). The vector is pseudotyped with the Gibbon ape leukemia virus (GALV) envelope glycoprotein.

The lymphocytes are mechanically isolated from resected tumour biopsies and culture expanded using a two-step protocol consisting of a cell expansion in medium supplemented with human AB serum, recombinant human interleukin 2 (rhIL-2), anti-CD3 antibody (*muromonab-CD3*) and anti-4-1BB antibody (*urelumab*). The cells are then activated with anti-CD3 prior to transduction with the gamma-retroviral vector. Following transduction, the cells are further cultured in the presence of irradiated feeder cells supplemented with human AB serum and *acetazolamide*. The final cell substance is primarily comprised of CD3+ T lymphocytes ( 80%) predominantly of CD8+ lineage, and  30% of cells express the IL-15 transgene. The CD8+ T lymphocytes generally consist of  90% effector memory T cells, <10% central memory and terminally differentiated effector memory T cells. The T-lymphocytes demonstrate interferon gamma (IFN- ) release modulated by *acetazolamide* after CD3/CD28 bead stimulation
cell therapy (antineoplastic)

amsokigène autoleucel

lymphocytes infiltrant la tumeur (TIL) autologues dérivés de tissu tumoral de patient, tels que le mélanome ou le cancer du poumon non à petites cellules, transduits par un vecteur gamma-rétroviral auto-inactivant (SIN) codant une protéine de fusion composée d'interleukine-15 (IL-15) fusionnée à la partie C-terminale du CD80 humain, qui assure la fixation membranaire de l'IL-15 via le domaine transmembranaire du CD80, séparée par un coupleur dipeptidique GS d'un domaine de réponse au médicament *acétazolamide* dérivé de l'anhydrase carbonique 2 humaine (mbIL15-CA2DRD). Le transgène est précédé d'une séquence leader de chaîne légère kappa d'immunoglobuline et est sous le contrôle d'un promoteur rétroviral MP71 dérivé d'un fragment du promoteur U3 du virus du sarcome myéloprolifératif, et de l'élément régulateur post-transcriptionnel du virus de l'hépatite de la marmotte (WPRE; protéine X virale supprimée). Le vecteur contient également la séquence d'encapsulation ψ du virus de la leucémie murine de Moloney (MMLV), la région ψ^+ du MMLV, et est flanqué de répétitions terminales (LTR) en 5' et en 3'. Le vecteur est pseudotypé avec la glycoprotéine d'enveloppe du virus de la leucémie du singe Gibbon (GALV).

Les lymphocytes sont isolés mécaniquement à partir de biopsies tumorales réséquées et cultivés selon un protocole en deux étapes consistant en une expansion cellulaire dans un milieu supplémenté en sérum AB humain, interleukine 2 humaine recombinante (rhIL-2), anticorps anti-CD3 (*muromonab-CD3*) et anticorps anti-4-1BB (*urélumab*). Les cellules sont ensuite activées par l'anti-CD3 avant transduction par le vecteur gamma-rétroviral. Après transduction, les cellules sont à nouveau cultivées en présence de cellules nourricières irradiées supplémentées en sérum AB humain et en *acétazolamide*. La substance cellulaire finale est principalement composée de lymphocytes T CD3+ ($\geq 80\%$), majoritairement de lignée CD8+, et $\geq 30\%$ des cellules expriment le transgène IL-15. Les lymphocytes T CD8+ sont généralement constitués de $\geq 90\%$ de lymphocytes T effecteurs à mémoire, $< 10\%$ de lymphocytes T effecteurs à mémoire centrale et à mémoire terminale différenciée. Les lymphocytes T présentent une libération d'interféron gamma (IFN- γ) modulée par l'*acétazolamide* après stimulation par billes CD3/CD28 *thérapie cellulaire (antinéoplasique)*

amsokigén autoleucel

linfocitos infiltrantes de tumor (TILs) autólogos derivados de tejido tumoral del paciente, como el melanoma o el cáncer de pulmón no microcítico, transducidos con un vector gamma-retroviral auto inactivante (SIN) que codifica una proteína de fusión que consta de interleuquina-15 (IL-15) fusionada con la parte C-terminal del CD80 humano lo que asegura el anclaje a la membrana de la IL-15 por medio del dominio transmembrana de CD80, separado mediante un enlazador GS del dominio de respuesta a droga (*acetazolamida*) derivado de la anhidrasa carbónica 2 humana (mbIL15-CA2DRD). El transgén está precedido por una secuencia líder de la cadena ligera kappa de inmunoglobulina y está bajo el control de un promotor retroviral MP71 derivado de un fragmento del promotor U3 del virus del sarcoma mieloproliferativo y el elemento regulador post-transcripcional del virus de la

hepatitis de la marmota (WPRe; proteína viral X delecionada). El vector también contiene la secuencia empaquetadora psi del virus de la leucemia murina de Moloney (MMLV), la región psi+ de MMLV, y está flanqueado por repeticiones terminales largas (LTRs) en 5' y 3'. El vector está pseudotipado con la glicoproteína de la envuelta del virus de la leucemia del mono Gibbon (GALV). Los linfocitos se aíslan mecánicamente de biopsias de tumor extirpado y se expanden en cultivo usando un protocolo en dos pasos que consiste en una expansión celular en medio suplementado con suero AB humano, interleuquina 2 recombinante humana (rhIL-2), anticuerpo anti-CD3 (*muromonab-CD3*) y anticuerpo anti-4-1BB (*urelumab*). Las células se activan después con anti-CD3 antes de la transducción con el vector gamma-retroviral. Tras la transducción, las células se cultivan más en presencia de células alimentadoras irradiadas suplementadas con suero AB humano y *acetazolamida*. La sustancia celular final consta primariamente de linfocitos T CD3+ (≥80%) predominantemente del linaje CD8+, y ≥30% de las células expresan el transgén de IL-15. Los linfocitos T CD8+ consisten generalmente en ≥90% de células T de memoria efectoras, <10% de células T de memoria central y de memoria efectora diferenciadas terminalmente. Los linfocitos T muestran liberación de interferón gamma (IFN-γ) modulada por *acetazolamida* tras la estimulación con bolas de CD3/CD28

terapia celular (antineoplásico)

anafilamigum #
anafilamig

immunoglobulin (H-gamma1_L-kappa)_(scFvkh-G1(h-CH2-CH3)-20mer-scFvkh), anti-[*Homo sapiens* CD79B (immunoglobulin-associated coreceptor CD79 beta), anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)] and anti-[*Homo sapiens* MS4A1 (membrane-spanning 4-domains subfamily A member 1, CD20)], *Homo sapiens* and humanized monoclonal antibody; trispecific, trivalent; H-gamma1 heavy chain anti-CD79B *Homo sapiens* (H) (1-451) hole [VH (*Homo sapiens*IGHV4-4*07 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.7.15] (26-33.51-57.96-110)) (1-121) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14-67 CH2 A1.3, A1.2, S27, 14-G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 10-G1v83 CH3 R115, F116 (CH1 R120>K (218) (122-219) (hinge 1-15 (220-234), CH2 L1.3>A(238), L1.2>A (239), D27>S (269) (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362), T22>S (370), L24>A (372), Y86>V (411), H115>R (439), Y116>F (440) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-220')-disulfide with L-kappa light chain anti-CD79B *Homo sapiens* (L') (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV2-40*01 (89.1%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; scFvkh-G1(h-CH2-CH3)-20mer-scFvkh heavy chain anti-CD3E and anti-MS4A1 (H") (1"-747") knob [scFvkh anti-CD3E humanized (1"-247") [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-11*02 (81.1%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [5.3.9] (27"-31".49"-51".88"-96")) (1"-106") -20-mer (GGSEKSSGSGSESKSTGGS) linker (107"-126") -VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01

(92.9%), CDR-IMGT [8.8.14] (152"-159".177"-184".223"-236")) (127"-247")) -G1(h-CH2-CH3) (248"-479") [*Homo sapiens*IGHG1*03v, nG1m1 CH3 E12, M14, 15-G1v37 h S5, 6-G1v14-67 CH2 A1.3, A1.2, S27, 14-G1v32 CH3 W22 (knob) (hinge 1-15 C5>S(252")) (248"-262"), CH2 L1.3>A (266"), L1.2>A (267"), D27>S (297") (263"-372"), CH3 E12 (388"), M14 (390"), T22>W (398") (373"-477"), CHS (478"-479"))] -20-mer tetrakis(tetraglycyl-seryl) linker (480"-499") - scFvkh anti-MS4A1 humanized (500"-747") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (91.1%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [5.3.9] (526"-530".548"-550".587"-595")) (500"-605") -20-mer (GGSEGKSSGSGSESKSTGGS) linker (606"-625") -VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (88.8%) -IGHD -IGHJ6*05 (92.3%) A127>S (746"), CDR-IMGT [8.8.15] (651"-658".676"-683".722"-736")) (626"-747"))]; dimer (230-258":233-261")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa *antineoplastic*

anafilamig

immunoglobuline (H-gamma1_L-kappa)_scFvkh-G1(h-CH2-CH3)-20mer-scFvkh), anti-[*Homo sapiens* CD79B (CD79 bêta corécepteur associé à l'immunoglobuline), anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)] et anti-[*Homo sapiens* MS4A1 (membre 1 de la sous-famille A à 4 domaines transmembranaires, CD20)], anticorps monoclonal *Homo sapiens* et humanisé; trispécifique, trivalent; chaîne lourde H-gamma1 anti-CD79B *Homo sapiens* (H) (1-451) hole [VH (*Homo sapiens* IGHV4-4*07 (83.5%) -IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.7.15] (26-33.51-57.96-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14-67 CH2 A1.3, A1.2, S27, 14-G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 10-G1v83 CH3 R115, F116 (CH1 R120>K (218) (122-219) (charnière 1-15 (220-234), CH2 L1.3>A (238), L1.2>A (239), D27>S (269) (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362), T22>S (370), L24>A (372), Y86>V (411), H115>R (439), Y116>F (440) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-220')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa anti-CD79B *Homo sapiens* (L') (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-40*01 (89.1%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; chaîne lourde scFvkh-G1(h-CH2-CH3)-20mer-scFvkh anti-CD3E et anti-MS4A1(H") (1"-747") knob [scFvkh anti-CD3E humanisé (1"-247") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*02 (81.1%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [5.3.9] (27"-31".49"-51".88"-96")) (1"-106") -20-mer (GGSEGKSSGSGSESKSTGGS) linker (107"-126") -VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (83.5%) -IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.14] (152"-159".177"-184".223"-236")) (127"-247")) -G1(h-CH2-CH3) (248"-479") [*Homo sapiens* IGHG1*03v, nG1m1 CH3 E12, M14, 15-G1v37 h S5, 6-G1v14-67 CH2 A1.3, A1.2, S27, 14-G1v32 CH3 W22 (knob) (charnière 1-15 C5>S(252")) (248"-262"), CH2 L1.3>A (266"), L1.2>A (267"), D27>S (297") (263"-372"), CH3 E12 (388"), M14 (390"), T22>W (398") (373"-477"), CHS (478"-479"))] -20-mer tétrakis(tetraglycyl-séryl) linker (480"-499") - scFvkh anti-MS4A1 humanisé (500"-747") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (91.1%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [5.3.9] (526"-530".548"-550".587"-595")) (500"-605") -

20-mer (GGSEGGKSSGSGSESKSTGGS) linker (606"-625") - VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (88.8%) -IGHD -IGHJ6*05 (92.3%) A127>S (746"), CDR-IMGT [8.8.15] (651"-658".676"-683".722"-736")) (626"-747"))]; dimère (230-258": 233-261")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
antineoplasique

anafilamig

inmunoglobulina (H-gamma1_L-kappa)_scFvkh-G1(h-CH2-CH3)-20mer-scFvkh), anti-[*Homo sapiens* CD79B (CD79 beta correceptor asociado a la inmunoglobulina), anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 épsilon, Leu-4)] y anti-[*Homo sapiens* MS4A1 (miembro 1 de la subfamilia A con 4 dominios transmembranarios, CD20)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens* y humanizada; trispecifico, trivalente;
cadena pesada H-gamma1 anti-CD79B *Homo sapiens* (H) (1-451) hole [VH (*Homo sapiens* IGHV4-4*07 (83.5%) - (IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.7.15] (26-33.51-57.96-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14-67 CH2 A1.3, A1.2, S27, 14-G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 10-G1v83 CH3 R115, F116 (CH1 R120>K (218) (122-219) (bisagra 1-15 (220-234), CH2 L1.3>A (238), L1.2>A (239), D27>S (269) (235- 344), CH3 E12 (360), M14 (362), T22>S (370), L24>A (372), Y86>V (411), H115>R (439), Y116>F (440) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-220")-disulfuro con la cadena ligera L-kappa anti-CD79B *Homo sapiens* (L') (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-40*01 (89.1%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'- 220')];
cadena pesada scFvkh-G1(h-CH2-CH3)-20mer-scFvkh anti-CD3E et anti-MS4A1(H") (1"-747") knob [scFvkh anti-CD3E humanizado (1"-247") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*02 (81.1%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [5.3.9] (27"-31".49"-51".88"-96")) (1"-106") -20-mer (GGSEGGKSSGSGSESKSTGGS) enlace (107"-126") -VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (83.5%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.14] (152"-159".177"-184".223"-236")) (127"-247"))] - G1(h-CH2-CH3) (248"-479") [*Homo sapiens* IGHG1*03v, nG1m1 CH3 E12, M14, 15-G1v37 h S5, 6-G1v14-67 CH2 A1.3, A1.2, S27, 14-G1v32 CH3 W22 (knob) (bisagra 1-15 C5>S(252")) (248"-262"), CH2 L1.3>A (266"), L1.2>A (267"), D27>S (297") (263"-372"), CH3 E12 (388"), M14 (390"), T22>W (398") (373"-477"), CHS (478"-479"))] -20-mer tetraakis(tetraglicil-seril) enlace (480"-499") -scFvkh anti-MS4A1 humanizado (500"-747") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (91.1%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [5.3.9] (526"-530".548"-550".587"-595")) (500"-605") -20-mer (GGSEGGKSSGSGSESKSTGGS) enlace (606"-625") -VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (88.8%) -IGHD -IGHJ6*05 (92.3%) A127>S (746"), CDR-IMGT [8.8.15] (651"-658".676"-683".722"-736")) (626"-747"))]; dímero (230-258": 233-261")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
antineoplásico

3009026-69-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: H-gamma1 anti-CD79B (H) hole
QVQLQESGPG LVKPFSETLSL TCSVSGASIS SFYWSWIRQP ADEGLEWIGR 50
ISPSGKTNVI PSLKSRIIMS LDASKNQFSL RLNSVTAADT AMYYCARGEY 100
SGTYYSYSDV WQGQTMVTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAAALGCLV 150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP SNTKVDKKVE PKSCDKHTC PPCPAPEAAG GPSVFLFPPK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVSV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKT I SKAKGQPREP 350
QVYTLPPSRE EMTKNQVSL S CAVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTTP 400
VLDSGGSFFL VSKLTVDKSR WQQGNVFSCS VMHEALHNRF TQKSLSLSPG 450
K 451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-kappa anti-CD79B (L')
DIVMTQSPPLS LSVTPGEPAS ISCRSSESL DSEDGNTYLD WFLQKPGQSP 50
QLLIYTLSTYR ASGVPDRFSG SGSDTDFTLH ISSLEAEDVG LYCYQMREMF 100
PLTFFGQGTKV EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 150
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKSDTYS LSSTLTLSKA DYEKKHKVYAC 200
EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC 220

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: scFvkh-G1(h-CH2-CH3)-20mer-scFvkh anti-CD3E and anti-MS4A1 (H") knob
EIVLTQSPAT LSASPGERV T LSCSASSSVS YMNWYQQKPG QAPRRWIYDS 50
SKLASGVPAR FSGSGSGRDY TLTISSELEPE DFAVYYCQQW SRNPPTFGGG 100
TKVEIKGGSE GKSSGSGSES KSTGGSQVQL VQSGAEVKKP GSSVKVSCKA 150
SGYTFTRSTM HWVKQAPGQG LEWIGYINPS SAYTNYNQKF QGRVTLTADK 200
STSTAYMELS SLRSED TAVY YCASPQVHYD YAGFPYWGQG TLVTVSSEPK 250
SSDKTHTCP CPAPAEAGGP SVFLFPPKPK DTLMISRTPE VTCVVVSVSH 300
EDEPEVKFNWY VDGVEVHNK TKPREEQYNS TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE 350
YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV YTLPPSREEM TKNQVSLWCL 400
YKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ 450
QGNVFSCSVH HEALHNHYTQ KSLSLSPGKG GGGSGGGGSG GGGSGGGGSE 500
IVLTQSPATL SLSPGERATL SCRASLSVSS MHWYQQKPGQ APRLLIYATS 550
NLASGIPARF SGSGSGTDFT LTISSELEPED FAVYYCQQWI FNPPTFGGGT 600
KVEIKGGSEG KSSGSGSESK STGGSQVQLV QSGAEVKKPG SSVKVSCKAS 650
GYTFSSYNMH WVRQAPGQGL EWMGAIYPGA GDTSYAQKFQ GRVTTITADES 700
TSTAYMELSS LRSED TAVY CARSNYYGSS GWYFDVWGKG TTVTVSS 747

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-95 148-204 265-325 371-429
Intra-H" (C23-C104) 23"-87" 148"-222" 293"-353" 399"-457" 522"-586" 647"-721"
Intra-L' (C23-C104) 23'-94' 140'-200'
Inter-H-L' (h 5-CL 126) 224-220'
Inter-H-H" (h 11, h 14) 230-258" 233-261"
Total number of disulfide bridges: 15 (12 intra-, 3 inter-).

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl) / pyroglutamide (pE, 5-oxopropyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxopropilo)
H VH Q1: I'

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 301, 329"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 41

anflekitugum #

anflekitug

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL1B (interleukin 1 beta, IL-1B, 1L1F2)], monoclonal antibody;
 H-gamma1 heavy chain (1-448) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1-36*03 (78.6%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (74.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (84.6%) L123>T (113), V124>L (114), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-213')-disulfide with L-kappa light chain (1'-213') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV4-57*01 (83.2%) -IGKJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (76.9%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (103'), CDR-IMGT [5.3.9] (27'-31'.49'-51'.88'-96')) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (152'), V101 (190')) (107'-213')]; dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, lacking the glutamine synthetase (GS-KO) gene, glycoform alfa
interleukin-1 beta inhibitor, immunomodulator

anflékítug

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL1B (interleukine 1 bêta, IL-1B, 1L1F2)], anticorps monoclonal;
 chaîne lourde H-gamma1 (1-448) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1-36*03 (78.6%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (74.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (84.6%) L123>T (113), V124>L (114), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-213')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa (1'-213') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV4-57*01 (83.2%) -IGKJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (76.9%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (103'), CDR-IMGT [5.3.9] (27'-31'.49'-51'.88'-96')) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (152'), V101 (190')) (107'-213')]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GS-KO), glycoforme alfa
inhibiteur de l'interleukine-1 bêta, immunomodulateur

anflekitug

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL1B (interleukina 1 beta, IL-1B, 1L1F2)], anticuerpo monoclonal;
 cadena pesada H-gamma1 (1-448) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1-36*03 (78.6%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (74.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (84.6%) L123>T (113), V124>L (114), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-213')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa (1'-213') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV4-57*01 (83.2%) -IGKJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (76.9%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (103'), CDR-IMGT [5.3.9] (27'-31'.49'-51'.88'-96')) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (152'), V101 (190')) (107'-213')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, en ausencia del gen glutamina sintetasa (GS-KO), forma glicosilada alfa
inhibidor de la interleukina-1 beta, inmunomodulador

3031358-45-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H⁺)
QVQLVQSGAE VVKPGASVKI SCKASGYLFT GYYMHWVKQA PGKGLEWIGF 50
ISAYNGDTTY NQKFQGKATF TVDTSTNTAY MEFNSLTSED TAVYYCSRSD 100
YYGTSDYWGQ GTTLTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTWSVN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKKVEPKS CDKHTCTPPC PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSREEMT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPPVD 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L⁺)
EIVLTQSPAT MSASPGERVIT ISCRASSSVS YMHWFQQKPG QAPRLWIYTT 50
STLATGVPAR FSGSGSGTDY TLTISRMEPE DAATYYCQQR IIYPPTFGGG 100
TKLEIKRTVA APSVFIFPPS DEQLKSGTAS VVCLLNNFYP REAKVQWKVD 150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYSLSSTLTLL SKADYEKHKV YACEVTHQGL 200
SSPVTKSFNR GEC 213

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426
22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
Intra-L (C23-C104) 23'-87' 133'-193'
23'''-87''' 133'''-193'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-213' 221"-213"
Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q> pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
HVH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 298, 298"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 448, 448"

angexostatum
angexostat

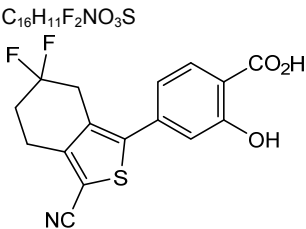
4-(3-cyano-6,6-difluoro-4,5,6,7-tetrahydro-2-benzothiophen-1-yl)-2-hydroxybenzoic acid
xanthine oxidase and uric acid transporter 1 inhibitor, uricosuric

angéxostat

acide 4-(3-cyano-6,6-difluoro-4,5,6,7-tétrahydro-2-benzothiophén-1-yl)-2-hydroxybenzoïque
inhibiteur de la xanthine oxydase et du transporteur d'acide urique 1, uricosurique

angexostat

ácido 4-(3-ciano-6,6-difluoro-4,5,6,7-tetrahidro-2-benzotiofen-1-il)-2-hidroxibenzoico
inhibidor del transportador 1 de ácido úrico y de la xantina oxidasa, uricosúrico



apecotrepum

apecotrep

[4-(6-aminopyridazin-3-yl)piperidin-1-yl][5-(4-fluorophenoxy)-4-methoxypyridin-2-yl]methanone
transient receptor potential canonical 6 (TRPC6) channel antagonist

apécotrep

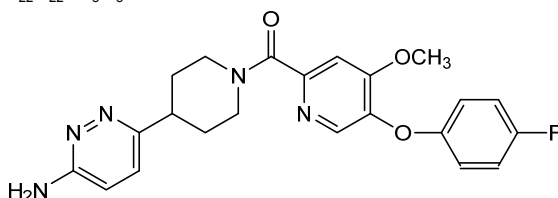
[4-(6-aminopyridazin-3-yl)pipéridin-1-yl][5-(4-fluorophénoxy)-4-méthoxypyridin-2-yl]méthanone
antagoniste du canal du récepteur transitoire de type canonique 6 (TRPC6)

apecotrep

[4-(6-aminopiridazin-3-il)piperidin-1-il][5-(4-fluorofenoxi)-4-metoxipiridin-2-il]metanona
antagonista del canal del receptor de potencial transitorio canónico 6 (TRPC6)

C₂₂H₂₂FN₅O₃

2311863-36-0

**arcotatugum #**

arcotatug

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudin 18, claudin-18, surfactant associated protein J, SFTPJ) isoform 2], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
 H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (94.8%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (219) (123-220), hinge 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-214')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*03 (100%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (231-231":234-234")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1SV lacking the glutamine synthetase (GS-KO) gene, glycoform alfa
antineoplastic

arcotatug

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudine 18, claudine-18, protéine J associée au surfactant, SFTPJ) isoforme 2], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
 chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (94.8%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (219) (123-220), charnière 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo*

sapiens IGKV1-5*03 (100%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97'')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214'')); dimère (231-231'':234-234'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1SV ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GS-KO), glycoforme alfa *antineoplasique*

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudina 18, claudina-18, proteína J asociada al surfactante, SFTPJ) isoforma 2], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;

cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (94.8%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (219) (123-220), bisagra 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-214'')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*03 (100%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97'')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214'')]; dímero (231-231'':234-234'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1SV en ausencia del gen de la glutamina sintetasa (GS-KO), forma glicosilada alfa *antineoplásico*

3031170-61-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVQLDSDGGG	LVQPGGSLRL	SCAASGFTFS	SYVMSWVRQA	PGKGLNWVST	50
ISHSGGSTYY	ADSVKGRFTI	SRDNSKNTLY	LQMNSLRAED	TAVYYCAIDA	100
PYYDILTGYR	YWGGQGLVTV	SSASTKGPSV	FPLAPSSKST	SGGTAALGCL	150
VKDYFPEPVT	VSWSNGALTS	GVHTFPAVLQ	SSGLYSLSSV	VTVPSSSLGT	200
QTYICNVNHK	PSNTKVDKKV	EPKSCDKTHT	CPPCPAPELL	GGPSVFLFPP	250
KPKDTLMISR	TPEVTCVVVD	VSHPEDPEVKF	NWYVDGVEVH	NAKTKPREEQ	300
YNSTYRVVSV	LTVLHQDWLN	GKEYKCKVSN	KALPAPIEKT	ISKAKGQPRE	350
PQVYTLPPSR	DELTKNQVSL	TCLVKGFYPS	DIAVEWESNG	QPENNYKTTP	400
PVLDSDGSFF	LYSKLTVDKS	RWQQGNVFSC	SVMHEALHNN	YTQKSLSLSP	450
GK					452

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPST	LSASVGDRVT	ITCRASQSIS	SWLAWYQQKP	GKAPKLLIYK	50
ASSLESQVPS	RFGSGSGSTE	FTLTISSLQP	DDFATYYCQQ	YNSYSYTFGQ	100
GTKLEIKRTV	AAPSVFIFPP	SDEQLKSGTA	SVVCLLNNFY	PREAKVQWKV	150
DNALQSGNSQ	ESVTEQDSKD	STYLSLSTLT	LSKADYEKHK	VYACEVTHQG	200
LSSPVTKSFN	RGEC				214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104)	22-96	149-205	266-326	372-430
	22''-96''	149''-205''	266''-326''	372''-430''
Intra-L (C23-C104)	23'-88'	134'-194'		
	23'''-88'''	134'''-194'''		
Inter-H-L (h 5-CL 126)	225-214'	225''-214'''		
Inter-H-H (h 11, h 14)	231-231''	234-234''		

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 302, 302''

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 452, 452''

arcotatugum tavatecanum #

arcotatug tavatecan

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudin 18, claudin-18, surfactant associated protein J, SFTPJ) isoform 2], *Homo sapiens* monoclonal antibody, conjugated to the the camptothecin derivative *exatecan* via a linker;
H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (94.8%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (219) (123-220), hinge 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-214')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*03 (100%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (231-231":234-234")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1SV, lacking the glutamine synthetase (GS-KO) gene; substituted at N⁴ of the L-asparaginyl residues 302 and 302" with two 2-acetamido-2,6-dideoxy-6-[(5aRS,6SR,6aSR)-6-{13-[(1¹S,1⁹S,9S,12S,24S,27S,35¹S,35⁵S)-1⁹,35⁹-diethyl-1⁵,35⁵-difluoro-1⁹,35⁹-dihydroxy-1⁴,9,27,35⁴-tetramethyl-1¹⁰,1¹³,3,8,11,14,22,25,28,33,35¹⁰,35¹³-dodecaoxo-12,24-di(propan-2-yl)-1²,1³,1⁹,1¹⁰,1¹³,1¹⁵,35²,35³,35⁹,35¹⁰,35¹³,35¹⁵-dodecahydro-1¹H,1¹²H,35¹H,35¹²H-4,15,21,32-tetraoxa-2,7,10,13,18,23,26,29,34-nonaaza-1,35(1)-bis(benzo[de]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinolina)-6,30(1,4)-dibenzenapentatriacontaphane-18-sulfonamido]-3,5,5,13-tetraoxo-2,9,12-trioxa-5λ⁶-thia-4,6-diazatridecan-1-yl]-5,5a,6,6a,7,8-hexahydrocyclopropa[5,6]cycloocta[1,2-d][1,2,3]triazol-1(4H)-yl]-β-D-galactopyranosyl-(1→4)-[6-deoxy-α-L-galactopyranosyl-(1→6) and unsubstituted 1:9]-2-acetamido-2-deoxy-β-D-glucopyranosyl (*tavatecan*) groups
antineoplastic

arcotatug tavatécan

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudine 18, claudine-18, protéine J associée au surfactant, SFTPJ) isoforme 2], anticorps monoclonal *Homo sapiens*, conjugué à l'*exatécan* (un dérivé de la camptothécine) via un linker;
chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (94.8%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (219) (123-220), charnière 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*03 (100%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (231-231":234-234")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1SV, ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GS-KO); substitué en N⁴ des résidus L-asparaginyile 302 et 302" avec deux groupes

2-acétamido-2,6-didésoxy-6-[(5aRS,6SR,6aSR)-6-{13-[(1¹S,1⁹S,9S,12S,24S,27S,35¹S,35⁹S)-1⁹,35⁹-diéthyl-1⁵,35⁵-difluoro-1⁹,35⁹-dihydroxy-1⁴,9,27,35⁴-tétraméthyl-1¹⁰,1¹³,3,8,11,14,22,25,28,33,35¹⁰,35¹³-dodécaoxo-12,24-di(propan-2-yl)-1²,1³,1⁹,1¹⁰,1¹³,1¹⁵,35²,35³,35⁹,35¹⁰,35¹³,35¹⁵-dodécahydro-1¹H,1¹²H,35¹H,35¹²H-4,15,21,32-tétraoxa-2,7,10,13,18,23,26,29,34-nonaaza-1,35(1)-bis(benzo[de]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinoléina)-6,30(1,4)-dibenzénapentatriacontaphane-18-sulfonamido]-3,5,5,13-tétraoxo-2,9,12-trioxa-5λ⁶-thia-4,6-diazatridecan-1-yl]-5,5a,6,6a,7,8-hexahidrocyclopropa[5,6]cicloocta[1,2-d][1,2,3]triazol-1(4H)-yl]-β-D-galactopyranosyl-(1→4)-[6-désoxy-α-L-galactopyranosyl-(1→6) *et non substitué* 1:9]-2-acétamido-2-désoxy-β-D-glucopyranosyle (*tavatécan*) *antineoplasique*

arcotatug tavatecán

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudina 18, claudina-18, proteína J asociada al surfactante, SFTPJ) isoforma 2], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; conjugado con *exatecán* (un derivado de camptotecina) a través de un enlace; cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (94.8%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (219) (123-220), bisagra 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*03 (100%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97'')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (231-231'':234-234'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1SV, en ausencia del gen de la glutamina sintetasa (GS-KO); substituido en N⁴ de los residuos L-asparaginilo 302 y 302'' con dos grupos 2-acetamido-2,6-didesoxi-6-[(5aRS,6SR,6aSR)-6-{13-[(1¹S,1⁹S,9S,12S,24S,27S,35¹S,35⁹S)-1⁹,35⁹-dietil-1⁵,35⁵-difluoro-1⁹,35⁹-dihidroxi-1⁴,9,27,35⁴-tetrametil-1¹⁰,1¹³,3,8,11,14,22,25,28,33,35¹⁰,35¹³-dodécaoxo-12,24-di(propan-2-il)-1²,1³,1⁹,1¹⁰,1¹³,1¹⁵,35²,35³,35⁹,35¹⁰,35¹³,35¹⁵-dodécahidro-1¹H,1¹²H,35¹H,35¹²H-4,15,21,32-tetraoxa-2,7,10,13,18,23,26,29,34-nonaaza-1,35(1)-bis(benzo[de]pirano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinoleína)-6,30(1,4)-dibencenapentatriacontafano-18-sulfonamido]-3,5,5,13-tetraoxo-2,9,12-trioxa-5λ⁶-tia-4,6-diazatridecan-1-il]-5,5a,6,6a,7,8-hexahidrociclopropa[5,6]cicloocta[1,2-d][1,2,3]triazol-1(4H)-il]-β-D-galactopiranosil-(1→4)-[6-désoxi-α-L-galactopiranosil-(1→6) *y no substituido* 1:9]-2-acetamido-2-desoxi-β-D-glucopiranosilo (*tavatecán*) *antineoplásico*

3023387-99-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

EVQLLDSEGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYVMSWVRQA PGKGLNHWST 50
ISHSGGSTYY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAIDA 100
PYDILTGYR YWQGTLLTV SSASTKGPSV FPLAPSSKST SGGTAALGCL 150
VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTPVSSSLGT 200
QTYICNVNHK PSNTKVDKKV EPKSCDKTHT CPPCPAPELL GGPSVFLFPP 250
KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
YNSTRYVSV LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KALPAPIEKT ISKAKGQPRE 350
PQVYTLPPSR DELTKNQVSL TCLVKGFYPS DIAVEWESNG QPENNYKTTT 400
PVLDSGGSFF LYSKLTVDKS RWQQGNVFSC SVMHEALHNN YTQKSLSLSP 450
GK 452

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

DIQMTQSPST LSASVGDRVT ITCRASQSI SWLAWYQQKPKAPKLLIYK 50
ASSLESGVPS RFGSGSGSTE FTLTISSLQP DDFATYYCQQ YNSYSYTFGQ 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 149-205 266-326 372-430
 22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
 23'''-88''' 134'''-194'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 225-214' 225"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 231-231" 234-234"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 302, 302"

Partially fucosylated disaccharides conjugated to two exatecan molecules each /

Disaccharides partiellement fucosylés, conjugués chacun à deux molécules d'exatécane /

Disacáridos parcialmente fucosilados conjugados con dos moléculas de exatécán cada uno.

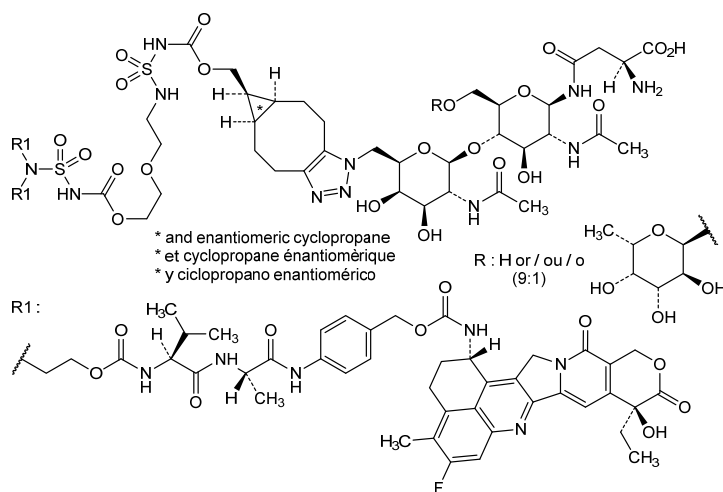
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 452, 452"

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados

N (302, 302")

(*tavatecan*/mAb ~ 2:1)



asedebartum #

asedebart

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* POMC (proopiomelanocortin, pro-opiomelanocortin, adrenocorticotrophic hormone (ACTH))], humanized monoclonal antibody; H-gamma1 heavy chain humanized (1-445) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-66*01 (83.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [9.8.7] (26-34.52-59.98-104)) (1-115) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 8-G1v29 CH2 A84.4(CH1 R120>K(212) (116-213),hinge 1-15 (214-228), CH2 N84.4>A (295) (229-338), CH3 E12 (354), M14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-217')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-217') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-5*01 (92.3%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.12] (27'-32'.50'-52'.89'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (156'), V101 (194')) (111'-217')]; dimer (224-224": 227-227")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-DG44, non-glycosylated
adrenocorticotrophic hormone receptor antagonist

asédébart

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* POMC (proopiomélanocortine, pro-opiomélanocortine, hormone adrénocorticotrope, ACTH)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-445) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-66*01 (83.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [9.8.7] (26-34.52-59.98-104)) (1-115) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 8-G1v29 CH2 A84.4 (CH1 R120>K (212) (116-213), charnière 1-15 (214-228), CH2 N84.4>A (295) (229-338), CH3 E12 (354), M14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-217')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-217') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-5*01 (92.3%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.12] (27'-32'.50'-52'.89'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (156'), V101 (194')) (111'-217')]; dimère (224-224": 227-227")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-DG44, non-glycosylé
antagoniste du récepteur de l'hormone adrénocorticotrope

asedebart

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* POMC (proopiomelanocortina, pro-opiomelanocortina, hormona adrenocorticotropa, ACTH)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-445) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-66*01 (83.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [9.8.7] (26-34.52-59.98-104)) (1-115) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 8-G1v29 CH2 A84.4 (CH1 R120>K (212) (116-213), bisagra 1-15 (214-228), CH2 N84.4>A (295) (229-338), CH3 E12 (354), M14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-217')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-217') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-5*01 (92.3%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.12] (27'-32'.50'-52'.89'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (156'), V101 (194')) (111'-217')]; dímero (224-224": 227-227")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-DG44, no glicosilado
antagonista del receptor de la hormona adrenocorticotropa

3035422-95-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H")
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTVS SGYDICWVRQ APGKGLEWIG 50
CIDTGSNTY YASSAKGRFT MSRDN SKNTV YLQMNSLRAE DTAVYYCAKG 100
ISSIWGGTFL VTVSSASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAL GCLVKDYFPE 150
PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVPSSS LGTQTYICNV 200
NHKPSNTKVD KKVEPKSCDK THTCPPCPAP ELLGGPSVFL FPPKPKDTLM 250
ISRTPEVTCV VVDVSHEDPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQYASTYRV 300
VSVLTVLHDQ WLNKEYKCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ PREPQVYTL 350
PSREEMTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400
SFFLYSKLTV DKSRWQQGNV FSCSVMEAL HNHYTQKSLS LSPGK 445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L")
DIQMTQSPST LSASVGRVIT ITCQASQTIS SDLAWYQQKP GKAPKLLIYA 50
ASKLTSGVPS RFGSGSGSTE FTLTISSLQP DDFATYYCQT YYDIIDGAT 100
FGGGTKVEIK RTVAAPSVFI FPPSDEQLKS GTASVVCLLN NFYPREAKVQ 150
WKVDNALQSG NSQESVTEQD SKDSTYSLSS TLTLSKADYE KHKVYACEVT 200
HQGLSSPVTK SFNRGEC 217

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-97 142-198 259-319 365-423
22"-97" 142"-198" 259"-319" 365"-423"

Intra-VH (C40-C55)* 36-51
36"-51"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 137'-197'
23'''-88''' 137'''-197'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 218-217' 218"-217"

Inter-H-H (h 11, h 14) 224-224" 227-227"

* Additional disulfide bridge

No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación
H CH2 N84.4>A (8-G1v29): 295, 295"

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 445, 445"

asuptegavirum
asuptegavir

(4'R,12'aS)-N-[(2,4-difluorophenyl)methyl]-7'-hydroxy-4'-methyl-6',8'-dioxo-6',8',12',12'a-tetrahydro-2'H,4'H-spiro[cyclopropane-1,3'-pyrido[1',2':4,5]pyrazino[2,1-b][1,3]oxazine]-9'-carboxamide
HIV integrase inhibitor, antiviral

asuptégravir

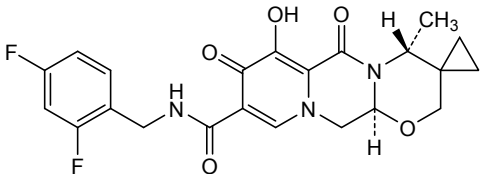
(4'R,12'aS)-N-[(2,4-difluorophényl)méthyl]-7'-hydroxy-4'-méthyl-6',8'-dioxo-6',8',12',12'a-tétrahydro-2'H,4'H-spiro[cyclopropane-1,3'-pyrido[1',2':4,5]pyrazino[2,1-b][1,3]oxazine]-9'-carboxamide
inhibiteur de l'intégrase du VIH, antiviral

asuptegavir

(4'R,12'aS)-N-[(2,4-difluorofenil)metil]-7'-hidroxi-4'-metil-6',8'-dioxo-6',8',12',12'a-tetrahidro-2'H,4'H-espiro[ciclopropano-1,3'-pirido[1',2':4,5]pirazino[2,1-b][1,3]oxazina]-9'-carboxamida
inhibidor de la integrasa VIH, antiviral

C₂₂H₂₁F₂N₃O₅

2765212-92-6



ataglogenum autogetemcelum #
 ataglogene autogetemcel

autologous CD34+ hematopoietic stem cells obtained by apheresis, electroporated with a multi-component CRISPR/Cas9 (clustered regularly interspaced short palindromic repeats/CRISPR-associated protein 9)-guide RNA (gRNA) transformer base editor nucleoprotein complex that targets the promoter regions of the two γ -globin genes (HBG1 and HBG2) to disrupt binding of the transcriptional repressor BCL11A (B-cell lymphoma/leukemia 11A), leading to the re-expression of γ -globin and increased production of foetal haemoglobin (HbF).

The transformer base editing system comprises two mRNAs and two single guide RNAs. The first mRNA (mRNA-L) encodes an impaired form of the *Streptococcus pyogenes* clustered regularly interspaced short palindromic repeats (CRISPR) associated protein 9 and is referred to as Cas9 nickase D10A.

The second mRNA (mRNA-EK) encodes three independent proteins, separated by 2A peptides; the first protein (MCP-UGI-mA3CDA1-mA3dCDI), is a fusion protein comprising (5' to 3') an RNA aptamer binding protein [bacteriophage MS2 coat protein (MCP)], a uracil DNA glycosylase inhibitor (UGI), the mouse apolipoprotein B mRNA-editing complex 3 (APOBEC3, mA3) cytidine deaminase domain 1 (mA3CDA1), a tobacco etch virus (TEV) protease cleavage site, and the mouse APOBEC3 deoxycytidine deaminase inhibitor domain (dCDI) (mA3dCDI). The second protein (N22p-TEVc) contains an RNA aptamer binding protein (bacteriophage N peptide 1-22) fused with the C-terminal fragment of the tobacco etch virus protease (TEVc). The third protein (TEVn) comprises the N-terminal fragment of the TEV protease.

The first single guide RNA is a helper gRNA (hsgRNA) that guides nCas9 to the first target site and contains an MS2 hairpin to recruit the MCP-UGI-mA3CDA1-mA3dCDI fusion protein. The second sgRNA is a modifying gRNA (msgRNA) that guides a second nCas9 to the gene editing target site and contains box B hairpins to recruit the N22p-TEVc protein. When the two guide RNAs bind on-target, the two halves of the TEV protease (TEVn and TEVc) reconstitute, and the protease can cleave off the deoxycytidine deaminase inhibitor (mA3dCDI) from the mRNA editing cytidine deaminase domain 1 (mA3CDA1) to edit the transcriptional repressor BCL11A binding domain of the γ -globin promoter regions.

The apheresis material is enriched in CD34+ cells using immunomagnetic microbeads, gene-edited and then cultured in the presence of thrombopoietin (TPO), stem cell factor (SCF) and Fms-like tyrosine kinase 3 ligand (Flt-3L). The final substance contains $\geq 90\%$ CD34+ cells and has a target gene editing efficiency of $\geq 30\%$

cell-based gene therapy (hemoglobinopathy)

ataglogène autogétemcel

cellules souches hématopoïétiques CD34+ autologues obtenues par aphérèse, électroporées avec un complexe nucléoprotéique multicomposant CRISPR/Cas9 (courtes répétitions palindromiques groupées et régulièrement espacées/protéine 9 associée à CRISPR)-ARN guide (ARNg) qui cible les régions promotrices des deux gènes de la γ -globine (HBG1 et HBG2) pour perturber la liaison du répresseur transcriptionnel BCL11A (lymphome/leucémie à cellules B 11A), entraînant la réexpression de la γ -globine et une production accrue d'hémoglobine fœtale (HbF).

Le système d'édition de bases transformatrices comprend deux ARNm et deux ARN guides simples. Le premier ARNm (ARNm-L) code une forme altérée de la protéine 9 associée aux répétitions palindromiques courtes groupées et régulièrement espacées de *Streptococcus pyogenes* (CRISPR) et est appelé Cas9 nickase D10A.

Le deuxième ARNm (ARNm-EK) code trois protéines indépendantes, séparées par des peptides 2A; la première protéine (MCP-UGI-mA3CDA1-mA3dCDI) est une protéine de fusion comprenant (5' à 3') une protéine de liaison à l'aptamère d'ARN [protéine d'enveloppe du bactériophage MS2 (MCP)], un inhibiteur de l'uracile ADN glycosylase (UGI), le domaine cytidine désaminase 1 de l'apolipoprotéine B éditrice d'ARNm de souris, complexe 3 (APOBEC3, mA3) (mA3CDA1), un site de clivage de la protéase du virus de la gravure du tabac (TEV), et le domaine inhibiteur de la désoxycytidine désaminase APOBEC3 de souris (dCDI) (mA3dCDI). La deuxième protéine (N22p-TEVc) contient une protéine de liaison à l'aptamère d'ARN (peptide N 1-22 du bactériophage) fusionnée au fragment C-terminal de la protéase du virus de la gravure du tabac (TEVc). La troisième protéine comprend le fragment N-terminal de la protéase du TEV (TEVn).

Le premier ARN guide unique est un ARNg auxiliaire (ARNghs) qui guide nCas9 vers le premier site cible et contient une épingle à cheveux MS2 pour recruter la protéine de fusion MCP-UGI-mA3CDA1-mA3dCDI. Le deuxième ARNg est un ARNg modificateur (ARNgms) qui guide un deuxième nCas9 vers le site cible de l'édition génique et contient des épingles à cheveux de la boîte B pour recruter la protéine N22p-TEVc. Lorsque les deux ARN guides se lient à la cible, les deux moitiés de la protéase TEV (TEVn et TEVc) se reconstituent, et la protéase peut cliver l'inhibiteur de la désoxycytidine désaminase (mA3dCDI) du domaine 1 de la cytidine désaminase d'édition de l'ARNm (mA3CDA1) pour éditer le domaine de liaison du répresseur transcriptionnel BCL11A des régions promotrices de la γ -globine.

Le matériel d'aphérèse est enrichi en cellules CD34+ à l'aide de microbilles immunomagnétiques, puis modifié génétiquement, puis cultivé en présence de thrombopoïétine (TPO), de facteur de cellules souches (FSC) et de ligand de la tyrosine kinase 3 de type Fms (Flt-3L). La substance finale contient $\geq 90\%$ de cellules CD34+ et présente une efficacité d'édition du gène cible $\geq 30\%$.

*thérapie génique à base de cellules
(hémoglobinopathie)*

ataglogén autogetemcel

células madre hematopoyéticas CD34+ autólogas, obtenidas por aféresis, electroporadas con un complejo de nucleoproteína multi componente de CRISPR/Cas 9 (repeticiones palindrómicas agrupadas y espaciadas regularmente/proteína asociada a CRISPR 9)-ARN guía (ARNg) editor de base transformador dirigido a las regiones promotoras de los dos genes de la γ -globina (HBG1 y HBG2) para romper la unión del represor transcripcional BCL11A (linfoma/leucemia de células B 11A), lo que conduce a la re-expresión de γ -globina y al incremento en la producción de hemoglobina fetal (HbF).

El sistema de edición de base transformador contiene dos ARNm y dos ARN de guía único. El primer ARNm (ARNm-L) codifica una forma dañada de la proteína asociada a repeticiones palindrómicas agrupadas y espaciadas regularmente (CRISPR) 9 de *Streptococcus pyogenes* y se denomina nicasa Cas9 D10A.

El segundo ARNm (ARNm-EK) codifica tres proteínas independientes, separadas por péptidos 2A; la primera proteína (MCP-UGI-mA3CDA1-mA3dCDI), es una proteína de fusión que contiene (de 5' a 3') una proteína de unión a aptámero de ARN [proteína de la cubierta del bacteriófago MS2 (MCP)], un inhibidor de la uracilo ADN glicosilasa (UGI), el dominio citidina desaminasa 1 de la apolipoproteína B editora de ARNm de ratón, complejo 3 (APOBEC3, mA3) (mA3CDA1), un sitio de rotura por proteasa del virus del grabado del tabaco (TEV) y el dominio inhibidor de desoxicitidina desaminasa (dCDI) de APOBEC3 de ratón (mA3dCDI). La segunda proteína (N22p-TEVc) contiene una proteína de unión a aptámero de ARN (péptido 1-22 del bacteriófago N) fusionada con el fragmento C-terminal de la proteasa del virus del grabado del tabaco (TEVc). La tercera proteína (TEVn) contiene el fragmento N-terminal de la proteasa de TEV.

El primer ARN de guía único es un ARNg colaborador (ARNghs) que guía a la nCas9 al primer sitio diana y contiene una horquilla MS2 para reclutar a la proteína de fusión MCP-UGI-mA3CDA1-mA3dCDI. El segundo ARNsg es un ARNg modificante (ARNgms) que guía a una segunda nCas9 al sitio diana de la edición génica y contiene horquillas de caja B para reclutar a la proteína N22p-TEVc. Cuando los dos ARN guía se unen a la diana, las dos mitades de la proteasa TEV (TEVn y TEVc) se reconstituyen, y la proteasa puede separar el inhibidor de la desoxicitidina desaminasa (mA3dCDI) del dominio citidina desaminasa 1 editor de ARNm (mA3CDA1) para editar el dominio de unión del represor transcripcional BCL11A de las regiones promotoras de la γ -globina.

El material de aféresis se enriquece en células CD34+ usando microbolas inmunomagnéticas, se sometió a edición génica y después se cultivó en presencia de trombopoyetina (TPO), factor de células madre (SCF) y ligando de tirosina quinasa 3 similar a Fms (Flt-3L). La sustancia final contiene $\geq 90\%$ de células CD34+ y tiene una eficiencia de edición del gen diana de $\geq 30\%$ *terapia génica basada en células (hemoglobinopatía)*

axareotidum

axareotide

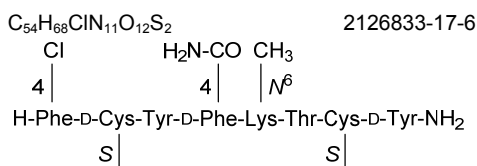
S², S⁷-cyclo(4-chloro-L-phenylalanyl-D-cysteinyl-L-tyrosyl-4-carbamoyl-D-phenylalanyl-N⁶-methyl-L-lysyl-L-threonyl-L-cysteinyl-D-tyrosinamide)
somatostatin analogue

axaréotide

S², S⁷-cyclo(4-chloro-L-phénylalanyl-D-cystéinyl-L-tyrosyl-4-carbamoyl-D-phénylalanyl-N⁶-méthyl-L-lysyl-L-thréonyl-L-cystéinyl-D-tyrosinamide)
analogue de la somatostatine

axareotida

S², S⁷-ciclo(4-cloro-L-fenilalanil-D-cisteinil-L-tirosil-4-carbamoil-D-fenilalanil-N⁶-metil-L-lisil-L-treonil-L-cisteinil-D-tirosinamida)
análogo de la somatostatina

**berobenatidum**

berobenatide

[H¹>F, G²>2-MeAla, L¹⁰>V, M¹⁴>L, E¹⁷>K, A¹⁸>R, L²¹>E, N²⁸>Q, A³⁵>K, S³⁹(NH₂)>G]exendin 4
[Heloderma suspectum (Gila monster lizard)]-yl-L-lysyl-N⁶-[N-(19-carboxynonadecanoyl)-L-γ-glutamyl]-L-lysine;
 L-phenylalanyl-2-methylalanyl-L-α-glutamylglycyl-L-threonyl-L-phenylalanyl-L-threonyl-L-seryl-L-α-aspartyl-L-valyl-L-seryl-L-lysyl-L-glutaminy-L-leucyl-L-α-glutamyl-L-α-glutamyl-L-lysyl-L-arginyl-L-valyl-L-arginyl-L-α-glutamyl-L-phenylalanyl-L-isoleucyl-L-α-glutamyl-L-tryptophyl-L-leucyl-L-lysyl-L-glutaminyglycylglycyl-L-prolyl-L-seryl-L-serylglycyl-L-lysyl-L-prolyl-L-prolyl-L-prolylglycyl-L-lysyl-N⁶-[N-(19-carboxynonadecanoyl)-L-γ-glutamyl]-L-lysine
glucagon-like peptide-1 (GLP-1) receptor agonist

bérobénatide

[H¹>F, G²>2-MéAla, L¹⁰>V, M¹⁴>L, E¹⁷>K, A¹⁸>R, L²¹>E, N²⁸>Q, A³⁵>K, S³⁹(NH₂)>G]exendin 4
[Heloderma suspectum (lézard monstre de Gila)]-yl-L-lysyl-N⁶-[N-(19-carboxynonadécanoyl)-L-γ-glutamyl]-L-lysine;
 L-phénylalanyl-2-méthylalanyl-L-α-glutamylglycyl-L-thréonyl-L-phénylalanyl-L-thréonyl-L-séryl-L-α-aspartyl-L-valyl-L-séryl-L-lysyl-L-glutaminy-L-leucyl-L-α-glutamyl-L-α-glutamyl-L-lysyl-L-arginyl-L-valyl-L-arginyl-L-α-glutamyl-L-phénylalanyl-L-isoleucyl-L-α-glutamyl-L-tryptophyl-L-leucyl-L-lysyl-L-glutaminyglycylglycyl-L-prolyl-L-séryl-L-sérylglycyl-L-lysyl-L-prolyl-L-prolyl-L-prolylglycyl-L-lysyl-N⁶-[N-(19-carboxynonadécanoyl)-L-γ-glutamyl]-L-lysine
agoniste du récepteur du peptide-1 de type glucagon (GLP-1)

berobenatida

[H¹>F, G²>2-MeAla, L¹⁰>V, M¹⁴>L, E¹⁷>K, A¹⁸>R, L²¹>E, N²⁸>Q, A³⁵>K, S³⁹(NH₂)>G]exendina 4 [*Heloderma suspectum* (lagarto monstruo de Gila)]-il-L-lisil-N⁶-[N-(19-carboxinonadecanoil)-L-γ-glutamyl]-L-lisina;
L-fenilalanil-2-metilalanil-L-α-glutamilglicil-L-treonil-L-fenilalanil-L-treonil-L-seril-L-α-aspartil-L-valil-L-seril-L-lisil-L-glutaminil-L-leucil-L-α-glutamil-L-α-glutamil-L-lisil-L-arginil-L-valil-L-arginil-L-α-glutamil-L-fenilalanil-L-isoleucil-L-α-glutamil-L-triptofil-L-leucil-L-lisil-L-glutaminilglicilglicil-L-prolil-L-seril-L-serilglicil-L-lisil-L-prolil-L-prolil-L-prolilglicil-L-lisil-N⁶-[N-(19-carboxinonadecanoil)-L-γ-glutamyl]-L-lisina
agonista del receptor del péptido 1 similar al glucagón (GLP-1)

C₂₃₂H₃₆₉N₅₇O₆₈

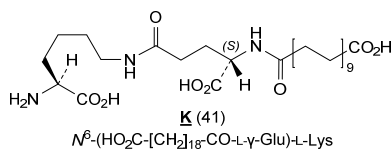
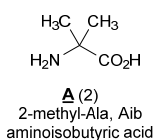
3028974-74-2

F A E G T F T S D V S K Q L E E K R V R E F I E W L K Q G G P S S G K P P P G K K 41

Aminoacyl replacements / Remplacements d'aminociles / reemplazos de aminoácidos

H¹>E, G²>2-MeAla, L¹⁰>V, M¹⁴>L, E¹⁷>K, A¹⁸>R, L²¹>E, N²⁸>Q, A³⁵>K, S³⁹(NH₂)>G

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados



bexobrutidegum

bexobrutideg

(2³R)-N⁶-(3S)-2,6-dioxopiperidin-3-yl]-1³-methyl-1²-oxo-4-aza-3(2,6)-pyrazina-9(3)-pyridina-2(3,1),6,8(4,1)-tripiperidina-1(1)-imidazolidina-5(1,4)-benzenanonaphane-3⁵,9⁶-dicarboxamide
Bruton tyrosine kinase degradation inducer, antineoplastic

bexobrutideg

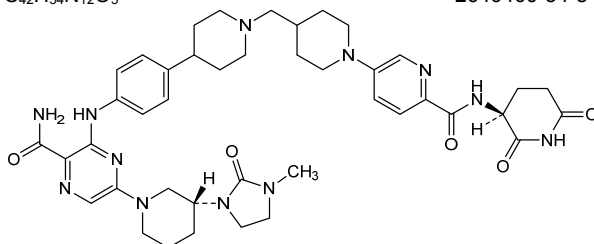
(2³R)-N⁶-(3S)-2,6-dioxopiperidin-3-yl]-1³-méthyl-1²-oxo-4-aza-3(2,6)-pyrazina-9(3)-pyridina-2(3,1),6,8(4,1)-tripipéridina-1(1)-imidazolidina-5(1,4)-benzénanonaphane-3⁵,9⁶-dicarboxamide
inducteur de dégradation de la tyrosine kinase de Bruton, antinéoplasique

bexobrutideg

(2³R)-N⁶-(3S)-2,6-dioxopiperidin-3-il]-1³-metil-1²-oxo-4-aza-3(2,6)-pirazina-9(3)-piridina-2(3,1),6,8(4,1)-tripiperidina-1(1)-imidazolidina-5(1,4)-bencenanonafano-3⁵,9⁶-dicarboxamida
inductor de la degradación de la tirosina kinasa de Bruton, antineoplásico

C₄₂H₅₄N₁₂O₅

2649400-34-8



blovacitinibum

blovacitinib

N-(5-{2-[(1*S*)-2,2-difluorocyclopropane-1-carbonyl]-2-azaspiro[3.5]nonan-7-yl}[1,2,4]triazolo[1,5-*a*]pyridin-2-yl)cyclopropanecarboxamide
Janus kinase inhibitor, anti-inflammatory

blovacitinib

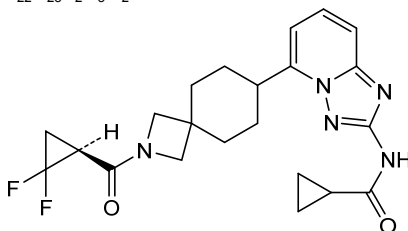
N-(5-{2-[(1*S*)-2,2-difluorocyclopropane-1-carbonyl]-2-azaspiro[3.5]nonan-7-yl}[1,2,4]triazolo[1,5-*a*]pyridin-2-yl)cyclopropanecarboxamide
inhibiteur de la tyrosine kinase Janus, anti-inflammatoire

blovacitinib

N-(5-{2-[(1*S*)-2,2-difluorocyclopropano-1-carbonil]-2-azaespiro[3.5]nonan-7-il}[1,2,4]triazolo[1,5-*a*]piridin-2-il)ciclopropanocarboxamida
inhibidor de la tirosina kinasa Janus, antiinflamatorio

C₂₂H₂₅F₂N₅O₂

2411222-97-2

**brelovitugum #**

brelovitug

immunoglobulin G1-kappa, anti-[hepatitis B virus (HBV) surface antigen (HbsAg, surface envelope protein, large envelope protein) pre-S1 domain], *Homo sapiens* monoclonal antibody; H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-455) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (93.8%), CDR-IMGT [8.8.18] (26-33.51-58.97-114)) (1-125) -*Homo sapiens*IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (222) (126-223), hinge 1-15 (224-238), CH2 (239-348), CH3 E12 (364), M14 (366) (349-453), CHS (454-455)) (126-455)], (228-213')-disulfide with L-lambda2 light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21*02 (92.5%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.11] (26'-31'.49'-51'.88'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (99.1%) S1.5 (C-LAMBDA2 G1.5>S (109')) (109'-214')]; dimer (234-234":237-237")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1SV, lacking the glutamine synthetase (GS-KO) gene, glycoform alfa *antiviral*

brélovitug

immunoglobuline G1-kappa, anti-[domaine pré-S1 de l'antigène de surface (HbsAg, protéine d'enveloppe de surface, grande protéine d'enveloppe) du virus de l'hépatite B (HBV)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-455) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (93.8%), CDR-IMGT [8.8.18] (26-33.51-58.97-114)) (1-125) -*Homo sapiens*IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (222) (126-223), charnière 1-15 (224-238), CH2 (239-348), CH3 E12 (364), M14 (366) (349-453), CHS (454-455)) (126-455)], (228-213')-disulfure avec la chaîne légère L-lambda2 *Homo sapiens* (1'-214') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21*02 (92.5%) -IGLJ2*01

	(100%), CDR-IMGT [6.3.11] (26'-31'.49'-51'.88'-98'')) (1'-108') - <i>Homo sapiens</i> IGLC2*01 (99.1%) S1.5 (C-LAMBDA2 G1.5>S (109')) (109'-214''); dimère (234-234":237-237'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1SV, ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GS-KO), glycoforme alfa <i>antiviral</i>
brelovitug	immunoglobulina G1-kappa, anti-[dominio pre-S1 del antígeno de superficie (HbsAg, proteína de envoltura de superficie, gran proteína de envoltura) del virus de la hepatitis B (HBV)], anticuerpo monoclonal <i>Homo sapiens</i> ; cadena pesada H-gamma1 <i>Homo sapiens</i> (1-455) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (93.8%), CDR-IMGT [8.8.18] (26-33.51-58.97-114)) (1-125) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (222) (126-223), bisagra 1-15 (224-238), CH2 (239-348), CH3 E12 (364), M14 (366) (349-453), CHS (454-455)) (126-455)], (228-213')-disulfuro con la cadena ligera L-lambda2 <i>Homo sapiens</i> (1'-214') [V-LAMBDA (<i>Homo sapiens</i> IGLV3-21*02 (92.5%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.11] (26'-31'.49'-51'.88'-98'')) (1'-108') - <i>Homo sapiens</i> IGLC2*01 (99.1%) S1.5 (C-LAMBDA2 G1.5>S (109')) (109'-214''); dímero (234-234":237-237'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1SV, en ausencia del gen de la glutamina sintetasa (GS-KO), forma glicosilada alfa <i>antiviral</i>
	3033337-14-0
	Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H') EMQVLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFD NYAMSWVRQV PGKGLEWVSS 50 ISGSGGSTYY ADSVKQGFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAKSS 100 ILSGGHARVY GIDVWGQGTI VTVSSASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAL 150 GCLVKDYFPE PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVPSSS 200 LGTQTYICNV NHKPSNTKVD KRVEPKSCDK THTCPPCPAP ELLGGPSVFL 250 FPPKPKDTLM ISRTPEVTCV VVDVSHEDPE VKFNMWYVDGV EVHNAKTKPR 300 EEQYNSTYRV VSVLTVLHQD WLNKEYEKCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ 350 PREPQVYTLF PSREEMTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK 400 TTTPPVLDSDG SFFLYSKLTV DKSRWQQGNV FSCSVMHLEAL HNHYTQKSLS 450 LSPGK 455
	Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L', L'') QSALTQPPSV SVAPGQTARI TCGGNNIGSQ SVHWYQKPG QAPILVYDD 50 TDRPSGIPAR FSGSSSGSTA TLTIGRVEAG DEADYYCQVW DSSSDHVVFG 100 GGTKLTVLSQ PKAAPSVTLF PPSSEELQAN KATLVCLISD FYPGAVTVAW 150 KADSSPVKAG VETTTPSKQS NNKYAASSYL SLTPEQWKSH RSYSCQVTHE 200 GSTVEKTVAP TECS 214
	Post-translational modifications Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro Intra-H (C23-C104) 22-96 152-208 269-329 375-433 22"-96" 152"-208" 269"-329" 375"-433" Intra-L (C23-C104) 22'-87' 136'-195' 22'''-87''' 136'''-195''' Inter-H-L (h 5-CL 126) 228-213' 228"-213" Inter-H-H (h 11, h 14) 234-234" 237-237"
	N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo) L VL V-LAMBDA Q1: 1', 1"
	N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación H CH2 N84.4: 305, 305" Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados
	C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal H CHS K2: 455, 455"

buprenorphini caproas
buprenorphine caproate

(18*R*)-17-(cyclopropylmethyl)-18-[(2*S*)-2-hydroxy-3,3-dimethylbutan-2-yl]-6-methoxy-4,5α-epoxy-6,14-ethanomorphinan-3-yl hexanoate
opioid analgesic

caproate de buprénorphine

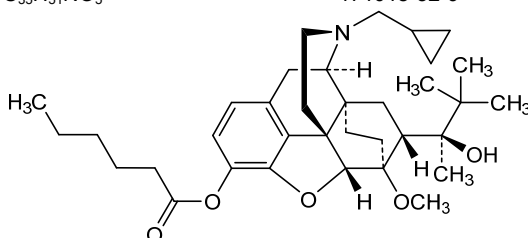
hexanoate de (18*R*)-17-(cyclopropylméthyl)-18-[(2*S*)-2-hydroxy-3,3-diméthylbutan-2-yl]-6-méthoxy-4,5α-époxy-6,14-éthanomorphinan-3-yle
analgésique opioïde

caproato de buprenorfina

hexanoato de (18*R*)-17-(ciclopropilmetil)-18-[(2*S*)-2-hidroxi-3,3-dimetilbutan-2-il]-6-metoxi-4,5α-epoxi-6,14-etanomorfina-3-ilo
analgésico opioide

C₃₅H₅₁NO₅

171018-32-9

**cadefrecitinibum**
cadefrecitinib

4-methyl-5-[(3-methyl-7-[[6-(morpholin-4-yl)pyridazin-3-yl]amino]-3*H*-imidazo[4,5-*b*]pyridin-5-yl)oxy]pyridine-2-carbonitrile
Janus kinase inhibitor, anti-inflammatory

cadéfrécitinib

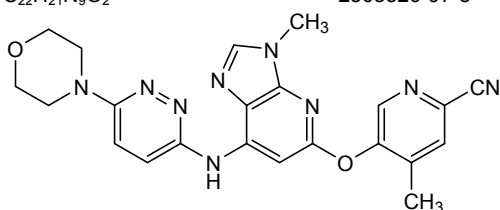
4-méthyl-5-[(3-méthyl-7-[[6-(morpholin-4-yl)pyridazin-3-yl]amino]-3*H*-imidazo[4,5-*b*]pyridin-5-yl)oxy]pyridine-2-carbonitrile
inhibiteur de la tyrosine kinase Janus, anti-inflammatoire

cadefrecitinib

4-metil-5-[(3-metil-7-[[6-(morfolin-4-il)piridazin-3-il]amino]-3*H*-imidazo[4,5-*b*]piridin-5-il)oxi]piridina-2-carbonitrilo
inhibidor de la tirosina kinasa Janus, antiinflamatorio

C₂₂H₂₁N₉O₂

2308520-97-8



calderasibum

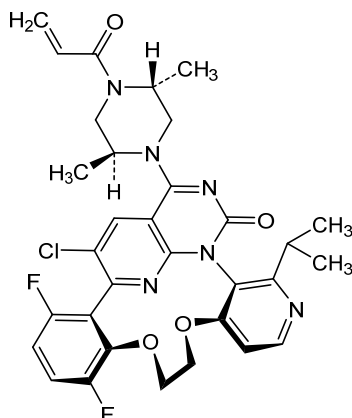
calderasib (5*P*,17*aM*)-20-chloro-2-[(2*S*,5*R*)-2,5-dimethyl-4-(prop-2-enoyl)piperazin-1-yl]-14,17-difluoro-6-(propan-2-yl)-11,12-dihydro-4*H*-1,18-ethenopyrido[4,3-*e*]pyrimido[1,6-*g*][1,4,7,9]benzodioxadiazacyclododecin-4-one
Kirsten rat sarcoma viral oncogene homolog inhibitor, antineoplastic

caldérasib (5*P*,17*aM*)-20-chloro-2-[(2*S*,5*R*)-2,5-diméthyl-4-(prop-2-énoyl)pipérazin-1-yl]-14,17-difluoro-6-(propan-2-yl)-11,12-dihydro-4*H*-1,18-éthénopyrido[4,3-*e*]pyrimido[1,6-*g*][1,4,7,9]benzodioxadiazacyclododécin-4-one
inhibiteur homologue de l'oncogène viral du sarcome du rat de Kirsten, antinéoplasique

calderasib (5*P*,17*aM*)-20-cloro-2-[(2*S*,5*R*)-2,5-dimetil-4-(prop-2-enoil)piperazin-1-il]-14,17-difluoro-6-(propan-2-il)-11,12-dihidro-4*H*-1,18-etenopirido[4,3-*e*]pirimido[1,6-*g*][1,4,7,9]benzodioxadiazaciclododecin-4-ona
inhibidor del homólogo del oncogen vírico del sarcoma de rata Kirsten, antineoplásico

C₃₂H₃₁ClF₂N₆O₄

2641216-67-1

**camtarkibartum #**

camtarkibart immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL4R (interleukin 4 receptor, IL4RA, IL-4RA, interleukin 13 receptor, CD124)], humanized monoclonal antibody;
H-gamma4 heavy chain humanized (1-447) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-3*01 (78.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens*IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (121-218), hinge 1-12 S10>P (228) (219-230), CH2 L92 (309) (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (121-447)], (134-213)-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-16*01 (87.4%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [5.3.9] (27'-31'.49'-51'.88'-96'') (1'-106') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (152'), V101 (190'') (107'-213'')]; dimer (226-226'':229-229'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, lacking the glutamine synthetase (GS-KO) gene, glycoform alfa
immunomodulator

camtarkibart immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL4R (récepteur de l'interleukine 4, IL4RA, IL-4RA, récepteur de l'interleukine 13, CD124)], anticorps monoclonal humanisé;

chaîne lourde H-gamma4 humanisée (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (78.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (121-218), charnière 1-12 S10>P (228) (219-230), CH2 L92 (309) (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (121-447)], (134-213')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (87.4%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [5.3.9] (27'-31'.49'-51'.88'-96')) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (152'), V101 (190')) (107'-213')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GS-KO), glycoforme alfa *immunomodulateur*

camtarkibart

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL4R (receptor de la interleukina 4, IL4RA, IL-4RA, receptor de la interleukina 13, CD124)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada H-gamma4 humanizada (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (78.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (121-218), bisagra 1-12 S10>P (228) (219-230), CH2 L92 (309) (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (121-447)], (134-213')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (87.4%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [5.3.9] (27'-31'.49'-51'.88'-96')) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (152'), V101 (190')) (107'-213')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, en ausencia del gen glutamina sintetasa (GS-KO), forma glicosilada alfa *immunomodulador*

3031358-44-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H ^{''})	
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGSTLT DDYINWVRQA PGQRLEWVGW	50
IFPGNGNSYY NEKFKDRATL TVDKSASTAY MELSSLRSED TAVYFCARGL	100
VRYPALFDYW GQGLTVTVSS ASTKGPSVFP LAPCSRSTSE STAALGCLVK	150
DDYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTGT	200
YTCNVDHKPS NTKVDKRVES KYGPPCPPCP APEFLGGPSV FLFPKPKPDT	250
LMSTRPEVT CVVVDVSQED PEVQFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQFNSTY	300
RVSVSVTLVLH QDWLNGKEYK CKVSNKGLPS SIEKTSKAK GQPREPQVYT	350
LPPSQEEMTK NQVSLTCLVK GFYPDSIAVE WESNGQPENN YKTTTPPVLD	400
DGSFFFLYSRL TVDKSRWQEG NVFSCSVME ALNHHTYQKS LSLSLGK	447
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L', L ^{''})	
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASSIN YMHWYQKPG KAPKPWIAA	50
SNLASGVPSR FSGSGSGTDF TLTISSLQPE DFATYYCQQW SSYPIITFGQG	100
TKVEIKRTVA APSVFIFFPS DEQLKSGTAS VVCLLNNFYP REAKVQWQVD	150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYSLSSLTTL SKADYEKHVK YACEVTHQGL	200
SSPVTKSFNR GEC	213

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104)	22-96	147-203	261-321	367-425
	22"-96"	147"-203"	261"-321"	367"-425"
Intra-L (C23-C104)	23-87	133-193		
	23"-87"	133"-193"		
Inter-H-L (CH1 10-CL 126)	134-213	134"-213"		
Inter-H-H (h 8, h 11)	226-226"	229-229"		

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del

glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo

(pE, 5-oxoprolilo)

H VH Q1: 1, 1^{''}

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 297, 297^{''}

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 447, 447^{''}

cevolisiranum

cevolisiran

all-P-ambo-2'-O-methyl-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}ethoxy)ethoxy]methyl}adenylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}ethoxy)ethoxy]methyl}adenylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}ethoxy)ethoxy]methyl}adenylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidine
 duplex with *all-P-ambo-2'-O-methyl-P-thioguanlyl-(5'→3')-2'-O-methyl-P-thioguanlyl-(5'→3')-2'-O-methyluridylyl-(5'→3')-2'-O-methyladenylyl-(5'→3')-2'-O-methylguanylyl-(5'→3')-2'-O-methyluridylyl-(5'→3')-2'-O-methyluridylyl-(5'→3')-2'-O-methyluridylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-O-methylguanylyl-(5'→3')-2'-O-methyluridylyl-(5'→3')-2'-O-methylguanylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroguanlyl-(5'→3')-2'-O-methyladenylyl-(5'→3')-2'-O-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-O-methyluridylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoro-P-thiouridylyl-(5'→3')-2'-O-methyl-P-thiouridylyl-(5'→3')-4'-de(hydroxymethyl)-4'-[[hydroxy(methoxy)phosphoryl]methoxy]-2'-O-methyluridine*
complement component 3 (C3) synthesis reducer

cévolisiran

tout-P-ambo-2'-O-méthyl-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}éthoxy)éthoxy]méthyl}adénylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}éthoxy)éthoxy]méthyl}adénylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}éthoxy)éthoxy]méthyl}adénylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidine

duplex avec *tout-P-ambo-2'-O-méthyl-P-thioguanlyl-(5'→3')-2'-O-méthyl-P-thioguanlyl-(5'→3')-2'-O-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-O-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-O-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-O-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-O-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-O-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(5'→3')-2'-O-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-O-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-O-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroguanlyl-(5'→3')-2'-O-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-O-méthylcytidyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(5'→3')-2'-O-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thiouridylyl-(5'→3')-2'-O-méthyl-*P*-thiouridylyl-(5'→3')-4'-dés(hydroxyméthyl)-4'-[[hydroxy(méthoxy)phosphoryl]méthoxy]-2'-O-méthyluridine*

réducteur de la synthèse du composant 3 du complément (C3)

cevolisirán

todo-ambo-2'-O-metil-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-metiliridilil-(3'→5')-2'-O-meticitidilil-(3'→5')-2'-O-meeladenilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-metiliridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoroaladenilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorocitadilil-(3'→5')-2'-O-metiliridilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-metiliridilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-melicitidilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-melicitidilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-{[2-(2-{5-[{(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxil]pentanamido}etoxi)jetoxti]metil}adenilil-(3'→5')-2'-O-{[2-(2-{5-[{(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxil]pentanamido}etoxi)jetoxti]metil}adenilil-(3'→5')-2'-O-{[2-(2-{5-[{(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxil]pentanamido}etoxi)jetoxti]metil}adenilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-melicitidilil-(3'→5')-2'-O-metiliridilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-meticitidina

dúplex con *todo-P-ambo-2'-O-metil-P-tioguanilil-(5'→3')-2'-O-metil-P-tioguanilil-(5'→3')-2'-O-metiluridilil-(5'→3')-2'-O-metiladenilil-(5'→3')-2'-O-metilguanilil-(5'→3')-2'-O-metiluridilil-(5'→3')-2'-O-metiluridilil-(5'→3')-2'-O-metilguanilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(5'→3')-2'-O-metilguanilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroguanilil-(5'→3')-2'-O-metiladenilil-(5'→3')-2'-O-metilcitidilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(5'→3')-2'-O-metiluridilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoro-P-tiouridilil-(5'→3')-2'-O-metil-P-tiouridilil-(5'→3')-4'-des(hidroximetil)-4'-{hidroxil(metoxi)fosforil(metoxil)-2'-O-metiluridina*

reductor de la síntesis del componente 3 del complemento (C3)

3069641-77-3

5' A=U-C-A-A-C-U-C-A-C-C-U-G-U-A-A-U-A-A-A-G-C-A-G-C-C-G-Â 3'

 3' G=G-U-A-G-U-U-G-A-G-U-G-G-A-C-A-U-U-A-U=U-Â C-G-U-C-G-G-Â-Â 5'

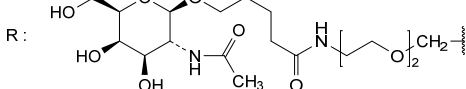
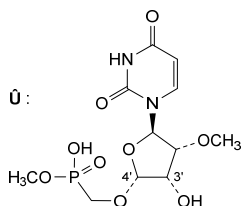
N: A,C,G,U

N: 2'-O-methyl-N / 2'-O-méthyl-N / 2'-O-metil-N

N : 2'-deoxy-2'-fluoro-N / 2'-désoxy-2'-fluoro-N / 2'-desoxi-2'-fluoro-N

$$- : -\text{PO}(\text{OH})- = : -\text{PO}(\text{SH})-$$
$$\hat{A} : 2'-O-(R)-A$$

R:

 $\hat{U} :$ 

cleminorextonum

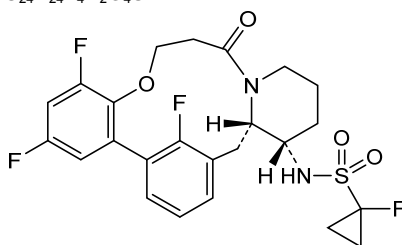
cleminorexton 1-fluoro-*N*-[(4*S*,4*aS*)-12,14,20-trifluoro-18-oxo-1,2,3,4,4*a*,5,17,18-octahydro-16*H*-6,10-(metheno)pyrido[1,2-*e*][1,5]benzoxaazacyclotetradecin-4-yl]cyclopropane-1-sulfonamide
orexin 2 receptor agonist

cléminorexton 1-fluoro-*N*-[(4*S*,4*aS*)-12,14,20-trifluoro-18-oxo-1,2,3,4,4*a*,5,17,18-octahydro-16*H*-6,10-(méthéno)pyrido[1,2-*e*][1,5]benzoxaazacyclotétradécin-4-yl]cyclopropane-1-sulfonamide
agoniste du récepteur de l'orexine 2

cleminorexton 1-fluoro-*N*-[(4*S*,4*aS*)-12,14,20-trifluoro-18-oxo-1,2,3,4,4*a*,5,17,18-octahydro-16*H*-6,10-(meteno)pirido[1,2-*e*][1,5]benzoxaazacyclotetradecin-4-il]ciclopropano-1-sulfonamida
agonista del receptor de la orexina 2

C₂₄H₂₄F₄N₂O₄S

2980518-93-0

**comtifatorum**

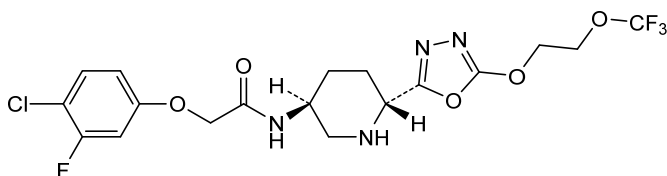
comtifator 2-(4-chloro-3-fluorophenoxy)-*N*-[(3*S*,6*S*)-6-{5-[2-(trifluoromethoxy)ethoxy]-1,3,4-oxadiazol-2-yl}piperidin-3-yl]acetamide
eukaryotic translation initiation factor 2B (eIF2B) activator

comtifator 2-(4-chloro-3-fluorophénoxy)-*N*-[(3*S*,6*R*)-6-{5-[2-(trifluorométhoxy)éthoxy]-1,3,4-oxadiazol-2-yl}pipéridin-3-yl]acétamide
activateur du facteur d'initiation de la traduction eucaryote 2B (eIF2B)

comtifator 2-(4-cloro-3-fluorofenoxi)-*N*-[(3*S*,6*R*)-6-{5-[2-(trifluorometoxi)etoxi]-1,3,4-oxadiazol-2-il}piperidin-3-il]acetamida
activador del factor de iniciación de la traducción eucariota 2B (eIF2B)

C₁₈H₁₉ClF₄N₄O₅

2518151-57-8



cosiporfinum

cosiporfin

rac-(*R,R*)- and (*R,S*)-3,3',3'',3'''-{oxybis[ethane-1,1-diyl(12-ethenyl-3,8,13,17-tetramethylporphyrin-7,2,18-triyl)]}tetrapropanoic acid (~1:1)

photosensitizer

cosiporfine

acide *rac*-(*R,R*)- et (*R,S*)-3,3',3'',3'''-{oxybis[éthane-1,1-diyl(12-éthényl-3,8,13,17-tétraméthylporphyrine-7,2,18-triyl)]}tétrapropanoïque (~1:1)

photosensibilisant

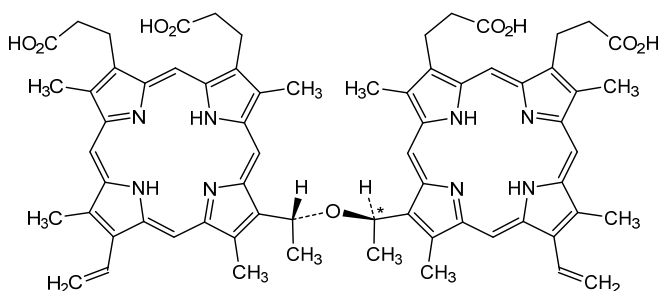
cosiporfina

ácido *rac*-(*R,R*)- y (*R,S*)-3,3',3'',3'''-{oxibis[etano-1,1-diil(12-etenil-3,8,13,17-tetrametilporfirina-7,2,18-triil)]}tetrapropanoico (~1:1)

fotosensibilizante

$C_{68}H_{70}N_8O_9$

119259-09-5



and enantiomer and epimer at C*
et énantiomère et épimère en C*
y enantiómero y epímero al C*

cronexitidum lanocianinum

cronexitide lanocianine

N-{3-[(2 Ξ)-2-{(2 Ξ ,4 Ξ ,6 Ξ)-7-[3-(2-carboxylatoethyl)-1,1-dimethyl-1*H*-benzo[*e*]indol-3-ium-2-yl]hepta-2,4,6-trien-1-ylidene)-1,1-dimethyl-1,2-dihydro-3*H*-benzo[*e*]indol-3-yl]propanoyl}-*S*¹,*S*⁷-cyclo-L-cysteinylglycyl-L-arginyl-L- α -aspartyl-L-seryl-L-prolyl-L-cysteinyl-L-lysine

diagnostic imaging agent

cronéxítide lanocianine

N-{3-[(2 Ξ)-2-{(2 Ξ ,4 Ξ ,6 Ξ)-7-[3-(2-carboxylatoéthyl)-1,1-diméthyl-1*H*-benzo[*e*]indol-3-ium-2-yl]hepta-2,4,6-trién-1-ylidène)-1,1-diméthyl-1,2-dihydro-3*H*-benzo[*e*]indol-3-yl]propanoyle)-*S*¹,*S*⁷-cyclo-L-cystéinylglycyl-L-arginyl-L- α -aspartyl-L-séryl-L-prolyl-L-cystéinyl-L-lysine

agent d'imagerie diagnostique

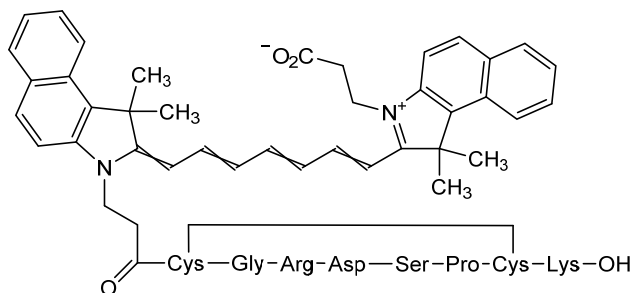
cronexitida lanocianina

N-{3-[(2 Ξ)-2-{(2 Ξ ,4 Ξ ,6 Ξ)-7-[3-(2-carboxilatoetil)-1,1-dimetil-1*H*-benzo[*e*]indol-3-ium-2-il]hepta-2,4,6-trien-1-ilideno)-1,1-dimetil-1,2-dihidro-3*H*-benzo[*e*]indol-3-il]propanoil)-*S*¹,*S*⁷-ciclo-L-cisteinilglicil-L-arginil-L- α -aspartil-L-seril-L-prolil-L-cisteinil-L-lisina

agente de diagnóstico por imagen

$C_{73}H_{92}N_{14}O_{15}S_2$

2041574-23-4

**crovozalponum**

crovozalpon

N-[[(1*S*,2*R*)-1-(2-chloro-3-fluorophenyl)-1-hydroxypentan-2-yl]-7-fluoro-2-oxo-2,3-dihydro-1*H*-indole-4-carboxamide
molecular chaperone, α 1-antitrypsin modulator

crovozalpon

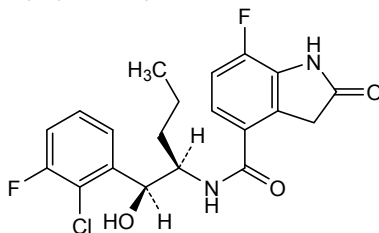
N-[[(1*S*,2*R*)-1-(2-chloro-3-fluorophényl)-1-hydroxypentan-2-yl]-7-fluoro-2-oxo-2,3-dihydro-1*H*-indole-4-carboxamide
chaperon moléculaire, modulateur de l' α 1-antitrypsine

crovozalpón

N-[[(1*S*,2*R*)-1-(2-cloro-3-fluorofenil)-1-hidroxipentan-2-il]-7-fluoro-2-oxo-2,3-dihidro-1*H*-indol-4-carboxamida
chaperona molecular, modulador de la alfa 1-antitripsina

 $C_{20}H_{19}ClF_2N_2O_3$

2406205-67-0

**cuprum (^{64}Cu) zadavotidum guraxetanum**copper (^{64}Cu) zadavotide guraxetan

dihydrogen (*N*-{[(4*R*)-4-carboxylato- κ O-4-[4,7,10-tris(carboxylato- κ O-méthyl)-1,4,7,10-tétrazacyclododécane-1-yl- $\kappa^4N^1,N^4,N^7,N^{10}$]butanoyl]-3-iodo-D-tyrosyl-D-phénylalananyl-*N*⁶-{8-[*N*²-(L-glutamocarbonyl)-*N*⁶-L-lysino]-8-oxooctanoyl]-D-lysine})(^{64}Cu)cuprate(2-)
diagnostic imaging agent

cuivre (^{64}Cu) zadavotide guraxétan

dihydrogène(*N*-{[(4*R*)-4-carboxylato- κ O-4-[4,7,10-tris(carboxylato- κ O-méthyl)-1,4,7,10-tétrazacyclododécane-1-yl- $\kappa^4N^1,N^4,N^7,N^{10}$]butanoyl]-3-iodo-D-tyrosyl-D-phénylalananyl-*N*⁶-{8-[*N*²-(L-glutamocarbonyl)-*N*⁶-L-lysino]-8-oxooctanoyl]-D-lysine})(^{64}Cu)cuprate(2-)
agent d'imagerie diagnostique

davalomilastum

davalomilast

1-[(*E*)-2-[4-(difluoromethoxy)-3-[(3*R*)-thiolan-3-yl]oxy]phenyl]ethen-1-yl]-2,6-dimethylpyridin-4(1*H*)-one
phosphodiesterase 4 (PDE4) inhibitor

davalomilast

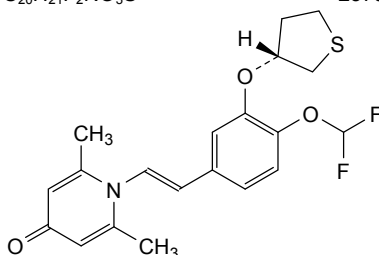
1-[(1*E*)-2-[4-(difluorométhoxy)-3-[(3*R*)-thiolan-3-yl]oxy]phényl]éthén-1-yl]-2,6-diméthylpyridin-4(1*H*)-one
inhibiteur de la phosphodiesterase 4 (PDE4)

davalomilast

1-[(1*E*)-2-[4-(difluorometoxi)-3-[(3*R*)-tiolan-3-il]oxi]fenil]eten-1-il]-2,6-dimetilpiridin-4(1*H*)-ona
inhibidor de la fosfodiesterasa 4 (PDE4)

C₂₀H₂₁F₂NO₃S

2379980-45-5

**davotifanum**

davotifan

(4*S*)-1-[3-(difluoromethyl)-4-fluorophenyl]-5,5-difluoro-3-(trifluoromethanesulfonyl)-4,5,6,7-tetrahydro-1*H*-indol-4-ol
hypoxia-inducible factor (HIF) inhibitor, antineoplastic

davotifan

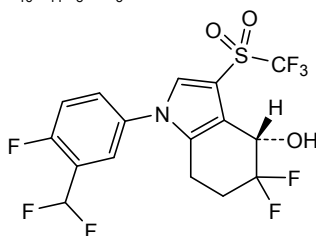
(4*S*)-1-[3-(difluorométhyl)-4-fluorophényl]-5,5-difluoro-3-(trifluorométhanesulfonyl)-4,5,6,7-tétrahydro-1*H*-indol-4-ol
inhibiteur du facteur inductible par l'hypoxie (HIF), antinéoplasique

davotifán

(4*S*)-1-[3-(difluorometil)-4-fluorofenil]-5,5-difluoro-3-(trifluorometanosulfonyl)-4,5,6,7-tetrahidro-1*H*-indol-4-ol
inhibidor del factor inducible por hipoxia (HIF), antineoplásico

C₁₆H₁₁F₈NO₃S

2925064-31-7



dazodeunetantum

dazodeunetant

[(8*R*)-3-(3-chloro-1,2,4-thiadiazol-5-yl)-8-methyl-5,6-dihydro[1,2,4]triazolo[4,3-*a*]pyrazin-7(8*H*)-yl][4-fluoro(3-²H)phenyl]methanone
neurokinin NK3 receptor antagonist

dazodeunétant

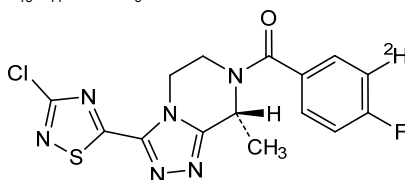
[(8*R*)-3-(3-chloro-1,2,4-thiadiazol-5-yl)-8-méthyl-5,6-dihydro[1,2,4]triazolo[4,3-*a*]pyrazin-7(8*H*)-yl][4-fluoro(3-²H)phényl]méthanone
antagoniste du récepteur NK3 de la neurokinine

dazodeunetant

[(8*R*)-3-(3-cloro-1,2,4-tiadiazol-5-il)-8-metil-5,6-dihidro[1,2,4]triazolo[4,3-*a*]pirazin-7(8*H*)-il][4-fluoro(3-²H)fenil]metanona
antagonista del receptor NK3 de neurokinina

C₁₅H₁₁²ClFN₆OS

2759134-55-7

**deutaleglitazarum**

deutaleglitazar

(2*S*)-2-methoxy-3-{4-[2-(5-methyl-2-phenyl-1,3-oxazol-4-yl)(1,1-²H₂)ethoxy]-1-benzothiophen-7-yl}propanoic acid
dual peroxisome proliferator activating receptor (PPAR alpha and gamma) agonist

deutaléglitazar

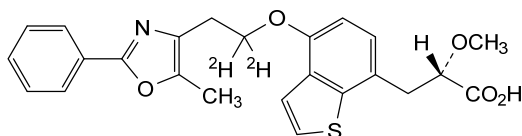
acide (2*S*)-2-méthoxy-3-{4-[2-(5-méthyl-2-phényl-1,3-oxazol-4-yl)(1,1-²H₂)éthoxy]-1-benzothiophén-7-yl}propanoïque
agoniste double du récepteur activateur des proliférateurs de peroxysomes (PPAR alpha et gamma)

deutaleglitazar

ácido (2*S*)-3-{4-[2-(2-fenil-5-metil-1,3-oxazol-4-il)(1,1-²H₂)etoxi]-1-benzotiofen-7-il}-2-metoxipropanoico
agonista dual de los receptores activados por el proliferador de peroxisoma (PPAR alfa y gamma)

C₂₄H₂₁²H₂NO₅S

2902649-99-2



diosuxentanum

diosuxentan

N-[5-(2*H*-1,3-benzodioxol-5-yl)-6-{2-[(5-bromopyrimidin-2-yl)oxy]ethoxy}pyrimidin-4-yl]-*N'*-(2-methoxyethyl)sulfuric diamide
endothelin receptor antagonist

diosuxentan

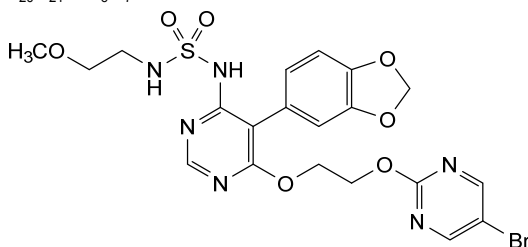
N-[5-(2*H*-1,3-benzodioxol-5-yl)-6-{2-[(5-bromopyrimidin-2-yl)oxy]éthoxy}pyrimidin-4-yl]-*N'*-(2-méthoxyéthyl)diamide sulfurique
antagoniste du récepteur de l'endothéline

diosuxentan

N-[5-(2*H*-1,3-benzodioxol-5-il)-6-{2-[(5-bromopirimidin-2-il)oxi]etoxi}pirimidin-4-il]-*N'*-(2-metoxietil)diamida sulfúrica
antagonista del receptor de la endotelina

C₂₀H₂₁BrN₆O₇S

2305865-93-2

**edutirsenum**

edutirsen

all-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis[3-[(6-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]hexyl)amino]-3-oxopropoxy]methyl)-1-hydroxy-1,10,14,21-tetraoxo-2,18-dioxo-9,15,22-triaza-1λ⁵-phosphaoctacosan-1-yl)-2'-O,4'-C-[(1*S*)-ethane-1,1-diyl]-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1*S*)-ethane-1,1-diyl]-5-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1*S*)-ethane-1,1-diyl]-5-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1*S*)-ethane-1,1-diyl]-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1*S*)-ethane-1,1-diyl]-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1*S*)-ethane-1,1-diyl]-5-methylcytidine
1-acylglycerol-3-phosphate O-acyltransferase PNPLA3 synthesis reducer

édutirsen

tout-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis[3-[(6-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]hexyl)amino]-3-oxopropoxy]méthyl)-1-hydroxy-1,10,14,21-tétraoxo-2,18-dioxa-9,15,22-triaza-1λ⁵-phosphaoctacosan-1-yl)-2'-O,4'-C-[(1*S*)-éthane-1,1-diyl]-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1*S*)-éthane-1,1-diyl]-5-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1*S*)-éthane-1,1-diyl]-5-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1*S*)-éthane-1,1-diyl]-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1*S*)-éthane-1,1-diyl]-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1*S*)-éthane-1,1-diyl]-5-méthylcytidine
réducteur de la synthèse de la 1-acylglycérol-3-phosphate O-acyltransférase PNPLA3

edutirsén

todo-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acetamido-2-desoxy-β-D-galactopiranosil)oxi]-16,16-bis[[3-({6-[(2-acetamido-2-desoxy-β-D-galactopiranosil)oxi]hexil)amino]-3-oxopropoxi]metil]-1-hidroxi-1,10,14,21-tetraoxo-2,18-dioxa-9,15,22-triaza-1λ⁶-fosfooctacosan-1-il)-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-5-metil-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-5-metil-P-tiouridilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tiadenilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-5-metilcitidina
reductor de la síntesis de la 1-acilglicerol-3-fosfato-O-aciltransferasa
PNPLA3

C₂₃₈H₃₃₇N₆₁O₁₁₈P₁₆S₁₅

3034567-90-0

5' R1-C=U=U=T=A=T=T=C=A=A=T=G=T=G=G=C 3'

N : nucleoside / nucléoside / nucleósido

B : nucleobase / nucléobase / nucleobase

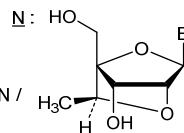
N : 2'-deoxy-N / 2'-désoxy-N / 2'-desoxy-N

N : 5-methyl-N / 5-méthyl-N / 5-metil-N

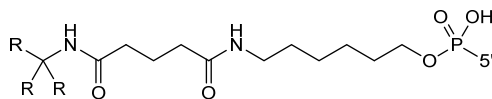
N : 2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-N / 2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-N /

2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-N

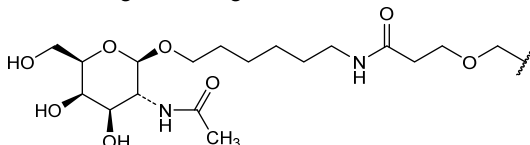
= : -PO(SH)-



R1-:



R:

**eflumenibepum alfa #**

eflumenibep alfa human serine protease inhibitor Kazal-type 2 (SPINK2, huSI-II, acrosin-trypsin inhibitor, Uniprot: P20155) (6-66 in the current sequence), variant (1^{DDDGP}5>added, S¹⁴>L¹⁹, 16^{YRLPG}20> 21^{WTDHQ}25, P²²>E²⁷, 24^{HFN}26>29^{DYD}31) fused at the C-terminus to human immunoglobulin G1 (IgG1) Fc fragment (h-CH2-CH3-CHS domains) (67-298) [*Homo sapiens* IGHG1*03 (hinge (67-81), CH2 (82-191), CH3 (192-296), CHS (297-298))], homodimer (71-71':77-77':80-80')-trisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
kalikrein 5 inhibitor, anti-inflammatory

efluménibep alfa

inhibiteur de la sérine protéase humaine Kazal de type 2 (SPINK2, huSI-II, inhibiteur de l'acrosin-trypsin, Uniprot: P20155) (6-66 dans la séquence actuelle), variant (1^{DDDGP}5>ajouté, S¹⁴>L¹⁹, 16^{YRLPG}20> 21^{WTDHQ}25, P²²>E²⁷, 24^{HFN}26>29^{DYD}31) fusionné à l'extrémité C-terminale au fragment Fc de l'immunoglobuline G1 (IgG1) humaine (domaines h-CH2-CH3-CHS) (67-298) [*Homo sapiens* IGHG1*03 (charnière (67-81), CH2 (82-191), CH3 (192-296), CHS (297-298))], homodimère (71-71':77-77':80-80')-trisulfure, produit dans les cellules d'ovaire de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
inhibiteur de la kallikréine-5, anti-inflammatoire

eflumenibep alfa inhibidor de la serina proteasa humana Kazal tipo 2 (SPINK2, huSI-II, inhibidor de acrosina-tripsina, Uniprot: P20155) (6-66 en la secuencia actual), variante (¹DDGGP⁵>añadido, S¹⁴>L¹⁹, ¹⁶YRLPG²⁰>²¹WTDHQ²⁵, P²²>E²⁷, ²⁴HFN²⁶>²⁹DYD³¹) fusionada en el extremo C al fragmento Fc de la inmunoglobulina G1 (IgG1) humana (dominios h-CH2-CH3-CHS) (67-298) [*Homo sapiens* IGHG1*03 (bisagra (67-81), CH2 (82-191), CH3 (192-296), CHS (297-298))], homodímero (71-71':77-77':80-80')-trisdisulfuro, producido en células ováricas de hámster chino (CHO), glicofoma alfa
inhibidor de la calicreína 5, antiinflamatorio

2418159-10-9

Sequence / Séquence / Secuencia
DDGGPQFGLF SKYRTPNCLQ WTDHQCERDY DFCVGSMDST YANECTLCMK 50
IREGGHNIKI IRNGPCEPKS CDKTHTCPPC PAPELLGGPS VLFPPKPKD 100
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST 150
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 200
TLPPSREEMT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPPVL D 250
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSFGK 298

Mutation / Mutation / Mutación
¹DDGGP⁵>add, S¹⁴>L¹⁹, ¹⁶YRLPG²⁰>²¹WTDHQ²⁵, P²²>E²⁷, ²⁴HFN²⁶>²⁹DYD³¹

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-chain SPINK2: 18-48, 26-45, 34-66, IgG1 Fc: 112-172, 218-276
18'-48', 26'-45', 34'-66', IgG1 Fc: 112'-172', 218'-276'
Inter-chain: 71-71', 77-77', 80-80'

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
N148, N148'

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: K298, K298'

efmirenpasum alfa #
efmirenpace alfa human ectonucleotide pyrophosphatase/phosphodiesterase family member 1 (E-NPP1, alkaline phosphodiesterase 1, ENPP1; EC: 3.1.4.1), fragment (96-925, 4-833 in the current sequence), variant (M¹-F⁹⁵>del, ¹FTA³>added), fused via peptide linker ⁸³⁴LIN⁸³⁶ to a human immunoglobulin G1 (IgG1) Fc fragment (h-CH2-CH3-CHS domains) (837-1063) [*Homo sapiens* IGHG1*03 (hinge EPKSC⁸³⁶⁻⁸³⁷>del (837-846), CH2 (847-956), CH3 (957-1061), CHS (1062-1063))]; homodimer (842-842':845-845')-bisdisulfide; produced Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-DG44, glycoform alfa
enzyme replacement therapy (ectonucleotide pyrophosphatase phosphodiesterase 1 deficiency)

efmirenpace alfa membre 1 de la famille des ectonucléotides pyrophosphatases/phosphodiesterases humaines (E-NPP1, phosphodiesterase alcaline 1, ENPP1; EC: 3.1.4.1), fragment (96-925, 4-833 dans la séquence actuelle), variant (M¹-F⁹⁵>dél, ¹FTA³>ajouté), fusionné via le coupleur peptidique ⁸³⁴LIN⁸³⁶ à un fragment Fc d'immunoglobuline G1 (IgG1) humaine (domaines h-CH2-CH3-CHS) (837-1063) [*Homo sapiens* IGHG1*03 (charnière EPKSC⁸³⁶⁻⁸³⁷>dél (837-846), CH2 (847-956), CH3 (957-1061), CHS (1062-1063))]; homodimère (842-842':845-845')-bisdisulfure; produit des cellules d'ovaire de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-DG44, glycoforme alfa
thérapie enzymatique substitutive (déficit en ectonucléotide pyrophosphatase phosphodiesterase 1)

efmirenpassa alfa

miembro 1 de la familia de la ectonucleótidas pirofosfatasa/fosfodiesterasa humanas (E-NPP1, fosfodiesterasa alcalina 1, ENPP1; EC: 3.1.4.1), fragmento (96-925, 4-833 en la secuencia actual), variante (M¹-F⁹⁵>del, ¹FTA³>añadido), fusionado a través del enlacer peptídico ⁸³⁴LIN⁸³⁶ a un fragmento Fc de inmunoglobulina G1 (IgG1) humana (dominios h-CH2-CH3-CHS) (837-1063) [*Homo sapiens* IGHG1*03 (bisagra EPKSC⁸³⁶⁻⁸³⁷>del (837-846), CH2 (847-956), CH3 (957-1061), CHS (1062-1063))]; homodímero (842-842':845-845')-bisdisulfuro; producido en células de ovario de hámster chino (CHO), línea celular CHO-DG44, glicofoma alfa *terapia de reemplazo enzimática (deficiencia de ectonucleótido pirofosfatasa fosfodiesterasa 1)*

2770242-54-9

Sequence / Séquence / Secuencia	
FTA GLKPSCA KEVKSCKGRC FERTFGNCRC DAACVELGNC CLDYQETCIE	50
PEHIWTNCKF RCGEKRLTRS LCACSDDDCKD KGDCCCINYSS VCQGEKSWVE	100
EPCESINEPQ CPAGFETPPT LLFSLDGFFRA EYLHTWGGLL PVISKLKCKG	150
TYTKNMRPVY PTKTFPNHYS IVTGLYPESH GIIDNKMYDP KMNASFSLKS	200
KEKGNPFWEYK GEPIWVTAKY QGLKSGTFFW PGSDVEINGI FPDIIKMYNG	250
SVPFEERILA VLQWLQLPKD ERPHFYTLYL EEPDSSGHSY GPVSSEVIKA	300
LQRVDGMVGM LMDGLKELNL HRCNLILIS DHGMEQGSCK KYIYLNKYLG	350
DVKNIKVIYG PAARLRPSDV PDKYYSFNYE GIARNLSCRE PNQHFKPYLK	400
HFLPKRLHFA KSDRIEPLTF YLDPQWQLAL NPSEKRYCGS GFHGSNDVFS	450
NMQALFVGYG PGFKHGIEAD TFENIEVYNL MCDLLNLTPA PNNGTHGSLN	500
HLLKNPVYTP KHPKEVHPLV QCPFTRNPRD NLGSCSNPSI LPIEDFQTFQ	550
NLTVAEEKII KHETLPYGRP RVLQKENTIC LLSQHQFMSG YSQDILMPLW	600
TSYTVDRNDS FSTEDFSNCL YQDFRIPLSP VHKCSFYKNN TKVSYGFLSP	650
PQLNKSSGI YSEALLTTNI VPMYQSFQVI WRYFHDTLRL KYAEERNGVN	700
VVSGPVEFDFD YDGRCDLEN LRQKRRVIRN QEILIPTHEF IVLTSCKDT	750
QTPLHCENLD TLAFILPHRT DNSESCVHGK HDSSWVEELL MLHRARITDV	800
EHITGLSFIYQ QRKEPVSDIL KLKTHLPTFS QED LIN DKTH TCPPCPAPEL	850
LGGPSVFLFP PKPKDTLMIS RTPEVTCVVV DVSHEDPEVK FNNYVDGVEV	900
HNAKTKREE QYNSTYRVVS VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKALPAIEK	950
TISKAKQQR EPQVYTLPPS REEMTKNQVS LTCLVKGFYP SDIAVEWESN	1000
GQPENNYKTT PPVLDSDGSF FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSVMHEALHN	1050
HYTQKSLSL PGK	1063

Mutation / Mutation / Mutación

M¹-F⁹⁵>del, ¹FTA³>added, EPKSC⁸³⁶⁻⁸³⁷>del

Peptide linker / Peptide liant / Péptido de unión

⁸³⁴LIN⁸³⁶, ^{834'}LIN^{836'}

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

ENPP1: 16-30, 20-48, 28-41, 34-40, 57-74, 62-92, 72-85, 78-84, 746-756

16'-30', 20'-48', 28'-41', 34'-40', 57'-74', 62'-92', 72'-85', 78'-84', 746'-756'

IgG1 Fc: 877-937, 983-1041, 877'-937', 983'-1041'

Inter-chain Fc-Fc': 842-842', 845-845'

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

ENPP1: N193, N249, N385, N486 (or N493), N551, N608, N639, N656

N193', N249', N385', N486' (or N493'), N551', N608', N639', N656'

IgG1 Fc: N913, N913'

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: K1063, K1063'

efpixileukinum alfa #

efpixileukin alfa

human interleukin-2 (IL-2, IL2, Uniprot: P60568) (1-133) variant (T³>A, D²⁰>N, N⁷¹>K, C¹²⁵>S) fused at the C-terminus to human immunoglobulin G1 (IgG1) Fc fragment (h-CHs-CH3-CHS domains) (134-364) [*Homo sapiens*IGHG1*03 (hinge C⁵>S¹³⁸ (134-148), CH2 ¹⁸ELLG²¹>¹⁵¹PVA¹⁵³, S⁵²>K¹⁸⁴ (149-257), CH3 E¹⁴²>Q²⁷⁴, S¹⁴⁹>K²⁸¹, M²¹³>L³⁴⁵, N²¹⁹>S³⁵¹ (258-362), CHS (363-364))]—disulfide bridged with human immunoglobulin G1 (IgG1) Fc fragment (h-CH2-CH3-CHS domains) (1'-231') [*Homo sapiens*IGHG1*03 (hinge C⁵>S (1'-15'), CH2 ¹⁸ELLG²¹>¹⁸PVA²⁰, S⁵²>K⁵¹, Q⁸⁰>E⁷⁹ (16'-124'), CH3 L¹⁵³>D¹⁵², K¹⁵⁵>S¹⁵⁴, N¹⁶⁹>D¹⁶⁸, Q²⁰³>E²⁰², N²⁰⁶>D²⁰⁵, M²¹³>L²¹², N²¹⁹>S²¹⁸ (125'-229'), CHS (230'-231'))]; heterodimer (144-11':147-14')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-M, glycoform alfa *immunomodulator*

efpixileukine alfa

variante de l'interleukine-2 humaine (IL-2, IL2, Uniprot: P60568) (1-133) (T³>A, D²⁰>N, N⁷¹>K, C¹²⁵>S) fusionnée à l'extrémité C-terminale au fragment Fc de l'immunoglobuline G1 (IgG1) humaine (domaines h-CHs-CH3-CHS) (134-364) [*Homo sapiens*IGHG1*03 (charnière C⁵>S¹³⁸ (134-148), CH2 ¹⁸ELLG²¹>¹⁵¹PVA¹⁵³, S⁵²>K¹⁸⁴ (149-257), CH3 E¹⁴²>Q²⁷⁴, S¹⁴⁹>K²⁸¹, M²¹³>L³⁴⁵, N²¹⁹>S³⁵¹ (258-362), CHS (363-364))]—disulfure ponté avec le fragment Fc de l'immunoglobuline G1 (IgG1) humaine (domaines h-CH2-CH3-CHS) (1'-231') [*Homo sapiens*IGHG1*03 (charnière C⁵>S (1'-15'), CH2 ¹⁸ELLG²¹>¹⁸PVA²⁰, S⁵²>K⁵¹, Q⁸⁰>E⁷⁹ (16'-124'), CH3 L¹⁵³>D¹⁵², K¹⁵⁵>S¹⁵⁴, N¹⁶⁹>D¹⁶⁸, Q²⁰³>E²⁰², N²⁰⁶>D²⁰⁵, M²¹³>L²¹², N²¹⁹>S²¹⁸ (125'-229'), CHS (230'-231'))]; hétérodimère (144-11':147-14')-bisdisulfure, produit dans l'ovaire du hamster chinois Cellules (CHO), lignée cellulaire CHO-M, glycoforme alfa *immunomodulateur*

efpixileukina alfa

variante de interleukina-2 humana (IL-2, IL2, Uniprot: P60568) (1-133) (T³>A, D²⁰>N, N⁷¹>K, C¹²⁵>S) fusionada en el extremo C terminal al fragmento Fc de inmunoglobulina G1 (IgG1) humana (dominios h-CHs-CH3-CHS) (134-364) [*Homo sapiens*IGHG1*03 (bisagra C⁵>S¹³⁸ (134-148), CH2 ¹⁸ELLG²¹>¹⁵¹PVA¹⁵³, S⁵²>K¹⁸⁴ (149-257), CH3 E¹⁴²>Q²⁷⁴, S¹⁴⁹>K²⁸¹, M²¹³>L³⁴⁵, N²¹⁹>S³⁵¹ (258-362), CHS (363-364))] con puente disulfuro con fragmento Fc de inmunoglobulina humana G1 (IgG1) (dominios h-CH2-CH3-CHS) (1'-231') [*Homo sapiens*IGHG1*03 (bisagra C⁵>S (1'-15'), CH2 ¹⁸ELLG²¹>¹⁸PVA²⁰, S⁵²>K⁵¹, Q⁸⁰>E⁷⁹ (16'-124'), CH3 L¹⁵³>D¹⁵², K¹⁵⁵>S¹⁵⁴, N¹⁶⁹>D¹⁶⁸, Q²⁰³>E²⁰², N²⁰⁶>D²⁰⁵, M²¹³>L²¹², N²¹⁹>S²¹⁸ (125'-229'), CHS (230'-231'))]; heterodímero (144-11':147-14')-bisdisulfuro, producido en células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-M, glicofoma alfa *immunomodulador*

2996895-52-2

Sequence / Séquence / Secuencia
Chain / Chaîne / Cadena: IL2-IgG1 Fc
APASSSTTKT QLQLEHLLN LQMILNGINN YKNPKLTRML TFKFYMPKKA 50
TELKHLQCLE EELKPLEEVL KLAQSKNFHL RPRDLISNIN VIVLELKGSE 100
TTFMCEYADE TATIVEFLNR WITFSQSIIS TLTEPKSSDK THTCPPCPAP 150
PVA^{GPSVFLF} PPKPKDTLMI SRTPEVTCVV VDV^{KHEDPEV} KFNWYVDGVE 200
VHNAKTKPRE EQYNSTYRVV SVLTVLHQDW LNGKEYCKV SNKALPAPIE 250
KTISKAKGQP REPQVYTLPP SRE^{QMTKNQV} KLTCLVKGFY PSDIAVEWES 300
NGQPENNYKT TTPVLDSGGS FFLYSKLTVD KSRWQQGNVF SCSV^LHEALH 350
SHYTQKSLSL SPGK 364

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: IgG1 Fc
EPKSS^{DKTHT} CPPCPAP^{PVA} GPSVFLFPK PKDTLMISRT PEVTCVVVDV 50
KHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPRE^{EY} NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG 100
KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP QVYTLPPSRE EMTKNQVSLT 150
CDV^SGFYPSD IAVEWES^DGQ PENNYKTTTP VLDSDGSFFL YSKLTVDKSR 200
WE^QGD^VVFCS VL^HHEALH^SHY TQKSLSLSPG K 231

Mutation / Mutation / Mutación
Chain (IL2-IgG1 Fc)
IL2: T³>A, D²⁰>N, N⁷¹>K, C¹²⁵>S
IgG1 Fc: C⁵>S¹³⁸, 18^{ELLG}²¹⁻¹⁵¹, PVA¹⁵³, S⁵²>K¹⁸⁴, E¹⁴²>Q²⁷⁴, S¹⁴⁹>K²⁸¹, M²¹³>L³⁴⁵, N²¹⁹>S³⁵¹
Heavy chain IgG1 Fc: C⁵>S¹⁸, 18^{ELLG}²¹⁻¹⁸¹, PVA²⁰, S⁵²>K⁵¹, Q⁸⁰>E⁷⁹, L¹⁵³>D¹⁵²,
K¹⁵⁵>S¹⁵⁴, N¹⁶⁹>D¹⁶⁸, Q²⁰³>E²⁰², N²⁰⁶>D²⁰⁵, M²¹³>L²¹², N²¹⁹>S²¹⁸

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra IL2-Fc: 58-105 (Intra IL2), 178-238, 284-342
Intra IgG1-Fc: 45'-105', 151'-209'
Inter-IL2-Fc/IgG1-Fc: 144-11', 147-14'

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
IL2-Fc chain: N214, IgG1 Fc: N81'
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans

O-glycosylation sites / Sites de O-glycosylation / Posiciones de O-glicosilación
none / aucun / ninguna (mutation T3>A)

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
HCHS K2: K364, K231'

elatatugum #
elatatug

elatatug

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudin 18, claudin-18, surfactant associated protein J, SFTPJ) isoform 2], monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfide with L-kappa light chain (1'-220') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV8-19*01 (90.1%) -IGKJ4*01 (91.7%) S120>Q (106')/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (88.1%) -IGKJ2*02 (100%), CDR -IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide, produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, glycoform alfa antineoplastic

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudine 18, claudine-18, protéine J associée au surfactant, SFTPJ) isoforme 2], anticorps monoclonal;
chaîne lourde H-gamma1 (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03

(91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) *-Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa (1'-220') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV8-19*01 (90.1%) -IGKJ4*01 (91.7%) S120>Q (106')/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (88.1%) -IGKJ2*02 (100%), CDR -IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') *-Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure, produit dans une lignée cellulaire des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
antineoplasique

elatatug immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudina 18, claudina-18, proteína J asociada con surfactante, SFTPJ) isoforma 2], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada H-gamma1 (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) *-Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa (1'-220') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV8-19*01 (90.1%) -IGKJ4*01 (91.7%) S120>Q (106')/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (88.1%) -IGKJ2*02 (100%), CDR -IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') *-Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro, producido en una línea celular de las células ováricas de hamster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa
antineoplásico

3038456-00-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H")
EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYTMSWVRQA PGKGLEWVAT 50
IIIGGSYYTY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMSNLRAED TAVYYCTRLV 100
KGNAMDYWGQ GTLTVTVSSAS TKGPSVFPLA PPSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKKVEPKS CDKTHCTCPG PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSRDELDT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPPVL 400
SDGSFFLYISK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L")
DIVMTQSPDS LAVSLGERVT MNCKSSQSLN NSGNQKNYLS WYQQKPGQPP 50
KLLFYWASTR ESGVPDRFSG SGSGTDFTLT ISSVQAEDVA VYYCQNDYSY 100
PFTFGQGTKL EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 150
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKSDSTYS LSSLTLTSLKA DYEKKHKVYAC 200
EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC 220

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426
22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
Intra-L (C23-C104) 23'-94" 140"-200"
23'''-94''' 140'''-200'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-220' 221"-220"
Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 298, 298"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 448, 448"

elatatugum vedotinum #
elatatug vedotin

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudin 18, claudin-18, surfactant associated protein J, SFTPJ) isoform 2], monoclonal antibody; conjugated on an average of four cysteinyl residues to *vedotin*, comprising a cleavable linker and monomethylauristatin E (MMAE);
H-gamma1 heavy chain (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33,51-58,97-107)) (1-118) - *Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfide with L-kappa light chain (1'-220') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV8-19*01 (90.1%) -IGKJ4*01 (91.7%) S120>Q (106'))/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (88.1%) -IGKJ2*02 (100%), CDR -IMGT [12.3.9] (27'-38',56'-58',95'-103')) (1'-113') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dimer (227-227'':230-230'')-bisdisulfide, produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, glycoform alfa; substituted at the sulfur atoms of an average of four L-cysteinyl residues among 221, 227, 230, 220', 221'', 227'', 230'' and 220''' with (3RS)-1-(6-[[[(2S)-1-[[[(2S)-5-(carbamoylamino)-1-(4-[[[(2S)-1-[[[(2S)-1-[[[(3R,4S,5S)-1-[(2S)-2-[(1R,2R)-3-[[[(1S,2R)-1-hydroxy-1-phenylpropan-2-yl]amino]-1-methoxy-2-methyl-3-oxopropyl]pyrrolidin-1-yl]-3-methoxy-5-methyl-1-oxoheptan-4-yl](methyl)amino]-3-methyl-1-oxobutan-2-yl]amino]-3-methyl-1-oxobutan-2-yl](methyl)carbamoyl]oxy)methyl]anilino]-1-oxopentan-2-yl]amino]-3-methyl-1-oxobutan-2-yl]amino]-6-oxohexyl)-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl (*vedotin*) groups *antineoplastic*

élatatug védotine

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudine 18, claudine-18, protéine J associée au surfactant, SFTPJ) isoforme 2], anticorps monoclonal; conjugué par quatre résidus cystéinyle en moyenne à la *védotine*, comprenant un linker clivable et monométhylauristatine E (MMAE);
chaîne lourde H-gamma1 (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33,51-58,97-107)) (1-118) - *Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa (1'-220') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV8-19*01 (90.1%) -IGKJ4*01 (91.7%) S120>Q (106'))/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (88.1%) -IGKJ2*02 (100%), CDR -IMGT [12.3.9] (27'-38',56'-58',95'-103')) (1'-113') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dimère (227-227'':230-230'')-bisdisulfure,

produit dans une lignée cellulaire des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa; substitué sur les atomes de soufre d'une moyenne de quatre résidus L-cystéinyle parmi 221, 227, 230, 220', 221'', 227'', 230'' et 220''' avec des groupes (3RS)-1-(6-[[[(2S)-1-[[[(2S)-5-(carbamoylamino)-1-{4-[[[(2S)-1-[[[(2S)-1-[[[(3R,4S,5S)-1-[(2S)-2-[(1R,2R)-3-[[[(1S,2R)-1-hydroxy-1-phénylpropan-2-yl]amino]-1-méthoxy-2-méthyl-3-oxopropyl]pyrrolidin-1-yl]-3-méthoxy-5-méthyl-1-oxoheptan-4-yl](méthyl)amino]-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl]amino]-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl](méthyl)carbamoyl]oxy)méthyl]anilino]-1-oxopentan-2-yl]amino]-3-méthyl-1-oxobutan-32-yl]amino]-6-oxohexyl)-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle (*vedotina*)
antinéoplasique

elatatug vedotina

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudina 18, claudina-18, proteína J asociada con surfactante, SFTPJ) isoforma 2], anticuerpo monoclonal; conjugado en una media de cuatro residuos cisteinilo a la *vedotina*, que comprende un enlace escindible y monometilauristatina E (MMAE); cadena pesada H-gamma1 (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa (1'-220') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV8-19*01 (90.1%) -IGKJ4*01 (91.7%) S120>Q (106')/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (88.1%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dímero (227-227'':230-230'')-bisdisulfuro, producido en una línea celular de las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa; sustituido en los átomos de azufre de un promedio de cuatro residuos de L-cisteinilo entre 221, 227, 230, 220', 221'', 227'', 230'' y 220''' con grupos (3RS)-1-(6-[[[(2S)-1-[[[(2S)-5-(carbamoylamino)-1-{4-[[[(2S)-1-[[[(2S)-1-[[[(3R,4S,5S)-1-[(2S)-2-[(1R,2R)-3-[[[(1S,2R)-1-fenil-1-hidroxipropan-2-il]amino]-2-metil-1-metoxi-3-oxopropil]pirrolidin-1-il]-5-metil-3-metoxi-1-oxoheptan-4-il](metil)amino]-3-metil-1-oxobutan-2-il]amino]-3-metil-1-oxobutan-2-il](metil)carbamoyl]oxi)metil]anilino]-1-oxopentan-2-il]amino]-3-metil-1-oxobutan-32-il]amino]-6-oxohexil)-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo (*vedotina*)
antineoplásico

3038456-01-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H')

```

EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYTMSWVRQA PGKGLEWVAT 50
IIIGGSYTTY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMSLRAED TAVYYCTRLV 100
KGNAMYDWGQ GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTWSN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKKVEPKS CDKHTCTPPC PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGEVHNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSRDELTL KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPPVDL 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK 448

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L')

```

DIVMTQSPDS LAVSLGERVT MNCKSSQSLN NSGNQKNYLS WYQQKPGQP 50
KLLFYWASTR ESGVPDRFSG SSGTDFTLT ISSVQAEDVA VYYQNDYSY 100
PFTFGGQTKL EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNFFYPREA 150
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKDSTYS LSSTLTLSKA DYEEKHKVYAC 200
EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC 220

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426
 22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
 Intra-L (C23-C104) 23'-94' 140'-200'
 23'''-94''' 140'''-200'''

Inter-H-L (h 5-CL 126)* 221-220' 221"-220'''

Inter-H-H (h 11, h 14)* 227-227" 230-230"

*Two or three of the four inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 4 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

*Deux ou trois des quatre ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 4 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

*Dos o tres de los cuatro puentes disulfuro inter-catenarios no estan presentes, una media de 4 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 298, 298"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

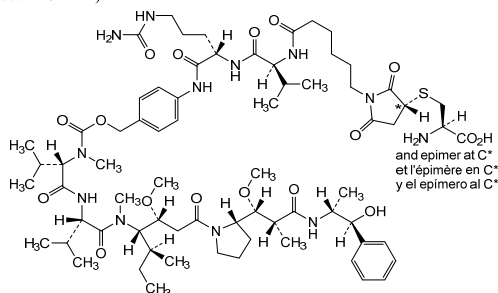
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 448, 448"

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados*

C (221, 227, 230, 220', 221", 227", 230", 220''')

*(vedotin:mAb ~ 4:1)



elipunerceptum #
 elipunercept

human tumor necrosis factor receptor superfamily member 1B (TNFRSF1B, tumor necrosis factor receptor 2, TNF-R2, TNF-RII, Uniprot: P20333) extracellular domain fragment (1-235), natural variant M¹⁷⁴>R, fused at the C-terminus to a human immunoglobulin G1 (IgG1) Fc fragment (h-CH2-CH3-CHS domains), (236-465), [Homo sapiens IGHG1*01 (hinge (236-250), CH2 (251-360), CH3 (361-465), CHS K (466-467))], dimer (240-240':246-246':249-249')-trisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
immunomodulator

élipunercept

fragment de domaine extracellulaire du membre 1B de la superfamille du récepteur du facteur de nécrose tumorale humaine (TNFRSF1B, récepteur 2 du facteur de nécrose tumorale, TNF-R2, TNF-RII, Uniprot: P20333) (1-235), variant naturel M¹⁷⁴>R, fusionné à l'extrémité C-terminale à un fragment Fc d'immunoglobuline G1 (IgG1) humaine (domaines h-CH2-CH3-CHS), (236-465), [*Homo sapiens*IGHG1*01 (charnière (236-250), CH2 (251-360), CH3 (361-465), CHS K (466-467))], dimère (240-240':246-246':249-249')-trisdisulfure, produit dans des cellules d'ovaire de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa immunomodulateur

elipunercept

fragmento del dominio extracelular del miembro 1B de la superfamilia del receptor del factor de necrosis tumoral humano (TNFRSF1B, receptor del factor de necrosis tumoral 2, TNF-R2, TNF-RII, Uniprot: P20333) (1-235), variante natural M¹⁷⁴>R, fusionado en el extremo C terminal a un fragmento Fc de inmunoglobulina G1 (IgG1) humana (dominios h-CH2-CH3-CHS), (236-465), [*Homo sapiens*IGHG1*01 (bisagra (236-250), CH2 (251-360), CH3 (361-465), CHS K (466-467))], dímero (240-240':246-246':249-249')-trisdisulfuro, producido en células de ovario de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, glicofoma alfa immunomodulador

3037408-21-9

Sequence / Séquence / Secuencia

LPAQVAFTPY APEPGSTCRLL REYYDQTAQM CCSKCSPGQH AKVFCTKTSDD 50

TVCDSCEDST YTQLWNWVPE CLSCGSRCCS DQVETQACTR EQNRICTCRP 100

GWYCALSKQE GCRLCAPLRK CRPGFGVARP GTETSDVVCK PCAPGTFSTN 150

TSSTDICRPH QICNVVAIPG NASRDVCTS TSPTRSMAPG AVHLPQPVST 200

RSQHTQPTPE PSTAPSTSFL LPMGSPSPAEG GSTGDEPKSC DKHTHTCPPCP 250

APELLGGPSV FLFPKPKDPT LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD 300

GEVHNNAKTK PREEQYNSTY RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA 350

PIEKTISKAK GQPREPQVYT LPPSRDELTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE 400

WESNGQPENN YKTTTPFVLDSDGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVPFSCSVMHE 450

ALHHYTKQS LSLSPGK 467

Natural variant

M¹⁷⁴>R

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-chain TNFR2: 18-31, 32-45, 35-53, 56-71, 74-88, 78-96, 98-115, 104-112

121-139, 142-157, 163-178; IgG1 Fc: 281-341, 387-445

TNFR2': 18'-31', 32'-45', 35'-53', 56'-71', 74'-88', 78'-96', 98'-115', 104'-112'

121'-139', 142'-157', 163'-178'; IgG1 Fc': 281'-341' 387'-445'

Inter-chain Fc-Fc' 240-240', 246-246', 249-249'

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

TNFR2: N149, N149', IgG1 Fc: N171, N171'and N317, N317'

O-glycosylation sites / Sites de O-glycosylation / Posiciones de O-glicosilación

T8*, T184, S186*, S199, T200, T205, T208, S212, T213, T216, T217, S226, T245*;

T8*, T184', S186*', S199', T200', T205', T208', S212', T213', T216', T217', S226', T245'*

* <5 %

Deamidation sites / Sites de désamidation / Posiciones de desamidación

N335 (2.7% to 3.4%), N381 (0.4% to 0.5%), N404 (2.4% to 2.9%)

Chemical modification

Succinimide modification of N335 (5.2% to 6.2%) and N404 (2.2% to 2.4%)

C-terminal lysine clipping / Coupe de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHSK2: K467, K467' (~50%)

elipodectum

elipodect

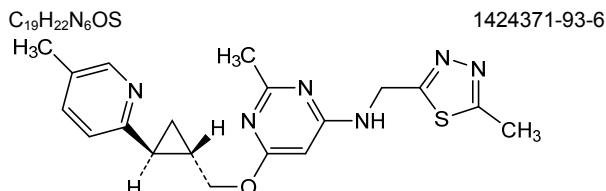
2-methyl-6-[[[(1*S*,2*S*)-2-(5-methylpyridin-2-yl)cyclopropyl]methoxy]-*N*-[(5-methyl-1,3,4-thiadiazol-2-yl)methyl]pyrimidin-4-amine phosphodiesterase 4 (PDE4) inhibitor

elipodect

2-méthyl-6-[[[(1*S*,2*S*)-2-(5-méthylpyridin-2-yl)cyclopropyl]méthoxy]-*N*-[(5-méthyl-1,3,4-thiadiazol-2-yl)méthyl]pyrimidin-4-amine inhibiteur de la phosphodiesterase 4 (PDE4)

elipodect

2-metil-6-[[[(1*S*,2*S*)-2-(5-metilpiridin-2-il)ciclopropil]metoxi]-*N*-[(5-metil-1,3,4-tiadiazol-2-il)metil]pirimidin-4-amina inhibidor de la fosfodiesterasa 4 (PDE4)

**emaretamigum #**

emaretamig

immunoglobulin (H-gamma1_L-kappa)_(G1(VH-CH1-h)-10mer-scFvLh-10mer-G1(h-CH2-CH3)_L-kappa), anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudin 18, claudin-18, surfactant associated protein J, SFTPJ) isoform 2] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], monoclonal antibody, bispecific, trivalent; H-gamma1 heavy chain anti-CLDN18 (H) (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-10-1*01 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 1-G1v50 CH2 delE1.4 P1.3, V1.2, A1.1, 6-G1v51 CH2 K29, 14-G1v72-3 CH1 D114, CH2 E84.2, CH3 D44, E97, D100, 18-G1v82-5 CH3 D24, S26(CH1 N114>D (209), R120>K (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 E1.4>del, L1.3>P (234), L1.2>V (235), G1.1>A (236), S29>K (267), Q84.2>E (295) (232-340), CH3 E12 (356), M14 (358), L24>D (368), K26>S (370), N44>D (384), Q97>E (418), N100>D (421) (341-445), CHS (446-447)) (119-447)], (221-220')-disulfide with L-kappa light chain anti-CLDN18 (L') (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (91.1%) -IGKJ2*02 (90.9%) Q120>S (106), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103'') (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (159'), V101 (197') (114'-220')]; G1(VH-CH1-h)-10mer-scFvLh-10mer-G1(h-CH2-CH3) heavy chain anti-CLDN18 and anti-CD3E (H") (1"-720") [G1(VH-CH1-h) (1"-221") [VH anti-CLDN18 (*Homo sapiens* IGHV5-10-1*01 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26"-33".51"-58".97"-107'') (1"-118") -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17 CH1 K120 (CH1 R120>K (215") (119"-216"), hinge 1-5 (217"-221'')]] -10-mer bis(tetraglycyl-seryl) linker (222"-231") -scFvLh anti-CD3E (232"-485'') [V-LAMBDA anti-CD3E Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGLV1*01 (80.6%) -IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (76.8%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (257"-265".283"-285".322"-330'') (232"-340'') -20-mer tetrakis(glycyl-lysyl-prolyl-glycyl-seryl) linker (341"-360'') -VH anti-CD3E (*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (88.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (480''), CDR-IMGT [8.10.16] (386"-393".411"-420".459"-474'') (361"-485'')]] -10-mer bis(tetraglycyl-seryl) linker (486"-495'') -G1(h-CH2-CH3) (496"-720'') [*Homo sapiens* IGHG1*03v, nG1m1 CH3 E12, M14, 1-G1v50 CH2

delE1.4 P1.3, V1.2, A1.1, 6-G1v51 CH2 K29, 18-G1v82-6 CH3 Q13, K20 (hinge 7-15 (496"-504")), CH2 E1.4>del, L1.3>P (507"), L1.2>V (508"), G1.1>A (509"), S29>K (540") (505"-613"), CH3 E12 (629"), E13>Q (630"), M14 (631"), S20>K (637") (614"-718"), CHS (719"-720"))]; (221"-220")-disulfide with L-kappa light chain anti-CLDN18 (L") (1"-220") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (91.1%) -IGKJ2*02 (90.9%) Q120>S (106"), CDR-IMGT [12.3.9] (27"-38".56"-58".95"-103")) (1"-113") -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (159"), V101 (197") (114"-220"))]; dimer (227-500": 230-503")-bisdisulfide, produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, glycoform alfa
antineoplastic

émarétamig

immunoglobuline (H-gamma1_L-kappa)_ (G1(VH-CH1-h)-linker-scFvLh-linker-(h-CH2-CH3)_L-kappa), anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudine 18, claudine-18, protéine J associée au surfactant, SFTPJ) isoforme 2] et anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], anticorps monoclonal, bispécifique, trivalent; chaîne lourde H-gamma1 anti-CLDN18 (H) (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-10-1*01 (89.8%) -IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 1-G1v50 CH2 delE1.4 P1.3, V1.2, A1.1, 6-G1v51 CH2 K29, 14-G1v72-3 CH1 D114, CH2 E84.2, CH3 D44, E97, D100, 18-G1v82-5 CH3 D24, S26, (CH1 N114>D (209), R120>K (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 E1.4>del, L1.3>P (234), L1.2>V (235), G1.1>A (236), S29>K (267), Q84.2>E (295) (232-340), CH3 E12 (356), M14 (358), L24>D (368), K26>S (370), N44>D (384), Q97>E (418), N100>D (421) (341-445), CHS (446-447)) (119-447)], (221-220')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa anti-CLDN18 (L') (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (91.1%) -IGKJ2*02 (90.9%) Q120>S (106"), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (159"), V101 (197") (114'-220'))]; chaîne lourde G1(VH-CH1-h)-10mer-scFvLh-10mer-G1(h-CH2-CH3) anti-CLDN18 et anti-CD3E (H") (1"-720") [G1(VH-CH1-h) (1"-221") [VH anti-CLDN18 (*Homo sapiens* IGHV5-10-1*01 (89.8%) -IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26"-33".51"-58".97"-107")) (1"-118") -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17 CH1 K120 (CH1 R120>K (215")) (119"-216"), charnière 1-5 (217"-221"))] -10-mer bis(tétraglycyl-séryl) linker (222"-231") -scFvLh anti-CD3E (232"-485") [V-LAMBDA anti-CD3E Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGLV1*01 (80.6%) -IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (76.8%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (257"-265".283"-285".322"-330")) (232"-340") -20-mer tétrakis(glycyl-lysyl-prolyl-glycyl-séryl) linker (341"-360") -VH anti-CD3E (*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (88.0%) -IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (480"), CDR-IMGT [8.10.16] (386"-393".411"-420".459"-474") (361"-485")] -10-mer bis(tétraglycyl-séryl) linker (486"-495") -G1(h-CH2-CH3) (496"-720") [*Homo sapiens* IGHG1*03v, nG1m1 CH3 E12, M14, 1-G1v50 CH2 delE1.4 P1.3, V1.2, A1.1, 6-G1v51 CH2 K29, 18-G1v82-6 CH3 Q13, K20 (charnière 7-15 (496"-504")), CH2 E1.4>del, L1.3>P (507"), L1.2>V (508"), G1.1>A (509"), S29>K (540") (505"-613"), CH3 E12 (629"), E13>Q (630"), M14 (631"), S20>K (637") (614"-718"), CHS (719"-720"))]; (221"-220")-disulfure avec la chaîne légère L-kappa anti-CLDN18 (L") (1"-220") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (91.1%) -IGKJ2*02 (90.9%) Q120>S (106"), CDR-IMGT [12.3.9] (27"-38".56"-58".95"-103")) (1"-113") -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3

A45.1 (159'''), V101 (197''') (114'''-220''');
 dimère (227-500'': 230-503'')-bisdisulfure, produit dans une lignée
 cellulaire des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO),
 dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
antineoplasique

emaretamig

immunoglobulina (H-gamma1_L-kappa)_ (G1(VH-CH1-h)-enlace-
 scFvIh-enlace-(h-CH2-CH3)_L-kappa), anti-[*Homo sapiens*
 CLDN18 (claudina 18, claudina-18, proteína J asociada con
 surfactante, SFTPJ) isoforma 2] y anti-[*Homo sapiens* CD3E
 (CD3 épsilon, Leu-4)], anticuerpo monoclonal, biespecífico,
 trivalente;
 cadena pesada H-gamma1 anti-CLDN18 (H) (1-447) [VH (*Homo sapiens*
 IGHV5-10-1*01 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%),
 CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens*
 IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 1-
 G1v50 CH2 delE1.4 P1.3, V1.2, A1.1, 6-G1v51 CH2 K29, 14-
 G1v72-3 CH1 D114, CH2 E84.2, CH3 D44, E97, D100, 18-
 G1v82-5 CH3 D24, S26, (CH1 N114>D (209), R120>K (215)
 (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 E1.4>del, L1.3>P (234),
 L1.2>V (235), G1.1>A (236), S29>K (267), Q84.2>E (295) (232-
 340), CH3 E12 (356), M14 (358), L24>D (368), K26>S (370),
 N44>D (384), Q97>E (418), N100>D (421) (341-445), CHS (446-
 447)) (119-447)], (221-220')-disulfuro con la cadena ligera L-
 kappa anti-CLDN18 (L') (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens*
 IGKV4-1*01 (91.1%) -IGKJ2*02 (90.9%) Q120>S (106'''), CDR-
 IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103'') (1'-113') -*Homo sapiens*
 IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (159'), V101 (197') (114'-220'')];
 cadena pesada G1(VH-CH1-h)-10mer-scFvIh-10mer-G1(h-CH2-
 CH3) anti-CLDN18 y anti-CD3E (H'') (1''-720'') [G1(VH-CH1-h)-
 (1''-221'') [VH anti-CLDN18 (*Homo sapiens* IGHV5-10-1*01
 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26''-
 33'' 51''-58'' 97''-107'') (1''-118'') -*Homo sapiens* IGHG1*03v,
 G1m3>G1m17 CH1 K120 (CH1 R120>K (215'') (119''-216''),
 bisagra 1-5 (217''-221'')]] -10-mer bis(tetraglicil-seril) enlace (222''-
 231'') -scFvIh anti-CD3E (232''-485'') [V-LAMBDA anti-CD3E
 Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGLV1*01 (80.6%) -IGLJ1*01
 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (76.8%) -IGLJ3*02 (100%),
 CDR-IMGT [9.3.9] (257''-265''.283''-285''.322''-330'') (232''-340'') -
 20-mer tetrakis(glicil-lisil-prolil-glicil-seril) enlace (341''-360'') -VH
 anti-CD3E (*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (88.0%) -(IGHD) -
 IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (480''), CDR-IMGT [8.10.16] (386''-
 393''.411''-420''.459''-474'') (361''-485'')]] -10-mer bis(tetraglicil-
 seril) enlace (486''-495'') -G1(h-CH2-CH3) (496''-720'') [*Homo sapiens*
 IGHG1*03v, nG1m1 CH3 E12, M14, 1-G1v50 CH2
 delE1.4 P1.3, V1.2, A1.1, 6-G1v51 CH2 K29, 18-G1v82-6 CH3
 Q13, K20 (bisagra 7-15 (496''-504''), CH2 E1.4>del, L1.3>P
 (507''), L1.2>V (508''), G1.1>A (509''), S29>K (540'') (505''-613''),
 CH3 E12 (629''), E13>Q (630''), M14 (631''), S20>K (637'') (614''-
 718''), CHS (719''-720'')]]]; (221''-220'')-disulfuro con la cadena
 ligera L-kappa anti-CLDN18 (L'') (1''-220'') [V-KAPPA (*Homo sapiens*
 IGKV4-1*01 (91.1%) -IGKJ2*02 (90.9%) Q120>S (106'''),
 CDR-IMGT [12.3.9] (27''-38''.56''-58''.95''-103'') (1''-113'') -
Homo sapiens IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (159''), V101 (197'')
 (114''-220'')];
 dímero (227-500'': 230-503'')-bisdisulfuro, producido en una línea
 celular de las células ováricas de hámster chino (CHO), línea
 celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa
antineoplasico

3051701-97-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: H-gamma1 anti-CLDN18 (H)
EVQLVQSGAE VKKPGESLRI SCKASGYTFT SYWINWVRQM PGKGLEWMGN 50
IYPSDSYTN YNQKFQGHVTI SVDKSISTAY LQWSSLKASD TAMYYCTRSW 100
RGNISFDYWQ GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPPEPTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSDT KVDKKVEPKS CDKTHTCPPC PAPPVAGPSV FLFPKPKD 250
LMISRTPEVT CVVVDVKHED PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEEYNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTIKAK GQPREPQVYT 350
LPPSREEMTK NQVSLTCDVS GFYPSDIAVE WESDGPENN YKTTTPVLDS 400
DGSFFLYSKL TVDKSRWEQG DVFSCSVME ALHNHYTQKS LSLSPGK 447

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-kappa common anti-CLDN18 (L', L'')
DIVMTQSPDS LAVSLGERAT INCKSSQSLL NSGNQKNYLT WYQKPGQPP 50
KLLIYWASTR ESGVPDRFTG SGSGTDFTLT ISSLQAEDVA VYYCQNDYSY 100
PTFTGSGTKL EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 150
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKSTYS LSSTLTLSKA DYEKHKVYAC 200
EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC 220

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: G1(VH-CH1-h)-10mer-scFv(h-10mer-(h-CH2-CH3) anti-CLDN18 and anti-CD3E (H'')
EVQLVQSGAE VKKPGESLRI SCKASGYTFT SYWINWVRQM PGKGLEWMGN 50
IYPSDSYTN YNQKFQGHVTI SVDKSISTAY LQWSSLKASD TAMYYCTRSW 100
RGNISFDYWQ GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPPEPTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKKVEPKS CGGGGSGGGG SQAVVTQEPS LTVSPGGTVT 250
LTCGSGSTGAV TTSNYANWVQ QKPGKSPRGL IGGTNKRAPG VPARFSGSLL 300
GGKAALITISG AQPEDEADYY CALWYSNHWV FGGGTKLTVL GKPGSGKPGS 350
GKPGSGKPGS EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS TYAMNWRQA 400
PGKGLEWGR IRSKANNYAT YYADSVKGRF TISRDDSKNT LYLQMNLSRA 450
EDTAVYYCVR HGNFGDSYVS WFAVWGQGT LTVSSGGGGS GGGGSKTHTC 500
PPCPAPPVAG PSVFLFPPKP KDTLMISRTPEVTGVVDVK HEDPEVKFNW 550
YVDGVEVHNA KTKPREEQYN STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA 600
LPAPTEKTIIS KAKGQPREPQ VYTLPPSREQ MTKNQVQLTCLVKGFYPSDI 650
AVEWESNGQP ENNYKTTTPPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV 700
MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 720

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 261-321 367-425
Intra-H'' (C23-C104) 22''-96'' 145''-201'' 253''-321'' 382''-458'' 534''-594'' 640''-698''
Intra-L' (C23-C104) 23'-94' 140'-200'
Intra-L''' (C23-C104) 23'''-94''' 140'''-200'''
Inter-H-L', inter-H''-L''' (h 5-CL 126) 221-220' 221''-220'''
Inter-H-H'' (h 11, h 14) 227-500'' 230-503''
Total number of disulfide bridges: 18 (14 intra-, 4 inter-).

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 297, 570''
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 447, 720''

emicabtagen^{um} leucel^{um} #
emicabtagene leucel

allogeneic CD4+ and CD8+ T lymphocytes derived from a patient's prior allogeneic hematopoietic stem cell transplantation donor, transduced with a self-inactivating, non-replicating (SIN) lentiviral vector encoding a chimeric antigen receptor (CAR) targeting CD33 (also known as sialic acid binding Ig-like lectin 3, Siglec-3) comprising a human CD8alpha leader sequence, a humanised anti-CD33 single chain variable fragment (scFv; derived from *lintuzumab*, clone huM195), a CD28 hinge region, CD28 transmembrane and co-stimulatory domain, and an intracellular signal transduction domain (CD3ζ), under control of the human elongation factor 1 alpha (EF-1α) promoter and Woodchuck hepatitis virus post-transcriptional regulatory element

(WPRE).

The construct is flanked by 5' and 3' long terminal repeats (LTRs) and also contains a packaging signal, truncated *gag*, a Rev response element (RRE), an envelope glycoprotein 41 (gp41) peptide, a central polypurine tract/central termination sequence (cPPT/CTS) 5' to the transgene, and a partial *nef*/polypurine tract (PPT) sequence 3' to the transgene. The vector is pseudotyped with vesicular stomatitis virus (VSV) glycoprotein G.

The apheresis material collected from a patient's prior stem cell donor is enriched for CD4+/CD8+ T lymphocytes by positive immunoselection, activated by CD3 and CD28 agonists and transduced with the lentiviral vector. The cells are expanded in media containing human AB serum and interleukin 2 (IL-2). The T lymphocytes (>94% CD3+) are positive for the transgene (>20% CAR positive), demonstrate cytotoxicity against CD33-expressing cells, and secrete interferon gamma in response to co-culture with CD33-expressing tumour cell lines

cell-based gene therapy (antineoplastic)

émicabtagène leucel

lymphocytes T CD4+ et CD8+ allogéniques provenant du donneur d'une greffe allogénique antérieure de cellules souches hématopoïétiques du patient, transduites avec un vecteur lentiviral auto-inactivant et non réplcatif (SIN) codant pour un récepteur d'antigène chimérique (RAC) ciblant CD33 (également connu sous le nom de lectine 3 de type Ig se liant à l'acide sialique, Siglec-3) comprenant une séquence de tête CD8alpha humaine, un fragment variable à chaîne unique anti-CD33 humanisé (scFv; dérivé du *lintuzumab*, clone huM195), une région charnière CD28, un domaine transmembranaire et co-stimulateur CD28 et un domaine de transduction du signal intracellulaire (CD3ζ), sous le contrôle du promoteur du facteur d'élongation humain 1 alpha (EF-1α) et de l'élément régulateur post-transcriptionnel du virus de l'hépatite de la marmotte (WPRE).

Le construct est flanqué de répétitions terminales longues (LTR) en 5' et en 3', et contient également un signal d'empaquetage, un *gag* tronqué, un élément de réponse Rev (ERR), un peptide de la glycoprotéine d'enveloppe 41 (gp41), une séquence de terminaison centrale/tractus polypurine central (cPPT/CTS) en 5' du transgène, et une séquence *nef* partielle/tractus polypurine (PPT) en 3' du transgène. Le vecteur est pseudotypé avec la glycoprotéine G du virus de la stomatite vésiculaire (VSV).

Le matériel d'aphérèse prélevé du donneur de cellules souches du patient est enrichi en lymphocytes T CD4+/CD8+ par immunosélection positive, activé par les agonistes CD3 et CD28 et transduit par le vecteur lentiviral. Les cellules sont multipliées dans un milieu contenant du sérum AB humain et de l'interleukine 2 (IL-2). Les lymphocytes T (>94% CD3+) sont positifs pour le transgène (>20% RAC positifs), démontrent une cytotoxicité contre les cellules exprimant CD33 et sécrètent de l'interféron gamma en réponse à la co-culture avec des lignées cellulaires tumorales exprimant CD33

thérapie génique à base de cellules (antinéoplasique)

emicabtagén leucel

linfocitos T CD4+ y CD8+ alogénicos derivados del donante de un trasplante alogénico previo de células madre hematopoyéticas del paciente, transducidas con un vector lentiviral, no replicativo, auto inactivante (SIN) que codifica un receptor de antígenos quimérico (CAR) dirigido a CD33 (también conocido como lectina 3 similar a Ig que se une a ácido siálico, Siglec-3) que consta de una secuencia líder de CD8 alfa humano, un fragmento variable de cadena sencilla (scFv) anti-CD33 humanizado (derivado de

lrintuzumab, clone huM195), una región bisagra de CD28, un dominio transmembrana y coestimulador de CD28 y un dominio de señalización intracelular (CD3 ζ), bajo el control del promotor del factor de elongación 1 alfa (EF-1 α) y el elemento regulador post-transcripcional del virus de la hepatitis de la marmota (WPRE).

El constructo está flanqueado por repeticiones terminales largas (LTRs) en 5' y 3' y también contiene una señal de empaquetamiento, un *gag* truncado, un elemento de respuesta Rev (RRE), un péptido de la glicoproteína de la envuelta 41 (gp41), un tracto de poli-purina central/secuencia de terminación central (cPPT/CTS) 5' del transgén, y una secuencia de nef parcial/tracto de poli-purina (PPT) 3' del transgén. El vector está seudotipado con la glicoproteína G del virus de la estomatitis vesicular (VSV).

El material de afeéresis recogido del donante original de las células madre al paciente, se enriquece para linfocitos T CD4+/CD8+ mediante inmunoselección positiva, se activa con agonistas de CD3 y CD28 y se transduce con el vector lentiviral. Las células se expanden in medio que contiene suero AB humano e interleuquina 2 (IL-2). Los linfocitos (>94% CD3+) son positivos para el transgén (>20% CAR positivo), muestran citotoxicidad frente a células que expresan CD33, y secretan interferón gamma en respuesta al co-cultivo con líneas de células tumorales que expresan CD33

terapia génica basada en células (antineoplásico)

envistegrastum

emvistegrast

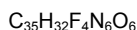
ethyl (¹³M,4S,8^R)-7²-fluoro-1¹,7⁶-dimethyl-1²,1⁴,6-trioxo-8³-
(trifluoromethyl)-1¹,1⁴-dihydro-1²H-5-aza-1(3)-pyrido[3,4-
d]pyrimidina-2(8,5)-quinolina-8(4)-morpholina-7(1,4)-
benzenaocetaphane-4-carboxylate
integrin antagonist, anti-inflammatory

emvistégrast

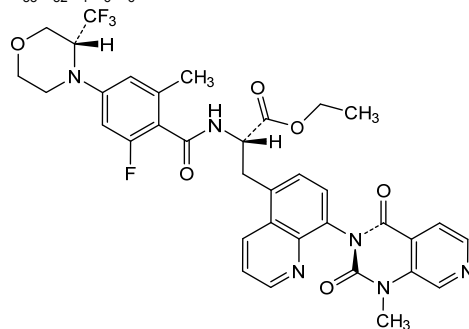
(1³M,4,S,8³R)-7²-fluoro-1¹,7⁶-diméthyl-1²,1⁴,6-trioxo-8³-
(trifluorométhyl)-1¹,1⁴-dihydro-1²H-5-aza-1(3)-pyrido[3,4-
d]pyrimidina-2(8,5)-quinoléina-8(4)-morpholina-7(1,4)-
benzénaoctaphane-4-carboxylate d'éthyle
antagoniste de l'intégrine, anti-inflammatoire

emvistegrast

(1³M,4^S,8³R)-7²-fluoro-1¹,7⁶-dimetil-1²,1⁴,6-trioxo-8³-(trifluorometil)-1¹,1⁴-dihidro-1²H-5-aza-1(3)-pirido[3,4-*d*]pirimidina-2(8,5)-quinoleína-8(4)-morfolina-7(1,4)-bencenoctafano-4-carboxilato de etilo



2417352-91-9



emzotamigum #

emzotamig immunoglobulin [VH-(H-gamma1)_ V-lambda-10mer-V-kappa-10mer-C-kappa)]_G1(h-CH2-CH3), anti-[*Homo sapiens* NCR1 (natural cytotoxicity triggering receptor 1, NKP46, NKp46, NK cell-activating receptor, LY94, CD335)], anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (tumor necrosis factor (TNF) receptor superfamily member 17, B cell maturation antigen, BCMA, TNFRSF13A, CD269)], humanized monoclonal antibody, bispecific, bivalent; VH-(H-gamma1) heavy chain anti-NCR1 and anti-TNFRSF7 (H) (1-574) knob [VH anti-NCR1 humanized (*Homo sapiens* IGHV1-69*08 (83.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%) L123>T (115), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -H-gamma1 anti-TNFRSF7 humanized (121-574) (VH anti-TNFRSF7 humanized (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ5*02 (100%), CDR-IMGT [8.8.18] (146-153.171-178.217-234)) (121-245) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 3-G1v13 CH2 A1.1, D3, E117, 11-G1v54 CH2 C83, C85, 14-G1v74 CH3 C10, 14-G1v32 CH3 W22 (knob) (CH1 K120 (342) (246-343), hinge 1-15 (344-358), CH2 G1.1>A (364), S3>D (367), R83>C (420), V85>C (430), I117>E (460) (359-468), CH3 S10>C (482), D12 (484), L14 (486), T22>W (494) (469-573), CHS K2>del (574)) (246-574)], (348-343')-disulfide with V-lambda-10mer-V-kappa-10mer-C-kappa anti-TNFRSF17 and anti-NCR1 (L') (1'-343') [V-LAMBDA anti-TNFRSF17 humanized (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (77.9%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (26'-34'.52'-54'.91'-99')) (1'-109') -10-mer bis(tetraglycyl-seryl) linker (110'-119') -V-KAPPA anti-NCR1 humanized (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (88.4%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (146'-151'.169'-171'.208'-216')) (120'-226') -10-mer bis(tetraglycyl-seryl) linker (227'-236') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (282'), V101 (320')) (237'-343')]; G1(h-CH2-CH3) heavy chain (H") (1"-226") hole [*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH3 D12, L14, 3-G1v13 CH2 A1.1, D3, E117, 11-G1v54 CH2 C83, C85, 14-G1v75 CH3 C5, 14-G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 10-G1v83 CH3 R115, F116 (hinge 6-15 (1"-10"), CH2 G1.1>A (16"), S3>D (19"), R83>C (72"), V85>C (82"), I117>E (112") (11"-120"), CH3 Y5>C (129"), D12 (136"), L14 (138"), T22>S (146"), L24>A (148"), Y86>V (187"), H115>R (215"), Y116>F (216") (121"-225"), CHS K2>del (226")) (1"-226")]; dimer (354-6":357-9":482-129")-trisdisulfide, produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, glycoform alfa
antineoplastic

emzotamig immunoglobuline [(VH-(H-gamma1)_ V-lambda-10mer-V-kappa-10mer-C-kappa)]_G1(h-CH2-CH3), anti-[*Homo sapiens* NCR1 (récepteur 1 déclenchant la cytotoxicité naturelle, NKP46, NKp46, récepteur d'activation des cellules NK, LY94, CD335)], anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (membre 17 de la superfamille des récepteurs du facteur de nécrose tumorale (TNF), antigène de maturation de cellule B, BCMA, TNFRSF13A, CD269)], anticorps monoclonal humanisé, bispécifique, bivalent; chaîne lourde VH-(H-gamma1) anti-NCR1 et anti-TNFRSF7 (H) (1-574) knob [VH anti-NCR1 humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-69*08 (83.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%) L123>T (115), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -H-gamma1 anti-TNFRSF7 humanisé (121-574) (VH anti-TNFRSF17 humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ5*02 (100%), CDR-IMGT [8.8.18] (146-153.171-178.217-234)) (121-245) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 3-G1v13 CH2 A1.1, D3, E117, 11-G1v54 CH2 C83, C85, 14-G1v74 CH3 C10, 14-G1v32 CH3 W22 (knob) (CH1 K120 (342) (246-343), charnière 1-15 (344-358), CH2 G1.1>A (364), S3>D (367), R83>C (420), V85>C (430), I117>E (460) (359-468), CH3 S10>C (482), D12 (484), L14 (486), T22>W (494) (469-573), CHS K2>del (574)) (246-574)], (348-343')-disulfide avec la chaîne légère V-lambda-10mer-V-kappa-10mer-C-kappa anti-TNFRSF17 et anti-NCR1 (L') (1'-343') [V-LAMBDA

anti-TNFRSF17 humanisé (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (77.9%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (26'-34'.52'-54'.91'-99')) (1'-109') -10-mer bis(tétraglycyl-séryl) linker (110-119) -V-KAPPA anti-NCR1 humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (88.4%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (146'-151'.169'-171'.208'-216')) (120'-226') -10-mer bis(tétraglycyl-séryl) linker (227-236) -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (282'), V101 (320')) (237'-343'))]; chaîne lourde G1(h-CH2-CH3) (H") (1"-226") hole [*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH3 D12, L14, 3-G1v13 CH2 A1.1, D3, E117, 11-G1v54 CH2 C83, C85, 14-G1v75 CH3 C5, 14-G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 10-G1v83 CH3 R115, F116 (charnière 6-15 (1"-10"), CH2 G1.1>A (16"), S3>D (19"), R83>C (72"), V85>C (82"), I117>E (112") (11"- 120"), CH3 Y5>C (129"), D12 (136"), L14 (138"), T22>S (146"), L24>A (148"), Y86>V (187"), H115>R (215"), Y116>F (216") (121"-225"), CHS K2>del (226")) (1"-226"))]; dimère (354-6":357-9":482-129")-trisdisulfure, produit dans une lignée cellulaire des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa antinéoplasique

emzotamig immunoglobulina [(VH-(H-gamma1)_ V-lambda-10mer-V-kappa-10mer-C-kappa)]_G1(h-CH2-CH3), anti-[*Homo sapiens* NCR1 (receptor 1 que desencadena la citotoxicidad natural, NKP46, Nkp46, receptor de activación de las células NK, LY94, CD335)], anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (miembro 17 de la superfamilia de los receptores del factor de necrosis tumoral (TNF), antígeno de maduración de célula B, BCMA, TNFRSF13A, CD269)], anticuerpo monoclonal humanizado, biespecífico, bivalente; cadena pesada VH-(H-gamma1) anti-NCR1 y anti-TNFRSF7 (H) (1-574) knob [VH anti-NCR1 humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-69*08 (83.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%) L123>T (115), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -H-gamma1 anti-TNFRSF7 humanizado (121-574) (VH anti-TNFRSF17 humanizado (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ5*02 (100%), CDR-IMGT [8.8.18] (146-153.171-178.217-234)) (121-245) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 3-G1v13 CH2 A1.1, D3, E117, 11-G1v54 CH2 C83, C85, 14-G1v74 CH3 C10, 14-G1v32 CH3 W22 (knob) (CH1 K120 (342) (246-343), bisagra 1-15 (344-358), CH2 G1.1>A (364), S3>D (367), R83>C (420), V85>C (430), I117>E (460) (359-468), CH3 S10>C (482), D12 (484), L14 (486), T22>W (494) (469-573), CHS K2>del (574)) (246-574)], (348-343')-disulfuro con la cadena ligera V-lambda-10mer-V-kappa-10mer-C-kappa anti-TNFRSF17 y anti-NCR1 (L') (1'-343') [V-LAMBDA anti-TNFRSF17 humanizado (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (77.9%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (26'-34'.52'-54'.91'-99')) (1'-109') -10-mer bis(tétraglicil-seril) enlace (110-119) -V-KAPPA anti-NCR1 humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (88.4%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (146'-151'.169'-171'.208'-216')) (120'-226') -10-mer bis(tétraglicil-seril) enlace (227-236) -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (282'), V101 (320')) (237'-343'))]; cadena pesada G1(h-CH2-CH3) (H") (1"-226") hole [*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH3 D12, L14, 3-G1v13 CH2 A1.1, D3, E117, 11-G1v54 CH2 C83, C85, 14-G1v75 CH3 C5, 14-G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 10-G1v83 CH3 R115, F116 (bisagra 6-15 (1"-10"), CH2 G1.1>A (16"), S3>D (19"), R83>C (72"), V85>C (82"), I117>E (112") (11"- 120"), CH3 Y5>C (129"), D12 (136"), L14 (138"), T22>S (146"), L24>A (148"), Y86>V (187"), H115>R (215"), Y116>F (216") (121"-225"), CHS K2>del (226")) (1"-226"))]; dímero (354-6":357-9":482-129")-trisdisulfuro, producido en una línea celular de las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa antineoplásico

3037572-57-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: VH-(H-Gamma1) anti-NCRI,
anti-TNFRSF17 (H) knob

QVQLVQSGAE	VKKPGSSVKV	SKASGYTFS	DYVINWVRQA	PGQGLEWMGE	50
IYPGSGTNY	NEKFKAKATI	TADKSTSTAY	MELSSLSRSED	TAVYYCARRG	100
RYGLYAMDY	WGGTTTVTVSS	QVQLVESGGG	VVQPGRSLRL	SCAASGTFFS	150
NFGMHWVRQA	PGRGLEWVAV	IWSDETNRYY	ADSVKGRFTV	SRDNVKSSTVY	200
LQMNSLISED	TAVYYCARDQ	QYCSSDSCFT	WFDPWGGQTL	VTVSSASTKG	250
PSVFPLAPSS	KSTSGGTAAL	GCLVKDYFPE	PVTVSWNSGA	LTSGVHTFPA	300
VLQSSGLYSL	SSVTVTPSSS	LGTQTYICNV	NHKPSNTKVD	KKVEPKSCDK	350
THTCPPCPAP	ELLAGPDVFL	FPPKPKDTLM	ISRTPPEVTCV	VVDVSHEDPE	400
VKFNWYVDGV	EVHNAKTKPC	EEQYNSTYRC	VSVLTVLHQD	WLNKEYKCK	450
VSNKALPAPE	EKTISKAKGQ	PREPQVYTLF	PCRDELTKNQ	VSLWCLVKGF	500
YPSDIAVEWE	SNGQPENNYK	TTPPVLDSDG	SFFLYSKLTV	DKSRWQQGNV	550
FSCSVMHLEA	LNHYTQKSL	LSLSPG			574

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: V-lambda-10mer-V-kappa-10mer-C-kappa
anti-TNFRSF17, anti-NCRI (L')

QTVVTQEPSL	TVSPGGTVTL	TCASSTGTVT	PSNYANWVQQ	KPGQAFRLGI	50
GDNNRPPPGT	PARFSASLLG	GKAALTLSGV	QPEDEAEYYC	ALWFGNQWVF	100
GGGKTLTVLG	GGSGGGGSD	IQMTQSPSSL	SASVGDRTVI	TCRASQDISN	150
YLNWYQQKPG	KAPKLLIYYT	SRLHSGVPSR	FSGSGSGTDF	TFTISSLQPE	200
DIATYFCQQG	NTRPWTFGGG	TKVEIKGGGG	SGGGGSRTVA	APSVFIFFPS	250
DEQLKSGTAS	VVCLNNFYF	REAKVQWKVD	NALQSGNSQE	SVTEQDQSDS	300
TVLSSTLTLL	SKADYEKKHV	YACEVTHQGL	SSPVTKSFN	GEC	343

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: G1(h-CH2-CH3) (H') hole

DKHTCPPCP	APELLAGPDV	FLFPPKPKDT	LMISRTPEVT	CVVVDVSHED	50
PEVKFNWYVD	GVEVHNAKTK	PCEEQYNSTY	RCVSVLTVLH	QDWLNKEYK	100
CKVSNKALPA	PEETISKAK	GQPREPQVCT	LPPSRDELTK	NQVSLSCAVK	150
GFYPSDIAVE	WESNGQPENN	YKTTTPPVLD	DGSFFLVSKL	TVDKSRWQQG	200
NVFSCSVMH	ALHNRFTQKS	LSLSPG			226

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 142-216 272-328 389-449 495-553

Intra-H" (C23-C104) 41"-101" 147"-205"

Intra-H (CDR3 C111-C112.1) 223-228

Intra-H, intra-H" (CH2 C83-C85)* 420-430 72"-82"

Intra-L' (C23-C104) 22'-90' 142'-207' 263'-323'

Inter-H-L' (h 5-CL 126) 348-343'

Inter-H-H" (h 11, h 14) 354-6" 357-9"

Inter-H-H" (CH3 C10, C5)** 482-129"

*variants 11-G1v54 CH2 C83, C85 creating an additional intra-H and an intra-H" disulfide bridges.

**variants 14-G1v74 (H CH3 C10) and 14-G1v75 (H" CH3 C5) creating an additional inter-H-H" disulfide bridge.

Total number of disulfide bridges: 17 (13 intra-, 4 inter-).

N-terminal glutaminy cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamide (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)

H VH Q1: 1

L VL V-LAMBDA Q1: 1'

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

V-LAMBDA: 53, Not glycosylated

H CH2 N84.4: 425, 77"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados.

enicepatidum
enicepatide

N-[2-(3-cyano-5-fluorophenyl)-2-methyl-1-oxopropyl]-β-alanyl-L-α-glutamylglycyl-L-threonyl-L-phenylalanyl-L-threonyl-L-seryl-L-α-aspartyl-L-tyrosyl-L-seryl-L-isoleucyl-2-methylalanyl-L-leucyl-L-α-aspartyl-L-lysyl-L-isoleucyl-L-alanyl-L-glutamyl-*N*⁶-[*N*-(19-carboxynonadecanoyl)-L-γ-glutamyl-2-[2-(2-aminoethoxy)ethoxy]acetyl-2-[2-(2-aminoethoxy)ethoxy]acetyl]-L-lysyl-L-alanyl-L-phenylalanyl-L-valyl-L-glutamyl-L-tryptophyl-L-leucyl-L-isoleucyl-L-alanylglycylglycyl-L-prolyl-L-seryl-L-serylglycyl-L-alanyl-L-prolyl-L-prolyl-L-prolyl-L-serinamide
dual gastric inhibitory polypeptide (GIP) and glucagon-like peptide 1 (GLP-1) receptor agonist, antidiabetic

énicépatide

N-[2-(3-cyano-5-fluorophényl)-2-méthyl-1-oxopropyl]-β-alanyl-L-α-glutamylglycyl-L-thréonyl-L-phénylalanyl-L-thréonyl-L-séryl-L-α-aspartyl-L-tyrosyl-L-séryl-L-isoleucyl-2-méthylalanyl-L-leucyl-L-α-aspartyl-L-lysyl-L-isoleucyl-L-alanyl-L-glutamyl-*N*⁶-[*N*-(19-carboxynonadécanyol)-L-γ-glutamyl-2-[2-(2-aminoéthoxy)éthoxy]acétyl-2-[2-(2-aminoéthoxy)éthoxy]acétyl]-L-lysyl-L-alanyl-L-phénylalanyl-L-valyl-L-glutamyl-L-tryptophyl-L-leucyl-L-isoleucyl-L-alanylglycylglycyl-L-prolyl-L-séryl-L-sérylglycyl-L-alanyl-L-prolyl-L-prolyl-L-prolyl-L-sérinamide
agoniste double des récepteurs du polypeptide inhibiteur gastrique (GIP) et du peptide de type glucagon 1 (GLP-1), antidiabétique

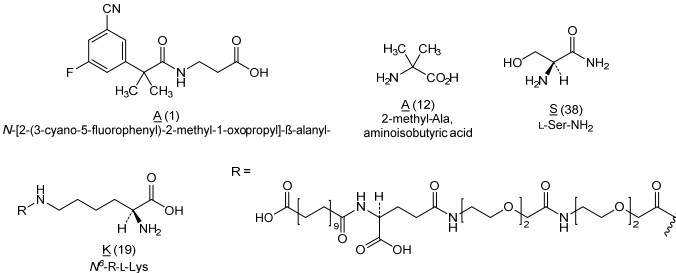
enicepatida

N-[2-(3-ciano-5-fluorofenil)-2-metil-1-oxopropil]-β-alanil-L-α-glutamilglicil-L-treonil-L-fenilalanil-L-treonil-L-seril-L-α-aspartil-L-tirosil-L-seril-L-isoleucil-2-metilalanil-L-leucil-L-α-aspartil-L-lisil-L-isoleucil-L-alanil-L-glutaminil-*N*⁶-[*N*-(19-carboxinonadecanoil)-L-γ-glutamil-2-[2-(2-aminoetoxi)etoxi]acetil-2-[2-(2-aminoetoxi)etoxi]acetil]-L-lisil-L-alanil-L-fenilalanil-L-valil-L-glutaminil-L-triptofil-L-leucil-L-isoleucil-L-alanilglicilglicil-L-prolil-L-seril-L-serilglicil-L-alanil-L-prolil-L-prolil-L-prolil-L-serinamida
agonista dual de los receptores del polipéptido inhibidor gástrico (GIP) y del péptido 1 similar al glucagón (GLP-1), antidiabético

C₂₂₆H₃₄₅FN₄₈O₆₇ 2869147-44-2

AEGTFTSDYS IALDKIAQKA FVQWLIAGGP SSGAPPPS 38

Modified residues



ensavatatugum #
ensavatatug

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* DDR1 (discoidin domain receptor tyrosine kinase 1, NTRK4, PTK3A, EDDR1, RTK6, CD167)], humanized monoclonal antibody;

	H-gamma1 heavy chain humanized (1-451) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-33*07 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.15] (26-33.51-57.96-110)) (1-121) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03 (100%)G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120(218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-12*01 (88.8%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9](27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa <i>antineoplastic</i>
ensavatatug	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> DDR1 (récepteur tyrosine kinase 1 du domaine discoidine, NTRK4, PTK3A, EDDR1, RTK6, CD167)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-451) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-33*07 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.15] (26-33.51-57.96-110)) (1-121) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03 (100%)G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 (235- 344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-12*01 (88.8%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'- 214')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa <i>antineoplasique</i>
ensavatatug	immunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> DDR1 (receptor tirosina kinasa 1 del dominio discoidina, NTRK4, PTK3A, EDDR1, RTK6, CD167)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-451) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-33*07 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.15] (26-33.51-57.96-110)) (1-121) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03 (100%)G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 (235- 344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-12*01 (88.8%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa <i>antineoplásico</i>

3033848-63-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H")
QVQLVESGGR VVQPGRSLRL SCTASGFSLN RYYMLWVRQA PGKGLEWIGT 50
ISYGDTTYA SWAKGRFTIS RDNSKNTLYL QMNSLRAEDT AVYYCARADT 100
GDNGYLGQL WGQGLTVTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSV TVPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP SNTKVDKRVE PKSCDKHTC PPCPAPELLG GPSVFLFPPK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300
NSTYRWVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP 350
QVYTLPPSRE EMTKNQVSLT CLVKGFPYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTTP 400
VLDSDDGSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFCSC VMHEALHNHY TQKSLSLSPG 450
K 451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L")
DIQMTQSPSS VSASVGDRVT ITCQASQSIG SVLAWYQQKP GKAPKLLISG 50
VFDLASGVPS RFGSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQY IPYGSSPFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVEIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-95 148-204 265-325 371-429
22"-95" 148"-204" 265"-325" 371"-429"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'''-88''' 134'''-194'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 224-214' 224"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 230-230" 233-233"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamide (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

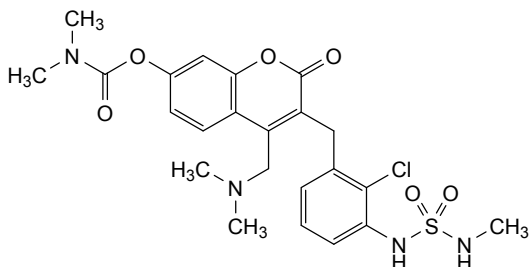
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 301, 301"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 451, 451"

envometinibum	
envometinib	3-({2-chloro-3-[(methylsulfamoyl)amino]phenyl)methyl}-4-[(dimethylamino)methyl]-2-oxo-2H-1-benzopyran-7-yl dimethylcarbamate <i>MEK tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic</i>
envométinib	diméthylcarbamate de 3-({2-chloro-3-[(méthylsulfamoyl)amino]phényl)méthyl}-4-[(diméthylamino)méthyl]-2-oxo-2H-1-benzopyran-7-yle <i>inhibiteur de la tyrosine kinase MEK, antinéoplasique</i>
envometinib	dimetilcarbamato de 3-({2-cloro-3-[(metilsulfamoil)amino]fenil)metil}-4-[(dimetilamino)metil]-2-oxo-2H-1-benzopiran-7-ilo <i>inhibidor de la tirosina kinasa MEK, antineoplásico</i>

C₂₃H₂₇ClN₄O₆S

2952542-22-0

**eratrektinibum**

eratrektinib

(3a*R*)-10-cyclopropyl-5-fluoro-1,2,3,3a,8,9,10,11-octahydro-12*H*-15,17-ethenopyrazolo[4,3-*d*]pyrido[3,2-*j*]pyrrolo[1,2-*h*][1,2,6,8]tetraazacyclotridecin-12-one
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

ératrektinib

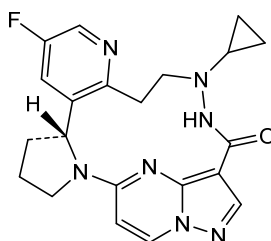
(3a*R*)-10-cyclopropyl-5-fluoro-1,2,3,3a,8,9,10,11-octahydro-12*H*-15,17-éthénopyrazolo[4,3-*d*]pyrido[3,2-*j*]pyrrolo[1,2-*h*][1,2,6,8]tétraazacyclotridécine-12-one
inhibiteur de tyrosine kinase, antinéoplasique

eratrektinib

(3a*R*)-10-ciclopropil-5-fluoro-1,2,3,3a,8,9,10,11-octahidro-12*H*-15,17-etenopirazolo[4,3-*d*]pirido[3,2-*j*]pirrolo[1,2-*h*][1,2,6,8]tetraazaciclotridecine-12-ona
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₂₁H₂₂FN₇O

2396516-98-4

**ercanetidum**

ercanetide

(8a*R*)-8a-(prop-2-en-1-yl)hexahydropyrrolo[1,2-*a*]pyrazine-1,4-dione
neuroprotectant

ercanetide

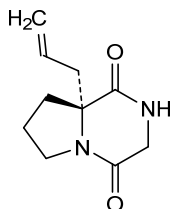
(8a*R*)-8a-(prop-2-én-1-yl)hexahydropyrrolo[1,2-*a*]pyrazine-1,4-dione
neuroprotecteur

ercanetida

(8a*R*)-8a-(prop-2-en-1-il)hexahidropirrolo[1,2-*a*]pirazina-1,4-diona
neuroprotector

$C_{10}H_{14}N_2O_2$

847952-38-9



erenapurstatum
erenapurstat

(2*E*)-2-[(4,5-dimethoxy-2-methyl-3,6-dioxocyclohexa-1,4-dien-1-yl)methylidene]undecanoic acid
apurinic/apyrimidinic endonuclease-1/redox effector factor-1 (APE1/Ref-1) inhibitor, angiogenesis inhibitor

érénapurstat

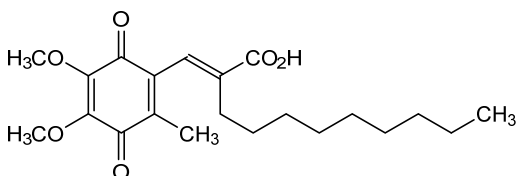
acide (2*E*)-2-[(4,5-diméthoxy-2-méthyl-3,6-dioxocyclohexa-1,4-diène-1-yl)méthylidène]undécanoïque
inhibiteur de l'endonucléase apurinique/apyrimidinique-1/facteur effecteur rédox-1 (APE1/Ref-1), inhibiteur de l'angiogenèse

erenapurstat

ácido (2*E*)-2-[(2-metil-4,5-dimetoxi-3,6-dioxociclohexa-1,4-dien-1-il)metilideno]undecanoico
inhibidor de la endonucleasa-1 apurínica/apirimídica y del factor efector redox-1 (APE1/Ref-1), inhibidor de la angiénesis

 $C_{21}H_{30}O_6$

136164-66-4



erisonersenum
erisonersen

*all-P-ambo-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)guanylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)adenylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)adenylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyluridine
*prion protein synthesis reducer**

erisonersen

tout-P-ambo-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)guanlyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidilyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)adénylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)adénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridine
réducteur de la synthèse des protéines prions

erisonersén

todo-P-ambo-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioguanilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)uridilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)guanilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)uridilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)citidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)adenilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)adenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-P-tioguanilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)-P-tiocitidilil-(3'→5')-5-metil-2'-O-(2-metoxietil)uridina
reductor de la síntesis de proteína prion

C₂₃₀H₃₁₇N₆₄O₁₃₁P₁₉S₁₃

2834724-51-3

5' G=U-G-U-C-A-T=A=A=T=T=T=C=T=T=A-G=C=U 3'

N : nucleoside / nucléoside / nucleósido

N : 2'-deoxy-N / 2'-désoxy-N / 2'-desoxi-N

N : 5-methyl-N / 5-méthyl-N / 5-metil-N

N : 2'-O-(methoxyethyl)-N / 2'-O-(methoxyethyl)-N / 2'-O-(methoxyethyl)-N

- : -PO(OH)- = : -PO(SH)-

farabursenum

farabursen

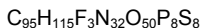
all-P-ambo-2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoro-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoro-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoro-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]adenosine
microRNA-17 (miR-17) expression inhibitor

farabursen

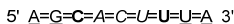
tout-P-ambo-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]-P-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoro-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoro-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoro-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-éthane-1,1-diyl]adénosine
inhibiteur de l'expression du microARN-17 (miR-17)

farabursén

todo-P-ambo-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-O-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoro-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoro-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoro-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-metil-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O,4'-C-[(1S)-etano-1,1-diil]adenosina
inhibidor de la expresión de microARN-17 (miR-17)



2953012-32-1



N : nucleoside / nucléoside / nucleósido

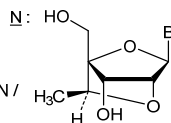
B : nucleobase / nucléobase / nucleobase

N : 2'-deoxy-2'-fluoro-N / 2'-désoxy-2'-fluoro-N / 2'-desoxi-2'-fluoro-N

N : 2'-O-methyl-N / 2'-O-méthyl-N / 2'-O-metil-N

N : 2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-N / 2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-N / 2'-O,4'-C-[(1S)-ethane-1,1-diyl]-N

= : -PO(SH)-

**faridoxorubicinum**

faridoxorubicin

(8S,10S)-6,8,11-trihydroxy-8-(hydroxyacetyl)-1-methoxy-10-[(2,3,6-trideoxy-3-[(2S)-1-[(2R)-2-(pyridine-4-carboxamido)propanoyl]pyrrolidine-2-carboxamido)-α-L-lyxo-hexopyranosyl]oxy]-7,8,9,10-tetrahydrotetracene-5,12-dione
topoisomerase inhibitor, antineoplastic

faridoxorubicine

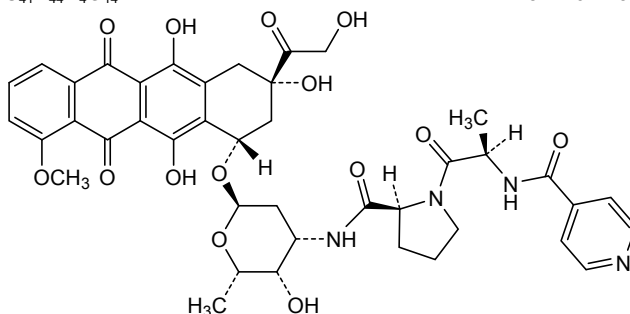
(8S,10S)-6,8,11-trihydroxy-8-(hydroxyacétyle)-1-méthoxy-10-[(2,3,6-tridésoxy-3-[(2S)-1-[(2R)-2-(pyridine-4-carboxamido)propanoyl]pyrrolidine-2-carboxamido)-α-L-lyxo-hexopyranosyl]oxy]-7,8,9,10-tétrahydratétracène-5,12-dione
inhibiteur de la topoisomérase, antinéoplasique

faridoxorubicina

(8S,10S)-6,8,11-trihidroxi-8-(hidroxiacetil)-1-metoxi-10-[(2,3,6-trideoxi-3-[(2S)-1-[(2R)-2-(piridina-4-carboxamida)propanoil]pirrolidina-2-carboxamida)-α-L-lyxo-hexopiranosil]oxi]-7,8,9,10-tetrahidrotetraceno-5,12-diona
inhibidor de la topoisomerasa, antineoplásico



1841402-73-0

**federelinum**

federelin

gonadoliberin 1 (*Mammalia*) (gonadoliberin I, gonadorelin, gonadotropin-releasing hormone I, GnRH-I, luliberin I, luteinizing hormone-releasing hormone I, LH-RH I), Gly⁶>D-Phe variant;
5-oxo-L-prolyl-L-histidyl-L-tryptophyl-L-seryl-L-tyrosyl-D-phenylalanyl-L-leucyl-L-arginyl-L-prolylglycinamide
gonadotropin releasing hormone (GnRH) analogue

fédéréline

gonadolibérine 1 (*Mammalia*) (gonadolibérine I, gonadoréline, hormone de libération des gonadotrophines hypophysaires I, GnRH-I, lulibérine I, hormone de libération de l'hormone lutéinisante I, LH-RH I), variant Gly⁶>D-Phé;

5-oxo-L-prolyl-L-histidyl-L-tryptophyl-L-séryl-L-tyrosyl-D-phénylalanil-L-leucyl-L-arginyl-L-prolylglycinamide
analogue de l'hormone de libération des gonadotrophines (GnRH)

federelina

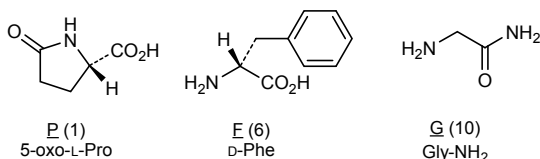
gonadoliberina 1 (*Mammalia*) (gonadoliberina I, gonadorelina, hormona liberadora de gonadotropina I, GnRH-I, luliberina I, hormona liberadora de la hormona luteinizante, LH-RH-I), variante Gli⁶>D-Fen;
 5-oxo-L-prolii-L-histidil-L-triptofil-L-seril-L-tirosil-D-fenilalanil-L-leucil-L-arginil-L-proiliglicinamida
análogo de la hormona liberadora de gonadotropina (GnRH)

C₆₂H₈₁N₁₇O₁₃

57521-78-5

PHWSYFLRPG 10

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados



felcorekibartum #
 felcorekibart

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TSLP (thymic stromal lymphopoietin)], humanized monoclonal antibody;
 H-gamma1 heavy chain humanized (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-69*08 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%) L123>T (114), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens*IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 9-G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 K120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 M15.1>Y (254), S16>T (256), T18>E (258) (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV2-29*02 (78.8%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
immunosuppressant

felcorékibart

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TSLP (lymphopoïétine stromale thymique)]; anticorps monoclonal humanisé;
 chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-69*08 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%) L123>T (114), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens*IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 9-G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 K120 (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 M15.1>Y (254), S16>T (256), T18>E (258) (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV2-29*02 (78.8%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
immunosuppresseur

felcorekibart

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens*TSLP (linfopoetina estromal tímica)]; anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-69*08 (80.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%) L123>T (114), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) - *Homo sapiens*IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 9-G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 K120 (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 M15.1>Y (254), S16>T (256), T18>E (258) (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV2-29*02 (78.8%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97'')) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa *inmunosupresor*

3036134-89-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H")
EVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGYTFS NYLIEWVRQA PGQGLEWIGV 50
IDPGVGDNTY NENFKGRATL TADKSTSTAY IELSSLRSED TAVVYCARED 100
NTGTADFYWG QGTTVTVSSA STKGPSVFPPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFFPAVLQSSG LYSLSVVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHNKPSN TKVDKKVEPK SCDKTHTCPP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLYITREPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSRDEL TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTFPVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L', L'")
SIVMTQTPLS LSVTPGQPAS ISCKASQSVS SDVTWYLQKP GQSPQLLIYY 50
VSEHYTGVPD RFSGSGYGT DFTLKISRVEA EDVGVVYCQ HRRFPLTFGQ 100
GKLEIKRTV AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 263-323 369-427
22"-96" 146"-202" 263"-323" 369"-427"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-214' 222"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228" 231-231"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 299, 299"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados
C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 449, 449"

fetrastobartum #
fetrastobart

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD274 (programmed cell death 1 ligand 1, PDL1, PD-L1, B7 homolog 1, B7H1, B7-H1, PDCD1LG1)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-453) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-69*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (93.8%), CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112)) (1-123) -*Homo sapiens*IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120(220) (124-221), hinge 1-15

	(222-236), CH2 L1.3>A (240), L1.2>A (241) (237-346), CH3 D12 (362), L14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-213')-disulfide with L-kappa light chain <i>Homo sapiens</i> (1'-213') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-11*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.8] (27'-32'.50'-52'.89'-96')) (1'-106') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (152'), V101 (190')) (107'-213'))]; dimer (232-232":235-235")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-DG44, glycoform alfa <i>immunostimulant, antineoplastic</i>
fétrastobart	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> CD274 (ligand 1 de mort cellulaire programmée 1, PDL1, PD-L1, B7 homologue 1, B7H1, B7-H1, PDCD1LG1)], anticorps monoclonal <i>Homo sapiens</i>; chaîne lourde H-gamma1 <i>Homo sapiens</i> (1-453) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-69*01 (92.9%) -(IGHD) - IGHJ6*01 (93.8%), CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112)) (1-123) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (220) (124-221), charnière 1-15 (222-236), CH2 L1.3>A (240), L1.2>A (241) (237-346), CH3 D12 (362), L14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-213')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa <i>Homo sapiens</i> (1'-213') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-11*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.8] (27'-32'.50'-52'.89'-96')) (1'-106') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (152'), V101 (190')) (107'-213'))]; dimère (232-232":235-235")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-DG44, glycoforme alfa <i>immunostimulant, antinéoplasique</i>
fetrastobart	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> CD274 (ligando 1 de muerte celular programada 1, PDL1, PD-L1, B7 homólogo 1, B7H1, B7-H1, PDCD1LG1)], anticuerpo monoclonal <i>Homo sapiens</i>; cadena pesada H-gamma1 <i>Homo sapiens</i> (1-453) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-69*01 (92.9%) -(IGHD) - IGHJ6*01 (93.8%), CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112)) (1-123) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (220) (124-221), bisagra 1-15 (222-236), CH2 L1.3>A (240), L1.2>A (241) (237-346), CH3 D12 (362), L14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-213')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa <i>Homo sapiens</i> (1'-213') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-11*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.8] (27'-32'.50'-52'.89'-96')) (1'-106') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (152'), V101 (190')) (107'-213'))]; dímero (232-232":235-235")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-DG44, forma glicosilada alfa <i>inmunoestimulante, antineoplásico</i>

3028439-63-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H')
QVQLVQSGAE VVKPGSSVKV SCKTSGDTFS TAAISWVRQA PGQGLEWMGG 50
IIPIFGKAHY AQKFQGRVTI TADESTSTAY MELSSLRSED TAVYFCARKF 100
HFVSGSPFGM DVWGQGTIVT VSSASTKGPS VFPLAPSSKS TSGGTAALGC 150
LVKDYFPEPV TVSWNSGALT SGVHTFPAVL QSSGLYSLS S VVTVPSSSLG 200
TQTYICNVNH KPSNTKVDKK VEPKSCDKTH TCPPCPAPEA AGGSPVFLFP 250
PKPKDTLMIS RTPEVTCVVV DVSHEDEPKV FNWYVDGVEV HNAKTKPREE 300
QYNSTYRVVS VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKALPAPIEK TISKAKGQPR 350
EPQVYTLPPS RDELTKNQVS LTCLVKGFYP SDIAVEWESN GQPENNYKTT 400
PPVLDSDGSF FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSVMHEALHN HYTKQSLSLS 450
PGK 453

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L', L'')
EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQSVS SYLAWYQQKP GQAPRLLIYD 50
ASNRTATGIPA RFSGSGSGTD FTLTISSELP EDFAVYYCQQ RSNWPTFGQG 100
TKVEIKRTVA APSVFIFPPS DEQLKSGTAS VVCLLNNFYP REAKVQWKVD 150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYLSSTLTLL SKADYEKHKV YACEVTHQGL 200
SSPVTKSFNR GEC 213

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 150-206 267-327 373-431
22"-96" 150"-206" 267"-327" 373"-431"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 133'-193'
23'''-88''' 133'''-193'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 226-213' 226"-213"

Inter-H-H (h 11, h 14) 232-232' 235-235"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxopropyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 303, 303"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 453, 453"

fetrastobartum vedotinum #

fetrastobart vedotin

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD274 (programmed cell death 1 ligand 1, PDL1, PD-L1, B7 homolog 1, B7H1, B7-H1, PDCD1LG1)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; conjugated on an average of four cysteinyl residues to *vedotin*, comprising a cleavable linker and monomethylauristatin E (MMAE);
H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (93.8%), CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112)) (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120(220) (124-221), hinge 1-15 (222-236), CH2 L1.3>A (240), L1.2>A (241) (237-346), CH3 D12 (362), L14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-213')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.8] (27'-32'.50'-52'.89'-96')) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (152'), V101 (190')) (107'-213')]; dimer (232-232":235-235")-bisdisulfide produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-DG44, glycoform alfa; substituted at the sulfur atoms of an average of four L-cysteinyl residues among 226, 232, 235, 213', 226", 232", 235" and 213''' with (3RS)-1-(6-[[[(2S)-1-[[[(2S)-5-(carbamoylamino)-1-{4-[[[(2S)-1-[[[(2S)-1-[[[(3R,4S,5S)-1-{(2S)-2-[[[(1R,2R)-3-[[[(1S,2R)-1-hydroxy-1-phenylpropan-2-yl]amino]-1-methoxy-2-methyl-3-oxopropyl]pyrrolidin-1-yl]-3-methoxy-5-methyl-1-oxoheptan-4-yl](methyl)amino]-3-methyl-1-

oxobutan-2-yl]amino}-3-methyl-1-oxobutan-2-yl](methyl)carbamoyloxy)methyl]anilino}-1-oxopentan-2-yl]amino}-3-methyl-1-oxobutan-2-yl]amino}-6-oxohexyl)-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl (*vedotin*) groups
immunostimulant, antineoplastic

fétrastobart védotine

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligand 1 de mort cellulaire programmée 1, PDL1, PD-L1, B7 homologue 1, B7H1, B7-H1, PDCD1LG1)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; conjugué par quatre résidus cystéinyle en moyenne à la *védotine*, comprenant un linker clivable et monométhylauristatine E (MMAE); chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-453) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-69*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (93.8%), CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112)) (1-123) -*Homo sapiens*IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (220) (124-221), charnière 1-15 (222-236), CH2 L1.3>A (240), L1.2>A (241) (237-346), CH3 D12 (362), L14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-213')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-11*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.8] (27'-32'.50'-52'.89'-96')) (1'-106') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (152'), V101 (190')) (107'-213')]; dimère (232-232'':235-235'')-bisdisulfure, produit dans une lignée cellulaire des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-DG44, glycoforme alfa; substitué sur l'atome de soufre d'une moyenne de quatre résidus L-cystéinyle parmi 227, 233, 236, 214', 227'', 233'', 236'' et 214'' avec des groupes (3RS)-1-(6-[[[(2S)-1-[[[(2S)-5-(carbamoylamino)-1-{4-[[[(2S)-1-[[[(2S)-1-[[[(3R,4S,5S)-1-{(2S)-2-[(1R,2R)-3-[(1S,2R)-1-hydroxy-1-phénylpropan-2-yl]amino]-1-méthoxy-2-méthyl-3-oxopropyl]pyrrolidin-1-yl]-3-méthoxy-5-méthyl-1-oxoheptan-4-yl](méthyl)amino]-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl]amino]-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl](methyl)carbamoyloxy)methyl]anilino}-1-oxopentan-2-yl]amino}-3-méthyl-1-oxobutan-3-yl]amino]-6-oxohexyl)-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle (*védotine*)
immunostimulant, antinéoplasique

fetrastobart vedotina

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligando 1 de muerte celular programada 1, PDL1, PD-L1, B7 homólogo 1, B7H1, B7-H1, PDCD1LG1)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; conjugado en una media de cuatro residuos cisteinilo a la *vedotina*, que comprende un enlace escindible y monometilauristatina E (MMAE); cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-453) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-69*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (93.8%), CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112)) (1-123) -*Homo sapiens*IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (220) (124-221), bisagra 1-15 (222-236), CH2 L1.3>A (240), L1.2>A (241) (237-346), CH3 D12 (362), L14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-213')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-11*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.8] (27'-32'.50'-52'.89'-96')) (1'-106') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (152'), V101 (190')) (107'-213')]; dímero (232-232'':235-235'')-bisdisulfuro, producido en una línea celular de las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-DG44, forma glicosilada alfa; sustituido en los átomos de azufre de un promedio de cuatro residuos de L-cisteinilo entre 227, 233, 236, 214', 227'', 233'', 236'' y 214'' con grupos (3RS)-1-(6-[[[(2S)-1-[[[(2S)-5-(carbamoylamino)-1-{4-[[[(2S)-1-[[[(2S)-1-[[[(3R,4S,5S)-1-{(2S)-2-[(1R,2R)-3-[(1S,2R)-1-fenil-1-hidroxipropan-2-il]amino]-2-metil-1-metoxi-3-oxopropil]pirolidin-1-il]-5-metil-3-metoxi-1-oxoheptan-4-il](metil)amino]-3-metil-1-oxobutan-2-il]amino]-3-metil-1-oxobutan-2-il](metil)carbamoyloxi)metil]anilino}-1-oxopentan-2-il]amino]-

3-metil-1-oxobutan-3-il]amino}-6-oxohexil)-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo
(vedotina)
inmunoestimulante, antineoplásico

3028439-54-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H')

QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKTSGDTFS TAAISWVRQA PGQGLEWMGG 50
IIPIFGKAHY AQKFQGRVTI TADESTSTAY MELSSLRSED TAVYFCARKF 100
HFVSGSPFGM DVWGQGTVT VSSASTKGPS VFPLAPSSKS TSGGTAALGC 150
LVKDYFPEPV TVSWNSGALT SGVHTFPAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG 200
TQTYICNVNH KPSNTKVDKK VEPKSCDKTH TCPPCPAPEA AGGPSVFLFP 250
PKPKDTLMIS RTPEVTCVVV DVSHEDPEVK FNWYVDGVEV HNAKTKPREE 300
QYNSTYRVVS VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKALPAPIEK TISKAKGQPR 350
EPQVYTLPPS RDELTKNQVS LTCLVKGFYP SDIAVEWESN GQPENNYKTT 400
PPVLDSDDGSF FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSVMHEALHN HYTKQSLSL 450
PGK 453

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L')

EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQSVS SYLAWYQQKP GQAPRLLIYD 50
ASNRATGIPA RFGSGSGGTD FTLTISSLEP EDFAVYYCQQ RSNWPTFGQG 100
TKVEIKRTVA APSVFIFFPS DEQLKSGTAS VVCLLNNFYP REAKVQWKVD 150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYLSSTLTTL SKADYEKHKV YACEVTHQGL 200
SSPVTKSFNR GEC 213

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 150-206 267-327 373-431
22"-96" 150"-206" 267"-327" 373"-431"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 133'-193'
23'''-88''' 133'''-193'''

Inter-H-L (h 5-CL 126)* 226-213' 226"-213"

Inter-H-H (h 11, h 14)* 232-232" 235-235"

*Two or three of the four inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 4 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

*Deux ou trois des quatre ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 4 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

*Dos o tres de los cuatro puentes disulfuro inter-catenarios no estan presentes, una media de 4 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-terminal glutaminyI cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl) / pyroglutamide (pE, 5-oxopropyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxopropilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 303, 303"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

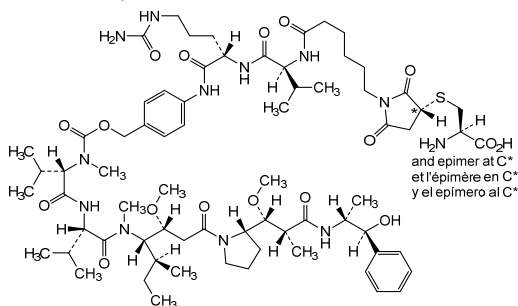
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 453, 453"

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados*

C (226, 232, 235, 213', 226", 232", 235", 213")

*(vedotin:mAb ~ 4:1)



filimelnotidum

filimelnotide

$S^{4,2}, S^{3,7}$ -cyclo[N^2 -acetyl-L-arginyl-L-homocysteinyl-L-threonyl-D-phenylalanyl-L-arginyl-L-tryptophyl-3-sulfanyl-L-valinamide]

melanocortin receptor agonist

filimelnotide

$S^{4,2}, S^{3,7}$ -cyclo[N^2 -acétyl-L-arginyl-L-homocystéinyl-L-thréonyl-D-phénylalanil-L-arginyl-L-tryptophyl-3-sulfanyl-L-valinamide]

agoniste du récepteur de la mélanocortine

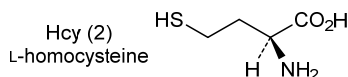
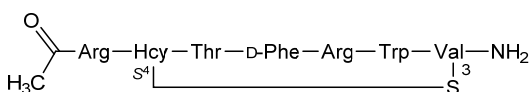
filimelnotida

$S^{4,2}, S^{3,7}$ -ciclo[N^2 -acetil-L-arginil-L-homocisteinil-L-treonil-D-fenilalanil-L-arginil-L-triptofil-3-sulfanil-L-valinamida]

agonista del receptor de melanocortina

$C_{47}H_{69}N_{15}O_9S_2$

2093087-54-6

**forvisirvatum**

forvisirvat

(1'S,6'R)-7-chloro-2',4-dimethoxy-6'-methyl-6-(5-methyl-1,3,4-oxadiazol-2-yl)-3*H*-spiro[[1]benzofuran-2,1'-cyclohex[2]ene]-3,4'-dione
sirtuin activator

forvisirvat

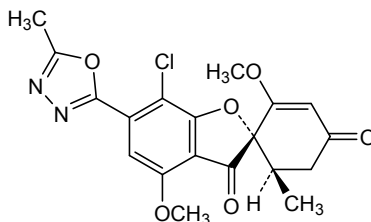
(1'S,6'R)-7-chloro-2',4-diméthoxy-6'-méthyl-6-(5-méthyl-1,3,4-oxadiazol-2-yl)-3*H*-spiro[[1]benzofurane-2,1'-cyclohex[2]ène]-3,4'-dione
activateur de sirtuine

forvisirvat

(1'S,6'R)-7-cloro-6'-metil-6-(5-metil-1,3,4-oxadiazol-2-il)-2',4-dimetoxi-3*H*-espiro[[1]benzofurano-2,1'-ciclohex[2]eno]-3,4'-diona
activador de sirtuina

$C_{19}H_{17}ClN_2O_6$

2135638-06-9



fosribnicotinamidum

fosribnicotinamide

1-(3-carbamoylpyridin-1-ium-1-yl)-1-deoxy-β-D-ribofuranose 5-(hydrogen phosphate)
enzymes cofactor, sickle cell disease

fosribnicotinamide

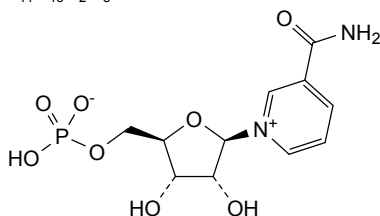
5-(hydrogénophosphate) de 1-(3-carbamoylpyridin-1-ium-1-yl)-1-désoxy-β-D-ribofuranose
cofacteur enzymatique, anémie falciforme

fosribnicotinamida

5-(hidrógenofosfato) de 1-(3-carbamoilpiridin-1-io-1-il)-1-desoxi-β-D-ribofuranosa
cofactor enzimático, anemia falciforme

C₁₁H₁₅N₂O₈P

1094-61-7

**fulamleucelum**

fulamleucel

allogeneic CD3-NKp30+ lymphocytes, phenotypically similar to natural killer (NK) cells, isolated from peripheral blood mononuclear cells obtained by leukapheresis of individual healthy donors. The leukapheresis material is enriched for the NK-like cells by removal of CD3 and CD34 positive cells. The cells are then further culture expanded in media containing interleukin 2 (IL-2) and human serum albumin. The final cell population consists of CD3-NKp30+NK-like cells (≥80), expressing the surface markers CCR5, CCR6, CXCR3, as well as integrins α1 and α3. The cells also express high levels of perforin-1, granzyme B, and interferon gamma (IFN-γ) and demonstrate cytotoxicity against target cancer cells (K562 leukaemia cells) *in vitro* (≥50%)
cell therapy (antineoplastic)

fulamleucel

lymphocytes allogéniques CD3-NKp30+, phénotypiquement similaires aux cellules tueuses naturelles (NK), isolés à partir de cellules mononucléaires du sang périphérique obtenues par leucaphérèse de donneurs individuels sains. Le matériel de leucaphérèse est enrichi en cellules de type NK par élimination des cellules CD3 et CD34 positives. Les cellules sont ensuite cultivées et multipliées dans des milieux contenant de l'interleukine 2 (IL-2) et de l'albumine sérique humaine. La population cellulaire finale est constituée de cellules CD3-NKp30+-NK-liée (≥80%), exprimant les marqueurs de surface CCR5, CCR6, CXCR3, ainsi que les intégrines α1 et α3. Ces cellules expriment également des niveaux élevés de perforine-1, de granzyme B et d'interféron gamma (IFN-γ) et présentent une cytotoxicité *in vitro* (≥50%) contre les cellules cancéreuses cibles (cellules leucémiques K562)
thérapie cellulaire (antineoplasique)

fulamleucel

linfocitos CD3-NKp30+ alogénicos, fenotípicamente similares a células NK, aislados de células mononucleares de sangre periférica obtenidas por leucoaféresis de donantes sanos individuales. El material de leucoaféresis se enriquece en células similares a NK mediante la eliminación de las células CD3 y CD34 positivas. Las células se expanden más después en cultivo, en medio que contiene interleuquina 2 (IL-2) y albúmina sérica humana. La población celular final consiste en células CD3-NKp30+ similares a NK (≥ 80), que expresan los marcadores de superficie CCR5, CCR6, CXCR3, así como las integrinas $\alpha 1$ y $\alpha 3$. Las células también expresan altos niveles de perforina 1, granzima B e interferón gamma (IFN- γ) y muestran citotoxicidad *in vitro* frente a células cancerosas diana (células leucémicas K562) ($\geq 50\%$)
terapia celular (antineoplásico)

fumiporexantum

fumiporexant

{(3a*R*,6a*S*)-5-[5-fluoro-4-(2-hidroxypropan-2-yl)pyrimidin-2-yl]hexahidropirrol[3,4-*c*]pirrol-2(1*H*)-yl}[2-fluoro-6-(pyrimidin-2-yl)phenyl]methanone
orexin receptor antagonist

fumiporexant

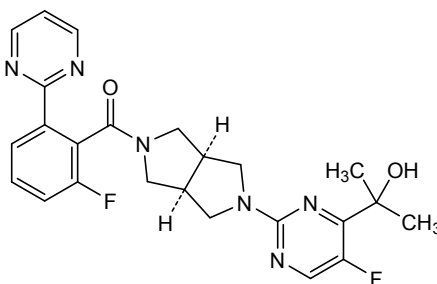
{(3a*R*,6a*S*)-5-[5-fluoro-4-(2-hidroxypropan-2-yl)pyrimidin-2-yl]hexahidropirrol[3,4-*c*]pirrol-2(1*H*)-yl}[2-fluoro-6-(pyrimidin-2-yl)phényl]méthanone
antagoniste du récepteur de l'orexine

fumiporexant

{(3a*R*,6a*S*)-5-[5-fluoro-4-(2-hidroxiopropan-2-il)pirimidin-2-il]hexahidropirrol[3,4-*c*]pirrol-2(1*H*)-il}[2-fluoro-6-(pirimidin-2-il)fenil]metanona
antagonista del receptor de la orexina

 $C_{24}H_{24}F_2N_6O_2$

2839408-03-4

**gallium (^{68}Ga) relitegatum brexetanum**gallium (^{68}Ga) relitegatum brexetan

(OC-6-2''')-($N^{6,4}, N^{6,4'}, N^{6,4''}$)-{(1,4,7-triazonane-1,4,7-triyl- k^3N^1, N^4, N^7)tris[methylene(oxidophosphonyl)(1-oxopropane-3,1-diyl)azanediylpropane-3,1-diyl-1*H*-1,2,3-triazole-1,4-diyl(1-oxopropane-3,1-diyl)]}tris[1,9-anhydro(L-alanyl-L-tyrosyl-D-prolyl- N^2 -methyl-L-lysyl-L-tyrosyl-L-arginylglycyl-L- α -aspartyl-L-leucyl)](^{68}Ga)gallium
diagnostic imaging agent

gallium (^{68}Ga) rélitégatide bréxétan

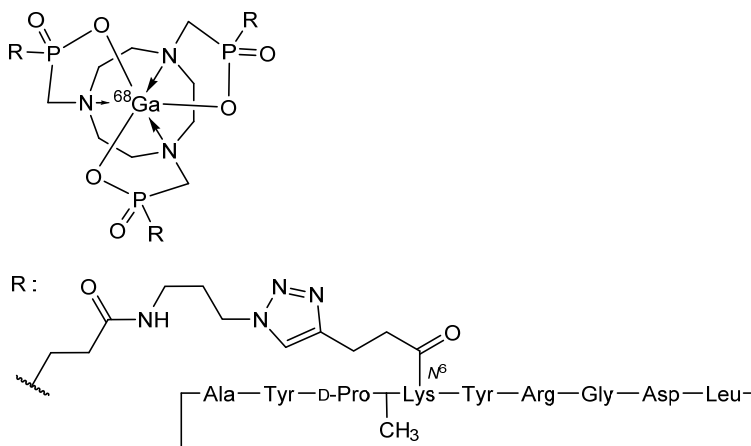
(OC-6-2'2'')- $N^{6,4}, N^{6,4'}, N^{6,4''}$ -[1,4,7-triazonane-1,4,7-triyl- $\kappa^3 N^1, N^4, N^7$]tris[méthylène(oxidophosphonoil)(1-oxopropane-3,1-diyl)azanediylpropane-3,1-diyl-1H-1,2,3-triazole-1,4-diyl(1-oxopropane-3,1-diyl)]tris[1,9-anhydro(L-alanyl-L-tyrosyl-D-prolyl- N^2 -méthyl-L-lysyl-L-tyrosyl-L-arginylglycyl-L- α -aspartyl-L-leucyl)](^{68}Ga)gallium
agent d'imagerie diagnostique

galio (^{68}Ga) relitegatida brexetán

(OC-6-2'2'')- $N^{6,4}, N^{6,4'}, N^{6,4''}$ -[1,4,7-triazonano-1,4,7-triil- $\kappa^3 N^1, N^4, N^7$]tris[metileno(oxidofosfonoil)(1-oxopropano-3,1-diil)azanodiilpropano-3,1-diil-1H-1,2,3-triazol-1,4-diil(1-oxopropano-3,1-diil)]tris[1,9-anhidro(L-alanil-L-tirosil-D-prolil- N^2 -metil-L-lisil-L-tirosil-L-arginilglicil-L- α -aspartil-L-leucil)](^{68}Ga)galio
agente de diagnóstico por imagen

 $\text{C}_{195}\text{H}_{285}\text{GaN}_{54}\text{O}_{51}\text{P}_3$

3061847-76-2

gamgertamigum #
gamgertamig

immunoglobulin (H-gamma4_L-kappa)_ (H-gamma4_L-lambda2), anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (tumor necrosis factor (TNF) receptor superfamily member 17, B cell maturation antigen, BCMA, TNFRSF13A, CD269)] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], monoclonal antibody, bispecific, bivalent; H-gamma4 heavy chain anti-TNFRSF17 (H) (1-449) hole [VH (*Homo sapiens* IGHV7-4-1*02 (88.8%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 6-G4v3-44 CH2 E1.2, A114, 14-G4v75 CH3 C5, 14-G4v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 12-G4v6 CH3 K88(CH1 (123-220), hinge 1-12 S10>P (230) (221-232), CH2 L1.2>E (237), L92 (311), P114>A (331) (233-342), CH3 Y5>C (351), T22>S (368), L24>A (370), Y86>V (409), R88>K(411)(343-447), CHS (448-449)) (123-449)], (136-218')-disulfide with L-kappa light chain anti-TNFRSF17 (L') (1'-218') [V-KAPPA Musmus/Homsap

(*Mus musculus* IGKV3-12*01 (91.9%) -IGKJ1*01 (83.3%) G120>Q (104'), L124>V (108')/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (68.1%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195') (112'-218'))];
H-gamma4 heavy chain anti-CD3E (H") (1"-452") knob [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV10-1*04 (90.0%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%) A128>S (125')/*Homo sapiens* IGHV3-72*01 (85.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (120), CDR-IMGT [8.10.16] (26"-33".51"-60".99"-114")) (1"-125") -*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 6-G4v3-44 CH2 E1.2, A114, G4v74 CH3 C10, 14-G4v32 CH3 W22 (knob), 12-G4v6 CH3 K88 (CH1 (126"-223"), hinge 1-12 S10>P (233") (224"-235"), CH2 L1.2>E (240"), L92 (314"), P114>A (334") (236"-345"), CH3 S10>C (359"), T22>W (371"), R88>K (414") (346"-450"), CHS (451"-452")) (126"-452")], (139"-214")-disulfide with L-lambda2 light chain anti-CD3E (L'") (1'"-215'") [V-lambda Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGLV1*01 (81.2%) -IGLJ1*01 (100')/*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (77.9%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (26'"-34'"-52'"-54'"-91'"-99'") (1'"-109'") -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (110'"-215'")];
dimer (228-231":231-234":351-359")-trisdysulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, lacking the glutamine synthetase (GS-KO) gene, glycoform alfa antineoplastic

gamgertamig

immunoglobuline (H-gamma4_L-kappa)_(H-gamma4_L-lambda2), anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (membre 17 de la superfamille des récepteurs du facteur de nécrose tumorale (TNF), antigène de maturation de cellule B, BCMA, TNFRSF13A, CD269)] et anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], anticorps monoclonal, bispécifique, bivalent;
chaîne lourde H-gamma4 anti-TNFRSF17 (H) (1-449) hole [VH (*Homo sapiens* IGHV7-4-1*02 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 6-G4v3-44 CH2 E1.2, A114, 14-G4v75 CH3 C5, 14-G4v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 12-G4v6 CH3 K88 (CH1 (123-220), charnière 1-12 S10>P (230) (221-232), CH2 L1.2>E (237), L92 (311), P114>A (331) (233-342), CH3 Y5>C (351), T22>S (368), L24>A (370), Y86>V (409), R88>K(411) (343-447), CHS (448-449)) (123-449)], (136-218')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa anti-TNFRSF17 (L') (1'-218') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV3-12*01 (91.9%) -IGKJ1*01 (83.3%) G120>Q (104'), L124>V (108')/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (68.1%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195') (112'-218'))];
chaîne lourde H-gamma4 anti-CD3E (H") (1"-452") knob [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV10-1*04 (90.0%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%) A128>S (125')/*Homo sapiens* IGHV3-72*01 (85.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (120), CDR-IMGT [8.10.16] (26"-33".51"-60".99"-114")) (1"-125") -*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 6-G4v23 CH2 E1.2, A114, 14-G4v74 CH3 C10, 14-G4v32 CH3 W22 (knob), 12-G4v6 CH3 K88(CH1 (126"-223"), charnière 1-12 S10>P (233") (224"-235"), CH2 L1.2>E (240), L92 (314), P114>A (334) (236"-345"), CH3 S10>C (359), T22>W (371), R88>K (414) (346"-450"), CHS (451"-452")) (126"-452")], (139"-214'")-disulfure

avec la chaîne légère L-lambda2 anti-CD3E (L'') (1''-215'') [V-lambda Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGLV1*01 (81.2%) - IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (77.9%) - IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (26'''-34'''-52'''-54'''-91'''-99''')) (1'''-109''') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (110'''-215''')];
dimère (228-231'':231-234'':351-359'')-trisdifluore, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GS-KO), glycoforme alfa antinéoplasique

gamgertamig

inmunoglobulina (H-gamma4_L-kappa)_ (H-gamma4_L-lambda2), anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (miembro 17 de la superfamilia de los receptores del factor de necrosis tumoral (TNF), antígeno de maduración de célula B, BCMA, TNFRSF13A, CD269)] y anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 épsilon, Leu-4)], anticuerpo monoclonal, biespecífico, bivalente; cadena pesada H-gamma4 anti-TNFRSF17 (H) (1-449) hole [VH (*Homo sapiens* IGHV7-4-1*02 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) - *Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 6-G4v3-44 CH2 E1.2, A114, 14-G4v75 CH3 C5, 14-G4v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 12-G4v6 CH3 K88 (CH1 (123-220), bisagra 1-12 S10>P (230) (221-232), CH2 L1.2>E (237), L92 (311), P114>A (331) (233-342), CH3 Y5>C (351), T22>S (368), L24>A (370), Y86>V (409), R88>K(411) (343-447), CHS (448-449)) (123-449)], (136-218')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa anti-TNFRSF17 (L') (1'-218') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV3-12*01 (91.9%) - IGKJ1*01 (83.3%) G120>Q (104'), L124>V (108')/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (68.1%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'-54'-56'-93'-101'')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195') (112'-218'))];
cadena pesada H-gamma4 anti-CD3E (H'') (1''-452'') knob [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV10-1*04 (90.0%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%) A128>S (125)/*Homo sapiens* IGHV3-72*01 (85.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (120), CDR-IMGT [8.10.16] (26''-33''-51''-60''-99''-114'')) (1''-125'') -*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 6-G4v23 CH2 E1.2, A114, 14-G4v74 CH3 C10, 14-G4v32 CH3 W22 (knob), 12-G4v6 CH3 K88(CH1 (126''-223''), bisagra 1-12 S10>P (233'') (224''-235''), CH2 L1.2>E (240), L92 (314), P114>A (334) (236''-345''), CH3 S10>C (359), T22>W (371), R88>K (414) (346''-450''), CHS (451''-452'')) (126''-452''), (139''-214'')-disulfuro con la cadena ligera L-lambda2 anti-CD3E (L'') (1''-215'') [V-lambda Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGLV1*01 (81.2%) -IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (77.9%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (26'''-34'''-52'''-54'''-91'''-99''')) (1'''-109''') - *Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (110'''-215''')]; dímero (228-231'':231-234'':351-359'')-trisdifluore, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, en ausencia del gen glutamina sintetasa (GS-KO), forma glicosilada alfa antineoplásico

3038119-48-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: H-gamma4 anti-TNFRSF17 (H) hole
 QVQLVQSGSE LKPGASVKV SCASGYIFT NFGMNWVREA PGQGLEWMGW 50
 INTYTGQEIY ADGFTGRFVF SLDTSVSTAY LQISSLKAED TAVYFCARGE 100
 IYYGVDVGVF YWGQGTLLTV SSASTKGPSV FPLAPCSRST SESTAALGCL 150
 VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTPVSSSLGT 200
 KTYTCNVDHK PSNTKVDKRV ESKYGPPCPP CPAPEFEGGP SVFLFPPPKPK 250
 DTLMISRTPE VTCVVVDVSQ EDPEVQFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQFNS 300
 TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKGL ASSIEKTISK AKGQPREPQV 350
 CTLPPSQEEM TKNQVSLSCA VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
 DSDGSFFLVLS KLTVDKSRWQ EGNVFCSCVM HEALHNHYTQ KSLSLSLGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-kappa anti-TNFRSF17 (L')
 DIVLTQSPAS LAVSPGQGRAT ITCRASKSVS TSGYSYMHY QKPKGPPPKL 50
 LIYLASNLES GVPARFSGSG SGTDFTLTIN PVEAEDTANY YCQHSRELPW 100
 TFGQGTKVEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFYPREAKV 150
 QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLS STLTLISKADY EKHKVYACEV 200
 THQGLSSPVT KSFNRGEC 218

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: H-gamma4 anti-CD3E (H'') knob
 EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRKA PGKGLEWVGR 50
 IRSKYNNYAT YYADSVKDRF TISRDDSKNS LYLQMNSLKT EDTAVYYCVR 100
 HGNFNGSYVS WFAYWGQGT LTVSSASTKG PSVFPLAPCS RSTSESTAAL 150
 GCLVKDYFPE PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTPVSSS 200
 LGTKYTCNV DHKPSNTKVD KRVESKYGPP CPPCPAPEFE GGPSVFLFPP 250
 KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSQEDPEVQF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
 FNSTYRVSV LTVLHQDWLN GKEYCKKVS N KGLASSIEKT ISKAKGQPRE 350
 PQVYTLPPCQ EEMTKNQVSL WCLVKGFYPS DIAVEWESNG QPENNYKTTTP 400
 PVLDSGDSFF LYSKLTVDKS RWQEGNVFSC SVMHEALHNH YTQKSLSLSL 450
 GK 452

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-lambda anti-CD3E (L''')
 QAVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSTGAVT TSNYANWVQE KPGQAPRGLI 50
 GGTNKRAPWT PARFSGSLLG GKAALTITGA QAEDEAEYYC VLWYSLNWFV 100
 WGGTKLTVLG QPKAAPSVTL FPPSSEELQA NKATLVCLIS DFYPGA VTTVA 150
 VKADSSPVKA GVETTPSKQ SNNKYAASSY LSLTPEQWKS HRSYSCQVTH 200
 EGSTVEKTVA PTECS 215

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 149-205 263-323 369-427

Intra-H'' (C23-C104) 22''-98'' 152''-208'' 266''-326'' 372''-430''

Intra-L' (C23-C104) 23'-92' 138'-198'

Intra-L''' (C23-C104) 22'''-90''' 137'''-196'''

Inter-H-L', inter-H''-L''' (CH1 10-CL 126) 136-218' 139"-214'''

Inter-H-H'' (h 8, h 11) 228-231" 231-234"

Inter-H-H'' (CH3 C5-C10)* 351-359"

*variants 14-G1v75 (H CH3 C5) and 14-G1v74 (H'' CH3 C10) creating an additional inter-H-H disulfide bridge.

Total number of disulfide bridges: 17 (12 intra-, 5 inter-).

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)

H VH Q1: 1

L VL V-LAMBDA Q1: 1'''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 299, 302"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 449, 452"

gaspantatugum #
gaspantatug

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudin 18, claudin-18, surfactant associated protein J, SFTPJ) isoform 2], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-448) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (78.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens*IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV4-1*01 (86.1%) -IGKJ1*01 (91.7%), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, lacking the enzyme alpha-(1,6)-fucosyltransferase (FUT8-KO), glycoform alfa *antineoplastico*

gaspantatug

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudine 18, claudine-18, protéine J associée au surfactant, SFTPJ) isoforme 2]; anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-448) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (78.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens*IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV4-1*01 (86.1%) -IGKJ1*01 (91.7%), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, ne présentant pas l'enzyme alpha-(1,6)-fucosyltransférase (FUT8-KO), glycoforme alfa *antineoplastique*

gaspantatug

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudina 18, claudina-18, proteína J asociada al surfactante, SFTPJ) isoforma 2]; anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-448) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (78.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens*IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 E12 (357), M14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV4-1*01 (86.1%) -IGKJ1*01 (91.7%), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, en ausencia de la enzima alfa-1,6-fucosiltransferasa (FUT8-KO), forma glicosilada alfa *antineoplásico*

3004869-54-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H')
EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT SSWLIWVRQA PGQGLEWIGT 50
IVPSDSYITNY NQKFKDRATL TVDKSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCTRFR 100
TGNSTFQWQ GTLTVVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEFVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVTVTP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKKVEPKS CDKTHTCPPC PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGEVHNNAKT KPREEQVNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSREEMT KQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPVLD 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L', L'')
DIVMTQSPDS LSVGLGERAT INCKSSQSVL NSGNQKNYLT WYQQKPGQPP 50
KLLIYWAVAR QSGVDFRFSG SGSGTDFTLT ISSLQAEDVA VYYCQNSIAY 100
PFTFGQGTKV EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 150
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKDYTS LSSTLTLSKA DYEEKHYVAC 200
EVTHQGLSP VTKSFNRGEC 220

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426
22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
Intra-L (C23-C104) 23'-94' 140'-200'
23'''-94''' 140'''-200'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-220" 221"-220"
Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 298, 298"
Afucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes afucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos afucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 448, 448"

gimvekibartum #
gimvekibart

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL4R (interleukin 4 receptor, IL4RA, IL-4RA, interleukin 13 receptor, CD124)], humanized monoclonal antibody;
H-gamma4 heavy chain humanized (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-74*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (120-217), hinge 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 L92 (308) (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (121-446)], (133-215')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (83.2%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27'-32'.50'-52'.89'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dimer (225-225":228-228")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-S, glycoform alfa
immunomodulator

gimvékibart

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL-4R (récepteur de l'interleukine 4, IL4RA, IL-4RA, récepteur de l'interleukine 13, CD124)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde H-gamma4 humanisée (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-74*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (120-217), charnière 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 L92 (308) (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (121-446)], (133-215')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (83.2%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27'-32'.50'-52'.89'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01

(100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215'); dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa
immunomodulateur

gimvekibart inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL-4R (receptor de la interleukina 4, IL4RA, IL-4RA, receptor de la interleukina 13, CD124)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada H-gamma4 humanizada (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-74*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (120-217), bisagra 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 L92 (308) (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (121-446)], (133-215')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (83.2%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27'-32'.50'-52'.89'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215'); dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-S, forma glicosilada alfa
immunomodulador

3037526-90-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H')			
EVQLVESGGG	LVPGGSLRL	SCAASGFTFS	TYGMSWVRQA
INSNGGSTSY	PDSVKGRFTI	SRDNAKNTLY	LQMNSLRAED
RFRRNAMYWG	QGTLTVTSSA	STKGPSVFPL	APCSRSTSES
YFPEPVTVSW	NSGALTSGVH	TFFPAVLQSSG	LYSLSSVVTV
TCNVDHKPSN	TKVDKRVESK	YGPPCPPCPA	PEFLGGPSVF
MISRTPEVTC	VVVDVSQEDP	EVQFNWYVDG	VEVHNAKTKP
VVSVLTVLHQ	DWLNGKEYKC	KVSNKGLPSS	IEKTISKAKG
PPSQEEMTKN	QVSLTCLVKG	FYPSDIAVEW	ESNGQPENNY
GSFFLYSRLT	VDKSRWQEGN	VFSCSVMEHA	LHNHYTQKSL
			SLSLGGK
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L', L'')			
DIQMTQSPSS	LSASVGDRTV	ITCRTSENIY	SYLAWYQQKP
AKTLAEGVPS	RFGSGSGSTD	FTLTISLQP	EDFATYYCQH
QGTKVEIKRT	VAAPSVFIFP	PSDEQLKSGT	ASVVCLLNFF
VDNALQSGNS	QESVTEQDSK	DSTYSLSTSL	TLISKADYEKH
GLSSPVTKSF	NRGEC		

Post-translational modifications			
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro			
Intra-H (C23-C104)	22-96	146-202	260-320
	22"-96"	146"-202"	260"-320"
Intra-L (C23-C104)	23'-88'	135'-195'	
	23'''-88'''	135'''-195'''	
Inter-H-L (CH1 10-CL 126)	133-215'	133"-215"	
Inter-H-H (h 8, h 11)	225-225"	228-228"	

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 296, 296"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 446, 446"

girancitugum #
girancitug

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* KDR (kinase insert domain receptor, vascular endothelial growth factor receptor 2, VEGFR2, VEGF-R2, FLK1, CD309)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-446) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-21*01 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens*IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (213) (117-214), hinge 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-33*01 (93.7%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (225-225":228-228")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)/dhFr- cell line lacking the enzyme dihydrofolate reductase (DHFR), glycoform alfa
angiogenesis inhibitor, antineoplastic

girancitug

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* KDR (récepteur à domaine insert kinase, récepteur 2 du facteur de croissance endothélial vasculaire, VEGFR2, VEGF-R2, FLK1, CD309)]; anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-446) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-21*01 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens*IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (213) (117-214), charnière 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-33*01 (93.7%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO/dhFr- ne présentant pas l'enzyme dihydrofolate réductase (DHFR), glycoforme alfa
inhibiteur de l'angiogenèse, antinéoplasique

girancitug

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* KDR (receptor de kinasa de dominio insertado, receptor 2 del factor de crecimiento endotelial vascular, VEGFR2, VEGF-R2, FLK1, CD309)]; anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-446) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-21*01 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens*IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (213) (117-214), bisagra 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-33*01 (93.7%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO/dhFr- en ausencia de la enzima dihidrofolato reductasa (DHFR), forma glicosilada alfa
inhibidor de la angiogénesis, antineoplásico

3024821-77-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H')
EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS SYSMTWVRQA PGKGLEWVSS 50
ISSSSSYIYY ADSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TAVYYCARAT 100
SGMDVWGQGT TVTVSSASTK GPSVFPLAPS SKSTSGGTAA LGCLVKDYFP 150
EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVVTVPSS SLGTQTYICN 200
VNHKPSTNKKV DKKVEPKSCD KTHTCPPCPA PELLGGPSVF LFPPKPKDTL 250
MISRTPEVTC VVVDVSHEDP EVKFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR 300
VVSVLTVLHQ DNLNGKEYKC KVSNAKLPAP IEKTIKAKG QPREPQVYTL 350
PPSRDELTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTTTPVLDSD 400
GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCSVMHEA LHNHYTQKSL SLSPGK 446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L")
DIQMTQSPSS LSESVDGRVT ITCQASQDIN NYLNWYQQK GKAPKLLIYD 50
ASNLLETGVPS RFSGSGSGTD FTFTISSLES EDIATYYCQQ HVNLPITFGG 100
GTKEVEIKRTV AAPSFVIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWFKV 150
DNLQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGECC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 143-199 260-320 366-424
22"-96" 143"-199" 260"-320" 366"-424"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'''-88''' 134'''-194'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 219-214' 219"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 225-225" 228-228"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 296, 296"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 446, 446"

glarivibartum #
glarivibart

immunoglobulin G1-kappa, anti-[human respiratory syncytial virus (RSV) fusion glycoprotein F], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-456) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (87.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%), CDR-IMGT [8.8.19] (26-33.51-58.97-115)) (1-126) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 9-G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18(CH1 R120 (223) (127-224), hinge 1-15 (225-239), CH2 M15.1>Y (261), S16>T (263), T18>E (265) (240-349), CH3 E12 (365), M14 (367) (350-454), CHS (455-456)) (127-456)], (229-214')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (93.6%) -IGKJ4*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (235-235":238-238")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
antiviral

glarivibart

immunoglobuline G1-kappa, anti-[glycoprotéine de fusion F du virus respiratoire syncytial (VRS) humain], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-456) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (87.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%), CDR-IMGT [8.8.19] (26-33.51-58.97-115)) (1-126) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 9-G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 R120 (223) (127-224), charnière 1-15 (225-239), CH2 M15.1>Y (261), S16>T (263), T18>E (265) (240-349), CH3 E12 (365), M14 (367) (350-454), CHS (455-456)) (127-456)], (229-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (93.6%) -IGKJ4*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (235-235":238-238")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
antiviral

glarivibart

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[glicoproteína de fusión F del virus respiratorio sincitial (VRS) humano], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-456) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (87.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%), CDR-IMGT [8.8.19] (26-33.51-58.97-115)) (1-126) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 9-G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 R120 (223) (127-224), bisagra 1-15 (225-239), CH2 M15.1>Y (261), S16>T (263), T18>E (265) (240-349), CH3 E12 (365), M14 (367) (350-454), CHS (455-456)) (127-456)], (229-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (93.6%) -IGKJ4*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (235-235":238-238")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa *antiviral*

3033697-08-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H")
VQQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGGLE DYIINWVRQA PGQGLEWMGG 50
IIPVLGTVHY GPKFQGRVTI TADESTSTAY MELSSLRSED TAVYYCATET 100
AIVVTESYRP HFFDNWGQGT LVTVSSASTK GPSVFPLAPS SKSTSGGTAA 150
LGCLVKDYFP EPTVTSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVTVTPSS 200
SLGTQTYICN VNHKPSNTKV DKRVEPKSCD KTHTCPPCPA PELLGGPSVF 250
LFPFKPKDTL YITREPEVTC VVVDVSHEDP EVKFNWYVDG VEVHNAKTPK 300
REEQYNSTYR VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNAKALPAP IEKTISKAKG 350
QPREPQVYTL PPSREEMTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNGQPENNY 400
KTTTPVLDSG GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCSVMHEA LHNHYTQKSL 450
SLSPGK 456

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L")
DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCQASQDIV NYLNWYQKPK GKAPKLLIYV 50
ASNLLETGVPF RFSGSGSGTD FTFTISSLQP EDIATYYCQE FAGLALNFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEHKK VYACEVTHGQ 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 153-209 270-330 376-434
22"-96" 153"-209" 270"-330" 376"-434"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'''-88''' 134'''-194'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 229-214' 229"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 235-235" 238-238"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprollyl) / pyroglutamide (pE, 5-oxoprollyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 306, 306"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 456, 456"

gostegananum
gosteganan

N-acetyl-D-phenylalanyl-D-lysyl-D-lysyl-D-leucyl-D-lysyl-D-lysyl-D-leucyl-D-phenylalanyl-D-seryl-D-lysyl-D-leucyl-D-tryptophyl-D-asparaginy-D-tryptophyl-D-lysynamide
antimicrobial

gostéganan

N-acétyl-D-phénylalanil-D-lysyl-D-lysyl-D-leucyl-D-lysyl-D-lysyl-D-leucyl-D-phénylalanil-D-séryl-D-lysyl-D-leucyl-D-tryptophyl-D-asparaginy-D-tryptophyl-D-lysineamide
antimicrobien

gosteganán

N-acetyl-D-phenylalanil-D-lisil-D-lisil-D-leucil-D-lisil-D-lisil-D-leucil-D-phenylalanil-D-seril-D-lisil-D-leucil-D-tryptofil-D-asparaginil-D-tryptofil-D-lisinamida
antimicrobiano

C₁₀₃H₁₅₉N₂₅O₁₈

1342808-13-2

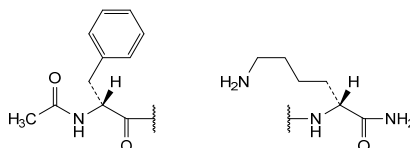
Sequence / Séquence / Secuencia :

1 *all/tout/todo*-D- (CH₃CO) **E**KKLKKLF~~SK~~ LWN**K**-NH₂ 15

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados

E¹ :

Ac-D-Phe

K¹⁵ :D-Lys-NH₂**grebenmotidum simoleninum alfa #**

grebenmotide simolenin alfa

human anti-apoptosis protein survivin (apoptosis inhibitor 4, IAP4, baculoviral IAP repeat-containing protein 5, BIRC5, Uniprot: O15392) fragment (53-67, 1-15 in the current sequence), variant (C⁵>M⁵) conjugated on residue C⁸ via a 3-maleimidobenzoyl linker reagent to *Megathura crenulata* hemocyanin 1 (KLH1, keyhole limpet hemocyanin A, Uniprot: Q10583) (1-3398) and hemocyanin 2 (KLH2, keyhole limpet hemocyanin B, Uniprot: Q10584) (1-3402), conjugated at N⁶ of 5-25 lysine residues of each monomer, non-covalent homododecamer, produced by *Megathura crenulata* (giant keyhole limpet), glycoform alfa
immunological agent for active immunization (antineoplastic)

grébenmotide simolénine alfa

fragment de la protéine anti-apoptotique humaine survivine (inhibiteur d'apoptose 4, IAP4, protéine contenant la répétition IAP baculovirus 5, BIRC5, Uniprot: O15392) (53-67, 1-15 dans la séquence actuelle), variant (C⁵>M⁵) conjugué sur le résidu C8 via un réactif de liaison 3-maléimidobenzoyle à l'hémocyanine 1 du mollusque *Megathura crenulata* (KLH1, hémocyanine A de patelle, Uniprot: Q10583) (1-3398) et à l'hémocyanine 2 (KLH2, hémocyanine B de patelle, Uniprot: Q10584) (1-3402), conjugué au N⁶ de 5 à 25 résidus de lysine de chaque monomère, homodidécamère non covalent, produit par le mollusque *Megathura crenulata* (patelle géante), glycoforme alfa
agent immunologique pour immunisation active (antineoplasique)

grebenmotida simolenina alfa

fragmento de la proteína antiapoptótica humana survivina (inhibidor de la apoptosis 4, IAP4, proteína baculoviral que contiene repeticiones IAP 5, BIRC5, Uniprot: O15392) (53-

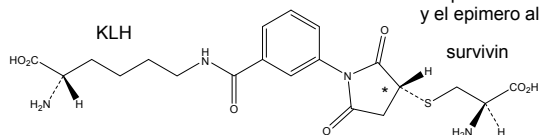
67, 1-15 en la secuencia actual), variante (C⁵>M⁵) conjugado en el residuo C⁸ a través de un reactivo de enlace 3-maleimidobenzoilo con la hemocianina 1 del molusco *Megathura crenulata* o lapa gigante (KLH1, hemocianina A de lapa de ojo de cerradura), Uniprot: Q10583) (1-3398) y la hemocianina 2 (KLH2, hemocianina B de lapa de ojo de cerradura), Uniprot: Q10584) (1-3402), conjugado al N⁶ de 5 a 25 residuos de lisina de cada monómero, homodidecámero no covalente, producido por el molusco *Megathura crenulata* (lapa de ojo de cerradura), glicoforma alfa
agente inmunológico para inmunización activa
(antineoplásico)

3036791-53-1

Sequence / Séquence / Secuencia

Peptide: (C⁵>M)-survivin (53-67) 1 DLAQMMFFCFK ELEGW 15

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados

C⁵>M; C⁸>C-S³→[linker]←N⁶-K(KLH1/2) :and epimer at C*
et épimère en C*
y el epímero al C*

~ 5-25 Lys per KLH monomer

Please note that the KLH1 and KLH2 sequences and post-translational modifications can be found in the corresponding MedNet file

imvucabtagen^{um} geleucel^{um} # imvucabtagene geleucel

allogeneic T lymphocytes obtained from cryopreserved leukapheresis material of healthy donors, electroporated with CRISPR/Cas12a (clustered regularly interspaced short palindromic repeats/ CRISPR-associated protein 12a) hybrid RNA-DNA (chRDNA) nucleoprotein complexes to knock out (i) the T cell receptor alpha chain constant (*TRAC*) and (ii) the beta-2 microglobulin (*B2M*) locus. The cells are also transduced with two recombinant adeno-associated virus serotype 6 (rAAV6) vectors to introduce (i) an anti-B-cell maturation antigen (BCMA, TNFRSF17, CD269) chimeric antigen receptor (CAR) flanked by *TRAC* homology regions that are inserted into the lymphocyte DNA by homology-directed repair, and (ii) a B2M-HLA-E peptide fusion protein flanked by beta-2 microglobulin (*B2M*) homology regions that are also inserted into the lymphocyte DNA by homology-directed repair. The anti-BCMA CAR expression cassette comprises in reverse orientation the synthetic MND promoter, Kozak sequence, CD8α signal sequence, anti-BCMA single chain variable fragment (scFv, clone PMC306), CD8 hinge region, CD8 transmembrane (TM) domain, 4-1BB co-stimulatory domain and CD3ζ signaling domain, followed by a bovine growth hormone (BGH) polyadenylation sequence. The B2M-HLA-E fusion protein expression cassette comprises a P2A skipping sequence, a B2M secretion signal, an HLA-G signal peptide sequence, the B2M peptide sequence

followed by an HLA-E peptide sequence and a bovine growth hormone (BGH) polyadenylation sequence. The leukapheresis material is stimulated with anti-CD3 and anti-CD28 antibodies and cultured in the presence of interleukin 2 (IL-2) to enrich for T lymphocytes. The cells are subsequently electroporated with CRISPR/Cas12a chRDNA nucleoprotein complexes and transduced with the two AAV vectors followed by further cell expansion. Finally, residual TCR $\alpha\beta$ + lymphocytes are removed by magnetic depletion. The suspension consists primarily of T lymphocytes (CD4+/CD8+/CD3+ $\geq 70\%$) which are $\geq 32\%$ CAR+, $\geq 20\%$ B2M-HLA-E+ and are cytotoxic to BCMA expressing target cells
cell-based gene therapy (antineoplastic)

invucabtagène géleucel

lymphocytes T allogéniques obtenus à partir de matériel de leucaphérèse cryoconservé de donneurs sains, électroporés avec des complexes nucléoprotéiques hybrides ARN-ADN (chRDNA) CRISPR/Cas12a (répétitions palindromiques courtes regroupées et régulièrement espacées/protéine associée à CRISPR 12a) pour éliminer: (i) la constante de la chaîne alpha du récepteur des cellules T (TRAC) et, (ii) le locus bêta-2 microglobuline (B2M). Les cellules sont également transduites avec deux vecteurs recombinants de virus adéno-associé de sérotype 6 (rAAV6) pour introduire: (i) un récepteur d'antigène chimérique (RAC) anti-antigène de maturation des cellules B (BCMA, TNFRSF17, CD269) flanqué de régions d'homologie TRAC qui sont insérées dans l'ADN des lymphocytes par réparation dirigée par homologie, et (ii) une protéine de fusion peptidique B2M-HLA-E flanquée de régions d'homologie bêta-2 microglobuline (B2M) qui sont également insérées dans l'ADN des lymphocytes par réparation dirigée par homologie. La cassette d'expression RAC anti-BCMA comprend, en orientation inverse, le promoteur synthétique MND, la séquence Kozak, la séquence signal CD8 α , le fragment variable monocaténaire anti-BCMA (scFv, clone PMC306), la région charnière CD8, le domaine transmembranaire (TM) CD8, le domaine de co-stimulation 4-1BB et le domaine de signalisation CD3 ζ , suivis d'une séquence de polyadénylation de l'hormone de croissance bovine (HCB). La cassette d'expression de la protéine de fusion B2M-HLA-E comprend une séquence de saut P2A, un signal de sécrétion B2M, une séquence peptidique signal HLA-G, la séquence peptidique B2M suivie d'une séquence peptidique HLA-E et une séquence de polyadénylation de l'hormone de croissance bovine (BGH). Le matériel de leucaphérèse est stimulé par des anticorps anti-CD3 et anti-CD28 et cultivé en présence d'interleukine 2 (IL-2) pour l'enrichir en lymphocytes T. Les cellules sont ensuite électroporées avec des complexes nucléoprotéiques CRISPR/Cas12a chRDNA et transduites avec les deux vecteurs AAV, puis soumises à une expansion cellulaire supplémentaire. Enfin, les lymphocytes TCR $\alpha\beta$ + résiduels sont éliminés par déplétion magnétique. La suspension est principalement composée de lymphocytes T (CD4+/CD8+/CD3+ $\geq 70\%$) qui sont $\geq 32\%$ RAC+, $\geq 20\%$ B2M-HLA-E+ et sont cytotoxiques pour les cellules cibles exprimant BCMA
thérapie génique à base de cellules (antinéoplasique)

imvucabtagén geleucel

linfocitos T alogénicos obtenidos de material de leucoaféresis criopreservado de donantes sanos, electroporados con complejos de nucleoproteína híbridos ARN-ADN (chRDNA) CRISPR/Cas12a (repeticiones palindrómicas agrupadas y espaciadas regularmente/proteína asociada a CRISPR 12a) para eliminar el locus de (i) la cadena constante alfa del receptor de linfocitos T (*TRAC*) y (ii) la beta-2-microglobulina (*B2M*). Las células se transducen también con dos vectores de virus adenoasociado de serotipo 6, recombinantes (rAAV6) para introducir (i) un receptor de antígenos quimérico (CAR) anti-antígeno de maduración de células B (BCMA, TNFRSF17, CD269) flanqueado por regiones de homología de *TRAC* que se inserta en el ADN de los linfocitos mediante reparación dirigida por homología, y (ii) una proteína de fusión B2M-HLA-E flanqueada por regiones de homología de beta-2 microglobulina (*B2M*) que se inserta también en el ADN de los linfocitos mediante reparación dirigida por homología.

El casete de expresión del CAR anti-BCMA consta, en orientación inversa, del promotor sintético MND, secuencia Kozak, secuencia señal de CD8 α , fragmento variable de cadena sencilla anti-BCMA (scFv, clon PMC306), región bisagra de CD8, dominio transmembrana (TM) de CD8, dominio coestimulador de 4-1BB y dominio de señalización de CD3 ζ , seguido por una secuencia de poliadenilación de la hormona de crecimiento bovina (BGH). El casete de expresión de la proteína de fusión B2M-HLA-E consta una secuencia de omisión P2A, una señal de secreción B2M, una secuencia de péptido señal HLA-G, la secuencia de péptido B2M seguida de una secuencia de péptido HLA-E y una secuencia de poliadenilación de la hormona de crecimiento bovina (BGH).

El material de leucoaféresis se estimula con anticuerpos anti-CD3 y anti-CD28 y se cultiva en presencia de interleuquina 2 (IL-2) para enriquecer en linfocitos T. Las células son subsiguientemente electroporadas con los complejos de nucleoproteína CRISPR/Cas12a chRDNA y transducidas con los dos vectores AAV seguido por expansión celular adicional. Finalmente, los linfocitos TCR $\alpha\beta$ + residuales se eliminan mediante depleción magnética. La suspensión consiste primariamente en linfocitos T (CD4+/CD8+/CD3+ $\geq$ 70%) que son con $\geq$ 32% CAR+, $\geq$ 20% B2M-HLA-E+ y son citotóxicas frente a células diana que expresan BCMA

terapia génica basada en células (antineoplásico)

inclocibartum #
inclocibart

immunoglobulin G4-lambda2, anti-[*Homo sapiens* SERPINF2 (serine (or cystein) protease inhibitor (serpin) family F member 2, serpin F2, alpha2-antiplasmin, alpha2-AP, plasmin inhibitor, PI)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
H-gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*01 (94.9%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (86.7%), CDR-IMGT [8.7.15] (26-33.51-57.96-110)) (1-121) -*Homo sapiens*IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10(CH1 (122-219), hinge 1-12 S10>P (229) (220-231), CH2 L92 (310) (232-341), CH3 (342-446), CHS K2>del

	(447)) (122-447)], (135-216')-disulfide with L-lambda2 light chain <i>Homo sapiens</i> (1'-217') [V-LAMBDA (<i>Homo sapiens</i> IGLV1-47*02 (93.9%) - IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.11] (26'-34'.52'-54'.91'-111')) (1'-111') - <i>Homo sapiens</i> IGLC2*01 (100%) (112'-217')]; dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa <i>antithrombotic</i>
inclocibart	immunoglobuline G4-lambda2, anti-[<i>Homo sapiens</i> SERPINF2 (membre 2 de la famille F de la serpine (inhibiteur de sérine (ou cystéine) protéase), serpine F2, alpha2-antiplasmine, alpha-2-AP, plasmine inhibiteur, PI)], anticorps monoclonal <i>Homo sapiens</i> ; chaîne lourde H-gamma4 <i>Homo sapiens</i> (1-447) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*01 (94.9%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (86.7%), CDR-IMGT [8.7.15] (26-33.51-57.96-110)) (1-121) - <i>Homo sapiens</i> IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10(CH1 (122-219), charnière 1-12 S10>P (229) (220-231), CH2 L92 (310) (232-341), CH3 (342-446), CHS K2>del (447)) (122-447)], (135-216')-disulfure avec la chaîne légère L-lambda2 <i>Homo sapiens</i> (1'-217') [V-LAMBDA (<i>Homo sapiens</i> IGLV1-47*02 (93.9%) - IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.11] (26'-34'.52'-54'.91'-111')) (1'-111') - <i>Homo sapiens</i> IGLC2*01 (100%) (112'-217')]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa <i>antithrombotique</i>
inclocibart	immunoglobulina G4-lambda2, anti-[<i>Homo sapiens</i> SERPINF2 (miembro 2 de la familia F de la serpina (inhibidor de serina (o cisteína) proteasa), serpina F2, alfa2-antiplasmina, alfa-2-AP, plasmina inhibidor, PI)], anticuerpo monoclonal <i>Homo sapiens</i> ; cadena pesada H-gamma4 <i>Homo sapiens</i> (1-447) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*01 (94.9%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (86.7%), CDR-IMGT [8.7.15] (26-33.51-57.96-110)) (1-121) - <i>Homo sapiens</i> IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10(CH1 (122-219), bisagra 1-12 S10>P (229) (220-231), CH2 L92 (310) (232-341), CH3 (342-446), CHS K2>del (447)) (122-447)], (135-216')-disulfuro con la cadena ligera L-lambda2 <i>Homo sapiens</i> (1'-217') [V-LAMBDA (<i>Homo sapiens</i> IGLV1-47*02 (93.9%) - IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.11] (26'-34'.52'-54'.91'-111')) (1'-111') - <i>Homo sapiens</i> IGLC2*01 (100%) (112'-217')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa <i>antitrombótico</i>

2901809-66-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H ¹)		
EVQLLESGGG	LVQPGGSLRL	SCAASGFTFD DYAMSWVRQA PGKGLEWVSA 50
IGTGGSTYYA	DSVKGRTTIS	RDNSKNTLYL QMNSLRAEDT AVYYCAREGY 100
DSSGYYHLDY	WGQGLTVTVS	SASTKGPSVF PLAPCSRSTS ESTAALGCLV 150
KDYFPEPVTV	SWNSGALTSG	VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTK 200
TYTCNVDHKP	SNTKVDKRVE	SKYGPPCPPC PAPEFLGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV	TCVVVDVSQE	DPEVQFMWYV DGEVHNAKT KPREEQFNST 300
YRVVSVLTVL	HQDWLNGKEY	KCKVSNKGLP SSIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSQEEMT	KNQVSLTCLV	KGFYPDSIAV EWESNGQPEN NYKTTTPVLD 400
SDGSFFLYSR	LTVDKSRWQE	GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSLG 447
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L ¹)		
QSVLTQPPSA	SGTPGQRVTI	SCTGSSSNIG ATYDVHWYQQ LPGTAPKLLI 50
YSNNQRPSGV	PDRFSGSKSG	TSASLAISGL RSEDEADYYC AAWDWSLSGW 100
VFGGGTKLTV	LGQPKAAPSV	TLFPPSSEEL QANKATLVCL ISDFYPGAVT 150
VAWKADSSPV	KAGVETTTPS	KQSNKYAAS SYLSLTPEQW KSHRSYSCQV 200
THEGSTVEKT	VAPTECS	217

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-95 148-204 262-322 368-426
22"-95" 148"-204" 262"-322" 368"-426"
Intra-L (C23-C104) 22'-90' 139'-198'
22'''-90''' 139'''-198'''
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 135-216' 135"-216"
Inter-H-H (h 8, h 11) 227-227" 230-230"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprollyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
L VL V-LAMBDA Q1: 1', 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 298, 298"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

insulinum eflivetum #
insulin eflivet

Canis familiaris insulin (Uniprot: P01321) B chain fragment (1-26), variant (Y^{B16}>A¹⁶, F^{B25}>H²⁵, B27TPKA^{B30}>del) fused via peptide linker ²⁷GGGGGGSGGGG³⁷ to *Canis familiaris* insulin A chain fragment (38-57 in the current sequence), variant (I^{A10}>T⁴⁷, Y^{A14}>D⁵¹, N^{A30}>del) fused at the C-terminus via peptide linker ⁵⁸GGGGGQGGGQGGGGQGGGGG⁷⁸ to a canine immunoglobulin G2 (IGHG2) Fc fragment (h-CH2-CH3-CHS domains) (79-302) [*Canis familiaris* IGHG2*02 (hinge VPKRENGRVPRPP⁷⁸⁻⁷⁹>del (79-84), CH2 (85-194), CH3 N¹⁵¹>S (195-301), CH3 K³⁰³>del (302))], dimer (80-80', 83-83')-bisdisulfide; produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-M cells, not glycosylated *hypoglycaemic (veterinary)*

insuline eflivet

fragment de la chaîne B de l'insuline de *Canis familiaris* (Uniprot: P01321) (1-26), variant (Y^{B16}>A¹⁶, F^{B25}>H²⁵, B27TPKA^{B30}>dél) fusionné via le coupleur peptidique ²⁷GGGGGGSGGGG³⁷ au fragment de la chaîne A de l'insuline de *Canis familiaris* (38-57 dans la séquence actuelle), variant (I^{A10}>T⁴⁷, Y^{A14}>D⁵¹, N^{A30}>dél) fusionné à l'extrémité C-terminale via le coupleur peptidique ⁵⁸GGGGGQGGGQGGGGQGGGGG⁷⁸ à un fragment Fc d'immunoglobuline canine G2 (IGHG2) (domaines h-CH2-CH3-CHS) (79-302) [*Canis familiaris* IGHG2*02 (charnière VPKRENGRVPRPP⁷⁸⁻⁷⁹>dél (79-84), CH2 (85-194), CH3 N¹⁵¹>S (195-301), CH3 K³⁰³>dél (302))], dimère (80-80', 83-83')-bisdisulfure; produit dans des cellules d'ovaire de

	hamster chinoise (CHO), lignée cellulaire CHO-M, non glycosylé <i>hypoglycémiant (vétérinaire)</i>
insulina effivet	fragmento de la cadena B de insulina de <i>Canis familiaris</i> (Uniprot: P01321) (1-26), variante (Y ^{B16} >A ¹⁶ , F ^{B25} >H ²⁵ , B27TPKA ^{B30} >del) fusionada a través del enlace peptídico ²⁷ GGGGGGSGGGG ³⁷ al fragmento de la cadena A de insulina de <i>Canis familiaris</i> (38-57 en la secuencia actual), variante (I ^{A10} >T ⁴⁷ , Y ^{A14} >D ⁵¹ , N ^{A30} >del) fusionada en el extremo C a través del enlace peptídico ⁵⁸ GGGGGQGGGGQGGGGQGGGGG ⁷⁸ a un fragmento Fc de inmunoglobulina canina G2 (IGHG2) (dominios h-CH2-CH3-CHS) (79-302) [<i>Canis familiaris</i> IGHG2*02 (bisagra VPKRENGRVPRPP ⁷⁸⁻⁷⁹ >del (79-84), CH2 (85-194), CH3 N ¹⁵¹ >S (195-301), CH3 K303>del (302))], (80-80', 83-83')-bisdisulfuro dimérico; producido en células de ovario de hámster chino (CHO), línea celular CHO-M, no glicosilado <i>hipoglucemiante (uso veterinario)</i>
	3008610-18-9
	Sequence / Séquence / Secuencia FVNQHLCGSH LVEALALVCG ERGFHYGGGG GSGGGGGIV EQCCTSTCSL 50 DQLENYCGGG GGGGGGGGGG GGGGGGGGDC PKCPAPEMLG GPSVFIFPPK 100 PKDTLLIART PEVTCVVVDL DPEDPEVQIS WFDGKQMQT AKTQPREEQF 150 SGTYRVVSVL PIGHQDWLKG KQFTCKVNNK ALPSPIERTI SKARGQAHQP 200 SVYVLPSPRE ELSKNTVSLT CLIKDFPPD IDVEWQSNQG QEPESKYRTT 250 PFQLDEDEGSY FLYSKLSVDK SRWQRGDTFI CAVMHEALHN HYTQESLSHS 300 EG 302
	Mutation / Mutation / Mutación Insulin: Y ^{B16} >A ¹⁶ , F ^{B25} >H ²⁵ , B27TPKA ^{B30} >del, I ^{A10} >T ⁴⁷ , Y ^{A14} >D ⁵¹ , N ^{A30} >del IGHG2: VPKRENGRVPRPP ⁷⁸⁻⁷⁹ >del, N ¹⁵¹ >S, K ³⁰³ >del
	Peptide linker / Peptide liant / Péptido de unión ²⁷ GGGGGGSGGGG ³⁷ , ⁵⁸ GGGGGQGGGGQGGGGQGGGGG ⁷⁸
	Post-translational modifications Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro Intra-chain insulin B→A: 7-44, 19-57; intra-insulin A: 43-48; Fc: 115-175, 221-281; insulin B'→A': 7'-44', 19'-57'; intra-insulin A': 43'-48'; Fc': 115'-175', 221'-281'; Inter-chain Fc-Fc': 80-80', 83-83'
	N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación none / aucun / ninguna (N ¹⁵¹ >S)

invobenitugum # invobenitug	immunoglobulin G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> DPP3 (dipeptidyl peptidase 3) linear epitope (I)NPETGEQIQ, humanized monoclonal antibody; H-gamma1 heavy chain humanized (1-445) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV2-5*01 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT[10.7.8] (26-35.53-59.98-105)) (1-116) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*01 (100%) G1m17.1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (213) (117-214), hinge 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS K2>del (445)) (117-445)], (219-219')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-219') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV2D-29*02 (91.0%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimer (225-225'':228-228'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-DG44, glycoform alfa <i>cardiovascular</i>
--------------------------------	--

invobénitug

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* DPP3 (dipeptidyl peptidase 3) építópe linéaire (I)NPETGEQIQ; anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-5*01 (89.8%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [10.7.8] (26-35.53-59.98-105)) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (213) (117-214), charnière 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS K2>del (445)) (117-445)], (219-219')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2D-29*02 (91.0%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-DG44, glycoforme alfa *cardiovasculaire*

invobenitug

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* DPP3 (dipeptidil peptidasa 3) epítópe linear (I)NPETGEQIQ; anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-5*01 (89.8%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [10.7.8] (26-35.53-59.98-105)) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (213) (117-214), bisagra 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS K2>del (445)) (117-445)], (219-219')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2D-29*02 (91.0%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamster chino (CHO), línea celular CHO-DG44, forma glicosilada alfa *cardiovascular*

3034173-09-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H⁺)
QITLKESGPT LVKPTQTLTL TCTFSGSFSL TSGMSVGVIR QPPGKALEWL 50
AHIWWDNKS YNPALKSRLT ITRDTSKNQV VLTMTNMDPV DTGTYYCARN 100
YSYDYWGQGT LVTVSSASTK GPSVFPLAPS SKSTSGGTAA LGCLVKDYFP 150
EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVVTVPSS SLGTQTYICN 200
VNHKPSNTKV DKKVEPKSCD KTHTCPPCPA PELLGGPSPV LFPPKPKDTL 250
MISRTPEYTC VVVDVSHEDP EVKENWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR 300
VVSVLTLHQ DWLNGKEYKC KVSNKALPAP IEKTIKAKG QPREPOVYTL 350
PPSRDELTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTTFPVLDS 400
GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCSVMEHA LHNHYTQKSL SLSPG 445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L⁺)
DIYMTQTPLS LSVTPGQPAS ISCKSSRSLV HSIIGSTLYLW YLQKPGQSPQ 50
LLIYKVSNRF SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDGV YYCSQSTHVP 100
WTFGGGKVE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSSTYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNRGEC 219

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-97 143-199 260-320 366-424
22"-97" 143"-199" 260"-320" 366"-424"
Intra-L (C23-C104) 23"-93" 139"-199"
23"-93" 139"-199"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 219-219' 219"-219"
Inter-H-H (h 11, h 14) 225-225" 228-228"

N-terminal glutaminylation / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q = pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxopropyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxopropililo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H VH N64: 58, 58"
Aglycosylated / aglycosylé / aglicosilado
H VH N107: 100, 100"
High-mannose glycans
H CH2 N84.4: 296, 296"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

ipsoprubartum #
ipsoprubart

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SIRPA (signal regulatory protein alpha, SHPS1, protein tyrosine phosphatase non-receptor type substrate 1, PTPNS1, SIRP, SIRP alpha, CD172a)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-4*02 (100%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [9.7.11] (26-34.52-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17, 1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 3-G1v13 CH2 A1.1, D3, E117 (CH1 K120 (215), V121>A (216) (119-215), hinge 1-15 (216-231), CH2 G1.1>A (237), S3>D (240), I117>E (333) (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-219')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (96.0%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa immunosuppressor

ipsoprubart

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SIRPA (protéine alpha régulatrice du signal, SHPS1, substrat 1 de protéine tyrosine phosphatase de type non-récepteur, PTPNS1, SIRP, SIRP alpha, CD172a)]; anticorps monoclonal *Homo sapiens* ; chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-4*02 (100%) -(IGHD) - IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [9.7.11] (26-34.52-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 3-G1v13 CH2 A1.1, D3, E117 (CH1 K120 (215), V121>A (216) (119-215), charnière 1-15 (216-231), CH2 G1.1>A (237), S3>D (240), I117>E (333) (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-219')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (96.0%) -IGKJ1*01 (100%), CDR -IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102'')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimère (227-227'':230-230'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
immunosuppressant

ipsoprubart

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SIRPA (proteína reguladora de la señal alfa, SHPS1, sustrato 1 de proteína tirosina fosfatasa de tipo no receptor, PTPNS1, SIRP, SIRP alfa, CD172a)]; anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-4*02 (100%) -(IGHD) - IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [9.7.11] (26-34.52-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 3-G1v13 CH2 A1.1, D3, E117 (CH1 K120 (215), V121>A (216) (119-215), bisagra1-15 (216-231), CH2 G1.1>A (237), S3>D (240), I117>E (333) (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-219')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (96.0%) -IGKJ1*01 (100%), CDR -IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102'')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dímero (227-227'':230-230'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
inmunosupresor

3035552-25-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H")
QVQLQESGPG LVKPSGTLSL TCAVSGGSIS SSNWWSWVRQ PPGKGLEWIG 50
EIYHSGSTNY NPSLKSRVTI SVDKSKNQFS LKLSSTVTAAD TAVYYCARRG 100
IWFGVGPWGQ GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTYSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVTVTP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKKAEPKS CDKTHTCPPC PAPELLAGPD VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPVEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGEVHNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APEEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSRDELTK KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPPVL 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNNHYTKQ SLSLSPGK 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L")
DIVMTQSPLS LPVTPGEPAS ISCRSSQSLL HGNGFNLDW YLQKPGQSPQ 50
LLIYLGSNRA SGVPDRFTGS GSGTDFTLKI SRVEADVGV YYCMQGLQTP 100
RTFGQGTKEV IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDYSTSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426
22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'
23"-93" 139"-199"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-219' 221"-219"
Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxopropyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 298, 298"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 448, 448"

irafamdastatum
irafamdastat

5-carbamoylpyridin-3-yl (2*R*)-2-methyl-4-[[3-(trifluoromethoxy)phenyl]methyl]piperazine-1-carboxylate
fatty acid amide hydrolase and monoacylglycerol lipase inhibitor, antiepileptic

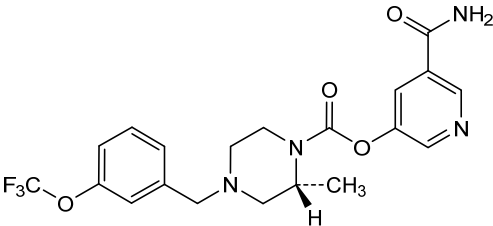
irafamdastat

(2*R*)-2-méthyl-4-[[[3-(trifluorométhoxy)phényl]méthyl]pipérazine-1-carboxylate de 5-carbamoylpyridin-3-yle
inhibiteur de l'hydrolase d'amide d'acide gras et de la monoacylglycéról lipase, antiépileptique

irafamdastat

(2*R*)-2-metil-4-[[[3-(trifluorometoxi)fenil]metil]piperazina-1-carboxilato de 5-carbamoilpiridin-3-ilo
inhibidor de la hidrolasa amida de ácidos grasos y la monoacilglicerol lipasa, antiepiléptico

C₂₀H₂₁F₃N₄O₄ 2244136-58-9



isupartobum natricum

isupartob sodium

sodium salt of heparin, fraction with low anticoagulant activity obtained by affinity chromatography with immobilized antithrombin for removal of molecules with anticoagulant activity
anti-inflammatory

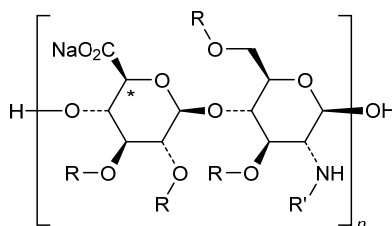
isupartob sodique

sel sodique d'héparine, fraction à faible activité anticoagulante obtenue par chromatographie d'affinité avec antithrombine immobilisée pour l'élimination des molécules à activité anticoagulante
anti-inflammatoire

isupartob sódico

sal sódica de heparina, fracción con baja actividad anticoagulante obtenida por cromatografía de afinidad con antitrombina inmovilizada para la eliminación de moléculas con actividad anticoagulante
antiinflamatorio

$[C_{12}H_{13}NaNO_{10}(NaO_3S)_xH_{5-x}]_n(H_2O)_x$, 3005945-94-5
 $x \approx 2.3$, $M_n \approx 13$ kDa (14-19 kDa: ~30%)



R : -H, -SO₃Na

R' : -H, -COCH₃, -SO₃Na

and epimer at C*

et l'épimère en C*

y el epímero en C*

ivatmeranum #

ivatmeran

messenger RNA (mRNA), 5'(m⁷G-(5'→5')-ppp-Gm)-capped, encoding codon-optimised human propionyl-CoA carboxylase subunit beta (PCCB), flanked by 5' and 3' untranslated regions (UTR) followed by a 3' polyadenylation (polyA) tail and concluded by a 5-nucleotide *Xba*I scar. The 3' UTR contains three microRNA-142 (miR-142) binding sites. Contains N¹-methylpseudouridine instead of uridine (*all-U>m¹Ψ*)
enzyme replacement therapy (propionic acidemia)

ivatmérán

ARN messenger (ARNm), coiffé en 5'(m⁷G-(5'→5')-ppp-Gm), codant la sous-unité bêta de la propionyl-CoA carboxylase humaine (PCCB) optimisée en termes de codons, flanqué de régions non traduites (UTR) en 5' et 3', suivies d'une queue de polyadénylation (polyA) en 3' et terminées par une cicatrice *Xba*I de 5 nucléotides. L'UTR en 3' contient trois sites de liaison au microARN-142 (miR-142). Contient de la N¹-méthylpseudouridine au lieu de l'uridine (*tout-U>m¹Ψ*)
thérapie enzymatique substitutive (acidémie propionique)

ivatmerán

ARN mensajero (ARNm), protegido con la caperuza 5'(m⁷G-(5'→5')-ppp-Gm), que codifica, con codones optimizados, la subunidad beta de la propionil-CoA carboxilasa (PCCB), flanqueado por regiones sin traducir (UTR) 5' y 3' seguido de una cola de poliadenilación (poliA) en 3' y concluido con una cicatriz XbaI de 5 nucleótidos. La 3' UTR contiene tres sitios de unión del microARN-142 (miR-142). Contiene N¹-metilpseudouridina en lugar de uridina (*todo-U>m¹Ψ*)
terapia de reemplazo enzimática (acidemia propiónica)

2924631-87-6

izicopanum

izicopan

(2*R*,3*S*,5*R*)-2-[4-(cyclopentylamino)phenyl]-1-(2,6-difluorobenzoyl)-*N*-[4-methyl-3-(trifluoromethyl)phenyl]-5-(trifluoromethyl)piperidine-3-carboxamide
complement factor C5a receptor antagonist

izicopan

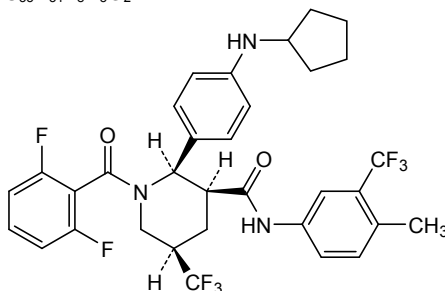
(2*R*,3*S*,5*R*)-2-[4-(cyclopentylamino)phényl]-1-(2,6-difluorobenzoyl)-*N*-[4-méthyl-3-(trifluorométhyl)phényl]-5-(trifluorométhyl)pipéridine-3-carboxamide
antagoniste du récepteur du facteur C5a du complément

izicopán

(2*R*,3*S*,5*R*)-2-[4-(ciclopentilamino)fenil]-1-(2,6-difluorobenzoil)-*N*-[4-metil-3-(trifluorometil)fenil]-5-(trifluorometil)piperidina-3-carboxamida
antagonista del receptor del factor C5a del complemento

C₃₃H₃₁F₈N₃O₂

2489430-53-5



lapiteronelum

lapiteronel

1-(2-chloropyridin-4-yl)-3-(4-methylpyridin-3-yl)imidazolidin-2-one
antiandrogen, antineoplastic

lapitéronel

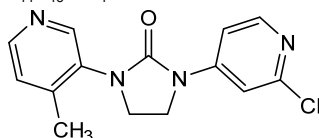
1-(2-chloropyridin-4-yl)-3-(4-méthylpyridin-3-yl)imidazolidin-2-one
antiandrogène, antinéoplasique

lapiteronel

1-(2-cloropiridin-4-il)-3-(4-metilpiridin-3-il)imidazolidin-2-ona
antiandrógeno, antineoplásico

C₁₄H₁₃ClN₄O

1260006-20-9



latacibartum #
latacibart

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PROS1 (protein S, vitamin K-dependent protein S)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
H-gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-443) [VH (*Homo sapiens*IGHV4-4*02 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [9.7.9] (26-34.52-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens*IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 6-G4v3 CH2 E1.2, 9-G4v24 CH3 L107, S114 (CH1 (117-214), hinge 1-12 S10>P (224) (215-226), CH2 L1.2>E (231), L92 (305) (227-336), CH3 M107>L (424), N114>S (430) (337-441), CHS (442-443)) (117-443)], (130-213')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-15*01 (96.8%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.8] (27'-32'.50'-52'.89'-96')) (1'-106') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (152'), V101 (190')) (107'-213')]; dimer (222-222":225-225")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
protein S inhibitor, procoagulant

latacibart

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PROS1 (protéine S, protéine S dépendante de la vitamine K)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde H-gamma4 *Homo sapiens* (1-443) [VH (*Homo sapiens*IGHV4-4*02 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [9.7.9] (26-34.52-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens*IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 6-G4v3 CH2 E1.2, 9-G4v24 CH3 L107, S114 (CH1 (117-214), charnière 1-12 S10>P (224) (215-226), CH2 L1.2>E (231), L92 (305) (227-336), CH3 M107>L (424), N114>S (430) (337-441), CHS (442-443)) (117-443)], (130-213')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-15*01 (96.8%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.8] (27'-32'.50'-52'.89'-96')) (1'-106') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (152'), V101 (190')) (107'-213')]; dimère (222-222":225-225")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
inhibiteur de la protéine S, procoagulant

latacibart

immunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PROS1 (proteína S, proteína S dependiente de la vitamina K)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada H-gamma4 *Homo sapiens* (1-443) [VH (*Homo sapiens*IGHV4-4*02 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [9.7.9] (26-34.52-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens*IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 6-G4v3 CH2 E1.2, 9-G4v24 CH3 L107, S114 (CH1 (117-214), bisagra 1-12 S10>P (224) (215-226), CH2 L1.2>E (231), L92 (305) (227-336), CH3 M107>L (424), N114>S (430) (337-441), CHS (442-443)) (117-443)], (130-213')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-15*01 (96.8%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.8] (27'-32'.50'-52'.89'-96')) (1'-106') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (152'), V101 (190')) (107'-213')]; dímero (222-222":225-225")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
inhibidor de la proteína S, procoagulante

3036400-21-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H")
QVQLQESGPG LVKPSSETLSL TCGVSGGSIS STNWWSWVRQ PPGKGLEWIG 50
EITYTGSTDY DPSLKSRVTI SIDKSKNQFS LKLYSVTAAD TAVYYCARRF 100
GELDYWGQGT LVTGSSASTK GPSVFPLAPC SRSTSESTAA LGCLVKDYFP 150
EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVTVTPSS SLGKTITYCN 200
VDHKPSNTKV DKRVESKYGP PCPPCPAPEF EGGPSVFLFP PKPKDTLMIS 250
RTPVETCVVV DVSQEDPEVQ FNWYVDGVEV HNAKTKPREE QFNSTYRVVS 300
VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKGLPSSIEK TISKAKGQPR EPQVYTLFPS 350
QEEMTKNQVS LTCLVKGFYP SDIAVEWESN GQPENNYKTT PPVLDSDGSF 400
FLYSRLTVDK SRWQEGNVFS CSVLHEALHS HYTKQKLSLS LGK 443

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L")
EIVMTQSPAT LSVSPGERAT LSCRASQSVT SNLAWYQQKP GQAPRLLIYD 50
ASTRATGIPA RFGSGSGSTE FTLTISSLQS EDFAIYYCQQ YNNWPTFGQG 100
TRLAIKRTVA APSVFIFFPS DEQLKSGTAS VVCLLNNFYF REAKVQWKVD 150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYSLSSTLTLL SKADYEKHKV YACEVTHQGL 200
SSPVTKSFNR GEC 213

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 143-199 257-317 363-421
22"-96" 143"-199" 257"-317" 363"-421"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 133'-193'
23"'-88"" 133"'-193""
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 130-213' 130"-213"
Inter-H-H (h 8, h 11) 222-222" 225-225"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 293, 293"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 443, 443"

lazatatugum #
lazatatug

immunoglobulin E-kappa, anti-[*Homo sapiens* FOLR1 (folate receptor 1, folate receptor alpha, FR-alpha, adult folate-binding protein, FBP, ovarian tumor-associated antigen MOv18)], chimeric monoclonal antibody;
H-epsilon heavy chain chimeric (1-549) [VH (*Mus musculus* IGHV1-81*01 (89.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHE*01 (100%) (CH1 (122-224), CH2 (225-331), CH3 (332-439), CH4 (440-547), CHS (548-549)) (122-549)], (135-214')-disulfide with L-kappa light chain chimeric (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV10-96*02 (93.7%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97'')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191'')) (108'-214')]; dimer (242-330":242"-330)-bisdisulfide, produced in SP2/0-Ag14 murine myeloma cell line, glycoform alfa
antineoplastic

lazatatug

immunoglobuline E-kappa, anti-[*Homo sapiens* FOLR1 (récepteur 1 du folate, récepteur alpha du folate, FR-alpha, protéine de l'adulte liant le folate, FBP, antigène MOv18 associé à des tumeurs ovariennes)]; anticorps monoclonal chimérique;
chaîne lourde H-epsilon chimérique (1-549) [VH (*Mus musculus* IGHV1-81*01 (89.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHE*01 (100%) (CH1 (122-224), CH2 (225-331),

CH3 (332-439), CH4 (440-547), CHS (548-549)) (122-549)], (135-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa chimérique (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV10-96*02 (93.7%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97'')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]]; dimère (242-330":242"-330)-bisdisulfure, produite dans la lignée cellulaire de myélome murin SP2/0-Ag14, glycoforme alfa *antineoplasique*

lazatatug inmuoglobulina E-kappa, anti-[*Homo sapiens* FOLR1 (receptor 1 del folato, receptor alfa del folato, FR-alfa, proteína transportadora de folato adulta, FBP, antígeno MOv18 asociado con tumores ováricos)]; anticuerpo monoclonal quimérico; cadena pesada H-épsilon quimérica (1-549) [VH (*Mus musculus* IGHV1-81*01 (89.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHE*01 (100%) (CH1 (122-224), CH2 (225-331), CH3 (332-439), CH4 (440-547), CHS (548-549)) (122-549)], (135-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa quimérica (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV10-96*02 (93.7%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97'')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]]; dímero (242-330":242"-330)-bisdisulfuro, producido en la línea celular de mieloma murino SP2/0-Ag14, forma glicosilada alfa *antineoplásico*

3035565-36-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H⁺)
QVQLQSGAE LARPGASVKL SCKASDYIFT NYDITWVKQR PGQGLEWIGE 50
IDPRSGKSYI NEKFKGKSTL TADKSSSTAY MELRSLTSED SAVYFCATHY 100
YYGSSPPMDY WQGTSTSVTS SASTQSPSVF PLTRCCKNIP SNATSVTLGC 150
LATGYFPEPV MVTWDTGSLN GTTMTLPATT LTLSGHYATI SLLTVSGAWA 200
KQMFTRCAVH TPSSDWDVDN KTFESVCSRDF TPPTVKILQS SCDGGGHFPF 250
TIQLLCLVSG YTPGTINITW LEDGQVMDVD LSTASTTQEG ELASTQSELT 300
LSQKHWSLDR TYTCQVITYQG HTFEDSTKKC ADSNPRGWSA YLSRPSFDL 350
FIRKSPITIC LVVDLAPSKG TVNLWTSRAS GKPVNHSTRK EEKQRNGTLT 400
VTSTLPVGRD DWIEGETYQC RVTHPHLPRA LMRSTTKTSG PRAAPEVYAF 450
ATPEWPGSRD KRTLACLQIN FMPEDISVQW LHNEVQLPDA RHSTTQPRKT 500
KGSFGFVFSR LEVTRAEWEQ KDEFICRAVH EAASPSQTVQ RAVSVNPGK 549

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L⁺)
DIQMTQTSS LSASLGDRVT ISCRASQDIN NFLNMYQKPK DGTVKLLIYY 50
TSRLHSGVPS RFSGSGSGTD YSLTIINLEQ EDIAIFYCQQ SSTIPRTFGG 100
GTKLEIKRTV AAPSVMFIPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 150-206 256-314 360-420 466-526
22"-96" 150"-206" 256"-314" 360"-420" 466"-526"
Intra-H (CH1 11-CH2 1.6) 136-226
136"-226"
Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194'
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 135-214' 135"-214"
Inter-H-H (CH2 11-CH2 124) 242-330" 242"-330"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolinyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
(% : site occupancy / occupation du site / ocupación del sitio)
H CH1 N15.2: 142, 142"; N45.2, 170, 170" (100%); N118: 220, 220" (58%)
H CH2 N38: 267, 267" (14%)
H CH3 N38: 373, 373" (26%); N77: 385, 385" (0%); N84.4: 396, 396" (99%)
25% of high mannose glycans and 72% of Sp2/0-type complex glycans (sialylated or with alpha-Gal) / 25% de glycanes riches en mannose et 72% de glycanes complexes de type Sp2/0 (sialylés ou avec alpha-Gal) / 25% de glicanos de tipo alto en manosa y 72% de glicanos de tipo complejo Sp2/0 (sialilados o con alfa-Gal)

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 549, 549"

Iecomkafuspum alfa#

Iecomkafusp alfa human interleukin-2 (IL-2, IL2; Uniprot: P60568) (1-133), fused via a protease cleavable peptide linker ¹³⁴SGGPALFKSSFPPGS¹⁴⁸ to a humanized single-domain VHH fragment anti-(human albumin, serum albumin, HSA (ALB)) (149-263) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 -(IGHD) -IGHJ4*01, CDR-Kabat [5.17.6] (179-183. 198-214. 247-252))], fused at the C-terminus via peptide linker ²⁶⁴(G₄S)₆SGGPALFKSSFPPGS³⁰⁸ to humanized immunoglobulin G1-kappa antigen-binding (Fab) fragment anti-(human interleukin-2, IL-2, T-cell growth factor, TCGF (IL2)) (309-528) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-48*01 -(IGHD) -IGHJ3*01, CDR-Kabat [5.16.9] (339-343. 358-373. 406-414)) (309-425) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (CH1 (426-523), hinge DKTHTCPPCP 529>del (524-528))]-disulfide with humanized kappa light chain anti-(human interleukin-2, IL-2, T-cell growth factor, TCGF (IL2)) (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1D-16*02 -IGKJ4*01, CDR-Kabat [11.7.9] (24'-34'.50'-56'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (108'-214')]; dimer (528-214')-disulfide; produced Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1SV GS-KO, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

lécomkafusp alfa interleukine-2 humaine (IL-2, IL2; Uniprot: P60568) (1-133), fusionnée via un coupleur peptidique clivable par protéase ¹³⁴SGGPALFKSSFPPGS¹⁴⁸ à un fragment VHH humanisé à domaine unique anti-(albumine humaine, albumine sérique, HSA (ALB)) (149-263) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 -(IGHD) -IGHJ4*01, CDR-Kabat [5.17.6] (179-183. 198-214. 247-252))], fusionnée à l'extrémité C-terminale via un coupleur peptidique ²⁶⁴(G₄S)₆SGGPALFKSSFPPGS³⁰⁸ à un fragment Fab (antigène-liaison) d'immunoglobuline G1-kappa humanisé anti-(interleukine-2 humaine, IL-2, facteur de croissance des cellules T, TCGF (IL2)) (309-528) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-48*01 -(IGHD) -IGHJ3*01, CDR-Kabat [5.16.9] (339-343. 358-373. 406-414)) (309-425) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (CH1 (426-523), charnière DKTHTCPPCP 529>del (524-528))]-disulfure avec chaîne légère kappa humanisée anti-(interleukine-2 humaine, IL-2, facteur de croissance des cellules T, TCGF (IL2)) (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1D-16*02 -IGKJ4*01, CDR-Kabat [11.7.9] (24'-34'.50'-56'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (108'-214')]; dimère (528-214')-disulfure; cellules d'ovaire de hamster chinois (CHO) produites, lignée cellulaire CHO-K1SV GS-KO, glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

Iecomkafusp alfa interleukina-2 humana (IL-2, IL2; Uniprot: P60568) (1-133), fusionada a través de un enlace peptídico escindible por proteasa ¹³⁴SGGPALFKSSFPPGS¹⁴⁸ a un fragmento VHH humanizado de dominio único anti-(albúmina humana, albúmina sérica, HSA (ALB)) (149-263) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 -(IGHD) -IGHJ4*01, CDR-Kabat [5.17.6] (179-183, 198-214, 247-252))], fusionada en el extremo C a través del enlace peptídico ²⁶⁴(G₄S)₆SGGPALFKSSFPPGS³⁰⁸ al fragmento de unión al antígeno (Fab) de inmunoglobulina G1-kappa humanizado anti-(interleukina-2 humana, IL-2, factor de crecimiento de células T, TCGF (IL2)) (309-528) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-48*01 -(IGHD) -IGHJ3*01, CDR-Kabat [5.16.9] (339-343, 358-373, 406-414)) (309-425) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (CH1 (426-523), bisagra DKTHTCPPCP 529>del (524-528))]-disulfuro con cadena ligera kappa humanizada anti-(interleukina-2 humana, IL-2, factor de crecimiento de células T, TCGF (IL2)) (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1D-16*02 -IGKJ4*01, CDR-Kabat [11.7.9] (24'-34'.50'-56'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (108'-214')]; dímero (528-214')-disulfuro; producido a partir de células de ovario de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1SV GS-KO, glicoforma alfa
immunomodulador, antineoplásico

3037532-60-5

Sequence / Séquence / Secuencia		
Chain / Chaîne / Cadena		
APTSSTKKT	QLQLEHLLLD	LQMILNGINN YKNPKLTRML TFKFYMPKKA 50
TELKHLQCLE	EELKPLEEVL	NLAQSKNFHL RPRDLISNIN VIVLELKGSE 100
TTFMCEYADE	TATIVEFLNR	WITFCQSIIS TLTSGGPALF KSSFPPGSEV 150
QLVESGGGLV	QPGNSLRISC	AASGFTFSKF GMSWVRQAPG KGLEWVSSIS 200
GSGRDITLYAE	SVKGRFTISR	DNAKTITLYLQ MNSLRPEDTA VYYCTIGGSL 250
SVSSQGTIVT	VSSGGGGSGG	GGSGGGGSGG GGSGGGGSGG GGSSGGPALF 300
KSSFPPGSEV	QLVESGGGLV	QPGGSLRLSC AASGFTFSSY TLAWVRQAPG 350
KGLEWVAID	SSSYTYSPDT	VRGRFTISRDN AKNSLYLQM NSLRAEDTAV 400
YYCARDNWD	ALDYWGQGT	VTSSASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAL 450
GCLVKDYFPE	PVTVSWNSGA	LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVFSSS 500
LGTQTYICNV	NHKPSNTKVD	KRVEPKSC 528

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera		
DIQMTQSPSS	LSASVGDRVIT	ITCKAREKLW SAVAWYQQKP GKAPKSLIYS 50
ASFRYSGVPS	RFGSGSGGTD	FTLTISLQPEDFATYYCQQ YYTYPYTFGG 100
GTKVEIKRTV	AAPSVFIFPP	SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ	ESVTEQDSKD	STYSLSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN	RGEC	214

Peptide linker / Peptide liant / Péptido de unión
¹³⁴SGGPALFKSSFPPG¹⁴⁸, ²⁶⁴(G₄S)₆SGGPALFKSSFPPG³⁰⁸

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-chain heavy chain (H): 58-105, 170-244, 330-403, 452-508, C125 free cysteine
light chain (L): 23'-88', 134'-194'
Inter-chain (H-L): 528-214'

O-glycosylation sites / Sites de O-glycosylation / Posiciones de O-glicosilación
T3 (predicted)

ledasorextonum
ledasorexton

(2*R*)-2-cyclopropyl-2-((1*R*,3*S*,5*S*)-3-[(3*S*,4*R*)-1-(5-fluoropyrimidin-2-yl)-3-methoxypiperidin-4-yl]-8-azabicyclo[3.2.1]octan-8-yl)acetamide
orexin 2 receptor agonist

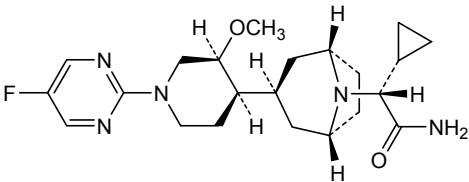
lédasorexton

(2*R*)-2-cyclopropyl-2-((1*R*,3*S*,5*S*)-3-[(3*S*,4*R*)-1-(5-fluoropyrimidin-2-yl)-3-méthoxypipéridin-4-yl]-8-azabicyclo[3.2.1]octan-8-yl)acétamide
agoniste du récepteur de l'orexine 2

ledasorexton

(2*R*)-2-ciclopropil-2-((1*R*,3*S*,5*S*)-3-[(3*S*,4*R*)-1-(5-fluoropirimidin-2-il)-3-metoxipiperidin-4-il]-8-azabíciclo[3.2.1]octan-8-il)acetamida
agonista del receptor de la orexina 2

C₂₂H₃₂FN₅O₂ 2758363-88-9



lenacapavirum pacfosacilum

lenacapavir pacfosacil

[(1^{3b}S, 1^{4a}R, 5S)-7⁴-chloro-5-[(3,5-difluorophenyl)méthyl]-1⁵, 1⁵-difluoro-8-(méthanesulfonyl)-6⁶-[3-(méthanesulfonyl)-3-méthylbut-1-yn-1-yl]-11, 11, 12⁴-triméthyl-3,9-dioxo-12⁶-(phosphonooxy)-7¹-(2,2,2-trifluoroéthyl)-1³-(trifluorométhyl)-1^{3b}, 1⁴, 1^{4a}, 1⁵-tétrahydro-7¹H-4,8-diaza-1(1)-cyclopropa[3,4]cyclopenta[1,2-c]pyrazola-7(7,3)-indazola-6(2,3)-pyridina-12(1)-benzenadodécaphan-12²-yl]acétique acid
viral capsid and nucleocapsid inhibitor, antiviral

lénacavir pacfosacil

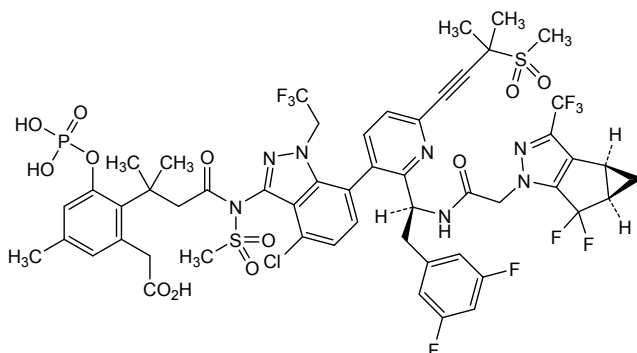
acide [(1^{3b}S, 1^{4a}R, 5S)-7⁴-chloro-5-[(3,5-difluorophényl)méthyl]-1⁵, 1⁵-difluoro-8-(méthanesulfonyl)-6⁶-[3-(méthanesulfonyl)-3-méthylbut-1-yn-1-yl]-11, 11, 12⁴-triméthyl-3,9-dioxo-12⁶-(phosphonooxy)-7¹-(2,2,2-trifluoroéthyl)-1³-(trifluorométhyl)-1^{3b}, 1⁴, 1^{4a}, 1⁵-tétrahydro-7¹H-4,8-diaza-1(1)-cyclopropa[3,4]cyclopenta[1,2-c]pyrazola-7(7,3)-indazola-6(2,3)-pyridina-12(1)-benzénadodécaphan-12²-yl]acétique
inhibiteur de la capside et de la nucléocapside virales, antiviral

lenacapavir pacfosacilo

ácido [(1^{3b}S, 1^{4a}R, 5S)-7⁴-cloro-5-[(3,5-difluorofenil)metil]-1⁵, 1⁵-difluoro-12⁶-(fosfonooxi)-8-(metanosulfonyl)-6⁶-[3-(metanosulfonyl)-3-metilbut-1-in-1-il]-11, 11, 12⁴-trimetil-3,9-dioxo-7¹-(2,2,2-trifluoroetil)-1³-(trifluorometil)-1^{3b}, 1⁴, 1^{4a}, 1⁵-tetrahidro-7¹H-4,8-diaza-1(1)-ciclopropa[3,4]ciclopenta[1,2-c]pirazola-7(7,3)-indazola-6(2,3)-piridina-12(1)-bencenadodecaphan-12²-il]acético
inhibidor de la cápside y nucleocápside viral, antiviral

C₅₃H₄₉ClF₁₀N₇O₁₂PS₂

2937414-47-4

**lenbelintidium**

lenbelintide

islet amyloid polypeptide (*Homo sapiens*) (IAPP, amylin, diabetes-associated peptide, DAP, insulinoma amyloid peptide), variant [V¹⁷>R, F²³>α-(CH₃)F, A²⁵>P, S²⁸>P, S²⁹>P, N³¹>E], N^{6.1}-[N-(17-carboxyheptadecanoyl)-L-γ-glutamyl-L-γ-glutamyl]-derivative; S², S⁷-cyclo{N⁶-[N-(17-carboxyheptadecanoyl)-L-γ-glutamyl-L-γ-glutamyl]-L-lysyl-L-cysteinyl-L-asparaginyl-L-threonyl-L-alanyl-L-threonyl-L-cysteinyl-L-alanyl-L-threonyl-L-glutamyl-L-arginyl-L-leucyl-L-alanyl-L-asparaginyl-L-phenylalanyl-L-leucyl-L-arginyl-L-histidyl-L-seryl-L-seryl-L-asparaginyl-L-asparaginyl-α-methyl-L-phenylalanylglycyl-L-prolyl-L-isoleucyl-L-leucyl-L-prolyl-L-prolyl-L-threonyl-L-α-glutamyl-L-valylglycyl-L-seryl-L-asparaginyl-L-threonyl-L-tyrosinamide}

dual amylin/calcitonin receptor agonist, obesity

lenbélintide

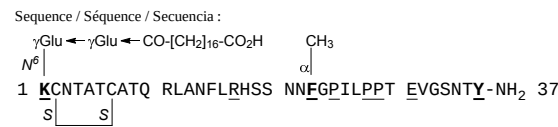
polypeptide amyloïde des îlots (*Homo sapiens*) (IAPP, amyline, peptide associé au diabète, DAP, peptide amyloïde de

lenbelintida

l'insulinome), variant [V¹⁷>R, F²³> α -(CH₃)F, A²⁵>P, S²⁸>P, S²⁹>P, N³¹>E], dérivé N^{6.1}-[N-(17-carboxyheptadécanoyl)-L- γ -glutamyl-L- γ -glutamyle]; S², S⁷-cyclo{N⁶-[N-(17-carboxyheptadécanoyl)-L- γ -glutamyl-L- γ -glutamyl]-L-lysyl-L-cystéinyl-L-asparaginyl-L-thréonil-L-alanyl-L-thréonil-L-cystéinyl-L-alanyl-L-thréonil-L-glutaminy-L-arginyl-L-leucyl-L-alanyl-L-asparaginyl-L-phénylalanil-L-leucyl-L-arginyl-L-histidyl-L-séryl-L-séryl-L-asparaginyl-L-asparaginyl- α -méthyl-L-phénylalanilglycyl-L-prolyl-L-isoleucyl-L-leucyl-L-prolyl-L-prolyl-L-thréonil-L- α -glutamyl-L-valylglycyl-L-séryl-L-asparaginyl-L-thréonil-L-tyrosinamide}
agoniste double du récepteur de l'amyline/calcitonine, obésité

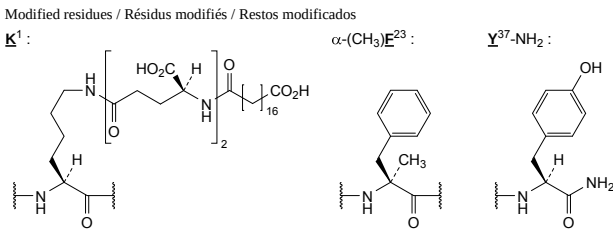
polipéptido amiloide de los islotes (*Homo sapiens*) (PPAI, IAPP, amilina, péptido asociado a la diabetes, DAP, péptido amiloide del insulinoma), variante [V¹⁷>R, F²³> α -(CH₃)F, A²⁵>P, S²⁸>P, S²⁹>P, N³¹>E], derivado N^{6.1}-[N-(17-carboxiheptadecanoil)-L- γ -glutamyl-L- γ -glutamilo]; S², S⁷-ciclo{N⁶-[N-(17-carboxiheptadecanoil)-L- γ -glutamyl-L- γ -glutamyl]-L-lisil-L-cisteinil-L-asparaginil-L-treonil-L-alanil-L-treonil-L-cisteinil-L-alanil-L-treonil-L-glutaminil-L-arginil-L-leucil-L-alanil-L-asparaginil-L-fenilalanil-L-leucil-L-arginil-L-histidil-L-seril-L-seril-L-asparaginil-L-asparaginil- α -metil-L-fenilalanilglicil-L-prolil-L-isoleucil-L-leucil-L-prolil-L-prolil-L-treonil-L- α -glutamyl-L-valilglicil-L-seril-L-asparaginil-L-treonil-L-tirosinamida}
agonista dual del receptor amilina/calcitonina, obesidad

C₂₀₂H₃₁₉N₅₅O₆₃S₂ 2793341-99-6



Aminoacyl replacements / Remplacements d'aminocyles / reemplazos de aminoacilos
V¹⁷>R, F²³> α -(CH₃)E, A²⁵>P, S²⁸>P, S²⁹>P, N³¹>E

Disulfide bridge location / Position du pont disulfure / Posición del puente disulfuro
C²-C⁷



lenipagrusinum alfa #
lenipagrusin alfa

Maackia amurensis seed lectin (seed leukoagglutinin; Uniprot P0DKL3) (1-258) natural variant (K⁴⁴>Q, L¹²⁸>F, A¹³³>G), homotetramer, purified from the seeds of the *Maackia amurensis* tree, glycoform alfa
antineoplastic

lénipagrusine alfa	lectine de graine de <i>Maackia amurensis</i> (leucoagglutinine de graine; Uniprot P0DKL3) (1-258) variante naturelle (K ⁴⁴ >Q, L ¹²⁸ >F, A ¹³³ >G), homotétramère, purifiée à partir des graines de l'arbre <i>Maackia amurensis</i> , glycoforme alfa <i>antinéoplasique</i>
lenipagrusina alfa	lectina de semilla de <i>Maackia amurensis</i> , (leucoagglutina de semilla; Uniprot P0DKL3) (1-258) variante natural (K ⁴⁴ >Q, L ¹²⁸ >F, A ¹³³ >G), homotetrámero, purificado a partir de las semillas del árbol <i>Maackia amurensis</i> , glicoforma alfa <i>antineoplásico</i>

3038720-27-0

Sequence / Séquence / Secuencia

```

SDELSFTINN FVPNEADLLF QGEASVSSSTG VLQLTRVENG QPQQYSVGRA 50
LYAAPVRIWD NTGGSVASFS TSFTFVVKAP NPDITSGLA FYLAPPDSQI 100
PSGSVSKYLG LFNNNSDSS NQIVAVEFDT YFGHSYDPWD PNYRHIGIDV 150
NGIESIKTVQ WDWINGGVAF ATITYLAPNK TLIASLVVPS NQTTFSVAAS 200
VDLKEILPEW VRVGFSATG YPTEVETHDV LWSFTSTLE ANCDAAATENN 250
VHIARYTA 258

```

Natural variant

K⁴⁴>Q, L¹²⁸>F, A¹³³>G

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Inter chain: 243-243', 243"-243'''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

N39, N61, N113, N165, N179, N191

lepetegravirum

lepetegravir

(1*S*,2*R*,5*S*,6*R*)-8-hydroxy-2,5-dimethyl-7,9-dioxo-*N*-[(2,4,6-trifluorophenyl)methyl]-2,5,7,9-tetrahydro-1,6-methanopyrido[1,2-*b*][1,2,5]triazonine-10-carboxamide
HIV integrase inhibitor, antiviral

lépétégravir

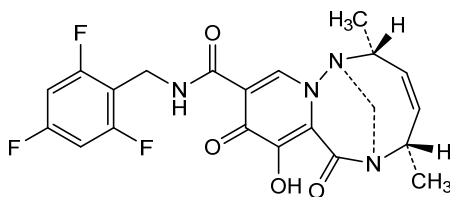
(1*S*,2*R*,5*S*,6*R*)-8-hydroxy-2,5-diméthyl-7,9-dioxo-*N*-[(2,4,6-trifluorophényl)méthyl]-2,5,7,9-tétrahydro-1,6-méthanopyrido[1,2-*b*][1,2,5]triazonine-10-carboxamide
Inhibiteur de l'intégrase du VIH, antiviral

lepetegravir

(1*S*,2*R*,5*S*,6*R*)-8-hidroxi,5-dimetil-7,9-dioxo-*N*-[(2,4,6-trifluorofenil)metil]-2,5,7,9-tetrahidro-1,6-metanopirido[1,2-*b*][1,2,5]triazonina-10-carboxamida
inhibidor de la integrasa VIH, antiviral

C₂₁H₁₉F₃N₄O₄

2808219-64-7



libenucgenum parvecum #
libenucgene parvec

recombinant non-replicating adeno-associated virus serotype rh79 (rAAVrh79) vector encoding a fusion protein comprising a simian virus 40 (SV40) nuclear localization signal (NLS) joined to an engineered meganuclease (M2PCSK9) targeting a specific 22-base pair sequence in exon 7 of the human proprotein convertase subtilisin/kexin type 9 (*PCSK9*) gene. Expression of the transgene is under the control of a human thyroxine binding globulin (TBG) promoter and two copies of an alpha 1-microglobulin/bikunin enhancer element, a Woodchuck hepatitis virus post-transcriptional regulatory element (WPRE) and a bovine growth hormone polyadenylation signal. The expression cassette is flanked by AAV2 inverted terminal repeats
gene therapy (meganuclease)

libénucgène parvec

vecteur recombinant non réplcatif du virus adéno-associé de sérotype rh79 (rAAVrh79) codant une protéine de fusion comprenant un signal de localisation nucléaire (NLS) du virus simien 40 (SV40) associé à une méganucléase modifiée (M2PCSK9) qui cible une séquence spécifique de 22 paires de bases dans l'exon 7 du gène de la proprotéine convertase subtilisine/kexine de type 9 (*PCSK9*). L'expression du transgène est contrôlée par un promoteur spécifique du foie de la globuline liant la thyroxine (TBG) humaine et deux copies d'un élément activateur de l'alpha-1-microglobuline/bikunine, d'un élément régulateur post-transcriptionnel du virus de l'hépatite de la marmotte (WPRE) et d'un signal de polyadénylation de l'hormone de croissance bovine. La cassette d'expression est flanquée de répétitions terminales inversées du gène AAV2
thérapie génique (méganucléase)

libenucgén parvec

vector de virus adenoasociado de serotopo rh79 recombinante (rAAVrh79), no replicativo que codifica una proteína de fusión que consta de una señal de localización nuclear (NLS) del virus simio 40 (SV40) unida a una meganucleasa diseñada (M2PCSK9) dirigida a una secuencia específica de 22 pares de bases en el exón 7 del gen de la subtilisina convertasa proproteína humana/kexina tipo 9 (*PCSK9*). La expresión del transgén está bajo el control de un promotor específico de hígado de la globulina de unión a tiroxina (TBG) humana y dos copias de un elemento potenciador de alfa 1 microglobulina/bikunina, un elemento regulador post-transcripcional del virus de la hepatitis de la marmota (WPRE) y una señal de poliadenilación de la hormona de crecimiento bovina. El casete de expresión está flanqueado por repeticiones terminales invertidas de AAV2
terapia génica (meganucleasa)

3044760-95-1

ligritinibum

ligritinib

3-methyl-6'-{5-[(7*S*)-7-(3-oxa-6-azabicyclo[3.1.1]heptan-6-yl)-6,7,8,9-tetrahydro-5*H*-benzo[7]annulen-2-yl]-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridin-3-yl}-2,3'-bipyridine
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

ligritinib

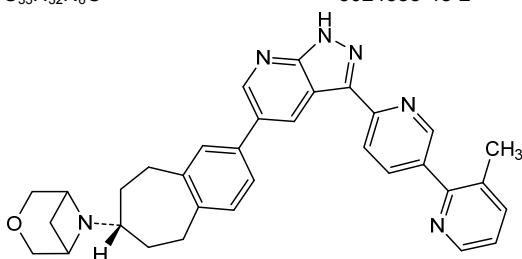
3-méthyl-6'-{5-[(7*S*)-7-(3-oxa-6-azabicyclo[3.1.1]heptan-6-yl)-6,7,8,9-tétrahydro-5*H*-benzo[7]annulén-2-yl]-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridin-3-yl}-2,3'-bipyridine
inhibiteur de tyrosine kinase, antinéoplasique

ligritinib

3-metil-6'-{5-[(7*S*)-7-(3-oxa-6-azabicyclo[3.1.1]heptan-6-il)-6,7,8,9-tetrahydro-5*H*-benzo[7]anulen-2-il]-1*H*-pirazolo[3,4-*b*]piridin-3-il}-2,3'-bipiridina
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₃₃H₃₂N₆O

3024588-48-2

**liscastobartum #**

liscastobart

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], humanized monoclonal antibody; H-gamma4 heavy chain humanized (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (79.4%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (78.6%) L123>T (115), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (121-218), hinge 1-12 S10>P (228) (219-230), CH2 L92 (309) (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (121-447)], (134-218')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*01 (85.1%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9](27'-36'.54'-56'.93'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195')) (112'-218')]; dimer (226-226'':229-229'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
immunostimulant

liscastobart

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde H-gamma4 humanisée (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (79.4%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (78.6%) L123>T (115), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens*

IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (121-218), charnière 1-12 S10>P (228) (219-230), CH2 L92 (309) (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (121-447)], (134-218')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*01 (85.1%) - IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101')) (1'-111') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195')) (112'-218')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
immunostimulant

liscastobart

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada H-gamma4 humanizada (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (79.4%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (78.6%) L123>T (115), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (121-218), bisagra 1-12 S10>P (228) (219-230), CH2 L92 (309) (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (121-447)], (134-218')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*01 (85.1%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195')) (112'-218')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
inmunestimulante

2785392-78-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H")
QVQLVQSGVE VKKPGASVKV SCKASGYTFT NYYMYWVRQA PGQGLEWMGG 50
INPSNGGTNF NEKFKNRVTL TDSSTTTAY MELKSLQFDD TAVYYCAARD 100
YRLDMGFEFW GQGTITVTVS ASTKGPSVFP LAPCSRSTSE STAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTTK 200
YTCNVDHKPS NTKVDRKVES KYGPPCPPCP APEFLGGPSV FLFPKPKDT 250
LMISRTPEVT CVVVDVSQED PEVQFNWYVD GVEVHNATK PREEQFNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKGLPS SIEKTISKAK GQPREPQVYT 350
LPSPQSEMTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTPPVLDS 400
DGSFLYSLRL TVDKSRWQEG NVFSCSVMHE ALHNYHTQKS LSLSLGK 447

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L', L'")
EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASKGVS TSGYSYLHWY QKPGQAPRL 50
LIYLAASYLES GVPARFSGSG SGTDFTLTIS SLEPEDFAVY YCQHAYDLPL 100
TFGGGTKEVEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFPYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLT STLTLSKADY EKHKYVACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGEC 218

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 261-321 367-425
22"-96" 147"-203" 261"-321" 367"-425"

Intra-L (C23-C104) 23'-92' 138'-198'
23'''-92''' 138'''-198'''

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 134-218' 134"-218"

Inter-H-H (h 8, h 11) 226-226" 229-229"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamy (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 297, 297"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 447, 447"

lixarkitugum #

lixarkitug

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL3RA (interleukin 3 receptor subunit alpha, interleukin 3 receptor alpha (low affinity), CD123)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-219')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (98.0%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-S, glycoform alfa *interleukin-3 receptor antagonist*

lixarkitug

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL3RA (sous-unité alpha du récepteur de l'interleukine 3, récepteur alpha (faible affinité) de l'interleukine 3, CD123)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-219')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (98.0%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa *antagoniste du récepteur de l'interleukine-3*

lixarkitug

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL3RA (subunidad alfa del receptor de la interleukina 3, receptor alfa (baja afinidad) de la interleukina 3, CD123)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-219')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (98.0%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-S, forma glicosilada alfa *antagonista del receptor de la interleukina-3*

3035710-69-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H")
EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFN IYAMTWVRQA PGKGLEWVSG 50
ISAGGDSTYY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAKDR 100
GYYYGMDVWG QGTTVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TTPAVLQSSG LYSLSSTVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHNKPSN TKVDKRVEPK SCDKTHTCPP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTEPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVSVSLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSREEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L', L'")
DIVMTQSPPLS LPVTPGEPAS ISCRSRQSLR RSNQNYLDW YLQKPGQSPQ 50
LLIYLGSNRA SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGV YYCMQALQTP 100
YTFGQGKTLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVCL LNNFYPREAK 150
VQWQVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDYSTSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 263-323 369-427
22"-96" 146"-202" 263"-323" 369"-427"
Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'
23'''-93''' 139'''-199'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-219' 222"-219"
Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228" 231-231"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 299, 299"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 449, 449"

lixarkitugum samrotecanum #

lixarkitug samrotecan immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL3RA (interleukin 3 receptor subunit alpha, interleukin 3 receptor alpha (low affinity), CD123)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; conjugated on eight cysteinyl residues to *samrotecan*, comprising a linker and a camptothecin derivative (*exatecan*);
H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108))] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-219')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (98.0%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102'')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196'')) (113'-219'')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-S, glycoform alfa; substituted at the eight sulfur atoms of L-cysteinyl residues 222, 228, 231, 219', 222", 228", 231" and 219"" with (3*RS*)-1-[(2*S*,5*S*)-1-[[*(9S)*-9-ethyl-9-hydroxy-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolin-4-yl]amino]-2-methyl-1,4,7,35-tetraoxo-5-(propan-2-yl)-10,13,16,19,22,25,28,31-octa-oxa-3,6,34-triazaheptatriacontan-37-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl (*samrotecan*) groups
antineoplastic

lixarkitug samrotécán

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL3RA (sous-unité alpha du récepteur de l'interleukine 3, récepteur alpha (faible affinité) de l'interleukine 3, CD123)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; conjugué par huit résidus cystéinyle au *samrotécán*, comprenant un linker et un dérivé de la camptothécine (*exatécán*); chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-219')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (98.0%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimère (228-228'':231-231'')-bisdisulfure, produit dans une lignée cellulaire des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa; substitué sur l'atome de soufre des résidus L-cystéinyle 222, 228, 231, 219', 222'', 228'', 231'' et 219''' avec des groupes (3RS)-1-[[[(2S,5S)-1-[[[(9S)-9-éthyl-9-hydroxy-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1H,12H-benzo[de]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinoléin-4-yl]amino]-2-méthyl-1,4,7,35-tétraoxo-5-(propan-2-yl)-10,13,16,19,22,25,28,31-octaoxa-3,6,34-triazaheptatriacontan-37-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle (*samrotécán*) *antineoplasique*

lixarkitug samrotecán

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL3RA (subunidad alfa del receptor de la interleukina 3, receptor alfa (baja afinidad) de la interleukina 3, CD123)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; conjugado por ocho residuos cisteinilo al *samrotecán*, que comprende un enlace y un derivado de la camptotecina (*exatecán*); cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-219')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (98.0%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dímero (228-228'':231-231'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-S, forma glicosilada alfa; sustituido en el átomo de azufre de los residuos L-cisteinilo 222, 228, 231, 219', 222'', 228'', 231'' y 219''' con grupos (3RS)-1-[[[(2S,5S)-1-[[[(9S)-9-etil-9-hidroxi-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahidro-1H,12H-benzo[de]pirano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinolein-4-il]amino]-2-metil-1,4,7,35-tetraoxo-5-(propan-2-il)-10,13,16,19,22,25,28,31-octaoxa-3,6,34-triazaheptatriacontan-37-il]-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo (*samrotecán*) *antineoplásico*

3035711-52-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFN IYAMTWVRQA PGKGLEWVSG 50
 ISAGGDSTYY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAKDR 100
 GYYYGMDVWG QGTTVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
 YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPVQLQSSG LYSLSVSVTV PSSSLGTQTY 200
 ICNVNHKPSN TKVDKRVEPK SCDKTHTCPP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK 250
 DTLMISSRTE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
 TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
 YTLPPSREEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
 DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIVMTQSPLS LPVTPGEPAS ISCSRQSL LRSNGYNYLDW YLQKPGQSPQ 50
 LLIIYLGSNRA SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGV YYCMQALQTP 100
 YTFGGQTKLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVCL LNNFYPREAK 150
 VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDYSTSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
 VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 263-323 369-427
 22"-96" 146"-202" 263"-323" 369"-427"

Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'
 23'''-93''' 139'''-199'''

Inter-H-L (h 5-CL 126)* 222-219' 222"-219"

Inter-H-H (h 11, h 14)* 228-228" 231-231"

*The inter-chain disulfide bridges are not present, the 8 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

*Les ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, les 8 cystéinyl étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

*Los puentes disulfuro entre cadenas no están presentes, cada uno de los 8 cisteinil está conjugada a través de un enlace tioéther a un linker-principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 299, 299"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados

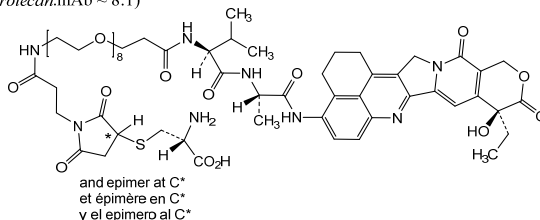
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 449, 449"

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados

C (222, 228, 231, 219', 222", 228", 231", 219''')

(samrotecan:mAb ~ 8:1)

**lorotomidatum**

lorotomidate

ethyl 4-fluoro-1-[(1*R*)-1-phenylethyl]-1*H*-imidazole-5-carboxylate
GABA_A receptor agonist, anaesthetic

lorotomidate

4-fluoro-1-[(1*R*)-1-phényléthyl]-1*H*-imidazole-5-carboxylate d'éthyle
agoniste du récepteur GABA_A, anesthésique

lorotomidato

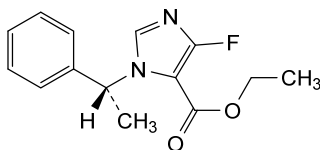
1-[(1*R*)-1-feniletíl]-4-fluoro-1*H*-imidazol-5-carboxilato de etilo
agonista de los receptores GABA_A, anestésico

lorotomidato

1-[(1*R*)-1-feniletil]-4-fluoro-1*H*-imidazol-5-carboxilato de etilo
agonista de los receptores GABA_A, anestésico

C₁₄H₁₅FN₂O₂

2093287-60-4

**lotixparibum**

lotixparib

4-{4-[3-(8-fluoro-1-oxo-1,2-dihidroisoquinolin-3-yl)propil]piperazin-1-yl}benzonitrile
poly (ADP-ribose) polymerase (PARP) inhibitor, antineoplastic

lotixparib

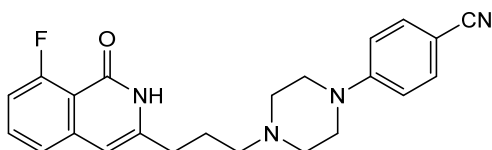
4-{4-[3-(8-fluoro-1-oxo-1,2-dihidroisoquinoléin-3-yl)propil]pipérazin-1-yl}benzonitrile
inhibiteur de la poly (ADP-ribose) polymérase, antinéoplasique

lotixparib

4-{4-[3-(8-fluoro-1-oxo-1,2-dihidroisoquinolein-3-il)propil]piperazin-1-il}benzonitrilo
inhibidor de poli (ADP-ribosa) polimerasa, antineoplásico

C₂₃H₂₃FN₄O

2640677-63-8

**lumigolixum**

lumigolix

N-(4-{7-[(2,6-difluorophenyl)methyl]-3-[(dimethylamino)methyl]-5-(6-methoxypyridazin-3-yl)-4,6-dioxo-4,5,6,7-tetrahydro-2*H*-pyrazolo[3,4-*d*]pyrimidin-2-yl}phenyl)-*N'*-methoxyurea
gonadotrophin releasing hormone (GnRH) antagonist

lumigolix

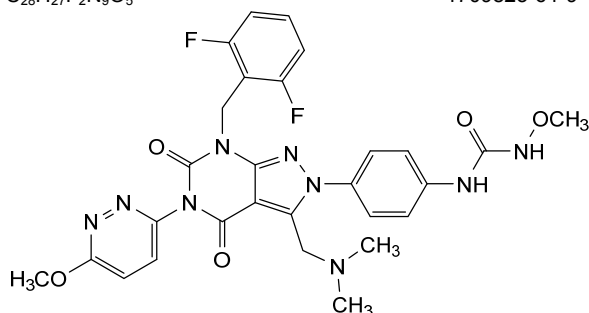
N-(4-{7-[(2,6-difluorophényl)méthyl]-3-[(diméthylamino)méthyl]-5-(6-méthoxypyridazin-3-yl)-4,6-dioxo-4,5,6,7-tétrahydro-2*H*-pyrazolo[3,4-*d*]pyrimidin-2-yl}phényl)-*N'*-méthoxyurée
antagoniste de l'hormone de libération des gonadotrophines (GnRH)

lumigolix

N-(4-{7-[(2,6-difluorofenil)metil]-3-[(dimetilamino)metil]-5-(6-metoxipiridazin-3-il)-4,6-dioxo-4,5,6,7-tetrahydro-2*H*-pirazolo[3,4-*d*]pirimidin-2-il}fenil)-*N'*-metoxiurea
antagonista de la hormona liberadora de gonadotropina (GnRH)

C₂₈H₂₇F₂N₉O₅

1709823-61-9



lumivatatamigum #
lumivatatamig

immunoglobulin (H-gamma1_L-kappa)_(H-gamma1-17mer-scFvLh_L-kappa), anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudin 18, claudin-18, surfactant associated protein J, SFTPJ) isoform 2], anti-[*Homo sapiens* CD3D (CD3 delta) and CD3E (CD3 epsilon, Leu-4) dimer], humanized and chimeric monoclonal antibody; bispecific, trivalent;
H-gamma1 heavy chain anti-CLDN18 humanized (H) (1-450) hole [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120)-*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2, 14-G1v75 CH3 C5, 14-G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 10-G1v83-1 CH3 R115 (CH1 K120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 L1.3>A (237), L1.2>A (238) (234-343), CH3 Y5>C (352), D12 (359), L14 (361), T22>S (369), L24>A (371), Y86>V (410), H115>R (438) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-220')-disulfide with common L-kappa light chain chimeric (L') (1'-220') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV8-19*01 (87.1%) -IGKJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (85.1%) -IGKJ2*01 (91.7%), Q120>G (106'), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103'') (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197'')) (114'-220'')]; H-gamma1-17mer-scFvLh heavy chain anti-CLDN18 and anti-CD3D/CD3E (H'') (1''-715'') knob [H-gamma1 heavy chain anti-CLDN18 humanized (H'') (1''-449'') knob [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.13](26''-33''.51''-58''.97''-109'') (1''-120'')-*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2, 14-G1v74 CH3 C10, 14-G1v32 CH3 W22 (knob)(CH1 K120 (217'') (121''-218''), hinge 1-15 (219''-233''), CH2 L1.3>A (237''), L1.2>A (238'') (234''-343''), CH3 S10>C (357''), D12 (359''), L14 (361''), T22>W (369'') (344''-448''), CHS K2>del (449'') (121''-449'')]-17-mer (alanyl-tris(tetraglycyl-seryl)-alanyl) linker (450''-466'')-scFvLh anti-CD3D/CD3E humanized and chimeric (467''-715'') [V-LAMBDA humanized (*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (81.1%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (492''-500''.518''-520''.557''-565'') (467''-575'') -15-mer tris(tetraglycyl-seryl) linker (576''-590'') -VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV10-1*04 (91.0%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%) A128>S (715'')/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (83.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (710''), CDR-IMGT [8.10.16] (616''-623''.641''-650''.689''-704'') (591''-715'')]; (223''-220'')-disulfide with common L-kappa light chain chimeric (L'') (1''-220'') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV8-19*01 (87.1%) -IGKJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (85.1%) -

IGKJ2*01 (91.7%), Q120>G (106'''), CDR-IMGT [12.3.9] (27'''-38'''-56'''-58'''-95'''-103''') (1'''-113''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'''), V101 (197''')) (114'''-220''');
dimer (229-229'': 232-232'':352-357'')-trisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from CHO-K1 cell line, lacking the glutamine synthetase (GS-KO) gene, glycoform alfa
antineoplastic

lumivata-mig

immunoglobuline (H-gamma1_L-kappa)_ (H-gamma1-scFvLh_L-kappa), anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudine 18, claudine-18, protéine J associée au surfactant, SFTPJ) isoforme 2], anti-[*Homo sapiens* CD3D (CD3 delta) et CD3E (CD3 epsilon, Leu-4) dimère], anticorps monoclonal humanisé et chimérique; bispécifique, trivalent;
chaîne lourde H-gamma1 anti-CLDN18 humanisée (H) (1-450) hole [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120)-*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17.1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2, 14-G1v75 CH3 C5, 14-G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 10-G1v83-1 CH3 R115 (CH1 K120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 L1.3>A (237), L1.2>A (238) (234-343), CH3 Y5>C (352), D12 (359), L14 (361), T22>S (369), L24>A (371), Y86>V (410), H115>R (438) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-220')-disulfure avec la chaîne légère commune L-kappa chimérique (L') (1'-220') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV8-19*01 (87.1%) -IGKJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (85.1%) -IGKJ2*01 (91.7%), Q120>G (106'), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'-56'-58'-95'-103'') (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220'')];
H-gamma1-scFvLh chaîne lourde anti-CLDN18 et anti-CD3D/CD3E humanisée et chimérique (H'') (1''-715'') knob [chaîne lourde H-gamma1 anti-CLDN18 humanisée (1''-449'') [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.13] (26''-33''.51''-58''.97''-109'') (1''-120'')]-*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17.1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2, 14-G1v74 CH3 C10, 14-G1v32 CH3 W22 (knob)(CH1 K120 (217'') (121''-218''), charnière 1''-15'' (219''-233''), CH2 L1.3>A (237''), L1.2>A (238'') (234''-343''), CH3 S10>C (357''), D12 (359''), L14 (361''), T22>W (369'') (344''-448''), CHS K2>del (449'') (121''-449'')] -17-mer (alanyl-tris(tétraglycyl-séryl)-alanyl) linker (450''-466'') -scFvLh anti-CD3D/CD3E humanisé et chimérique (467''-715'') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (81.1%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (492''-500''.518''-520''.557''-565'') (467-575) -15-mer tris(tétraglycyl-séryl) linker (576''-590'') -VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV10-1*04 (91.0%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%) A128>S (715'')/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (83.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (710''), CDR-IMGT [8.10.16] (616''-623''.641''-650''.689''-704'') (591''-719'')]; (223''-220'')-disulfure avec la chaîne légère commune L-kappa chimérique (L'') (1'''-220''') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV8-19*01 (87.1%) -IGKJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (85.1%) -IGKJ2*01 (91.7%), Q120>G (106'''), CDR-IMGT [12.3.9] (27'''-38'''-56'''-58'''-95'''-103''') (1'''-113''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'''), V101 (197''')) (114'''-220''');
dimère (229-229'': 232-232'':352-357'')-trisdisulfure, produit dans

des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GS-KO), glycoforme alfa antinéoplasique

lumivatamig

inmunoglobulina (H-gamma1_L-kappa)_(H-gamma1-scFvLh_L-kappa), anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudina 18, claudina-18, proteína J asociada con el surfactante, SFTPJ) isoforma 2], anti-[*Homo sapiens* CD3D (CD3 delta) y CD3E (CD3 épsilon, Leu-4) dímero], anticuerpo monoclonal humanizado y quimérico; biespecífico, trivalente;

cadena pesada H-gamma1 anti-CLDN18 humanizada (H) (1-450) hole [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120)-*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2, 14-G1v75 CH3 C5, 14-G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 10-G1v83-1 CH3 R115 (CH1 K120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 L1.3>A (237), L1.2>A (238) (234-343), CH3 Y5>C (352), D12 (359), L14 (361), T22>S (369), L24>A (371), Y86>V (410), H115>R (438) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-220')-disulfuro con la cadena ligera común L-kappa quimérica (L') (1'-220') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV8-19*01 (87.1%) -IGKJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (85.1%) -IGKJ2*01 (91.7%), Q120>G (106'), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')];

H-gamma1-scFvLh cadena pesada anti-CLDN18 y anti-CD3D/CD3E humanizada y quimérica (H'') (1''-715'') knob [cadena pesada H-gamma1 anti-CLDN18 humanizada (1''-449'') [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.13] (26''-33'' 51''-58'' 97''-109'') (1''-120'')-*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2, 14-G1v74 CH3 C10, 14-G1v32 CH3 W22 (knob)(CH1 K120 (217'') (121''-218''), bisagra 1''-15'' (219''-233''), CH2 L1.3>A (237''), L1.2>A (238'') (234''-343''), CH3 S10>C (357''), D12 (359''), L14 (361''), T22>W (369'') (344''-448''), CHS K2>del (449'') (121''-449'')] -17-mer (alanil-tris(tetraglicil-seril)-alanil) enlace (450''-466'') -scFvLh anti-CD3D/CD3E humanizado y quimérico (467''-715'') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (81.1%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (492''-500''.518''-520''.557''-565'') (467-575) -15-mer tris(tetraglicil-seril) enlace (576''-590'') -VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV10-1*04 (91.0%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%) A128>S (715'')/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (83.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (710''), CDR-IMGT [8.10.16] (616''-623''.641''-650''.689''-704'') (591''-719'')]; (223''-220'')-disulfuro con la cadena ligera común L-kappa quimérica (L''') (1'''-220''') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV8-19*01 (87.1%) -IGKJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (85.1%) -IGKJ2*01 (91.7%), Q120>G (106'''), CDR-IMGT [12.3.9] (27'''-38''' 56'''-58''' 95'''-103''') (1'''-113''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'''), V101 (197''') (114'''-220''')]; dímero (229-229'': 232-232'':352-357'')-trisdifuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, en ausencia del gen de la glutamina sintetasa (GS-KO), forma glicosilada alfa antineoplásico

3035406-55-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: anti-CLDN18 (H) hole
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYIFT NYWIHWVRQA PGQGLEWMGR 50
IYPGTGNTYY NEKFTGRVTM TRDTSTSTVY MELSSLRSED TAVYYCAREG 100
YKGKNSMDYW GQGTTVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPEAAGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VCTLPSPSRDE LTKNQVSLSC AVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPV 400
LDSGGSFFLV SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNRYT QKSLSLSPGK 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-kappa common (L', L'')
DIVMTQSPDS LAVSLGERVT MNCKSSQSLL NAGNQKNYLT WYQQKPGQPP 50
KLLFYWASTR ESGVPDRFSG SGSGTDFTLT ISSVQAEDVA VYHCNQAYYY 100
PYTFGGGTKL EI KRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 150
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKDSTYS LSSTLTLSKA DYEKHKVYAC 200
EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC 220

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: H-gamma1-scFv1h, anti-CLDN18
and anti-CD3D/CD3E (H'') k
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYIFT NYWIHWVRQA PGQGLEWMGR 50
IYPGTGNTYY NEKFTGRVTM TRDTSTSTVY MELSSLRSED TAVYYCAREG 100
YKGKNSMDYW GQGTTVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPEAAGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPCRDE LTKNQVSLWC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPV 400
LDSGGSFFLV SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNRYT QKSLSLSPGA 450
GGGSGGGGGS GGGGSAQAVV TQEPSLTVSP GGTVTLTCSR STGAVTTSNY 500
ANWVQKPGQ APRGLIGGTN KRAPGTPARF SGSLGGKAA LTLGSAQPED 550
EAEYYCALWY SNLWVFGGT KLTVLGGGGS GGGSGGGGS EVKLVESEGG 600
LVQPGGSLKL SCAASGFTFN TYAMNWRQA PGKGLEWVAR IRSKYNNYAT 650
YYADSVKDRF TISRDDAKNT LYLQMNRLRT EDTAVYYCVR HGNFGNSYVS 700
WFAYWGQGTL VTVSS 715

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
Intra-H' (C23-C104) 22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428" 488"-556" 612"-688"
Intra-L' (C23-C104) 23'-94' 140'-200'
Intra-L''' (C23-C104) 23'''-94''' 140'''-200'''
Inter-H-L', inter-H"-L'" (h 5-CL 126) 223-220' 223"-220"
Inter-H-H" (h 11, h 14) 229-229" 232-232"
Inter-H-H" (CH3 C5-C10)* 352-357"
*variants 14-G1v75 (H CH3 C5) and 14-G1v74 (H" CH3 C10) creating an additional
inter-H-H disulfide bond.
Total number of disulfide bridges: 19 (14 intra-, 5 inter-).

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del
glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl) / pyroglutamide (pE, 5-oxopropyle) / piroglutamilo
(pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1', 1''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 300, 300''

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 450

lumocabtagenium geleucelum #

lumocabtagène geleucel

allogeneic CD4+/CD8+ T lymphocytes obtained from peripheral blood mononuclear cells by leukapheresis of healthy donors, transduced with a lentiviral vector to overexpress CD47 and a CD22-directed chimeric antigen receptor (CAR). The cells have also been gene-edited using clustered regularly interspaced short palindromic repeats (CRISPR)-Cas12b nuclease introduced as mRNA in combination with single guide RNAs (sgRNAs) to disrupt the T cell receptor alpha constant (*TRAC*), beta-2 microglobulin (*B2M*), and class II major histocompatibility complex transactivator (*CIITA*) gene loci. The lentivirus vector genome is flanked by 5' and 3' long terminal repeats (LTRs) and contains a human immunodeficiency virus (HIV) packaging signal, HIV *gag*, HIV envelope, Rev response element (RRE), and central polypurine tract/central termination sequences as well as a mutant Woodchuck hepatitis virus post-transcriptional regulatory element (WPRE). The CD47-CD22 transgene comprises a codon optimised CD47 coding region, a furin cleavage sequence, a *Thosea asigna* virus 2A (T2A) ribosomal skip sequence, a granulocyte-macrophage colony-stimulating factor receptor (GMCSFR) signal peptide, an anti-CD22 single chain variable fragment (based upon clone m971), fused to a CD8 α hinge, CD8 α transmembrane, 4-1BB co-stimulatory and CD3 ζ signalling domain, and is under control of the human elongation factor 1 α promoter (EF-1 α). The leukapheresis material is enriched for CD4/CD8 T lymphocytes by positive immunoselection, activated by CD3 and CD28 agonists and subject to gene editing. The cells are then expanded in media supplemented with serum replacement and interleukin 2 (IL-2). The cell suspension consists of T lymphocytes (CD4+ and CD8+; $\geq 90\%$) with $\geq 25\%$ of the T lymphocytes expressing the CAR transgene, and with $\geq 70\%$ *B2M* disrupted, and $\geq 70\%$ *CIITA* disrupted cells. The cells exhibit antigen-specific interferon gamma (IFN- γ) secretion when cultured with target cells

cell-based gene therapy (antineoplastic)

lumocabtagène géleucel

lymphocytes T allogéniques CD4+/CD8+ obtenus par leucaphérèse à partir de cellules mononucléaires du sang périphérique de donneurs sains, transduits par un vecteur lentiviral pour surexprimer CD47 et un récepteur antigénique chimérique (RAC) dirigé contre CD22. Ces cellules ont également été modifiées génétiquement à l'aide de la nucléase CRISPR-Cas12b, introduite sous forme d'ARNm en association avec des ARN guides simples (ARNsg), afin de perturber les loci des gènes de la constante alpha du récepteur des lymphocytes T (*TRAC*), de la bêta-2 microglobuline (*B2M*) et du transactivateur du complexe majeur d'histocompatibilité de classe II (*CIITA*). Le génome du vecteur lentivirus est flanqué de répétitions terminales longues (LTR) en 5' et en 3', et contient un signal d'emballage du virus de l'immunodéficience humaine (VIH), *gag* du VIH, enveloppe du VIH, élément de réponse Rev (RRE), et des séquences de terminaison centrale/de tractus polypurine central ainsi qu'un élément régulateur post-transcriptionnel du virus de l'hépatite de la marmotte (WPRE) muté. Le transgène CD47-CD22 comprend une région codante CD47 optimisée par codons, une séquence de clivage de la furine, une séquence de saut ribosomique du virus *Thosea asigna* 2A (T2A), un peptide signal du récepteur du facteur de stimulation des colonies de granulocytes et de macrophages

(GMCSFR), un fragment variable à chaîne unique anti-CD22 (basé sur le clone m971), fusionné à une charnière CD8 α , un domaine transmembranaire CD8 α , un domaine de co-stimulation 4-1BB et de signalisation CD3 ζ , et est sous le contrôle du promoteur du facteur d'élongation humain 1 α (EF-1 α). Le matériel de leucaphérèse est enrichi en lymphocytes T CD4/CD8 par immunosélection positive, activé par des agonistes CD3 et CD28 et soumis à une édition génique. Les cellules sont ensuite multipliées dans un milieu supplémenté en sérum de remplacement et en interleukine 2 (IL-2). La suspension cellulaire est composée de lymphocytes T (CD4+ et CD8+; $\geq 90\%$) dont $\geq 25\%$ expriment le transgène RAC, et dont $\geq 70\%$ sont altérés par *B2M* et $\geq 70\%$ par *C/ITA*. Les cellules présentent une sécrétion d'interféron gamma (IFN- γ) spécifique de l'antigène lorsqu'elles sont cultivées avec des cellules cibles *thérapie génique à base de cellules (antineoplasique)*

lumocabtagén geleucel

linfocitos T CD4+/CD8+ alogénicos obtenidos de células mononucleares de sangre periférica por leucoaféresis de donantes sanos, transducidos con un vector lentiviral para sobre expresar CD47 y un receptor de antígenos quimérico (CAR) dirigido a CD22. Las células han sido también editadas genéticamente usando repeticiones palindrómicas agrupadas y espaciadas regularmente (CRISPR)-nucleasa Cas12b introducida como ARNm en combinación con ARN de guía únicos (ARNsg) para interrumpir los loci de los genes de la cadena constante alfa del receptor de linfocitos T (*TRAC*), de la beta-2-microglobulina (*B2M*), y del transactivador del complejo principal de histocompatibilidad de clase II (*C/ITA*). El genoma del vector lentiviral está flanqueado por repeticiones terminales largas (LTRs) en 5' y 3' y contiene una señal de empaquetamiento del virus de la inmunodeficiencia humana (VIH), *gag* del VIH, envuelta del VIH, elemento de respuesta Rev (RRE), y secuencias de tracto de poli-purina/terminación central así como un elemento regulador post-transcripcional del virus de la hepatitis de la marmota (WPRE) mutado. El transgén CD47-CD22 consta de una región codificante de CD47, con codones optimizados, una secuencia de escisión de furina, una secuencia de salto ribosómico 2A del virus *Thosea asigna* (T2A), un péptido señal del receptor del factor estimulador de colonias de granulocitos-macrófagos (GMCSFR) y un fragmento variable de cadena sencilla anti-CD22 (basado en el clon m971), fusionado a una bisagra de CD8 α , transmembrana de CD8 α , un dominio coestimulador de 4-1BB y de señalización de CD3 ζ , y está bajo el control del promotor del factor de elongación 1 alfa (EF-1 α). El material de leucoaféresis se enriquece en linfocitos T CD4/CD8 mediante inmunoselección positiva, se activa con agonistas de CD3 y CD28 y se somete a edición genética. Las células después se expanden en medio suplementado con reemplazo de suero e interleuquina 2 (IL-2). La suspensión celular consiste en linfocitos T (CD4+ y CD8+; $\geq 90\%$) con $\geq 25\%$ de los linfocitos T que expresan el transgén del CAR y con $\geq 70\%$ de las células con *B2M* interrumpido y con $\geq 70\%$ de las células con *C/ITA* interrumpido. Las células muestran secreción de interferón gamma (IFN- γ) específica de antígeno cuando se cultivan con células diana *terapia génica basada en células (antineoplásico)*

lutetium (^{177}Lu) pocuvotidum satetraxetanumlutetium (^{177}Lu) pocuvotide satetraxetan

hydrogen {2,2',2'',2'''-[(2*RS*)-2-[[4-({[N^2 -(L-glutamocarbonyl)- N^6 -L-lysino]carbonothioyl}amino)phenyl]methyl]-1,4,7,10-tetraazacyclododecane-1,4,7,10-tetrayl- $\kappa^4 N^1, N^4, N^7, N^{10}$]tetra(acetato- κO)}(^{177}Lu)lutetate(1-)
antineoplastic, diagnostic

lutécium (^{177}Lu) pocuvotide satétraxétan

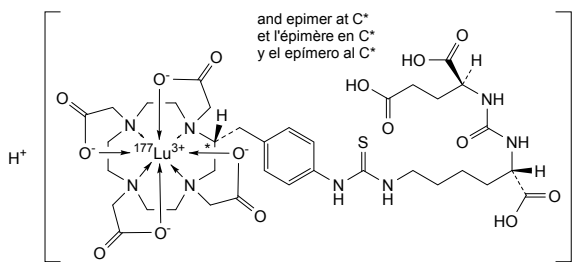
hydrogéno{2,2',2'',2'''-[(2*RS*)-2-[[4-({[N^2 -(L-glutamocarbonyl)- N^6 -L-lysino]carbonothioyl}amino)phényl]méthyl]-1,4,7,10-tétraazacyclododécane-1,4,7,10-tétrayl- $\kappa^4 N^1, N^4, N^7, N^{10}$]tétra(acétato- κO)}(^{177}Lu)lutétate(1-)
antineoplasique, diagnostic

lutecio (^{177}Lu) pocuvotida satetraxetán

hidrógeno{2,2',2'',2'''-[(2*RS*)-2-[[4-({[N^2 -(L-glutamocarbonil)- N^6 -L-lysino]carbonotioil}amino)fenil]metil]-1,4,7,10-tetraazaciclododecano-1,4,7,10-tetrail- $\kappa^4 N^1, N^4, N^7, N^{10}$]tetra(acetato- κO)}(^{177}Lu)lutetate(1-)
antineoplásico, diagnóstico

 $\text{C}_{36}\text{H}_{50}\text{}^{177}\text{LuN}_8\text{O}_{15}\text{S.H}$

2765661-14-9

**luvesilocinum**

luvesilocin

5-[(3-{2-[di(propan-2-yl)amino]ethyl}-1*H*-indol-4-yl)oxy]-5-oxopentanoic acid
serotonin receptor (5-HT_{2A}) agonist

luvésilocine

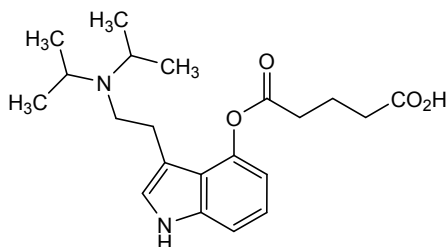
acide 5-[(3-{2-[di(propan-2-yl)amino]éthyl}-1*H*-indol-4-yl)oxy]-5-oxopentanoïque
agoniste des récepteurs de la sérotonine (5-HT_{2A})

luvesilocina

ácido 5-[(3-{2-[di(propan-2-il)amino]etil}-1*H*-indol-4-il)oxi]-5-oxopentanoico
agonista del receptor de serotonina (5-HT_{2A})

 $\text{C}_{21}\text{H}_{30}\text{N}_2\text{O}_4$

2756001-39-3



mangaveras megluminum

mangaverate meglumine

1-deoxy-*N*-methyl-D-glucitol-1-aminium [2,2'-{[*rac*-(1*R*,2*R*)-2-{{carboxylato-κO-methyl}}(pyridin-2-yl-κ*N*)methyl]amino-κ*N*}cyclohexyl]azanediyl-κ*N*}di(acetato-κO)]manganate(1-)
diagnostic imaging agent

mangavérate de méglumine

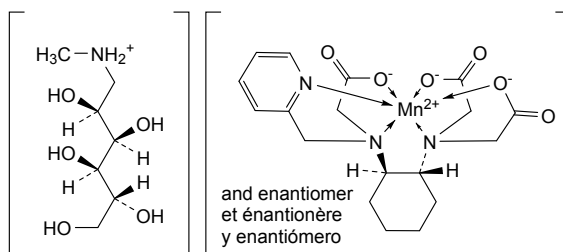
[2,2'-{[*rac*-(1*R*,2*R*)-2-{{carboxylato-κO-méthyl}}(pyridin-2-yl-κ*N*)methyl]amino-κ*N*}cyclohexyl]azanediyl-κ*N*}di(acétato-κO)]manganate(1-) de 1-désoxy-*N*-méthyl-D-glucitol-1-aminium
agent d'imagerie diagnostique

mangaverato de meglumina

[2,2'-{[*rac*-(1*R*,2*R*)-2-{{carboxilato-κO-metil}}(piridin-2-il-κ*N*)metil]amino-κ*N*}ciclohexil]azanodiil-κ*N*}di(acetato-κO)]manganato(1-) de 1-desoxi-*N*-metil-D-glucitol-1-aminio
agente de diagnóstico por imagen

 $C_{25}H_{40}MnN_4O_{11}$

3048625-48-2

**mebarasum alfa #**

mebarase alfa

human ectonucleoside triphosphate diphosphohydrolase-1 (ATP diphosphohydrolase [ATPDase], Ecto-ATP diphosphohydrolase 1 [Ecto-ATPDase 1], Ecto-apyrase, ENTPD1, CD39; EC: 3.6.1.5, apyrase) variant (38-192 and 205-476; 4-158 and 159-430 in the current sequence, M¹-L³⁷>del, N-terminal ¹APT³>added, T¹⁹³-N²⁰⁴ del, F³⁶⁵>S³¹⁹, Y⁴⁷⁷-V⁵¹⁰>del) produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
apyrase, sepsis-associated kidney injury

mébarase alfa

variante de l'ectonucléoside triphosphate diphosphohydrolase-1 humaine (ATP diphosphohydrolase [ATPDase], Ecto-ATP diphosphohydrolase 1 [Ecto-ATPDase 1], Ecto-apyrase, ENTPD1, CD39; EC: 3.6.1.5, apyrase) (38-192 et 205-476; 4-158 et 159-430 dans la séquence actuelle, M¹-L³⁷>dél, N-terminal ¹APT³>ajouté, T¹⁹³-N²⁰⁴ dél, F³⁶⁵>S³¹⁹, Y⁴⁷⁷-V⁵¹⁰>dél) produite par des cellules d'ovaire de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
apyrase, lésion rénale associée à un sepsis

mebarasa alfa

variante de la ectonucléosido trifosfato difosfohidrolasa-1 humana (ATP difosfohidrolasa [ATPDasa], Ecto-ATP difosfohidrolasa 1 [Ecto-ATPDasa 1], Ecto-apirasa, ENTPD1, CD39; EC: 3.6.1.5, apirasa) (38-192 y 205-476; 4-158 y 159-430 en la secuencia actual, M¹-L³⁷>del, ¹APT³ N-terminal>añadido, T¹⁹³-N²⁰⁴ del, F³⁶⁵>S³¹⁹, Y⁴⁷⁷-V⁵¹⁰>del) producida por células de ovario de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, glicofoma alfa
apirasa, lesión renal asociada a sepsis

2408855-55-8

Sequence / Séquence / Secuencia

APTQNKALP	ENVVHIGVLD	AGSSHTSLYI	YKWAPEKENC	TGVVHQVEEC	50
RVKRGPISEK	VQKVNEHVEI	LTDCMERARE	VAPRSQHQET	PYLGATAGM	100
LRNMESEEL	ADRLVDVVER	SLSNYPDFQ	GARIITGQEE	GVYGWITNY	150
LLGKFSQNK	ETGQALDLGG	AQKTQVFPQ	NOITQIESPDA	LFQRLYGKD	200
NVYTHSLFCY	KGDGADLWQ	AKQIVQASNE	ILRDPCFHFG	YKVVNVVNDL	250
YKTPCCTKRE	MTLPPQFQEI	QGIGNYQCHQ	QSLELFTNS	YQSPYQSCAF	300
GIFLPPQLGG	GFAGSAFYV	MKFLNLTSEK	VSQEQLFEMT	KKFCAPQWEE	350
IKTSYAGVKE	KYLSEYCFSG	TYILSLQLQG	YHFTADSWEH	IHFIGKIQGS	400
DAGWTLGYML	NLTNMPABO	PLSTPLSHST			

Mutation / Mutation / Mutación

¹M-L^{37>1}**APT**³, ¹⁹³T-N^{204>del}^{158/159}, F^{365>S}³¹⁹, ⁴⁷⁷Y-V^{510>del}⁴³¹⁻⁴⁶⁴

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-chain: 50-74, 209-255, 236-279, 292-297, 344-367

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

N39, N181, N246, N288, N325, N411

O-glycosylation sites / Sites de O-glycosylation / Posiciones de O-glicosilación
experimentally confirmed but location to be determined.

mefluleucinum

mefluleucine

(2S)-2-amino-5,5-difluoro-4,4-dimethylpentanoic acid
antidepressant

méfluleucine

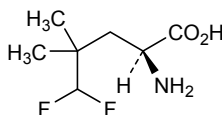
acide (2S)-2-amino-5,5-difluoro-4,4-diméthylpentanoïque
antidépresseur

mefluleucina

ácido (2S)-2-amino-5,5-difluoro-4,4-dimetilpentanoico
antidepressivo

$$\text{C}_7\text{H}_{13}\text{F}_2\text{NO}_2$$

2095886-80-7



merinetugum #

merinetug

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* APP (amyloid beta, A4 precursor protein) Abeta42 peptide epitope 1-17]], monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain (1-454) [VH (*Homo sapiens*IGHV2-5*09 (89.0%) (IGHD) -IGHJ6*01 (92.3%), CDR-IMGT [10.7.16] (26-35.53-59.98-113)) (1-124) -*Homo sapiens*IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14(CH1 K120 (221) (125-222), hinge 1-15 (223-237), CH2 (238-347), CH3 D12 (363), L14 (365) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-219')-disulfide with L-kappa light chain (1'-219') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus*IGKV1-117*01 (92.0%) -IGKJ2*03 (90.9%) S120>Q (105')/*Homo sapiens*IGKV2-29*02 (85.0%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimer (233-233'':236-236'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1SV, lacking the glutamine synthetase (GS-KO) gene, glycoform alfa clearance of amyloid beta. *Alzheimer's disease*

mérinetug

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* APP (amyloïde bêta, protéine précurseur A4) Abêta42 peptide épitope1-17]], anticorps monoclonal; chaîne lourde H-gamma1 (1-454) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-5*09 (89.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (92.3%), CDR-IMGT [10.7.16] (26-35.53-59.98-113))] (1-124) - *Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (221) (125-222), charnière 1-15 (223-237), CH2 (238-347), CH3 D12 (363), L14 (365) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-219')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa (1'-219') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (92.0%) -IGKJ2*03 (90.9%) S120>Q (105')/*Homo sapiens* IGKV2-29*02 (85.0%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102'')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196'')) (113'-219'')); dimère (233-233":236-236")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1SV, ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GS-KO), glycoforme alfa
clairance d'amyloïde bêta, maladie d'Alzheimer

merinetug

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* APP (amiloide beta, proteína precursor A4) Abeta42 péptido epítipo1-17]], anticuerpo monoclonal; cadena pesada H-gamma1 (1-454) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-5*09 (89.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (92.3%), CDR-IMGT [10.7.16] (26-35.53-59.98-113))] (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (221) (125-222), bisagra 1-15 (223-237), CH2 (238-347), CH3 D12 (363), L14 (365) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-219')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa (1'-219') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (92.0%) -IGKJ2*03 (90.9%) S120>Q (105')/*Homo sapiens* IGKV2-29*02 (85.0%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102'')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196'')) (113'-219'')); dímero (233-233":236-236")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1SV, en ausencia del gen de la glutamina sintetasa (GS-KO), forma glicosilada alfa
eliminación de beta amiloide, enfermedad de Alzheimer

3024381-10-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H⁺)
QVTLKESGPA LVKPTQTLTL TCTFSGFSLT TFGMGVGWIR QPPGKALEWL 50
AHIWDDNKY YNPALKSRLT ISKDTSKNQV VLTMTNMDPV DTATYYCARR 100
GFHLGSRGDY FDHWGQGTTV TVSSASTKGP SVFPLAPSSK STSGGTAALG 150
CLVKDYFPEP VTSWNSGAL TSGVHTFFAV LQSSGLYSLT SVTVTPSSSL 200
GTQTYICNVN HKPSNTKVDK KVEPKSCDKT HTCPPCPAPE LLGGPSVFLF 250
PPKPKDTLMI SRTPEVTCVV VDVSHEDPEV KENWYVDGVE VHNAKTKPRE 300
EQYNSTYRVV SVLTVLHQDW LNGKEYCKV SNKALPAPIE KTISKAKGQP 350
REPQVYTLPP SRDELTKNQV SLTCLVKGfy PS DIAVEWES NGQPENNYKT 400
TPPVLDSDGS FFLYSKLTVD KSRWQQGNVF SCSVMHEALH NHYTKSLSL 450
SPGK 454

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L⁺)
DVVMTQTPLS LPVTPGEPAS ISCRSSQSIV HSNNGNTYLEW YLQKPGQSPQ 50
LLIYKVSNRF SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVG VYCFQGSRRP 100
LTFGQGKTLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNQSQESVTE QDSKDSITYSL SSTLTLSKAD YEKKHYVACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-97 151-207 268-328 374-432
22"-97" 151"-207" 268"-328" 374"-432"
Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'
23'''-93''' 139'''-199'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 227-219' 227"-219"
Inter-H-H (h 11, h 14) 233-233" 236-236"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutamínilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolil) / pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolile) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VHQI: I, I"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 304, 304"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 454, 454"

mesutoclaxum
mesutoclax

(4²R)-1⁴-chloro-N-[4-({[(2S)-1,4-dioxan-2-yl]methyl}amino)-3-nitrobenzene-1-sulfonyl]-2⁵,2⁵,4²-trimethyl-6-oxa-7(5)-pyrrolo[2,3-*b*]pyridina-4(1,4)-piperazina-1(1),5(1,3)-dibenzena-2(1,2)-cyclohexanaheptaphan-2¹-ene-5⁴-carboxamide
B-cell lymphoma 2 (Bcl-2) inhibitor, antineoplastic

mésutoclax

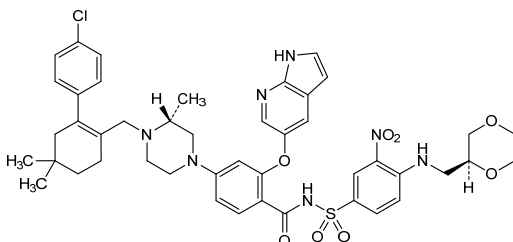
(4²R)-1⁴-chloro-N-[4-({[(2S)-1,4-dioxan-2-yl]méthyl}amino)-3-nitrobenzène-1-sulfonyl]-2⁵,2⁵,4²-triméthyl-6-oxa-7(5)-pyrrolo[2,3-*b*]pyridina-4(1,4)-pipérazina-1(1),5(1,3)-dibenzéna-2(1,2)-cyclohexanaheptaphan-2¹-ène-5⁴-carboxamide
inhibiteur du lymphome à cellules B-2 (Bcl-2), antinéoplasique

mesutoclax

(4²R)-1⁴-cloro-N-[4-({[(2S)-1,4-dioxan-2-il]metil}amino)-3-nitrobenceno-1-sulfonyl]-2⁵,2⁵,4²-trimetil-6-oxa-7(5)-pirrolo[2,3-*b*]piridina-4(1,4)-piperazina-1(1),5(1,3)-dibencena-2(1,2)-ciclohexanaheptafan-2¹-eno-5⁴-carboxamida
inhibidor del linfoma de células B 2 (Bcl-2), antineoplásico

$C_{45}H_{50}ClN_7O_8S$

2760536-87-4

**midobrutinibum**

midobrutinib

4-amino-*N*-(1,3-benzoxazol-2-yl)-1-[(3*R*)-1-(prop-2-en-1-yl)piperidin-3-yl]-1*H*-pyrazolo[3,4-*d*]pyrimidine-3-carboxamide

Bruton tyrosine kinase inhibitor

midobrutinib

4-amino-*N*-(1,3-benzoxazol-2-yl)-1-[(3*R*)-1-(prop-2-én-1-yl)pipéridin-3-yl]-1*H*-pyrazolo[3,4-*d*]pyrimidine-3-carboxamide

inhibiteur de la tyrosine kinase de Bruton

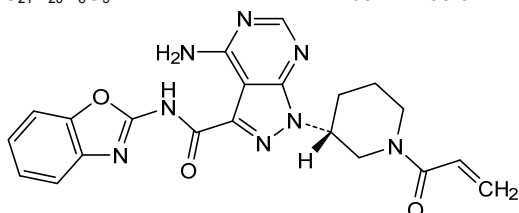
midobrutinib

4-amino-*N*-(1,3-benzoxazol-2-il)-1-[(3*R*)-1-(prop-2-enoil)piperidin-3-il]-1*H*-pirazolo[3,4-*d*]pirimidina-3-carboxamida

inhibidor de la tirosina kinasa de Bruton

 $C_{21}H_{20}N_8O_3$

1654727-33-9

**milsaperidonum**

milsaperidone

(1*S*)-1-(4-{3-[4-(6-fluoro-1,2-benzoxazol-3-yl)piperidin-1-yl]propoxy}-3-methoxyphenyl)ethan-1-ol
neuroleptic

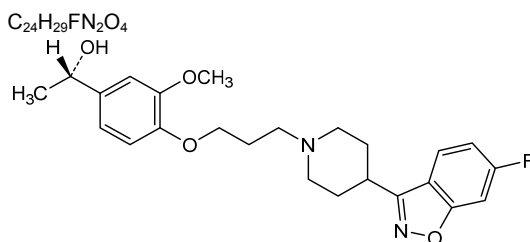
milsapéridone

(1*S*)-1-(4-{3-[4-(6-fluoro-1,2-benzoxazol-3-yl)pipéridin-1-yl]propoxy}-3-méthoxyphényl)éthan-1-ol (1*S*)-1-(4-{3-[4-(6-fluoro-1,2-benzoxazol-3-yl)pipéridin-1-yl]propoxy}-3-méthoxyphényl)éthan-1-ol
neuroleptique

milsaperidona

(1*S*)-1-(4-{3-[4-(6-fluoro-1,2-benzoxazol-3-il)piperidin-1-il]propoxi}-3-metoxifenil)etan-1-ol
neuroléptico

501373-88-2



nocertatugum #

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* VTCN1 (V-set domain containing T cell activation inhibitor 1, B7 family member H4, B7H4, B7-H4)], humanized monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain humanized (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%) L123>T (115), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (87.6%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'-50'-52'-89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (229-229''-232-232'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
antineoplastic

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* VTCN1 (inhibiteur 1 de l'activation des cellules T contenant un domaine V-like, membre H4 de la famille B7, B7H4, B7-H4)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%) L123>T (115), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGLV3-11*01 (87.6%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'-50'-52'-89'-97') (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153', V101 (191')) (108'-214'))]; dimère (229-229'':232-232'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* VTCN1 (inhibidor 1 de la activación de las células T que contiene un dominio tipo V, miembro H4 de la familia B7, B7H4, B7-H4)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-450) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*04 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%) L123>T (115), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGLKV3-11*01 (87.6%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGLKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
antineoplásico

3042847-92-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS NYMSWVRQA PGKGLEWVAY 50
VSSGGGSTYY SDSVKGRFTI SRDNAKNTLY LQMSSLRAED TAVYYCTRES 100
YSQGNVFDYW GQGTITVTSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKHTTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTPEVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIK KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLTCLVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
LDSGGSEFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIVMTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQSI DYLHWYQQKPGQSPRLIKF 50
ASQISIGIPA RFGSGSGTD FTLTISLEP EDFAVYYCQN GHFSFLTFGQ 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWVK 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKEFN RGECL 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'''-88''' 134'''-194'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-214' 223"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 450, 450"

mocertatugum rezetecanum #

mocertatugum rezetecan

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* VTCN1 (V-set domain containing T cell activation inhibitor 1, B7 family member H4, B7H4, B7-H4)], humanized monoclonal antibody; conjugated on an average of six cysteinyl residues to *rezetecan*, comprising a linker and a camptothecin derivative (*exatecan*);

H-gamma1 heavy chain humanized (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%) L123>T (115), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (87.6%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa; substituted at the sulfur atoms of six L-cysteinyl residues on an average among 223, 229, 232, 214', 223", 229", 232" and 214''' with (3*RS*)-1-[(2*R*,10*S*)-10-benzyl-2-cyclopropyl-1-[(1*S*,9*S*)-9-ethyl-5-fluoro-9-hydroxy-4-methyl-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolin-1-yl]amino]-1,6,9,12,15,18-hexaoxo-3-oxa-5,8,11,14,17-pentaazatricosan-23-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl (*rezetecan*) groups
antineoplastic

mocertatug rézetécán	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> VTCN1 (inhibiteur 1 de l'activation des cellules T contenant un domaine V-like, membre H4 de la famille B7, B7H4, B7-H4)], anticorps monoclonal humanisé; conjugué par six résidus cystéinyles en moyenne au <i>rézetécán</i>, comprenant un linker et un dérivé de la camptothécine (<i>exatécán</i>); chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-450) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*04 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%) L123>T (115), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-11*01 (87.6%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97'')) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa; substitué, sur les atomes de soufre de six résidus L-cystéinyle en moyenne parmi 223, 229, 232, 214', 223", 229", 232" et 214'", avec des groupes (3RS)-1-[(2R,10S)-10-benzyl-2-cyclopropyl-1-[[[(1S,9S)-9-éthyl-5-fluoro-9-hydroxy-4-méthyl-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1H,12H-benzo[de]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinoléin-1-yl]amino]-1,6,9,12,15,18-hexaoxo-3-oxa-5,8,11,14,17-pentaazatricosan-23-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle (<i>rézetécán</i>) <i>antineoplasique</i>
mocertatug rezetecán	immunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> VTCN1 (inhibidor 1 de la activación de las células T que contiene un dominio tipo V, miembro H4 de la familia B7, B7H4, B7-H4)], anticuerpo monoclonal humanizado, conjugado, por seis residuos de cisteinilo, por término medio a <i>rezetecán</i>, que comprende un enlace y un derivado de la camptotecina (<i>exatecán</i>); cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-450) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*04 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%) L123>T (115), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-11*01 (87.6%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97'')) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa; sustituido, en los átomos de azufre de seis residuos de L-cisteinilo en promedio de 223, 229, 232, 214', 223", 229", 232" y 214'", con grupos (3RS)-1-[(2R,10S)-10-bencil-2-ciclopropil-1-[[[(1S,9S)-9-etil-5-fluoro-9-hidroxi-4-metil-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahidro-1H,12H-benzo[de]pirano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinolein-1-il]amino]-1,6,9,12,15,18-hexaoxo-3-oxa-5,8,11,14,17-pentaazatricosan-23-il]-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo (<i>rezetecán</i>) <i>antineoplásico</i>

3042848-25-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS NYYSWVRQA PGKGLEWVAY 50
VSSGGGGSYY SDSVKGRFTI SRDPAKNTLY LQMSSLRAED TAVYYCTRES 100
YSQGNFYDYW GQGTITVTSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPTVTS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKHTTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
LDSGDSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNYHT QKSLSLSPGK 450

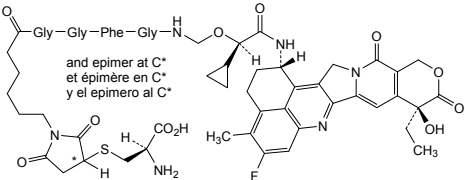
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIVMTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQGIS DYLHWYQKQP GQSPRLLIK 50
ASQSIGSIPA RFGSGSGGTD FTLTISSLEP EDFAVYYCQN GHSFSLTFGQ 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'''-88''' 134'''-194'''
Inter-H-L (h 5-CL 126)* 223-214' 223"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14)* 229-229" 232-232"
*Three of the four inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 6 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.
*Trois des quatre ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 4 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.
*Tres de los cuatro puentes disulfuro inter-catenarios no estan presentes, una media de 4 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 300, 300"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 450, 450"

Modified residues / résidus modifiés / restos modificados*
C (223, 229, 232, 214', 223", 229", 232" and 214''')
*(rezetecan:mAb ~ 4:1)



modzatinibum
modzatinib

1-[(2*S*,5*R*)-5-({5-[(1*R*)-2,2-difluorocyclopropyl]-7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin-4-yl}amino)-2-methylpiperidin-1-yl]prop-2-en-1-one
tyrosine kinase inhibitor, anti-inflammatory

modzatinib

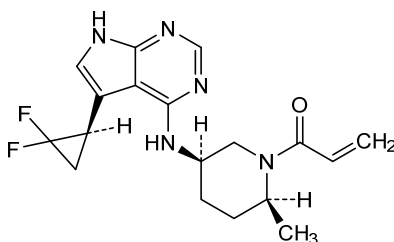
1-[(2*S*,5*R*)-5-({5-[(1*R*)-2,2-difluorocyclopropyl]-7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin-4-yl}amino)-2-méthylpipéridin-1-yl]prop-2-én-1-one
inhibiteur de tyrosine kinase, anti-inflammatoire

modzatinib

1-[(2*S*,5*R*)-5-({5-[(1*R*)-2,2-difluorocyclopropil]-7*H*-pirrolo[2,3-*d*]pirimidin-4-il}amino)-2-metilpiperidin-1-il]prop-2-en-1-ona
inhibidor de la tirosina kinasa, antiinflamatorio

C₁₈H₂₁F₂N₅O

2411407-25-3



moponetugum #
 moponetug

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* MAPT (microtubule associated protein tau)], monoclonal antibody;
 H-gamma1 heavy chain (1-442) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV14-1*02 (82.5%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (83.3%) A128>S (112)/*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (74.5%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.5] (26-33.51-58.97-101)) (1-112) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (209) (113-210), hinge 1-15 (211-225), CH2 (226-335), CH3 E12 (351), M14 (353) (336-440), CHS (441-442)) (113-442)], (215-219')-disulfide with L-kappa light chain (1'-219') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV1-135*01 (90.0%) -IGKJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (90.0%) -IGKJ2*01 (91.7%) Q120>G (105'), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimer (221-221":224-224")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
tau protein inhibitor, Alzheimer's disease

moponetug

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* MAPT (protéine tau associée aux microtubules)]; anticorps monoclonal;
 chaîne lourde H-gamma1 (1-442) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV14-1*02 (82.5%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (83.3%) A128>S (112)/*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (74.5%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.5] (26-33.51-58.97-101)) (1-112) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (209) (113-210), charnière 1-15 (211-225), CH2 (226-335), CH3 E12 (351), M14 (353) (336-440), CHS (441-442)) (113-442)], (215-219')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa (1'-219') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV1-135*01 (90.0%) -IGKJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (90.0%) -IGKJ2*01 (91.7%) Q120>G (105'), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimère (221-221":224-224")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
inhibiteur de la protéine tau, maladie d'Alzheimer

moponetug

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* MAPT (proteína tau asociada con los microtúbulos)]; anticuerpo monoclonal;

cadena pesada H-gamma1 (1-442) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV14-1*02 (82.5%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (83.3%) A128>S (112)/*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (74.5%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.5] (26-33.51-58.97-101)) (1-112) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (209) (113-210), bisagra 1-15 (211-225), CH2 (226-335), CH3 E12 (351), M14 (353) (336-440), CHS (441-442)) (113-442)], (215-219')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa (1'-219') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV1-135*01 (90.0%) -IGKJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (90.0%) -IGKJ2*01 (91.7%) Q120>G (105'), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158') V101 (196')) (113'-219')]; dímero (221-221":224-224")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
inhibidor de la proteína tau, enfermedad de Alzheimer

3031519-40-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H")
EVQLVQSGAE VVKPGATVKI SCKASGFNIK DYLLHWVRQR PGQGLEWIGW 50
IDPENGDIVY DPKFQGRATI TADTSTDYAY LQLGSLTSED TAVYFCSTLD 100
FWGQGTLLVT SSASTKGPSV FPLAPSSKST SGGTAALGCL VKDYFPEPVT 150
VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTPVSSSLGT QTYICNVNHK 200
PSNTKVDKKV EPKSCDKTHT CPPCPAPELL GGPSVFLFPP KPKDTLMISR 250
TPEVTCVVVD VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ YNSTYRVVSV 300
LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KALPAPIEKT ISKAKGQPRE PQVYTLPPSR 350
EEMTKNQVSL TCLVKGFYPS DIAVEWESNG QPENNYKTTT PVLDSGDSFF 400
LYSKLTVDKS RWQQGNVFSC SVMHEALHNN YTQKSLSLSP GK 442

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L")
DVVMTQSPLS LPVTLGQPAS ISCKSSQSL L DSDGKTYLNL LQQRPGQSPR 50
RLIYLVGKRD SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGV YYCWQGTTHFP 100
YTFGGGTGLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVL LNNFYPREAK 150
VQWVKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDYSTSL SSTLTLSKAD YEYKHVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNRGEC 219

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 139-195 256-316 362-420
22"-96" 139"-195" 256"-316" 362"-420"
Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'
23"'-93"" 139"'-199""
Inter-H-L (h 5-CL 126) 215-219' 215"-219""
Inter-H-H (h 11, h 14) 221-221" 224-224"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 292, 292"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 442, 442"

morcamilastum
morcamilast

1-[[2-(3,6-diazabicyclo[3.1.1]heptan-3-yl)-7-(1,3-thiazol-2-yl)-1,3-benzoxazol-4-yl]oxy]-1,1-difluoro-2-methylpropan-2-ol
phosphodiesterase 4 (PDE4) inhibitor

morcamilast

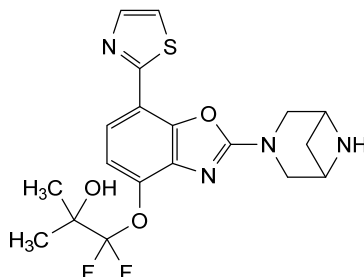
1-[[2-(3,6-diazabicyclo[3.1.1]heptan-3-yl)-7-(1,3-thiazol-2-yl)-1,3-benzoxazol-4-yl]oxy]-1,1-difluoro-2-méthylpropan-2-ol
inhibiteur de la phosphodiesterase 4 (PDE4)

morcamilast

1-[[2-(3,6-diazabicyclo[3.1.1]heptan-3-yl)-7-(1,3-tiazol-2-yl)-1,3-benzoxazol-4-yl]oxy]-1,1-difluoro-2-metilpropan-2-ol
inhibidor de la fosfodiesterasa 4 (PDE4)

C₁₉H₂₀F₂N₄O₃S

2231329-25-0



nebaprubartum #
 nebaprubart

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* FCAR (Fc alpha receptor, CD89)], humanized monoclonal antibody; H-gamma4 heavy chain humanized (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (120-217), hinge 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 L92 (308) (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (120-446)], (133-214')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (225-225'':228-228'')-bisdisulfide, produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, glycoform alfa *immunomodulator*

nébaprubart

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* FCAR (récepteur Fc alpha, CD89)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde H-gamma4 humanisée (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (120-217), charnière 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 L92 (308) (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (120-446)], (133-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (225-225'':228-228'')-bisdisulfure, produit dans une lignée cellulaire des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa *immunomodulateur*

nebaprubart

immunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* FCAR (receptor Fc alfa, CD89)], anticuerpo monoclonal humanizado;

cadena pesada H-gamma4 humanizada (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (120-217), bisagra 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 L92 (308) (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (120-446)], (133-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro, producido en una línea celular de las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa
inmunomodulador

2911556-99-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H")
EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGLTFS SYGMSWVRQA PGKGLLELVAT 50
ISGQGDITYY PDSVKGRETI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARYD 100
DYDYAMYDYG QGTLTVSSSA STKGPSVFPL APCSRSTSES TAALGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPVAVLQSSG LYSLSVSVTV PSSSLGTKTY 200
TCNVDHKPSN TKVDKRVESK YGPPCPPCPA PEFLLGGPSVF LFPFKPKDTL 250
MISRTPEVTC VVVDVSQEDP EVQFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQFNSTYR 300
VVSFLTIVLHQ DWLNGKEYKC KVSNGKLPSS IEKTISKAKG QPREPQVYTL 350
PSPQEEMTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTTFPVLDS 400
GSFFLYSRLT VDKSRWQEGN VFSCSVMEHA LHNHYTQKSL SLSLKG 446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L")
DIQMTQSPFSS LSASVGDRVT ITCRASQDII NYLNWYQQKP GKAVKLLIYY 50
TSRLHSGVPS RFGSGSGSTD YTLTISSLQP EDFATYYCQQ GKTLPYTFGQ 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWVK 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 260-320 366-424
22"-96" 146"-202" 260"-320" 366"-424"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'''-88''' 134'''-194'''
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 133-214' 133"-214"
Inter-H-H (h 8, h 11) 225-225" 228-228"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 296, 296"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 446, 446"

nelvutamigum #
nelvutamig

immunoglobulin (H-gamma1_L-kappa)_scFvk-G1(h-CH2-CH3)
anti-[*Homo sapiens* ENPP3 (ectonucleotide pyrophosphatase/phosphodiesterase 3, CD203c)] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], *Homo sapiens* and humanized monoclonal antibody; bispecific, bivalent;
H-gamma1 heavy chain anti-ENPP3 *Homo sapiens* (H) (1-445) hole [VH (*Homo sapiens* IGHV3-21*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14-67 CH2 A1.3, A1.2, S27, 14-G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 10-G1v83 CH3 R115, F116 (CH1 R120>K (212) (116-213), hinge 1-15 (214-228), CH2

L1.3>A (232), L1.2>A (233), D27>S (263) (229-338), CH3 E12 (354), M14 (356), T22>S (364), L24>A (366), Y86>V (405), H115>R (433), Y116>F (434) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-214')-disulfide with L-kappa light chain anti-ENPP3 *Homo sapiens* (L') (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (98.9%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; heavy chain scFvkh-G1(h-CH2-CH3) anti-CD3E humanized (H") (1"-477") knob [scFvkh anti-CD3E humanized (1"-245"), 11-scFv-v3 C48 (VL)-C10 linker, C13 linker-C120 (VH) [V-KAPPA humanized (*Homo sapiens* IGKV3-11*02 (80.0%) -IGKJ4*01 (100%), Q48>C (41"), CDR-IMGT [5.3.9] (27"-31".49"-51".88"-96")) (1"-106") -18-mer (GGSGSGSGGCPGCGSGG) linker C10 (116"), C13 (119") (107"-124") -VH humanized (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%), Q120>C (237"), CDR-IMGT [8.8.14] (150"-157".175"-182".221"-234")) (125"-245")] - G1(h-CH2-CH3) (246"-477") [*Homo sapiens* IGHG1*03v h-CH2-CH3-CHS, nG1m1 CH3 E12, M14, 15-G1v37 h S5, 6-G1v14-67 CH2 A1.3, A1.2, S27, 14-G1v32 CH3 W22 (knob) (hinge 1-15 C5>S(250") (246"-260"), CH2 L1.3>A (264"), L1.2>A (265"), D27>S (295") (261"-370"), CH3 E12 (386"), M14 (388"), T22>W (396") (371"-475"), CHS (476"-477"))]; dimer (224-256":227-259")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa antineoplastic

nelvutamig

immunoglobuline (H-gamma1_L-kappa)_(scFvkh-G1(h-CH2-CH3)), anti-[*Homo sapiens* ENPP3 (ectonucléotide pyrophosphatase/phosphodiesterase 3, CD203c)] et anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], anticorps monoclonal *Homo sapiens* et humanisé; bispécifique, bivalent; chaîne lourde H-gamma1 anti-ENPP3 *Homo sapiens* (H) (1-445) hole [VH (*Homo sapiens* IGHV3-21*01 (90.8%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14-67 CH2 A1.3, A1.2, S27, 14-G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 10-G1v83 CH3 R115, F116 (CH1 R120>K (212') (116'-213'), charnière 1-15 (214-228), CH2 L1.3>A (232), L1.2>A (233), D27>S (263) (229-338), CH3 E12 (354), M14 (356), T22>S (364), L24>A (366), Y86>V (405), H115>R (433), Y116>F (434) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa anti-ENPP3 *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (98.9%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108-214')]; chaîne lourde scFvkh-G1(h-CH2-CH3) anti-CD3E humanisée (H") (1"-477") knob [scFvkh anti-CD3E humanisé (1"-245"), 11-scFv-v3 C48 (VL)-C10 linker, C13 linker-C120 (VH) [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV3-11*02 (80.0%) -IGKJ4*01 (100%), Q48>C (41"), CDR-IMGT [5.3.9] (27"-31".49"-51".88"-96")) (1"-106") -18-mer (GGSGSGSGGCPGCGSGG) linker C10 (116"), C13

nelvutamig

(119") (107"-124") -[VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%), Q120>C (237"), CDR-IMGT [8.8.14] (150"-157".175"-182".221"-234")) (125"-245")) - G1(h-CH2-CH3) (246"-477") *Homo sapiens* IGHG1*03v h-CH2-CH3-CHS, nG1m1 CH3 E12, M14, 15-G1v37 h S5, 6-G1v14-67 CH2 A1.3, A1.2, S27, 14-G1v32 CH3 W22 (knob) (charnière 1-15 C5>S(250")) (246"-260"), CH2 L1.3>A (264"), L1.2>A (265"), D27>S (295") (261"-370"), CH3 E12 (386"), M14 (388"), T22>W (396") (371"-475"), CHS (476"-477"))]; dimère (224-256":227-259")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
antineoplasique

immunoglobulina (H-gamma1_L-kappa)_(scFvkh-G1(h-CH2-CH3)), anti-[*Homo sapiens* ENPP3 (ectonucleótido pirofosfatasa/fosfodiesterasa 3, CD203c)] y anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 épsilon, Leu-4)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens* y humanizado; biespecífico, bivalente;
cadena pesada H-gamma1 anti-ENPP3 *Homo sapiens* (H) (1-445) hole [VH (*Homo sapiens* IGHV3-21*01 (90.8%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14-67 CH2 A1.3, A1.2, S27, 14-G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 10-G1v83 CH3 R115, F116 (CH1 R120>K (212") (116'-213'), bisagra 1-15 (214-228), CH2 L1.3>A (232), L1.2>A (233), D27>S (263) (229- 338), CH3 E12 (354), M14 (356), T22>S (364), L24>A (366), Y86>V (405), H115>R (433), Y116>F (434) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa anti-ENPP3 *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (98.9%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108-214')]; cadena pesada scFvkh-G1(h-CH2-CH3) anti-CD3E humanizada (H") (1"-477") knob [scFvkh anti-CD3E humanizado (1"-245"), 11-scFv-v3 C48 (VL)-C10 enlace, C13 enlace-C120 (VH) [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV3-11*02 (80.0%) -IGKJ4*01 (100%), Q48>C (41"), CDR-IMGT [5.3.9] (27"-31".49"-51".88"-96")) (1"-106") -18-mer (GGGSGGGSGGCPGSGSGG) enlace C10 (116"), C13 (119") (107"-124") -[VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%), Q120>C (237"), CDR-IMGT [8.8.14] (150"-157".175"-182".221"-234")) (125"-245")) - G1(h-CH2-CH3) (246"-477") *Homo sapiens* IGHG1*03v h-CH2-CH3-CHS, nG1m1 CH3 E12, M14, 15-G1v37 h S5, 6-G1v14-67 CH2 A1.3, A1.2, S27, 14-G1v32 CH3 W22 (knob) (bisagra 1-15 C5>S(250")) (246"-260"), CH2 L1.3>A (264"), L1.2>A (265"), D27>S (295") (261"-370"), CH3 E12 (386"), M14 (388"), T22>W (396") (371"-475"), CHS (476"-477"))]; dímero (224-256":227-259")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
antineoplásico

3029433-56-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: anti-ENPP3 (H) hole
EVQLVESGGG RVKPGGSLRL SCAASGFTFS DYSMNWVRQA PGKGLEWVSS 50
ISSISSYVKY ADSVKGRFTM SRDNAKNSLF LQMNSLRDED MAVVYCARGH 100
YFDYWGQGTL VTVSSASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAL GCLVKDYFPE 150
PVTVSNWSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVPSSS LGTQTYICNV 200
NHKPSNTKVD KKVEPKSCDK THTCPPCPAP EAAGGPSVFL FPPKPKDTLM 250
ISRPIEVTVCV VVSVSHEDPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQYNSTYRV 300
VSVLTVLHQD WLNKEYYCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ PREPQVYTL 350
PSREEMTKNQ VSLSCAVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400
SFFFLVSKLTV DKSRWQQGNV FSCSVMEAL HNRFTQKSL 445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-kappa anti-ENPP3 (L')
EIVMTQSPAT LSVSPGERAT LSCRASQSVS SNLAWYQQKP GLAPRLLIYG 50
ASTRATGIPA RFGSGSGSTE FTLTISSLQS EDFAVYYCQ YNNWPRTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNFEY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSK STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGE 214

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: scFvkh-G1(h-CH2-CH3) anti-CD3E (H'') knob
EIVLTQSPAT LSASPGERV LSCSASSVS YMNWYQQKPG CAPRRWIYDS 50
SKLASGVPAR FSGSGSGRDY TLTISSELEP DFAVYYCQW SRNPPTFGG 100
TKVEIKGGGS GSGSGCPCPG GSGGQVQLVQ SGAEVKKPGS SVKVSCKASG 150
YTFTRSTMHW VKQAPGQGLE WIGYINPSSA YTNYNQKFGQ RVTLTADKST 200
STAYMELSSL RSEDVAVYC ASPQVHYDYA GFPYWGCGTL VTVSSEPKSS 250
DKTHTCPPCP APEAAGGPSV FLFPPKPKDT LMISRTPEVT CVVVSVSHED 300
PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQYNSTY RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK 350
CKVSNKALPA PIEKTISKAK GQPREPQVYT LPFSREEMTK NQVSLWCLVK 400
GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTFPVLDS DGSEFFLYSKL TVDKSRWQQG 450
NVFSCSVME ALHNHYTQKS LSLSPGK 477

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 142-198 259-319 365-423
Intra-L' (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
Inter-H-L' (h 5-CL 126) 218-214'
Intra-H" (C23-C104) 23"-87" 146"-220" 291"-351" 397"-455"
Intra-H" (C48 VL-C10 linker)* 41"-116"
Intra-H" (C13 linker-VH C120)* 119"-237"
Inter-H-H" (h 11, h 14) 224-256" 227-259"
*Engineered additional bonds to stabilize the scFv (11-scFv-v3 variant).
Total number of disulfide bridges: 15 (12 intra-, 3 inter-).

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 295, 327"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 445, 477"

nolgileucelum
nolgileucel

human culture expanded activated autologous tumour-infiltrating lymphocytes (TIL) isolated from melanoma or other advanced malignant solid tumours. The cells are mechanically isolated from resected tumour biopsy and cultured in serum-free media containing recombinant interleukin 2 (IL-2), IL-7 and IL-15. The cells are then activated and expanded in culture vessels coated with anti-CD3 and anti-CD28 antibodies and media containing human AB serum, IL-2, IL-7 and IL-15 without feeder cells. The final substance is a combination of natural killer (NK) cells and T lymphocytes, with the CD45+CD3+ T lymphocytes >60% and the proportion of NK cells /T lymphocytes ≥90%. The T lymphocytes demonstrate cytolytic activity (≥10%) against a genetically modified cancer cell line (SKOV3) and secrete interferon gamma (IFN-γ) in a co-culture based assay
cell therapy (antineoplastic)

nolgileucel	lymphocytes infiltrants les tumeurs (LIT) autologues humains, activés et développés en culture, isolés de mélanomes ou d'autres tumeurs solides malignes avancées. Les cellules sont isolées mécaniquement à partir d'une biopsie tumorale réséquée et cultivées dans un milieu sans sérum contenant de l'interleukine 2 (IL-2), de l'IL-7 et de l'IL-15 recombinantes. Les cellules sont ensuite activées et développées dans des récipients de culture recouverts d'anticorps anti-CD3 et anti-CD28 et dans un milieu contenant du sérum humain AB, de l'IL-2, de l'IL-7 et de l'IL-15, sans cellules nourricières. La substance finale est une combinaison de cellules tueuses naturelles (NK) et de lymphocytes T, avec des lymphocytes T CD45+CD3+ >60% et une proportion de cellules NK/lymphocytes T ≥90%. Les lymphocytes T présentent une activité cytolytique (≥10%) contre une lignée cellulaire cancéreuse génétiquement modifiée (SKOV3), et sécrètent de l'interféron gamma (IFN-γ) lors d'un test de co-culture <i>thérapie cellulaire (antinéoplasique)</i>
nolgileucel	linfocitos infiltrantes de tumor (TIL) autólogos humanos, activados y expandidos en cultivo, aislados de melanoma o otros tumores sólidos malignos avanzados. Las células se aíslan mecánicamente a partir de biopsias de tumor extirpado y se cultivan en medio libre de suero que contiene interleuquina 2 (IL-2), IL-7 e IL-15. Las células después se activan y expanden en cultivo en frascos forrados con anticuerpos anti-CD3 y anti-CD-28 y medio que contiene suero AB humano, IL-2, IL-7 e IL-15 sin células alimentadoras. La substancia final es una combinación de células NK y linfocitos T, con los linfocitos T CD45+CD3+ >60% y la proporción de células NK/linfocitos T ≥90%. Los linfocitos T muestran actividad citotóxica (≥10%) frente a una línea de células cancerosas modificada genéticamente (SKOV3) y secretan interferón gamma (IFN-γ) en un ensayo basado en co-cultivo <i>terapia celular (antineoplásico)</i>
notiretatugum # notiretatug	immunoglobulin G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> NECTIN4 (nectin-4, nectin cell adhesion molecule 4, PVRL4, poliovirus receptor-related 4, PPR4, LNIR)], <i>Homo sapiens</i> monoclonal antibody; H-gamma1 heavy chain <i>Homo sapiens</i> (1-455) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*03 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.19] (26-33.51-57.96-114)) (1-125) - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (222) (126-223), hinge 1-15 (224-238), CH2 (239-348), CH3 D12 (364), L14 (366) (349-453), CHS (454-455)) (126-455)], (228-214')-disulfide with L-kappa light chain <i>Homo sapiens</i> (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ5*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (234-234":237-237")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa <i>antineoplastic</i>
notirétatug	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> NECTIN4 (nectine-4, molécule d'adhésion cellulaire nectine 4, PVRL4, apparenté 4 du récepteur du poliovirus, PPR4, LNIR)], anticorps monoclonal <i>Homo sapiens</i> ; chaîne lourde H-gamma1 <i>Homo sapiens</i> (1-455) [VH (<i>Homo</i>

sapiens IGHV3-23*03 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.19] (26-33.51-57.96-114)) (1-125) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (222) (126-223), charnière 1-15 (224-238), CH2 (239-348), CH3 D12 (364), L14 (366) (349-453), CHS (454-455)) (126-455)], (228-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ5*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97'')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (234-234":237-237'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
antinéoplasique

notiretatug

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* NECTIN4 (nectina-4, molécula de adhesión celular nectina 4, PVRL4, receptor del poliovirus relacionado 4, PPR4, LNIR)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-455) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.19] (26-33.51-57.96-114)) (1-125) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (222) (126-223), bisagra 1-15 (224-238), CH2 (239-348), CH3 D12 (364), L14 (366) (349-453), CHS (454-455)) (126-455)], (228-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ5*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97'')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (234-234":237-237'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
antineoplásico

3036556-50-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H')

```
EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYAMSWVRQA PGKGLEWVSA 50
IYSGGSTYYA DSVKGRFTIS RDNSKNTLYL QMNSLRAEDT AVYYCTRHGG 100
DSGGSWSYYY GMDVWGQGT TTVSSASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAL 150
GCLVKDYFPE PTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVTVTPSSS 200
LGTQTYICNV NKKPSNTKVD KKVEPKSCDK THTCPPCPAP ELLGGPSVFL 250
FPPKPKDTLM ISRTPEVTCV VVDVSHEDPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR 300
EEQYNSTYRV VSVLTVLHQD WLNKGKEYCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ 350
PREPQVYTLF PSRDELTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK 400
TTPPVLDSDG SFFLYSKLTV DKSRWQQGNV FSCSVMHLEAL HNHYTQKSL 450
LSPGK 455
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L', L'')

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQIS SYLNWYQQKP GKAPKLLIYA 50
ASSLQSGVPS RFGSGSGTD FTLTISLQF EDFATYYCQ SYSTPLTFGQ 100
GTRLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYERHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-95 152-208 269-329 375-433
22"-95" 152"-208" 269"-329" 375"-433"

Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194"
23'''-88''' 134'''-194'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 228-214' 228"-214'''

Inter-H-H (h 11, h 14) 234-234" 237-237'''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:305, 305"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2:455, 455"

notiretatugum rezetecanum #

notiretatug rezetecan

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* NECTIN4 (nectin-4, nectin cell adhesion molecule 4, PVRL4, poliovirus receptor-related 4, PPR4, LNIR)], *Homo sapiens* monoclonal antibody, conjugated on an average of four cysteinyl residues to *rezetecan*, comprising a linker and a camptothecin derivative (*exatecan*); H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-455) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.19] (26-33.51-57.96-114)) (1-125) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (222) (126-223), hinge 1-15 (224-238), CH2 (239-348), CH3 D12 (364), L14 (366) (349-453), CHS (454-455)) (126-455)], (228-214')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ5*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (234-234'':237-237'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa; produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa; substituted at the sulfur atoms of four L-cysteinyl residues on an average among 228, 234, 237, 214', 228'', 234'', 237'' and 214''' with (3RS)-1-[(2R,10S)-10-benzyl-2-cyclopropyl-1-[[[(1S,9S)-9-ethyl-5-fluoro-9-hydroxy-4-methyl-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1H,12H-benzo[de]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinolin-1-yl]amino]-1,6,9,12,15,18-hexaoxo-3-oxa-5,8,11,14,17-pentaazatricosan-23-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl (*rezetecan*) groups *antineoplastic*

notirétatug rézétécan

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* NECTIN4 (nectine-4, molécule d'adhésion cellulaire nectine 4, PVRL4, apparenté 4 du récepteur du poliovirus, PPR4, LNIR)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*, conjugué par quatre résidus cystéinyles en moyenne au *rézétécan*, comprenant un linker et un dérivé de la camptothécine (*exatécan*); chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-455) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.19] (26-33.51-57.96-114)) (1-125) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (222) (126-223), charnière 1-15 (224-238), CH2 (239-348), CH3 D12 (364), L14 (366) (349-453), CHS (454-455)) (126-455)], (228-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ5*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101

(C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214'); dimère (234-234":237-237")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa; substitué, sur les atomes de soufre de quatre résidus L-cystéinyle en moyenne parmi 228, 234, 237, 214', 228", 234", 237" et 214"', avec des groupes (3RS)-1-[(2R,10S)-10-benzyl-2-cyclopropyl-1-[[[(1S,9S)-9-éthyl-5-fluoro-9-hydroxy-4-méthyl-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1H,12H-benzo[de]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinoléin-1-yl]amino]-1,6,9,12,15,18-hexaoxo-3-oxa-5,8,11,14,17-pentaazatricosan-23-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle (*rezetecán*)
antineoplasique

notiretatug rezetecán

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* NECTIN4 (nectina-4, molécule de adhésion cellulaire nectina 4, PVRL4, receptor del poliovirus relacionado 4, PPR4, LNIR)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*, conjugado, por cuatro residuos de cisteinilo, por término medio a *rezetecán*, que comprende un enlace y un derivado de la camptotecina (*exatecán*); cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-455) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*03 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.19] (26-33.51-57.96-114)) (1-125) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (222) (126-223), bisagra 1-15 (224-238), CH2 (239-348), CH3 D12 (364), L14 (366) (349-453), CHS (454-455)) (126-455)], (228-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ5*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (234-234":237-237")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa; sustituido, en los átomos de azufre de cuatro residuos de L-cisteinilo en promedio de 228, 234, 237, 214', 228", 234", 237" y 214"', con grupos (3RS)-1-[(2R,10S)-10-bencil-2-ciclopropil-1-[[[(1S,9S)-9-etil-5-fluoro-9-hidroxi-4-metil-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahidro-1H,12H-benzo[de]pirano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinolein-1-il]amino]-1,6,9,12,15,18-hexaoxo-3-oxa-5,8,11,14,17-pentaazatricosan-23-il]-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo (*rezetecán*)
antineoplásico

3036556-53-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVQLLESGGG	LVQPGGSLRL	SCAASGFTFS	SYAMSWVRQA	PGKGLEWVSA	50
IYSGGSTYYA	DSVKGRFTIS	RDNSKNTLYL	QMNSLRAEDT	AVYYCTRHGG	100
DSGSWSYyyy	GMDVWGQGT	VTVSSASTKG	PSVFPLAPSS	KSTSGGTAAL	150
GCLVKDYFPE	PVTVSWNSGA	LTSGVHTFPA	VLQSSGLYSL	SSVVTVPSSS	200
LGTQTYICNV	NHKPSNTKVD	KKVEPKSCDK	THTCPPCPAP	ELLGGPSVFL	250
FPPKPKDTLM	ISRTPVETCV	VVDVSHEDPE	VKFNWYVDGV	EVHNAKTKPR	300
EEQYNSTYRV	VSVLTVLHQD	WNLGKEYKCK	VSNKALPAPI	EKTISKAKGQ	350
PREPQVYTL	PSRDELTKNQ	VSLTCLVKGF	YPSDIAVEWE	SNGQPENNYK	400
TPPPVLDSDG	SFFLYSKLTV	DKSRWQQGNV	FSCSVMEAL	HNHYTQKSLS	450
LSPGK					455

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS	LSASVGDRTV	ITCRASQSI	SYLNWYQKP	GKAPKLLIYA	50
ASSLQSGVPS	RFSGSGSGTD	FTLTISSLQ	EDFATYYCQ	SYSTPLTFGQ	100
GRLEIKRTV	AAPSVFIFPP	SDEQLKSGTA	SVVCLNNFY	PREAKVQWKV	150
DNALQSGNSQ	ESVTEQDSKD	STYLSSTLT	LSKADYEKHK	VYACEVTHQG	200
LSPVTKSFN	RGEC				214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22°-95" 152°-208" 269°-329" 375°-433"
 22°-95" 152°-208" 269°-329" 375°-433"

Intra-L (C23-C104) 23°-88' 134°-194'
 23°-88' 134°-194'

Inter-H-L (h 5-CL 126) 228°-214' 228°-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 234°-234" 237°-237"

*Two or three of the four inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 4 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

*Deux ou trois des quatre ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 4 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

*Dos o tres de los cuatro puentes disulfuro inter-catenarios no están presentes, una media de 4 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 305, 305"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

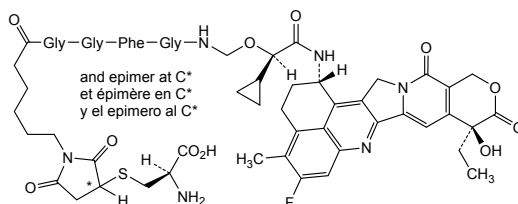
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 455, 455"

Modified residues / résidus modifiés / restos modificados*

C (228, 234, 237, 214', 228", 234", 237", 214")

*(rezetecan:mAb ~ 4:1)

**ocipumaltibum**

ocipumaltib

N-{6-chloro-4-[(1*S*)-1-methoxyethyl]-1,5-naphthyridin-3-yl}-*N'*-[6-(2*H*-1,2,3-triazol-2-yl)-5-(trifluoromethyl)pyridin-3-yl]urea
antineoplastic

ocipumaltib

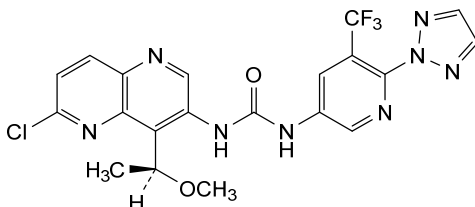
N-[6-chloro-4-[(1*S*)-1-méthoxyéthyl]-1,5-naphtyridin-3-yl]-*N'*-[6-(2*H*-1,2,3-triazol-2-yl)-5-(trifluorométhyl)pyridin-3-yl]urée
antineoplasique

ocipumaltib

N-[6-cloro-4-[(1*S*)-1-metoxietil]-1,5-naftiridin-3-il]-*N'*-[6-(2*H*-1,2,3-triazol-2-il)-5-(trifluorometil)piridin-3-il]urea
antineoplásico

C₂₀H₁₆ClF₃N₈O₂

2434602-26-1



odafosfamidum

odafosfamide

(1*S*)-1-{3-[3-(diméthylcarbamoyl)phénoxy]-4-nitrophényl}éthyl bis(aziridin-1-yl)phosphinate
alkylating agent, antineoplastic

odafosfamide

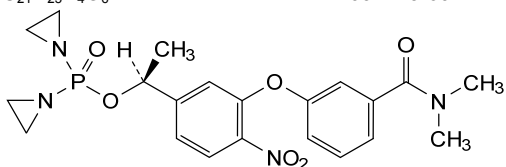
bis(aziridin-1-yl)phosphinate de (1*S*)-1-{3-[3-(diméthylcarbamoyl)phénoxy]-4-nitrophényl}éthyle
agent alkylant, antinéoplasique

odafosfamida

bis(aziridin-1-il)fosfinato de (1*S*)-1-{3-[3-(dimetilcarbamoil)fenoxi]-4-nitrofenil}etilo
agente alquilante, antineoplásico

C₂₁H₂₅N₄O₆P

2097713-69-2



ogivetgenum parvecum #

ogivetgene parvec

recombinant non-replicating adeno-associated virus serotype 1 (rAAV1) vector encoding feline erythropoietin (fEPO) under control of a human cytomegalovirus (CMV) immediate early enhancer/chicken β -actin hybrid promoter and a rabbit β -globin (RBG) polyadenylation (polyA) signal. The expression cassette also contains a chimeric intron consisting of intron 1 of the chicken β -actin gene and a 3'-splice acceptor region from the rabbit β -globin gene upstream of the transgene and is flanked by AAV2 inverted terminal repeats
gene therapy (veterinary use)

ogivetgène parvec

vecteur recombinant non répliatif du virus adéno-associé de sérotype 1 (rAAV1) codant l'érythropoïétine féline (fEPO) sous le contrôle d'un promoteur hybride activateur précoce immédiat du cytomégalo virus humain (CMV)/ β -actine de poulet et d'un signal de polyadénylation (polyA) de la β -globine de lapin (RBG). La cassette d'expression contient également un intron chimérique constitué de l'intron 1 du gène de la β -actine de poulet et d'une région acceptrice d'épissage en 3' du gène de la β -globine de lapin en amont du transgène, et est flanquée de répétitions terminales inversées du gène AAV2
thérapie génique (usage vétérinaire)

ogivetgén parvec

vector de virus adenoasociado del serotipo 1, recombinante (rAAV1), no replicativo, que codifica la eritropoyetina felina (fEPO) bajo el control de un potenciador inmediato temprano de citomegalovirus (CMV) humano/promotor híbrido de la β -actina de pollo y una señal de poliadenilación (poliA) de la β -globina de conejo (RBG). El casete de expresión también contiene un intrón quimérico que consta del intrón 1 de la β -actina de pollo y una región aceptora del procesamiento 3' del gen de la β -globina de conejo más arriba del transgén y está flanqueado por repeticiones terminales invertidas de AAV2
terapia génica (uso veterinario)

2348502-26-9

olastrocelum

olastrocel

allogeneic mesenchymal stromal cells (MSC), culture expanded from a master cell bank (MCB), derived from umbilical cord subepithelial tissue digested by a recombinant enzyme of non-animal origin, excluding cells derived from Wharton's jelly or blood. The MCB is created by initial culture of the cells from cord tissue in xeno-free medium containing 10% human platelet lysate, followed by the explants being further expanded in xeno-free medium containing 10% human platelet lysate. Defrosted cells from the MCB are further sub-cultured in medium containing 5% human platelet lysate. The MSC cells can differentiate into osteoblasts, chondrocytes, and adipocytes, and have the capability to differentiate into various other cell types. The MSCs express high levels ($\geq 90\%$) of multipotent stromal cell markers CD90 and CD105 and low levels ($\leq 10\%$) of CD34 and CD45 and demonstrate inhibition of tumour necrosis factor alpha (TNF α) secretion by lipopolysaccharide (LPS)-activated macrophages in a co-culture assay
terapia celular (diabetes mellitus tipo 1)

olastrocel

cellules stromales mésenchymateuses (CSM) allogéniques développées en culture à partir d'une banque de cellules mères (BCM), dérivées du tissu sous-épithélial de cordon ombilical digéré par une enzyme recombinante d'origine non animale, à l'exclusion des cellules issues de la gelée de Wharton ou du sang. La BCM est créée par la culture initiale

des cellules du tissu ombilical dans un milieu sans xénogreffe contenant 10 % de lysat plaquettaire humain, puis par une nouvelle expansion des explants dans un milieu sans xénogreffe contenant 10% de lysat plaquettaire humain. Les cellules décongelées de la BCM sont ensuite repiquées dans un milieu contenant 5% de lysat plaquettaire humain. Les CSM peuvent se différencier en ostéoblastes, chondrocytes et adipocytes, et ont la capacité de se différencier en divers autres types cellulaires. Les CSM expriment des niveaux élevés ($\geq 90\%$) de marqueurs de cellules stromales multipotentes CD90 et CD105 et de faibles niveaux ($\leq 10\%$) de CD34 et CD45 et démontrent une inhibition de la sécrétion du facteur de nécrose tumorale alpha (TNF α) par les macrophages activés par le lipopolysaccharide (LPS), dans un test de co-culture

thérapie cellulaire (diabète sucré de type 1)

olastrocel

células estromales mesenquimales (MSC) alogénicas, expandidas en cultivo a partir de un banco de células maestro (BCM), derivadas del tejido subepitelial de cordón umbilical digerido mediante una enzima recombinante de origen no animal, excluyendo células derivadas de la gelatina de Wharton o de la sangre. El BCM se crea mediante el cultivo inicial de las células de tejido del cordón en medio sin sustancias xenogénicas que contiene un 10% de lisado plaquetario humano, seguido por expansión adicional de los explantes en medio sin sustancias xenogénicas que contiene 10% de lisado plaquetario humano. Las células descongeladas del BCM se subcultivan adicionalmente en medio que contiene un 5% de lisado plaquetario humano. Las MSC pueden diferenciarse en osteoblastos, condrocitos y adipocitos, y tienen la capacidad de diferenciarse en otros varios tipos celulares. Las MSC expresan altos niveles ($\geq 90\%$) de los marcadores de células estromales multipotentes CD90 y CD105, y bajos niveles ($\leq 10\%$) de CD34 y CD45, y muestran inhibición de la secreción de factor de necrosis tumoral alfa (TNF α) en un ensayo de co-cultivo con macrófagos activados por lipopolisacárido (LPS)

terapia celular (diabetes melitus tipo 1)

olsutamigum #
olsutamig

immunoglobulin (H-gamma4_L-kappa)_(H-gamma4_L-kappa), anti-[*Homo sapiens* FOLH1 (folate hydrolase, prostate specific membrane antigen, PSMA)] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], *Homo sapiens* monoclonal antibody, bispecific, bivalent;
H-gamma4 heavy chain anti-FOLH1 *Homo sapiens* (H) (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*18 (94.9%) - (IGHD) -IGHJ1*01 (90.9%) L123>M (119), CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113))] (1-124) -*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 1-G4v50 CH2 delE1.4, P1.3, V1.2, A1.1(CH1 (125-222), hinge 1-12 S10>P (232) (223-234), CH2 E1.4>del,

L1.3>P (237), L1.2>V (238), G1.1>A (239), L92 (312) (235-343), CH3 (344-448), CHS (449-450)) (125-450)], (138-215')-disulfide with common L-kappa light chain *Homo sapiens* (L') (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT[6.3.10] (27'-32'.50'-52'.89'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192') (109'-215'))];
H-gamma4 heavy chain anti-CD3 *Homo sapiens* (H") (1"-450") [VH (*Homo sapiens* IGHV3-9*01 (99.0%) - (IGHD) -IGHJ6*01 (94.7%), CDR-IMGT [8.8.17] (26"-33".51"-58".97"-113")) (1"-124") -*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 1-G4v50 CH2 delE1.4, P1.3, V1.2, A1.1, 10-G4v8 CH3 R115, F116, P125(CH1 (125"-222"), hinge 1-12 S10>P (232") (223"-234"), CH2 E1.4>del, L1.3>P (237"), L1.2>V (238"), G1.1>A (239"), L92 (312") (235"-343"), CH3 H115>R (438), Y116>F (439), L125>P (448) (344"-448"), CHS (449"-450")) (125"-450")], (138"-215'")-disulfide with common L-kappa light chain *Homo sapiens* (L'") (1'""-215'") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27'""-32'""-52'""-89'""-98'"")) (1'""-108'"" -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'""), V101 (192'"")) (109'""-215'"")];
dimer (230-230'":233-233'")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
antineoplastic

olsutamig

immunoglobuline (H-gamma4_L-kappa)_ (H-gamma4_L-kappa), anti-[*Homo sapiens* FOLH1 (folate hydrolase, antigène membranaire spécifique de la prostate, PSMA)] et anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*, bispécifique, bivalent;
chaîne lourde H-gamma4 anti-FOLH1 *Homo sapiens* (H) (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*18 (94.9%) - (IGHD) -IGHJ1*01 (90.9%) L123>M (119), CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113)) (1-124) -*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 1-G4v50 CH2 delE1.4, P1.3, V1.2, A1.1(CH1 (125-222), charnière 1-12 S10>P (232) (223-234), CH2 E1.4>del, L1.3>P (237), L1.2>V (238), G1.1>A (239), L92 (312) (235-343), CH3 (344-448), CHS (449-450)) (125-450)], (138-215')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa commune *Homo sapiens* (L') (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27'-32'.50'-52'.89'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192') (109'-215'))];
chaîne lourde H-gamma4 anti-CD3 *Homo sapiens* (H") (1"-450") [VH (*Homo sapiens* IGHV3-9*01 (99.0%) - (IGHD) -IGHJ6*01 (94.7%), CDR-IMGT [8.8.17] (26"-33".51"-58".97"-113")) (1"-124") -*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 1-G4v50 CH2 delE1.4, P1.3, V1.2, A1.1, 10-G4v8 CH3 R115, F116, P125(CH1 (125"-222"), charnière 1-12 S10>P (232") (223"-234"), CH2 E1.4>del, L1.3>P (237"), L1.2>V (238"), G1.1>A (239"), L92 (312")

(235"-343"), CH3 H115>R (438), Y116>F (439), L125>P (448) (344"-448"), CHS (449"-450")) (125"-450")), (138"-215")-disulfure avec la chaîne légère L-kappa commune *Homo sapiens* (L'') (1"-215'') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) - IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27'''-32'''-50'''-52'''-89'''-98''')) (1'''-108''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'''), V101 (192''') (109'''-215'''))]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa antinéoplasique

olsutamig

inmunoglobulina (H-gamma4_L-kappa)_(H-gamma4_L-kappa), anti-[*Homo sapiens* FOLH1 (folato hidrolasa, antígeno membranario específico de la próstata, PSMA)] y anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 épsilon, Leu-4)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*, biespecífico, bivalente; cadena pesada H-gamma4 anti-FOLH1 *Homo sapiens* (H) (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*18 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (90.9%) L123>M (119), CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113)) (1-124) -*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 1-G4v50 CH2 delE1.4, P1.3, V1.2, A1.1(CH1 (125-222), bisagra 1-12 S10>P (232) (223-234), CH2 E1.4>del, L1.3>P (237), L1.2>V (238), G1.1>A (239), L92 (312) (235-343), CH3 (344-448), CHS (449-450)) (125-450)], (138-215')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa común *Homo sapiens* (L') (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27'-32'.50'-52'.89'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192') (109'-215'))]; cadena pesada H-gamma4 anti-CD3 *Homo sapiens* (H'') (1"-450'') [VH (*Homo sapiens* IGHV3-9*01 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (94.7%), CDR-IMGT [8.8.17] (26"-33".51"-58".97"-113'')) (1"-124'') -*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 1-G4v50 CH2 delE1.4, P1.3, V1.2, A1.1, 10-G4v8 CH3 R115, F116, P125(CH1 (125"-222''), bisagra 1-12 S10>P (232'') (223"-234''), CH2 E1.4>del, L1.3>P (237''), L1.2>V (238''), G1.1>A (239''), L92 (312'') (235"-343''), CH3 H115>R (438), Y116>F (439), L125>P (448) (344"-448''), CHS (449"-450'')) (125"-450'')), (138"-215'')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa común *Homo sapiens* (L'') (1'''-215''') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) - IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27'''-32'''-50'''-52'''-89'''-98''')) (1'''-108''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'''), V101 (192''') (109'''-215'''))]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa antineoplásico

3034664-43-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: H-gamma4 anti-FOLH1 (H)
QVQLVESGGG VVQPGRLRL SCAASGFTFS SYGMHWVRQA PGKLEWVAV 50
ISYAGNNKYY ADSVKGRFTV SRDNSKKTLY LQMNSLRSED TAVYYCAKDS 100
YYDFLTDPDV LDIWGQGTMTV TVSSASTKGP SVFPLAPCSR STSESTAALG 150
CLVKDYFPEP VTVSWNSGAL TSGVHTFPAV LQSSGLYSL SVVTVPSSSL 200
GKTTYTCNVD HKPSNTKVDK RVESKYGPPC PPCAPPVAG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS QEDPEVQFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQFN 300
STYRVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKG LPSSIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSQEE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPV 400
LDSGGSFFLY SRLTVDKSRW QEGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSLGK 450

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: H-gamma4 anti-CD3 (H")
EVQLVESGGG LVQPGRLRL SCAASGFTFD DYSMHWVRQA PGKLEWVSG 50
ISWNSGSGIGY ADSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TALYYCAKYG 100
SGYGKFFYYG MDVWGQGTTV TVSSASTKGP SVFPLAPCSR STSESTAALG 150
CLVKDYFPEP VTVSWNSGAL TSGVHTFPAV LQSSGLYSL SVVTVPSSSL 200
GKTTYTCNVD HKPSNTKVDK RVESKYGPPC PPCAPPVAG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS QEDPEVQFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQFN 300
STYRVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKG LPSSIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSQEE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPV 400
LDSGGSFFLY SRLTVDKSRW QEGNVFSCSV MHEALHNRYT QKSLSLSLPGK 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-kappa common (L', L")
DIQMTQSPSS LSASVGRDRT ITCRASQSI SYLNWYQQKPK GKAPKLLIYA 50
ASSLQSGVPS RFGSGSGGTD FTLTISLQPE EDFATYYCQQ SYSTPPIITFG 100
QGTRELETKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLNNF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYLSSTL TSKADYEKH KVYACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGEV 215

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22'-96' 151'-207' 264'-324' 370'-428'
Intra-H" (C23-C104) 22"-96" 151"-207" 264"-324" 370"-428"
Intra-L' (C23-C104) 23'-88' 135'-195'
Intra-L" (C23-C104) 23"-88" 135"-195"
Inter-H-L', inter-H"-L" (CH1 10-CL 126) 138'-215' 138"-215"
Inter-H-H' (h 8, h 11) 230'-230" 233'-233"
Total number of disulfide bridges: 16 (12 intra-, 4 inter-).

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxopropyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 300, 300"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 450, 450"

ordastobartum #
ordastobart

immunoglobulin only-heavy-chain G1 (VH-VH-VH-h-CH2-CH3-CHS) dimer, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF4 (tumor necrosis factor receptor (TNFR) superfamily member 4, OX40, CD134)], humanized monoclonal antibody, monospecific, hexavalent; only-heavy-chain G1 (VH-VH-VH-h-CH2-CH3-CHS) humanized (1-588) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%) W118>R (105), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-113) -8-mer (lysyl-prolyl-bis(diglycyl-seryl) linker (114-121) -VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%) W118>R (226), CDR-IMGT [8.8.8] (147-154.172-179.218-225)) (122-234) -8-mer (lysyl-prolyl-diglycyl-diseryl-glycyl-seryl) linker (235-242) -VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%) W118>R (347), CDR-IMGT [8.8.8] (268-275.293-300.339-346)) (243-355) -6-mer (lysyl-

	prolyl-tetraglycyl) linker (356-361) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01 h-CH2-CH3-CHS (100%) G1m17,1 CH3 D12, L14 (hinge 6-15 (362-371), CH2 (372-481), CH3 D12 (497), L14 (499) (482-586), CHS (587-588)) (362-588)]; dimer (367-367":370-370")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-DG44, glycoform alfa <i>immunostimulant, antineoplastic</i>
ordastobart	immunoglobuline chaîne-lourde-seulement G1 (VH-VH-VH-h-CH2-CH3-CHS) dimère, anti-[<i>Homo sapiens</i> TNFRSF4 (membre 4 de la superfamille des récepteurs des facteurs de nécrose tumorale (TNFR), OX40, CD134)], anticorps monoclonal humanisé, monospécifique, hexavalent; chaîne-lourde-seulement G1 (VH-VH-VH-h-CH2-CH3-CHS) humanisée (1-588) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*01 (81.6%) - (IGHD) -IGHJ1*01 (100%) W118>R (105), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-113) -8-mer (lysyl-prolyl-bis(diglycyl-séryl) linker (114-121) -VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*01 (81.6%) - (IGHD) -IGHJ1*01 (100%) W118>R (226), CDR-IMGT [8.8.8] (147-154.172-179.218-225)) (122-234) -8-mer (lysyl-prolyl-diglycyl-diséryl-glycyl-séryl) linker (235-242) -VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*01 (81.6%) - (IGHD) -IGHJ1*01 (100%) W118>R (347), CDR-IMGT [8.8.8] (268-275.293-300.339-346)) (243-355) -6-mer (lysyl-prolyl-tétraglycyl) linker (356-361) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01 h-CH2-CH3-CHS (100%) G1m17,1 CH3 D12, L14 (charnière 6-15 (362-371), CH2 (372-481), CH3 D12 (497), L14 (499) (482-586), CHS (587-588)) (362-588)]; dimère (367-367":370-370")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-DG44, glycoforme alfa <i>immunostimulant, antinéoplasique</i>
ordastobart	immunoglobulina cadena-pesada-solamente G1 (VH-VH-VH-h-CH2-CH3-CHS) dímero, anti-[<i>Homo sapiens</i> TNFRSF4 (miembro 4 de la superfamilia de los receptores de los factores de necrosis tumoral (TNFR), OX40, CD134)], anticuerpo monoclonal humanizado, monoespecífico, hexavalente; cadena-pesada-solamente G1 (VH-VH-VH-h-CH2-CH3-CHS) humanizada (1-588) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*01 (81.6%) - (IGHD) -IGHJ1*01 (100%) W118>R (105), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-113) -8-mer (lisil-proliil-bis(diglicil-seril) enlace (114-121) -VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*01 (81.6%) - (IGHD) -IGHJ1*01 (100%) W118>R (226), CDR-IMGT [8.8.8] (147-154.172-179.218-225)) (122-234) -8-mer (lisil-proliil-diglicil-diseril-glicil-seril) enlace (235-242) -VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*01 (81.6%) - (IGHD) -IGHJ1*01 (100%) W118>R (347), CDR-IMGT [8.8.8] (268-275.293-300.339-346)) (243-355) -6-mer (lisil-proliil-tetraglicil) enlace (356-361) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01 h-CH2-CH3-CHS (100%) G1m17,1 CH3 D12, L14 (bisagra 6-15 (362-371), CH2 (372-481), CH3 D12 (497), L14 (499) (482-586), CHS (587-588)) (362-588)]; dímero (367-367":370-370")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-DG44, forma glicosilada alfa <i>inmunoestimulante, antineoplásico</i>

2708115-83-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada VH-VH-VH-h-CH2-CH3-CHS (H, H")
EVQLLESGGG EVQPGGSLRL SCAASGFTFS DAFMYWVRQA PGKEREWVSS 50
ISNRGLKTAY AESVKGRFTI SRDNAKNTLY LQMSSLRAED TAVYYCSRDV 100
DADFRGQGTFL VTVKPGGSGG SEVQLLESGG GEVQPGGSLR LSCAASGFTF 150
SDAFMYWVRQ APGKEREWVS SISNRGLKTA YAESVKGRFT ISRDNAKNTL 200
YLQMSSLRAE DTAVYYCSRQ VDADFRGQGT LVTVPKGGSS GSEVQLLESG 250
GGEVQPGGSL RLSCAASGFT FSDAFMYWVR QAPGKEREWV SSISNRGLKT 300
AYAESVKGRF TISRDNAKNT LYLQMSSLRA EDTAVYYCSR DVDADFRGQG 350
TLVTVPKGGG GDKTHTCPPC PAPELLGGPS VFLEPPKPKD TLMISRTPEV 400
TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST YRVVSVLTVL 450
HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY TLPPSRDEL 500
KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPVLD SDGSFFLYSK 550
LTVDKSRWQQ GNVFSCSMVH EALHNHYTQK SLSLSPGK 588

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 143-217 264-338 402-462 508-566

22"-96" 143"-217" 264"-338" 402"-462" 508"-566"

Inter-H-H (h 11, h 14) 367-367" 370-370"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2N84.4: 438, 438"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 588, 588"

peclacabtagenum geleucelum #

peclacabtagene geleucel

allogeneic T lymphocytes obtained from cryopreserved leukapheresis material of healthy donors, electroporated with CRISPR/Cas12a (clustered regularly interspaced short palindromic repeats/ CRISPR-associated protein 12a) hybrid RNA-DNA (chRDNA) nucleoprotein complexes to knock out (i) the T cell receptor alpha chain constant (*TRAC*), (ii) the beta-2 microglobulin (*B2M*) locus, and (iii) the *PDCD1* locus. The cells are also transduced with two recombinant adeno-associated virus serotype 6 (rAAV6) vectors to introduce (i) an anti-C-type lectin domain family 12 member A (CLEC12A, CLL-1, CD371) chimeric antigen receptor (CAR) flanked by *TRAC* homology regions that are inserted into the lymphocyte DNA by homology-directed repair, and (ii) a B2M-HLA-E peptide fusion protein flanked by beta-2 microglobulin (*B2M*) homology regions that are also inserted into the lymphocyte DNA by homology-directed repair.

The anti-CLL-1 CAR expression cassette comprises in reverse orientation the synthetic MND promoter, Kozak sequence, CD8 α signal sequence, anti-CLL-1 single chain variable fragment (scFv), CD28 hinge region, CD28 transmembrane (TM) domain, CD28 co-stimulatory domain and CD3 ζ signaling domain, followed by a bovine growth hormone (BGH) polyadenylation sequence. The B2M-HLA-E peptide fusion protein expression cassette comprises a P2A skipping sequence, a B2M secretion signal, an HLA-G signal peptide sequence, the B2M peptide sequence, followed by an HLA-E peptide sequence and a bovine growth hormone (BGH) polyadenylation sequence.

The leukapheresis material is stimulated with anti-CD3 and anti-CD28 antibodies and cultured in the presence of interleukin 2 (IL-2) to enrich for T lymphocytes. The cells are subsequently electroporated with CRISPR/Cas12a chRDNA nucleoprotein complexes and transduced with the two AAV vectors followed by further cell expansion. Finally, residual TCR $\alpha\beta$ lymphocytes are

removed by magnetic depletion. The suspension consists primarily of T lymphocytes (CD4+/CD8+/CD3+ ≥70%) that are ≥32% CAR+, ≥20% B2M-HLA-E+, ≥70% *PDCD1* deleted and are cytotoxic to CLL-1 expressing target cells
cell-based gene therapy (antineoplastic)

péclacabtagène géleucel

lymphocytes T allogéniques obtenus à partir de matériel de leucaphérèse cryoconservé chez des donneurs sains, cellules électroporées avec des complexes nucléoprotéiques hybrides ARN-ADN (chRDNA) CRISPR/Cas12a (répétitions palindromiques courtes regroupées et régulièrement espacées/protéine associée à CRISPR 12a) pour éliminer: (i) la constante de la chaîne alpha du récepteur des cellules T (*TRAC*); (ii) le locus bêta-2 microglobuline (*B2M*); et, (iii) le locus *PDCD1*. Les cellules sont également transduites avec deux vecteurs recombinants de virus adéno-associé de sérotype 6 (rAAV6) pour introduire: (i) un récepteur d'antigène chimérique (RAC) anti-le domaine de lectine de type C, membre A de la famille 12 (CLEC12A, CLL-1, CD371) flanqué de régions d'homologie *TRAC* qui sont insérées dans l'ADN des lymphocytes par réparation dirigée par homologie; et, (ii) une protéine de fusion peptidique B2M-HLA-E flanquée de régions d'homologie bêta-2 microglobuline (*B2M*) qui sont également insérées dans l'ADN des lymphocytes par réparation dirigée par homologie.

La cassette d'expression RAC anti-CLL-1 comprend, en orientation inverse, le promoteur synthétique MND, une séquence Kozak, une séquence signal CD8α, un fragment variable monocaténaire anti-CLL-1 (scFv), une région charnière CD28, un domaine transmembranaire (TM) CD28, un domaine de co-stimulation CD28, et un domaine de signalisation CD3ζ, suivis d'une séquence de polyadénylation de l'hormone de croissance bovine (HCB). La cassette d'expression de la protéine de fusion B2M-HLA-E comprend une séquence de saut P2A, un signal de sécrétion B2M, une séquence peptidique signal HLA-G, la séquence peptidique B2M suivie d'une séquence peptidique HLA-E et une séquence de polyadénylation de l'hormone de croissance bovine (BGH). Le matériel de leucaphérèse est stimulé par des anticorps anti-CD3 et anti-CD28 et cultivé en présence d'interleukine 2 (IL-2) pour l'enrichir en lymphocytes T. Les cellules sont ensuite électroporées avec des complexes nucléoprotéiques chRDNA CRISPR/Cas12a et transduites avec les deux vecteurs AAV, puis une nouvelle expansion cellulaire est réalisée. Enfin, les lymphocytes TCRαβ+ résiduels sont éliminés par déplétion magnétique. La suspension est principalement composée de lymphocytes T (CD4+/CD8+/CD3+ ≥70%) qui sont ≥32% RAC+, ≥20% B2M-HLA-E+, ≥70% *PDCD1* supprimés et sont cytotoxiques pour les cellules cibles exprimant CLL-1

thérapie génique à base de cellules (antinéoplasique)

peclacabtagén geleucel

linfocitos T alogénicos obtenidos de material de leucoaféresis criopreservado de donantes sanos, electroporados con complejos de nucleoproteína híbridos ARN-ADN (chRDNA) CRISPR/Cas12a (repeticiones palindrómicas agrupadas y espaciadas regularmente/proteína asociada a CRISPR 12a) para eliminar el locus de (i) la cadena constante alfa del receptor de linfocitos T (*TRAC*), (ii) la beta-2-microglobulina (*B2M*) y (iii) el *PDCD1*. Las células se transducen también con dos vectores de virus adenoasociado de serotipo 6, recombinantes (rAAV6) para introducir (i) un receptor de antígenos quimérico (CAR) anti-el dominio lectina tipo C, miembro A de la familia 12 (CLEC12A; CLL-1; CD371) flanqueado por regiones de homología de *TRAC* que se

inserta en el ADN de los linfocitos mediante reparación dirigida por homología, y (ii) una proteína de fusión B2M-HLA-E flanqueada por regiones de homología de beta-2 microglobulina (*B2M*) que se inserta también en el ADN de los linfocitos mediante reparación dirigida por homología.

El casete de expresión del CAR anti-CLL-1 consta, en orientación inversa, del promotor sintético MND, secuencia Kozak, secuencia señal de CD8 α , fragmento variable de cadena sencilla (scFv) anti-CLL-1, región bisagra de CD28, dominio transmembrana (TM) de CD28, domino coestimulador de CD28 y dominio de señalización de CD3 ζ , seguido por una secuencia de poliadenilación de la hormona de crecimiento bovina (BGH). El casete de expresión de la proteína de fusión B2M-HLA-E consta una secuencia de omisión P2A, una señal de secreción B2M, una secuencia de péptido señal HLA-G, la secuencia de péptido B2M seguida de una secuencia de péptido HLA-E y una secuencia de poliadenilación de la hormona de crecimiento bovina (BGH).

El material de leucoaféresis se estimula con anticuerpos anti-CD3 y anti-CD28 y se cultiva en presencia de interleuquina 2 (IL-2) para enriquecer en linfocitos T. Las células son subsiguientemente electroporadas con los complejos de nucleoproteína CRISPR/Cas12a chRDNA y transducidas con los dos vectores AAV seguido por expansión celular adicional. Finalmente, los linfocitos TCRab+ residuales se eliminan mediante depleción magnética. La suspensión consiste primariamente en linfocitos T (CD4+/CD8+/CD3+ $\geq 70\%$) que son con $\geq 32\%$ CAR+, $\geq 20\%$ B2M-HLA-E+, $\geq 70\%$ *PDCD1* eliminado y son citotóxicas frente a células diana que expresan CLL-1

terapia génica basada en células (antineoplásico)

pentagalloylglucosum
pentagalloylglucose

β -D-glucopyranose 1,2,3,4,6-pentakis(3,4,5-trihydroxybenzoate)
elastin and collagen stabilizer

pentagalloylglucose

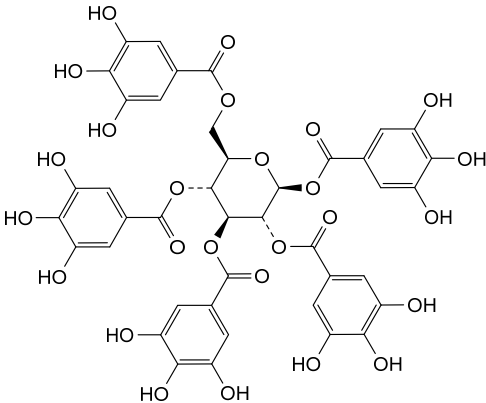
1,2,3,4,6-pentakis(3,4,5-trihydroxybenzoate) de β -D-glucopyranose
stabilisateur de l'élastine et du collagène

pentagaloilglucosa

1,2,3,4,6-pentakis(3,4,5-trihidroxibenzoato) de β -D-glucopiranosas
estabilizador de elastina y colágeno

C₄₁H₃₂O₂₆

14937-32-7



pezulepistat

pezulepistat

(4*S*,7*S*,10*S*)-10-[(2*S*)-2-[4-amino-2-(4-*tert*-butylphenyl)-6-methylpyrimidine-5-carboxamide]-*N*-methyl-3-(sulfamoylamino)propanamido]-1⁵,2⁶-bis[(2*R*)-3-amino-2-hydroxypropoxy]-1⁶-hydroxy-7-methyl-6,9-dioxo-5,8-diaza-1,2(1,3)-dibenzenacyclodecaphane-4-carboxylic acid
E. coli type I signal peptidase (LepB) inhibitor, antibacterial

pézulépistat

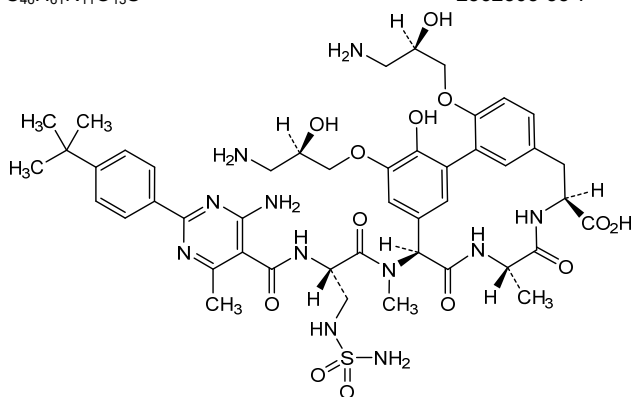
acide (4*S*,7*S*,10*S*)-10-[(2*S*)-2-[4-amino-2-(4-*tert*-butylphényl)-6-méthylpyrimidine-5-carboxamide]-*N*-méthyl-3-(sulfamoylamino)propanamido]-1⁵,2⁶-bis[(2*R*)-3-amino-2-hydroxypropoxy]-1⁶-hydroxy-7-méthyl-6,9-dioxo-5,8-diaza-1,2(1,3)-dibenzénacyclodécaphane-4-carboxylique
inhibiteur de la peptidase signal de type I de E. coli (LepB), antibactérien

pezulepistat

(4*S*,7*S*,10*S*)-10-[(2*S*)-2-[4-amino-2-(4-*tert*-butilfenil)-6-metilpirimidina-5-carboxamida]-*N*-metil-3-(sulfamoilamino)propanamido]-1⁵,2⁶-bis[(2*R*)-3-amino-2-hidroxi-propoxi]-1⁶-hidroxi-7-metil-6,9-dioxo-5,8-diaza-1,2(1,3)-dibencenaciclodecafan-4-ácido carboxílico
inhibidor de la peptidasa señal tipo I de E. coli (LepB), antibacteriano

C₄₆H₆₁N₁₁O₁₃S

2562303-35-7

**pilabactam**

pilabactam

(1*S*,2*R*,5*R*)-2-fluoro-7-oxo-1,6-diazabicyclo[3.2.1]octan-6-yl hydrogen sulfate
beta-lactamase inhibitor

pilabactam

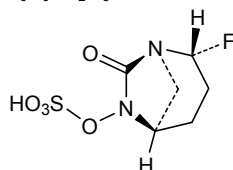
hydrogénosulfate de (1*S*,2*R*,5*R*)-2-fluoro-7-oxo-1,6-diazabicyclo[3.2.1]octan-6-yle
inhibiteur de bêta-lactamase

pilabactam

hidrógenosulfato de (1*S*,2*R*,5*R*)-2-fluoro-7-oxo-1,6-diazabicyclo[3.2.1]octan-6-ilo
inhibidor de la beta lactamasa

$C_6H_9FN_2O_5S$

2410688-60-5



piperaquinum
piperaquine

1⁷,7⁷-dichloro-1,7(4)-diquinolina-2,6(1,4)-dipiperazinaheptaphane
antimalarial

pipéraquine

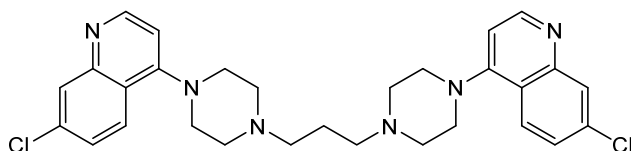
1⁷,7⁷-dichloro-1,7(4)-diquinoléina-2,6(1,4)-
dipipérazinaheptaphane
antipaludique

piperaquina

1⁷,7⁷-dicloro-1,7(4)-diquinoleina-2,6(1,4)-dipiperazinaheptafano
antipalúdico

 $C_{29}H_{32}Cl_2N_6$

4085-31-8



pizadagenum parvecum #
pizadagene parvec

recombinant non-replicating adeno-associated viral serotype 9 (rAAV9) vector encoding human double-stranded RNA-specific editase 1 (adenosine deaminase RNA specific B1 [ADARB1], also known as ADAR2), under control of a rat synapsin I promoter, Woodchuck hepatitis virus post-transcriptional regulatory element (WPRE) and the simian virus 40 (SV40) polyadenylation signal; flanked by AAV3 inverted terminal repeats
gene therapy (immunological conditions)

pizadagène parvec

vecteur viral adéno-associé de sérotype 9, recombinant (rAAV9), non réplcatif, codant pour l'éditase spécifique de l'ARN double brin 1 (adénosine désaminase spécifique de l'ARN B1 [ADARB1], également connue sous le nom d'ADAR2), sous le contrôle d'un promoteur de la synapsine I de rat, un élément régulateur post-transcriptionnel du virus de l'hépatite de la marmotte (WPRE) et un signal de polyadénylation du virus simien 40 (SV40); flanqué de répétitions terminales inversées de l'AAV3
thérapie génique (maladies immunologiques)

pizadagén parvec

vector de virus adenoasociado del serotipo 9, recombinante (rAAV9), no replicativo, que codifica la editasa específica de ARN de doble cadena 1 (adenosina deaminasa específica de ARN B1 [ADARB1], también conocida como ADAR2), bajo el control de un promotor de sinapsina I de rata, un elemento

regulador post-transcripcional del virus de la hepatitis de la marmota (WPRE) y una señal de poliadenilación del virus simio 40 (SV40); flanqueado por repeticiones terminales invertidas de AAV3
terapia génica (enfermedades inmunológicas)

2952542-89-9

polfurmetinibum

polfurmetinib

8-[2-fluoro-4-(methylsulfanyl)anilino]-2-(2-hydroxyethoxy)-7-methyl-3,4-dihydro-2,7-naphthyridine-1,6(2*H*,7*H*)-dione
MEK tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

polfurmétinib

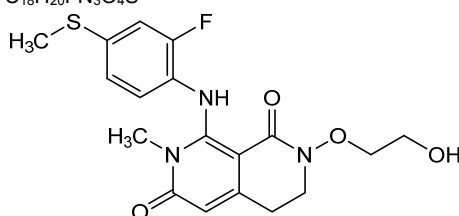
8-[2-fluoro-4-(méthylsulfanyl)anilino]-2-(2-hydroxyéthoxy)-7-méthyl-3,4-dihydro-2,7-naphthyridine-1,6(2*H*,7*H*)-dione
inhibiteur de la tyrosine kinase MEK, antinéoplasique

polfurmetinib

8-[2-fluoro-4-(metilsulfanil)anilino]-2-(2-hidroxiétoxi)-7-metil-3,4-dihidro-2,7-naftiridina-1,6(2*H*,7*H*)-diona
inhibidor de la tirosina kinasa MEK, antineoplásico

C₁₈H₂₀FN₃O₄S

2845151-86-0

**ponumkibartum #**

ponumkibart

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL17RB (interleukin 17 receptor B)], humanized monoclonal antibody; H-gamma4 heavy chain humanized (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*06 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (113), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (119-216), hinge 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 L92 (307) (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-214')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (84.4%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97'')) (1'-107'') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191'')) (108'-214'')]; dimer (224-224'':227-227'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-DG44, glycoform alfa
immunosuppressant

ponumkibart

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL17RB (récepteur B de l'interleukine 17)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde H-gamma4 humanisée (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*06 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (113), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (119-216), charnière 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 L92 (307) (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA

	(<i>Homo sapiens</i> IGKV1-12*01 (84.4%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (224-224":227-227")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-DG44, glycoforme alfa <i>immunosuppresseur</i>
ponumkibart	immunoglobulina G4-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> IL17RB (receptor B de la interleukina 17)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada H-gamma4 humanizada (1-445) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV1-2*06 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (113), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -<i>Homo sapiens</i> IGHG4*01, <i>nG4m(a)</i> CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (119-216), bisagra 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 L92 (307) (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-12*01 (84.4%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (224-224":227-227")-bisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-DG44, forma glicosilada alfa <i>immunosupresor</i>
	3035680-82-8 Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H") QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFI SYWMNWVRQA PGQGLEWMGR 50 IDPYDSEIQY NQKFKDRVTM TRDTSISTAY MELSRLRSD TAVIYCARS 100 GFDWFAYWQ GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PCSRSTSEST AALGCLVKDY 150 FEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVTVTP SSSLGTKTYT 200 CNVDHKPSNT KVDKRVESKY GPCCPPCPAP EFLGGPSVFL FPPKPKDTLM 250 ISRTPEVTCV VVDVSQEDPE VQFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQFNSTYRV 300 VSVLTVLHQD WLNKEYKCK VSNKGLPSSI EKTISKAKGQ PREPQVYTL 350 PSQEEMTKN VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400 SFFLYSLRTV DKSRWQEGNV FSCSVMEAL HNHYTQKSL SLSLKG 445 Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L") DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASENIN SNLAWYQKP GKAPKLLLYD 50 VTNLDAGVPS RFGSGSGSTD YTLTISSLQP EDFATYYCQH FWGPPYTFGG 100 GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150 DNLQKSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200 LSSPVTKSFN RGECE 214 Post-translational modifications Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 259-319 365-423 22"-96" 145"-201" 259"-319" 365"-423" Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134"-194" 23'"-88'" 134'"-194'" Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 132-214' 132"-214" Inter-H-H (h 8, h 11) 224-224" 227-227" N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxopropyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo) H VH Q1: 1, 1" N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación H CH2 N84.4: 295, 295" Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycans de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal H CHS K2: 445, 445"

posmidisgenum parvecum #

posmidisgene parvec recombinant self-complementary non-replicating adeno-associated virus serotype 9 (rAAV9) vector encoding full-length human codon-optimized CpG motif-depleted fukutin-related protein (FKRP; ribitol 5-phosphate transferase) whose expression is under control of a synthetic muscle-specific promoter and a small polyadenylation signal. The expression cassette also contains an immunoglobulin heavy chain locus-derived intron upstream of the FKRP coding sequence and is flanked by AAV2 inverted terminal repeats
gene therapy (muscular dystrophy)

posmidisgène parvec vecteur recombinant auto-complémentaire non réplcatif du virus adéno-associé de sérotype 9 (rAAV9) codant pour la séquence complète de la protéine apparentée à la fukutine (FKRP ribitol 5-phosphate transférase) humaine, optimisée en codons et dépourvue de motifs CpG, dont l'expression est contrôlée par un promoteur synthétique spécifique au muscle et un petit signal de polyadénylation. La cassette d'expression contient également un intron dérivé du locus de la chaîne lourde de l'immunoglobuline, en amont de la séquence codante de FKRP, et est flanquée de répétitions terminales inversées d'AAV2
thérapie génique (dystrophie musculaire)

posmidisgén parvec vector de virus adenoasociado del serotipo 9, recombinante (rAAV9), no replicativo, auto complementario, que codifica, con codones optimizados, la secuencia completa de la proteína relacionada con fukutina (FKRP; ribitol 5-fosfato transferasa), deplecionada de motivos CpG, cuya expresión está el bajo el control de un promotor sintético específico de músculo y una pequeña señal de poliadenilación. El casete de expresión también contiene un intrón derivado del locus de la cadena pesada de la inmunoglobulina más arriba de la secuencia codificante de FKRP, y está flanqueado por repeticiones terminales invertidas de AAV2
terapia génica (distrofia muscular)

3035440-65-1

povovetugum #

povovetug immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* NGF (nerve growth factor, NGFB, nerve growth factor beta polypeptide)], chimeric monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain chimeric (1-457) [VH (*Rattus norvegicus* IGHV2-45*01 (75.3%) -(IGHD) - IGHJ3*01 (81.8%) L123>T (117), S128>A (122), CDR-IMGT [8.7.16] (26-33.51-57.96-111))] (1-122) - *Felis catus* IGHG1*01 (100%) (CH1 (123-220), hinge 1-15 (221-238), CH2 (239-348), CH3 (349-455), CHS (456-457)) (123-457)], (137-214')-disulfide with L-kappa light chain chimeric (1'-217') [V-KAPPA (*Rattus norvegicus* IGKV12S34*01 (72.6%) -IGKJ2-1*01 (90.9%) A120>Q (100'), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') - *Felis catus* IGKC*01 (100%) (C-KAPPA) (108'-217')]; dimer (232-232'':234-234'': 237-237'')-trisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-DG44, glycoform alfa
analgesic (veterinary use)

povovétug immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* NGF (facteur de croissance du nerf, NGFB, polypeptide bêta du facteur de croissance du nerf)], anticorps monoclonal chimérique;
chaîne lourde H-gamma1 chimérique (1-457) [VH (*Rattus norvegicus* IGHV2-45*01 (75.3%) -(IGHD) - IGHJ3*01 (81.8%) L123>T (117), S128>A (122), CDR-IMGT [8.7.16] (26-33.51-57.96-111))] (1-122) -

Felis catus IGHG1*01 (100%) (CH1 (123-220), charnière 1-15 (221-238), CH2 (239-348), CH3 (349-455), CHS (456-457)) (123-457)], (137-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa chimérique (1'-217') [V-KAPPA (*Rattus norvegicus* IGKV12S34*01 (72.6%) -IGKJ2-1*01 (90.9%) A120>Q (100'), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Felis catus* IGKC*01 (100%) (C-KAPPA) (108'-217')]; dimère (232-232":234-234": 237-237")-trisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-DG44, glycoforme alfa
analgésique (usage vétérinaire)

povovetug

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* NGF (factor de crecimiento nervioso, NGFB, polipéptido beta del factor de crecimiento nervioso)], anticuerpo monoclonal quimérico; cadena pesada H-gamma1 quimérica (1-457) [VH (*Rattus norvegicus* IGHV2-45*01 (75.3%) -(IGHD) - IGHJ3*01 (81.8%) L123>T (117), S128>A (122), CDR-IMGT [8.7.16] (26-33.51-57.96-111)) (1-122) - *Felis catus* IGHG1*01 (100%) (CH1 (123-220), bisagra 1-15 (221-238), CH2 (239-348), CH3 (349-455), CHS (456-457)) (123-457)], (137-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa quimérica (1'-217') [V-KAPPA (*Rattus norvegicus* IGKV12S34*01 (72.6%) -IGKJ2-1*01 (90.9%) A120>Q (100'), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Felis catus* IGKC*01 (100%) (C-KAPPA) (108'-217')]; dímero (232-232":234-234": 237-237")-trisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-DG44, forma glicosilada alfa
analgésico (uso veterinario)

2975573-74-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H')

```

QVQLVESGGD LVQPGGSLRL TCVASGFSLT NNNVNWVRQA PGKLEWMGG 50
VMAGGATDYN SAVKSRITIT RDTSKNTVFL QMHSLSQSED ATYYCARDGG 100
YSSSTLYAMD AWQGQTTVTV SAASTTAPSV FPLAPSCGTT SGATVALACL 150
VLGYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ ASGLYSLSSM VTPSSRWLS 200
DTFTCNVAHP PSNTKVDKTV RKTDPHPPGPK PCDCPKCPP EMLGGPSIFI 250
FPPKPKDTLS ISRTPEVTCL VVDLGPDDSD VQITWFDVNT QVYTAKTSPR 300
EEQFNSTYRV VSVLPILHQD WLKGKEFKCK VNSKSLPSP ERTISKARGQ 350
PHEPQYVLP PAQEELSRNK VSVTCLIKSF HPPDIAVEWE ITGQPEPEN 400
YRTTPPQLDS DGTFFVYSKL SVDRSHWQRG NTYTCSVSHE ALHSHHTQKS 450
LTQSPGK 457

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L')

```

DIEMTQSPLS LSATPGETVS ISCRASEDIY NALAWYLQKP GRSPRLLIYN 50
TDTLHTGVDP RFSGSGSGTD FTLKISRVTQ EDVGVYFCQH YFHYPRTEGQ 100
GTKLELRSD AQPVSFLFQP SLDELHTGSA SIVCILNDFY PKEVNVKKV 150
DGVVQNKGIQ ESTTEQNSKD STYLSSTLT MSSTEYQSHE KFSCEVTHKS 200
LASTLVKSFN RSECKRE 217

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-95 149-205 269-329 375-435
22"-95" 149"-205" 269"-329" 375"-435"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'''-88''' 134'''-194'''

Inter-H-L (CH1 11-CL 126) 137-214' 137"-214"

Inter-H-H (h 12, h 14, h 17) 232-232" 234-234" 237-237"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolylo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 305, 305"

L CL N122: 210', 210"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 457, 457"

prulacabtagenum leucelum #
prulacabtagene leucel

allogeneic gamma delta ($\gamma\delta$) T lymphocytes derived from peripheral blood mononuclear cells (PBMCs) obtained by leukapheresis from healthy donors, transduced with a self-inactivating (SIN) gamma-retroviral vector derived from Moloney murine leukemia virus (MMLV) encoding a chimeric antigen receptor targeting CD20 (membrane-spanning 4-domains subfamily A member 1, *MS4A1*), comprising an anti-CD20 single chain variable fragment (scFv) (clone 3H7), CD8 stalk and transmembrane domain, a 4-1BB co-stimulatory endodomain and a CD3zeta (*CD3 ζ*) signalling domain, under control of the elongation factor 1 alpha (*EF-1 α*) promoter and a mutated (protein X deleted) Woodchuck hepatitis virus post-transcriptional regulatory element (WPRE). The vector also contains a psi (ψ) packaging signal and a central polypurine tract (cPPT), is flanked by 5' and 3' long terminal repeats (LTRs), and is pseudotyped with the RD114 virus envelope glycoprotein.

The PBMCs are isolated from the leukapheresis material and initially cultured in media containing interleukin 2 (IL-2) and fetal bovine serum (FBS). Cells are treated with an activating antibody targeting the $\delta 1$ subunit of the human $\gamma\delta$ T cell receptor (TCR) that selectively expands the $\gamma\delta$ T lymphocytes, prior to transduction and further expansion in the same media. The cells are then enriched for V $\delta 1$ $\gamma\delta$ T lymphocyte subsets by immunomagnetic depletion of the $\alpha\beta$ T lymphocyte population. The substance contains a population of CAR+ V $\delta 1$ $\gamma\delta$ T lymphocytes ($\geq 20.0\%$). The cells are cytotoxic to CD20-expressing Raji target cells when placed in co-culture

cell-based gene therapy (antineoplastic)

prulacabtagène leucel

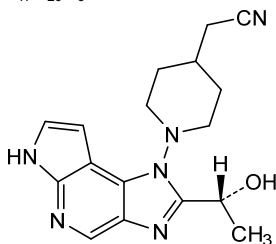
lymphocytes T gamma delta ($\gamma\delta$) allogéniques dérivés de cellules mononucléaires du sang périphérique (CMSP) obtenus par leucaphérèse à partir de donneurs sains, transduits avec un vecteur gamma-rétroviral auto-inactivant (SIN) dérivé du virus de la leucémie murine de Moloney (MMLV) codant un récepteur antigénique chimérique ciblant CD20 (membre 1 de la sous-famille A à 4 domaines transmembranaires, *MS4A1*), comprenant un fragment variable à chaîne unique anti-CD20 (scFv) (clone 3H7), un domaine de tige et transmembranaire de CD8, un endodomaine co-stimulateur 4-1BB et un domaine de signalisation CD3zêta (*CD3 ζ*), sous le contrôle du promoteur du facteur d'élongation 1 alpha (*EF-1 α*) et d'un élément régulateur post-transcriptionnel du virus de l'hépatite de la marmotte (WPRE) muté (protéine X supprimée). Le vecteur contient également un signal d'emballage psi (ψ) et un tractus polypurine central (cPPT), est flanqué de répétitions terminales longues (LTR) en 5' et en 3', et pseudotypé avec la glycoprotéine d'enveloppe du virus RD114.

Les PBMC sont isolés du matériel de leucaphérèse et initialement cultivés dans un milieu contenant de l'interleukine 2 (IL-2) et du sérum fœtal bovin (SVF). Les cellules sont traitées avec un anticorps activateur ciblant la sous-unité $\delta 1$ du récepteur des lymphocytes T $\gamma\delta$ humains (TCR), qui multiplie sélectivement les lymphocytes T $\gamma\delta$, avant transduction et multiplication

	ultérieure dans le même milieu. Les cellules sont ensuite enrichies en sous-populations de lymphocytes T $\gamma\delta$ V δ 1 par déplétion immunomagnétique de la population de lymphocytes T $\alpha\beta$. La substance contient une population de lymphocytes T $\gamma\delta$ CAR+ V δ 1 ($\geq 20.0\%$). Les cellules sont cytotoxiques pour les cellules cibles Raji exprimant CD20 lorsqu'elles sont placées en co-culture
prulacabtagén leucel	linfocitos T gamma delta ($\gamma\delta$) alogénicos derivados de células mononucleares de sangre periférica (PBMCs) obtenidas por leucoaféresis de donantes sanos, transducidos con un vector gamma-retroviral auto inactivante (SIN) derivado del virus de la leucemia murina de Moloney (MMLV), que codifica un receptor de antígenos quimérico dirigido a CD20 (miembro 1 de la subfamilia A de 4 dominios que atraviesan la membrana, MS4A1), que consta de un fragmento variable de cadena sencilla (scFv) anti-CD20 (clon 3H7), dominio del tallo y transmembrana de CD8, un endodominio coestimulador de 4-1BB y un dominio de señalización de CD3zeta (CD3 ζ), bajo el control del promotor del factor de elongación 1 alfa (EF-1 α) y un elemento regulador post-transcripcional del virus de la hepatitis de la marmota (WPRE) mutado (proteína X delecionada). El vector también contiene una señal de empaquetamiento psi (ψ) y un tracto de poli-purina central (cPPT), está flanqueado por repeticiones terminales largas (LTRs) en 5' y 3' y está pseudotipado con la glicoproteína G del virus RD114. Las PBMC se aíslan del material de leucoaféresis y se cultivan inicialmente en medio que contiene interleuquina 2 (IL-2) y suero bovino fetal (FBS). Las células se tratan con un anticuerpo activador dirigido a la subunidad δ 1 del receptor de linfocitos T (TCR) $\gamma\delta$ humano que expande selectivamente los linfocitos T $\gamma\delta$ antes de la transducción y expansión adicional en el mismo medio. Las células se enriquecen posteriormente en subtipos de linfocitos T $\gamma\delta$ V δ 1 mediante depleción inmunomagnética de la población de linfocitos T $\alpha\beta$. La sustancia contiene una población de linfocitos T $\gamma\delta$ V δ 1 CAR+ ($\geq 20.0\%$). Las células son citotóxicas frente a células diana Raji que expresan CD20 cuando se ponen en co-cultivo
	<i>thérapie génique à base de cellules (antinéoplasique)</i>
	<i>terapia génica basada en células (antineoplásico)</i>
quecitinibum	
quecitinib	(1-{2-[(1 <i>R</i>)-1-hydroxyethyl]imidazo[4,5- <i>d</i>]pyrrolo[2,3- <i>b</i>]pyridin-1(6 <i>H</i>)-yl}piperidin-4-yl)acetonitrile <i>Janus kinase inhibitor, anti-inflammatory</i>
quécitinib	(1-{2-[(1 <i>R</i>)-1-hydroxyéthyl]imidazo[4,5- <i>d</i>]pyrrolo[2,3- <i>b</i>]pyridin-1(6 <i>H</i>)-yl}pipéridin-4-yl)acétonitrile <i>inhibiteur de la tyrosine kinase Janus, anti-inflammatoire</i>
quecitinib	(1-{2-[(1 <i>R</i>)-1-hidroxietyl]imidazo[4,5- <i>d</i>]pirrolo[2,3- <i>b</i>]piridin-1(6 <i>H</i>)-il}piperidin-4-il)acetoniitrilo <i>inhibidor de la tirosina kinasa Janus, antiinflamatorio</i>

C₁₇H₂₀N₆O

2416858-84-7



raplemomeranum #
raplemomeran

messenger RNA (mRNA), 5' capped (with an anti-reverse cap analogue [ARCA] [m₂^{7,2'-O}G⁺5'ppsp5'G]), encoding codon-optimised human papilloma virus 16 (HPV16) early protein 7 (E7) tumour-antigen, preceded by a secretory signal peptide sequence derived from the human major histocompatibility complex (MHC) class I alpha chain, and followed by sequences coding for tetanus toxoid-derived T helper epitopes (P2P16) and a major histocompatibility complex (MHC) class I trafficking domain (MITD), each of them separated by glycine/serine rich linkers. The transgene is flanked by 5' and 3' untranslated regions (UTR) followed by a 3' polyadenylation (polyA) tail. The 5' UTR is derived from human alpha-globin gene and contains an optimised Kozak sequence; the synthetic 3' UTR is a combination of two elements derived from the amino-terminal enhancer of split (AES) mRNA and mitochondrial encoded 12S ribosomal RNA. The polyA tail consists of 30 adenosine residues followed by a 10-nucleotide linker sequence and another 70 adenosine residues
anti-HPV, antineoplastic

raplémoméran

ARN messenger (ARNm), coiffé en 5' (avec un analogue de coiffe anti-reverse [ARCA] [m₂^{7,2'-OG}+5'ppsp5'G]), codant l'antigène tumoral de la protéine 7 précoce (E7) du virus du papillome humain 16 (HPV16) à codons optimisés, précédé d'une séquence peptidique signal de sécrétion dérivée de la chaîne alpha de classe I du complexe majeur d'histocompatibilité (CMH) humain, et suivi de séquences codant les épitopes T auxiliaires dérivés de l'anatoxine tétanique (P2P16) et un domaine de trafic de la classe I (MITD) du complexe majeur d'histocompatibilité (CMH), chacun d'eux séparés par des coupleurs peptidiques riches en glycine/sérine. Le transgène est flanqué de régions non traduites (UTR) en 5' et 3' suivies d'une queue de polyadénylation (polyA) en 3'. L'UTR 5' est dérivée du gène de l'alpha-globine humaine et contient une séquence Kozak optimisée; l'UTR 3' synthétique est une combinaison de deux éléments dérivés de l'amplificateur amino-terminal de l'ARNm divisé (AES) et de l'ARN ribosomique 12S codé par les mitochondries. La queue polyA est constituée de 30 résidus d'adénosine, suivis d'une séquence de liaison de 10 nucléotides et de 70 autres résidus d'adénosine
anti-HPV, antinéoplasique

raplemomerán

ARN mensajero (ARNm), protegido con la caperuza 5' (con un análogo anti-reverso de la caperuza [ARCA] [$m_2^{7,2'-O}G^*5'ppsp5'G$]), que codifica, con codones optimizados, el antígeno tumoral proteína temprana 7 (E7) del virus del papiloma humano 16 (HPV16), precedido por una secuencia secretora de péptido señal derivada de la cadena alfa del complejo principal de histocompatibilidad (MHC) de clase I humano, y seguido por una secuencia que codifica epítomos de células T colaboradoras derivados del toxoide tetánico (P2P16) y un dominio de tráfico de clase I (MITD) del complejo mayor de histocompatibilidad (MHC), cada uno de ellos separados por enlazadores ricos en glicina/serina. El transgén está flanqueado por regiones sin traducir (UTR) en 5' y 3' seguido por una cola de poliadenilación (poliA) en 3'. La 5' UTR deriva del gen de la alfa-globina humana y contiene una secuencia Kozak optimizada; la 3' UTR sintética es una combinación de dos elementos derivados del ARNm del potenciador del procesamiento amino-terminal (AES) y del ARN ribosómico 12S codificado en la mitocondria. La cola poliA consta de 30 residuos de adenosina seguidos de una secuencia enlazadora de 10 nucleótidos y otros 70 residuos de adenosina *anti-HPV, antineoplásico*

3024099-62-2

raxlaprazinum etomoxilum

raxlaprazine etomoxil

N'-(*trans*-4-{2-[4-(2,3-dichlorophenyl)piperazin-1-yl]ethyl}cyclohexyl)-*N*-(ethoxymethyl)-*N*-methylurea *anxiolytic*

raxlaprazine étomoxil

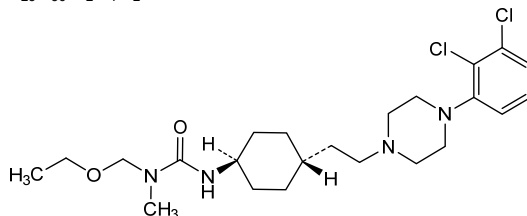
N'-(*trans*-4-{2-[4-(2,3-dichlorophényl)pipérazin-1-yl]éthyl}cyclohexyl)-*N*-(éthoxyméthyl)-*N*-méthylurée *anxiolytique*

raxlaprazina etomoxilo

N'-(*trans*-4-{2-[4-(2,3-diclorofenil)piperazin-1-il]etil}ciclohexil)-*N*-(etoximetil)-*N*-metilurea *ansiolítico*

 $C_{23}H_{36}Cl_2N_4O_2$

3034857-88-7

**refinicopanum**

refinicopan

(2-{[3'-(aminomethyl)-5-(6-azaspiro[2.5]octan-6-yl)[1,1'-biphenyl]-3-yl]methoxy}phenyl)acetic acid *complement factor D inhibitor*

réfinicopan

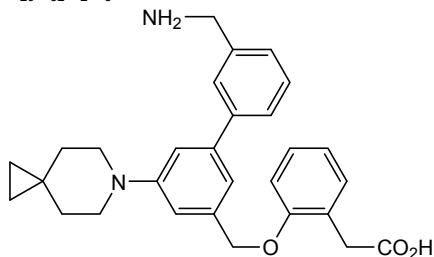
acide (2-([3'-(aminométhyl)-5-(6-azaspiro[2.5]octan-6-yl)[1,1'-biphényl]-3-yl]méthoxy)phényl)acétique
inhibiteur du facteur D du complément

refinicopán

ácido (2-([3'-(aminometil)-5-(6-azaespiro[2.5]octan-6-il)[1,1'-bifenil]-3-il]metoxi)fenil)acético
inhibidor del factor D del complemento

 $C_{29}H_{32}N_2O_3$

2922808-66-8



reispitidum

reispatide

L-tyrosyl-2-methylalanyl-L- α -glutamylglycyl-L-threonyl-L-phenylalanyl-L-threonyl-L-seryl-L- α -aspartyl-L-tyrosyl-L-seryl-L-isoleucyl-2-methylalanyl-L-leucyl-L- α -aspartyl-L-lysyl-L-isoleucyl-L-alanyl-L-glutamyl-L-lysyl-L-alanyl-L-phenylalanyl-L-valyl-L-glutamyl-L-tryptophyl-L-leucyl-L-isoleucyl-L-alanyl-L-glycyl-L-prolyl-L-seryl-L-seryl-L-seryl-L-alanyl-L-prolyl-L-prolyl-L-prolyl-L-seryl-L- N^6 -[(28S)-28,48-dicarboxy-13,25,30-trioxo-3,6,9,15,18,21-hexaoxa-12,24,29-triazaoctatetracontan-1-oyl]-L-lysineamide
dual gastric inhibitory polypeptide (GIP) and glucagon-like peptide 1 (GLP-1) receptor agonist, antidiabetic

reispatide

L-tyrosyl-2-méthylalanyl-L- α -glutamylglycyl-L-thréonyl-L-phénylalanyl-L-thréonyl-L-séryl-L- α -aspartyl-L-tyrosyl-L-séryl-L-isoleucyl-2-méthylalanyl-L-leucyl-L- α -aspartyl-L-lysyl-L-isoleucyl-L-alanyl-L-glutamyl-L-lysyl-L-alanyl-L-phénylalanyl-L-valyl-L-glutamyl-L-tryptophyl-L-leucyl-L-isoleucyl-L-alanyl-L-glycylglycyl-L-prolyl-L-séryl-L-sérylglycyl-L-alanyl-L-prolyl-L-prolyl-L-prolyl-L-séryl-L- N^6 -[(28S)-28,48-dicarboxy-13,25,30-trioxo-3,6,9,15,18,21-hexaoxa-12,24,29-triazaoctatétracontan-1-oyl]-L-lysineamide
agoniste double des récepteurs du polypeptide inhibiteur gastrique (GIP) et du peptide de type glucagon 1 (GLP-1), antidiabétique

reispatida

L-tirosil-2-metilalanil-L- α -glutamilglicil-L-treonil-L-fenilalanil-L-treonil-L-seril-L- α -aspartil-L-tirosil-L-seril-L-isoleucil-2-metilalanil-L-leucil-L- α -aspartil-L-lisil-L-isoleucil-L-alanil-L-glutaminil-L-lisil-L-alanil-L-fenilalanil-L-valil-L-glutaminil-L-triptofil-L-leucil-L-isoleucil-L-alanilglicilglicil-L-prolil-L-seril-L-serilglicil-L-alanil-L-prolil-L-prolil-L-prolil-L-seril-L- N^6 -[(28S)-28,48-dicarboxi-13,25,30-trioxo-3,6,9,15,18,21-hexaoxa-12,24,29-triazaoctatetracontan-1-oil]-L-lisinamida
agonista dual del receptor del polipéptido inhibidor gástrico (GIP) y del péptido 1 similar al glucagón (GLP-1), antidiabético

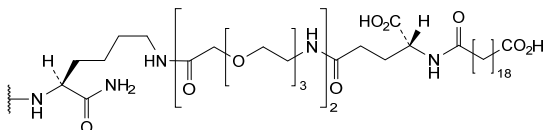
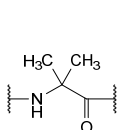
$C_{235}H_{368}N_{50}O_{71}$

2843676-09-3

Sequence / Séquence / Secuencia :

1 YAE²GTFTSDY SI¹³ALDKIAQK AFVQWLIAGG PSSGAPPPSK⁴⁰-NH₂ 40

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados

A², A¹³ :2-CH₃Ala, Aib**K⁴⁰-NH₂** :N⁶-(HO₂C[CH₂]₁₈CO-γGlu-Ae₃a-Ae₃a)-L-Lys-NH₂**rentosertibum**

rentosertib

5'-(4-fluorophenyl)-N-[4-(4-methylpiperazin-1-yl)phenyl]-3'-(propan-2-yl)-1*H*,3'*H*-[2,4'-biimidazole]-4-carboxamide
serine/threonine kinase inhibitors, pulmonary fibrosis

rentosertib

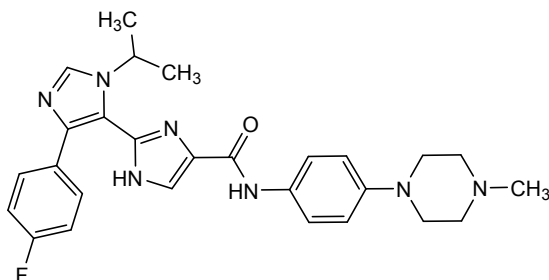
5'-(4-fluorophényl)-N-[4-(4-méthylpipérazin-1-yl)phényl]-3'-(propan-2-yl)-1*H*,3'*H*-[2,4'-biimidazole]-4-carboxamide
inhibiteur de sérine/thréonine kinases, fibrose pulmonaire

rentosertib

5'-(4-fluorofenil)-N-[4-(4-metilpiperazin-1-il)fenil]-3'-(propan-2-il)-1*H*,3'*H*-[2,4'-biimidazol]-4-carboxamida
inhibidor de la serina/treonina kinasa, fibrosis pulmonar

 $C_{27}H_{30}FN_7O$

2828567-39-9

**repibresibum**

repibresib

4-(3-hydroxy-2-phenoxyphenyl)-6-methyl-1,6-dihydro-7*H*-pyrrolo[2,3-*c*]pyridin-7-one
bromodomain and extra-terminal motif (BET) inhibitor, antineoplastic

répibrésib

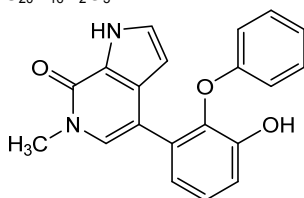
4-(3-hydroxy-2-phénoxyphényl)-6-méthyl-1,6-dihydro-7*H*-pyrrolo[2,3-*c*]pyridin-7-one
inhibiteur du bromodomaine et du motif extra-terminal (BET), antinéoplasique

repibresib

4-(2-fenoxi-3-hidroxfenil)-6-metil-1,6-dihidro-7*H*-pirrolo[2,3-*c*]piridin-7-ona
inhibidor del bromodominio y del motivo extra-terminal (BET), antineoplásico

C₂₀H₁₆N₂O₃

2523199-93-9

**repunapanorum**

repunapanor

17-(4-{3-[(4S)-6,8-dichloro-2-méthyl-1,2,3,4-tétrahydroisoquinolin-4-yl]phényl}-1H-1,2,3-triazol-1-yl)-N-(2-{2-[2-(4-{3-[(4S)-6,8-dichloro-2-méthyl-1,2,3,4-tétrahydroisoquinolin-4-yl]phényl}-1H-1,2,3-triazol-1-yl)éthoxy]éthoxy}éthyl)-8-oxo-12,15-dioxa-2,7,9-triazaheptadécan-1-amide

Na⁺/H⁺ exchanger 3 (NHE-3) inhibitor

répunapanor

17-(4-{3-[(4S)-6,8-dichloro-2-méthyl-1,2,3,4-tétrahydroisoquinoléin-4-yl]phényl}-1H-1,2,3-triazol-1-yl)-N-(2-{2-[2-(4-{3-[(4S)-6,8-dichloro-2-méthyl-1,2,3,4-tétrahydroisoquinoléin-4-yl]phényl}-1H-1,2,3-triazol-1-yl)éthoxy]éthoxy}éthyl)-8-oxo-12,15-dioxa-2,7,9-triazaheptadécan-1-amide

inhibiteur de l'échangeur Na⁺/H⁺ 3 (NHE-3)

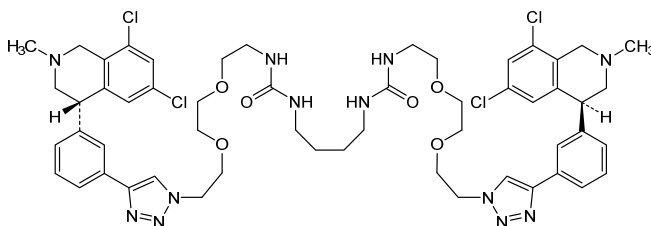
repunapanor

17-(4-{3-[(4S)-6,8-dicloro-2-metil-1,2,3,4-tetrahydroisoquinolein-4-il]fenil}-1H-1,2,3-triazol-1-il)-N-(2-{2-[2-(4-{3-[(4S)-6,8-dicloro-2-metil-1,2,3,4-tetrahydroisoquinolein-4-il]fenil}-1H-1,2,3-triazol-1-il)etoxi]etoxi]etil)-8-oxo-12,15-dioxa-2,7,9-triazaheptadecan-1-amida

inhibidor del intercambiador Na⁺/H⁺ de tipo 3 (NHE-3)

C₅₄H₆₆Cl₄N₁₂O₆

1870822-78-8

**revbekitugum #**

revbekitug

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL5 (interleukin 5, IL-5)], monoclonal antibody;

H-gamma1 heavy chain (1-449) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1-86*02 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (82.4%) A120>Q (111), T123>L (114)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (79.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108))] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449), (222-214')-disulfide with L-kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV14-111*01 (81.1%) -IGKJ2*03 (83.3%) S120>Q (100'), L124>V (104')/*Homo*

	<i>sapiens</i> IGKV1-16*01 (81.1%) -IGKJ2*01 (91.7%) L124>V (104'), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214'))]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, lacking the glutamine synthetase (GS-KO) gene, glycoform alfa <i>immunomodulator</i>
revbékitug	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> IL5 (interleukine 5, IL-5)]; anticorps monoclonal; chaîne lourde H-gamma1 (1-449) [VH Musmus/Homsap (<i>Mus musculus</i> IGHV1-86*02 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (82.4%) A120>Q (111), T123>L (114)]/<i>Homo sapiens</i> IGHV1-46*01 (79.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (<i>Mus musculus</i> IGKV14-111*01 (81.1%) -IGKJ2*03 (83.3%) S120>Q (100'), L124>V (104')/<i>Homo sapiens</i> IGKV1-16*01 (81.1%) -IGKJ2*01 (91.7%) L124>V (104'), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214'))]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GS-KO), glycoforme alfa <i>immunomodulateur</i>
revbekitug	immunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> IL5 (interleukina 5, IL-5)]; anticuerpo monoclonal; cadena pesada H-gamma1 (1-449) [VH Musmus/Homsap (<i>Mus musculus</i> IGHV1-86*02 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (82.4%) A120>Q (111), T123>L (114)]/<i>Homo sapiens</i> IGHV1-46*01 (79.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (216) (120-217), bisagra1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (<i>Mus musculus</i> IGKV14-111*01 (81.1%) -IGKJ2*03 (83.3%) S120>Q (100'), L124>V (104')/<i>Homo sapiens</i> IGKV1-16*01 (81.1%) -IGKJ2*01 (91.7%) L124>V (104'), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214'))]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, en ausencia del gen glutamina sintetasa (GS-KO), forma glicosilada alfa <i>immunomodulador</i>

3031358-43-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT NHHINWVRQA PGQGLEWIGY 50
INPYNDYSRY NQKFKGRATL TVDKSTSTAY MELSSLASED TAVIYCARDY 100
GNFWYFDVWG QGTLVTVSSA STKGPSVFPPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPAVLQSSG LYSLSSTVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN TKVDKKVEPK SCDKTHTCPP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTPE VTCVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSREEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCKASQDIN SYLSWIQKPK GKAPKTLIHR 50
ADRLIDGVPS RFGSGSGGQD FTLTISSLQP EDFATYYCLQ YDDFPYTFEQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLNNFY PREAKVQWQV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQ 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 263-323 369-427
22"-96" 146"-202" 263"-323" 369"-427"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23""-88"" 134""-194""
Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-214' 222"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228" 231-231"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxopropyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 299, 299"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 449, 449"

rezanecelum
rezanecel

allogeneic post-mitotic GABAergic interneuron cells derived from human embryonic stem cells (hESCs). Cells from the working cell bank (WCB) are first culture-expanded in a xeno-free stem cell medium supplemented with fibroblast growth factor 2 (FGF2) and transforming growth factor beta (TGF-β) and then further expanded in a neural stem cell medium in the presence of several small molecules (RHO/ROCK pathway inhibitor, activin/BMP/TGF-β pathway inhibitor, BMP pathway inhibitor, WNT pathway inhibitor, and Sonic hedgehog pathway activator) to direct the differentiation into medial ganglionic eminence (MGE)-like progenitor cells. Second, the cells are further differentiated into migratory post-mitotic gamma-aminobutyric acid (GABA) producing (GABAergic) interneurons by culture in the presence of a MEK/ERK pathway inhibitor. During the last phase of the culture a cyclin-dependent kinase 4/6 (CDK) inhibitor and Notch pathway inhibitor are added to induce cell cycle exit and to deplete progenitor cells. Finally, the cells are immuno-purified using a pallial interneuron-specific surface marker (ERBB4). The final cells are positive (>98%) for ERBB4, CXCR4 (C-X-C chemokine receptor type 4), NXP1 (neurexophilin-1), MAF, MafB, and ZEB2 (Zinc finger E-box-binding homeobox 2). Radial glia stem cell and neural

progenitor markers are downregulated in the final substance. The cells are capable to synthesize and secrete GABA as measured *in vitro* following treatment with potassium chloride (KCl) to induce depolarization and release of synaptic vesicle contents
cell therapy (anticonvulsant)

rézanecel

cellules interneurones GABAergiques post-mitotiques allogéniques dérivées de cellules souches embryonnaires humaines (CSEh). Les cellules de la banque de cellules de travail (BCT) sont d'abord cultivées dans un milieu de culture sans xénogreffes, supplémenté en facteur de croissance des fibroblastes 2 (FCF2) et en facteur de croissance transformant bêta (FCT-β), puis cultivées dans un milieu de culture pour cellules souches neurales en présence de plusieurs petites molécules (inhibiteur de la voie RHO/ROCK, inhibiteur de la voie activine/BMP/TGF-β, inhibiteur de la voie BMP, inhibiteur de la voie WNT et activateur de la voie Sonic Hedgehog), afin de diriger la différenciation en cellules progénitrices de type éminence ganglionnaire médiane (EGM). Ensuite, les cellules sont ensuite différenciées en interneurones migratoires producteurs d'acide gamma-aminobutyrique (GABA) post-mitotiques (GABAergiques), par culture en présence d'un inhibiteur de la voie MEK/ERK. Durant la dernière phase de culture, un inhibiteur de la kinase cycline-dépendante 4/6 (CDK) et un inhibiteur de la voie Notch sont ajoutés pour induire la sortie du cycle cellulaire et épuiser les cellules progénitrices. Enfin, les cellules sont immuno-purifiées à l'aide d'un marqueur de surface spécifique des interneurones palléaux (ERBB4). Les cellules finales sont positives (>98%) pour ERBB4, CXCR4 (récepteur de chimiokine C-X-C de type 4), NXPH1 (neurexophiline-1), MAF, MafB et ZEB2 (homéobox 2 de liaison à la boîte E à doigt de zinc). Les marqueurs des cellules souches gliales radiales et des progéniteurs neuronaux sont régulés à la baisse dans la substance finale. Les cellules sont capables de synthétiser et de sécréter du GABA, comme mesuré *in vitro* après traitement au chlorure de potassium (KCl), pour induire la dépolarisation et la libération du contenu des vésicules synaptiques
thérapie cellulaire (anticonvulsant)

rezanecel

células interneuronas GABAérgicas post-mitóticas alogénicas derivadas de células madre embrionarias humanas (hESCs). Células del banco de células de trabajo (BCT) se expanden primero en cultivo en un medio sin componentes xenogénicos suplementado con factor de crecimiento de fibroblastos 2 (FGF2) y factor de crecimiento transformador beta (TGF-β) y después se expanden más en un medio de células madre neurales en presencia de varias moléculas pequeñas (inhibidor de la ruta RHO/ROCK, inhibidor de la ruta activina/BMP/TGF-β, inhibidor de la ruta BMP, inhibidor de la ruta WNT, y activador de la ruta Sonic hedgehog) para dirigir la diferenciación a células progenitoras similares a eminencia ganglionar medial (MGE). Segundo, las células se diferencian más en interneuronas migratorias post-mitóticas productoras de ácido gamma-aminobutírico (GABA) (GABAérgicas) mediante cultivo en presencia de inhibidor de la ruta MEK/ERK. Durante la última fase del cultivo, se añaden un inhibidor de la quinasa dependiente de ciclina 4/6 (CDK) y un inhibidor de la ruta Notch para inducir la salida del ciclo celular y deplecionar las células progenitoras. Finalmente, las células se

inmunopurifican usando un marcador de superficie específico de interneuronas paliales (ERBB4). Las células finales son positivas (>98%) para ERBB4, CXCR4 (receptor de quimioquina C-X-C tipo 4), NXP1 (neurexofilina-1), MAF, MafB y ZEB2 (homeobox con dedos de Zinc 2 de unión a la caja E). Los marcadores de células madre de la glía radial y de progenitores neurales tienen expresión reducida en la sustancia final. Las células son capaces de sintetizar y secretar GABA medido *in vitro* tras el tratamiento con cloruro de potasio (KCl) para inducir despolarización y liberación de los contenidos de la vesícula sináptica
terapia celular (anticonvulsivante)

rezotcagenum parvecum

rezotcagene parvec

recombinant non-replicating adeno-associated virus serotype rh79 (rAAVrh79) vector encoding codon-optimised human mitochondrial ornithine transcarbamylase (OTC; carbamoyltransferase), flanked by homology dependent recombination arms derived from exon 7 of the human proprotein convertase subtilisin/kexin type 9 (PCSK9; neural apoptosis-regulated convertase 1) gene, under control of a liver-specific human thyroxine binding globulin (TBG) promoter and two copies of an alpha 1-microglobulin/bikunin enhancer element, terminated with a bovine growth hormone polyadenylation signal, and flanked by AAV2 inverted terminal repeats
gene therapy (ornithine transcarbamylase deficiency)

rézotcagène parvec

vecteur recombinant non répliquatif du virus adéno-associé de sérotype rh79 (rAAVrh79) codant l'ornithine transcarbamylase mitochondriale humaine à codons optimisés (OTC; carbamoyltransférase), flanqué de bras de recombinaison dépendants de l'homologie dérivés de l'exon 7 du gène de la proprotéine convertase subtilisine/kexine de type 9 (PCSK9; convertase 1 neurale régulée par l'apoptose), sous le contrôle d'un promoteur spécifique du foie de la globuline liant la thyroxine (TBG) humaine, et de deux copies d'un élément amplificateur de l'alpha-1-microglobuline/bikunine, terminé par un signal de polyadénylation de l'hormone de croissance bovine, et flanqué de répétitions terminales inversées AAV2
thérapie génique (déficit de l'ornithine transcarbamylase)

rezotcagén parvec

vector de virus adenoasociado de serotipo rh79 recombinante (rAAVrh79), no replicativo que codifica, con codones optimizados, la ornitina transcarbamilasa mitocondrial (OTC; carbamoiltransferasa) humana, flanqueado por brazos de recombinación dependientes de homología derivados del exón 7 del gen de la subtilisina convertasa proproteína humana/kexina tipo 9 (PCSK9; convertasa 1 neural regulada por apoptosis), bajo el control de un promotor específico de hígado de la globulina de unión a tiroxina (TBG) humana y dos copias de un elemento potenciador de alfa 1 microglobulina/bikunina, terminado con una señal de poliadenilación de la hormona de crecimiento bovina, y flanqueado por repeticiones terminales invertidas de AAV2
terapia génica (déficit de la transcarbamilasa de ornitina)

3044778-70-0

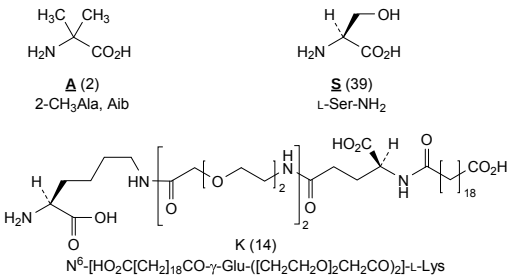
ribupatidum ribupatide	L-tyrosyl-2-methylalanyl-L-α-glutamylglycyl-L-threonyl-L-phenylalanyl-L-threonyl-L-seryl-L-α-aspartyl-L-tyrosyl-L-seryl-L-isoleucyl-L-tyrosyl-N ⁶ -[(22S)-22,42-dicarboxy-10,19,24-trioxo-3,6,12,15-tetraoxa-9,18,23-triazadotetracontan-1-oyl]-L-lysyl-L-α-glutamyl-L-lysyl-L-isoleucyl-L-alanyl-L-alanyl-L-glutaminy-L-α-glutamyl-L-phenylalanyl-L-valyl-L-asparaginy-L-tryptophyl-L-leucyl-L-leucyl-L-alanylglycylglycyl-L-prolyl-L-seryl-L-serylglycyl-L-alanyl-L-prolyl-L-prolyl-L-prolyl-L-serinamide <i>dual gastric inhibitory polypeptide (GIP) and glucagon-like peptide 1 (GLP-1) receptor agonist, antidiabetic</i>
ribupatide	L-tyrosyl-2-méthylalanyl-L-α-glutamylglycyl-L-thréonyl-L-phénylalanyl-L-thréonyl-L-séryl-L-α-aspartyl-L-tyrosyl-L-séryl-L-isoleucyl-L-tyrosyl-N ⁶ -[(22S)-22,42-dicarboxy-10,19,24-trioxo-3,6,12,15-tétraoxa-9,18,23-triazadotétracontan-1-oyl]-L-lysyl-L-α-glutamyl-L-lysyl-L-isoleucyl-L-alanyl-L-alanyl-L-glutaminy-L-α-glutamyl-L-phénylalanyl-L-valyl-L-asparaginy-L-tryptophyl-L-leucyl-L-leucyl-L-alanylglycylglycyl-L-prolyl-L-séryl-L-sérylglycyl-L-alanyl-L-prolyl-L-prolyl-L-prolyl-L-sérinamide <i>agoniste double des récepteurs du polypeptide inhibiteur gastrique (GIP) et du peptide de type glucagon 1 (GLP-1), antidiabétique</i>
ribupatida	L-tirosil-2-metilalanil-L-α-glutamilglicil-L-treonil-L-fenilalanil-L-treonil-L-seril-L-α-aspartil-L-tirosil-L-seril-L-isoleucil-L-tirosil-N ⁶ -[(22S)-22,42-dicarboxi-10,19,24-trioxo-3,6,12,15-tetraoxa-9,18,23-triazadotetracontan-1-oil]-L-lisil-L-α-glutamil-L-lisil-L-isoleucil-L-alanil-L-alanil-L-glutaminil-L-α-glutamil-L-fenilalanil-L-valil-L-asparaginil-L-triptofil-L-leucil-L-leucil-L-alanilglicilglicil-L-prolil-L-seril-L-serilglicil-L-alanil-L-prolil-L-prolil-L-prolil-L-serinamida <i>agonista dual de los receptores del polipéptido inhibidor gástrico (GIP) y del péptido 1 similar al glucagón (GLP-1), antidiabético</i>

C₂₂₉H₃₄₆N₄₈O₇₁

2940971-65-1

Y**A**E**G**T**F**T**S**D**Y** S**I**Y**K**E**K**I**A**A**Q** E**F**V**N**W**L**L**A**G**G** P**S**S**G**A**P**P**P**S 39

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados



ricorfortidum vedotinum

ricorfortide vedotin

N-(4-[[[(2-amino-4-oxo-3,4-dihydropteridin-6-yl)methyl]amino]benzoyl]-L-γ-glutamyl-S-[(3*RS*)-1-(6-[[[(2*S*)-1-[[[(2*S*)-5-(carbamoylamino)-1-(4-[[[(2*S*)-1-[(2*S*)-1-[(3*R*,4*S*,5*S*)-1-[(2*S*)-2-[(1*R*,2*R*)-3-[(1*S*,2*R*)-1-hydroxy-1-phenylpropan-2-yl]amino)-1-methoxy-2-methyl-3-oxopropyl]pyrrolidin-1-yl)-3-methoxy-5-methyl-1-oxoheptan-4-yl](methyl)amino)-3-methyl-1-oxobutan-2-yl]amino)-3-methyl-1-oxobutan-2-yl](methyl)carbamoyl]oxy)methyl]anilino)-1-oxopentan-2-yl]amino)-3-methyl-1-oxobutan-2-yl]amino)-6-oxohexyl)-2,5-dioxypyrrrolidin-3-yl]-L-cysteinyl-L-lysyl-L-α-glutamyl-L-phenylalanyl-L-leucyl-L-histidyl-L-prolyl-L-seryl-L-lysyl-L-valyl-L-α-aspartyl-L-leucyl-L-prolyl-L-arginine
antineoplastic

ricorfortide védotine

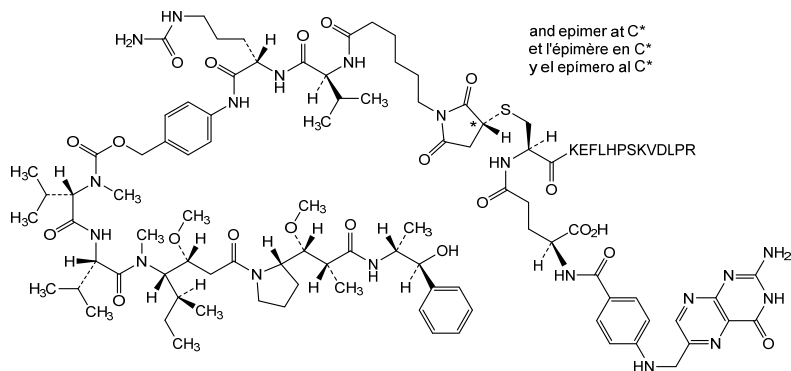
N-(4-[[[(2-amino-4-oxo-3,4-dihydroptéridin-6-yl)méthyl]amino]benzoyl]-L-γ-glutamyl-S-[(3*RS*)-1-(6-[[[(2*S*)-1-[[[(2*S*)-5-(carbamoylamino)-1-(4-[[[(2*S*)-1-[(2*S*)-1-[(3*R*,4*S*,5*S*)-1-[(2*S*)-2-[(1*R*,2*R*)-3-[(1*S*,2*R*)-1-hydroxy-1-phenylpropan-2-yl]amino)-1-méthoxy-2-méthyl-3-oxopropyl]pyrrolidin-1-yl)-3-méthoxy-5-méthyl-1-oxoheptan-4-yl](méthyl)amino)-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl]amino)-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl](méthyl)carbamoyl]oxy)méthyl]anilino)-1-oxopentan-2-yl]amino)-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl]amino)-6-oxohexyl)-2,5-dioxypyrrrolidin-3-yl]-L-cystéinyl-L-lysyl-L-α-glutamyl-L-phénylalanil-L-leucyl-L-histidyl-L-prolyl-L-séryl-L-lysyl-L-valyl-L-α-aspartyl-L-leucyl-L-prolyl-L-arginine
antineoplasique

ricorfortida vedotina

N-(4-[[[(2-amino-4-oxo-3,4-dihidropteridin-6-il)metil]amino]benzoil]-L-γ-glutamyl-S-[(3*RS*)-1-(6-[[[(2*S*)-1-[[[(2*S*)-5-(carbamoilamino)-1-(4-[[[(2*S*)-1-[(2*S*)-1-[(3*R*,4*S*,5*S*)-1-[(2*S*)-2-[(1*R*,2*R*)-3-[(1*S*,2*R*)-1-hidroxi-1-fenilpropan-2-il]amino)-1-metoxi-2-metil-3-oxopropil]pirrolidin-1-il)-3-metoxi-5-metil-1-oxoheptan-4-il](metil)amino)-3-metil-1-oxobutan-2-il]amino)-3-metil-1-oxobutan-2-il](metil)carbamoil]oxi)metil]anilino)-1-oxopentan-2-il]amino)-3-metil-1-oxobutan-2-il]amino)-6-oxohexil)-2,5-dioxopirrolidin-3-il]-L-cisteinil-L-lisil-L-α-glutamil-L-fenilalanil-L-leucil-L-histidil-L-prolil-L-seril-L-lisil-L-valil-L-α-aspartil-L-leucil-L-prolil-L-arginina
antineoplásico

C₁₆₂H₂₄₃N₃₉O₄₀S

2082631-84-1



rinzimetostatum

rinzimetostat

8-{4-[(dimethylamino)methyl]-2-methylphenyl}-5-[[[5-fluoro-2,3-dihydro-1-benzofuran-4-yl)methyl]amino]imidazo[1,2-c]pyrimidine-2-carbonitrile
embryonic ectoderm development (EED) protein inhibitor, antineoplastic

rinzimétostat

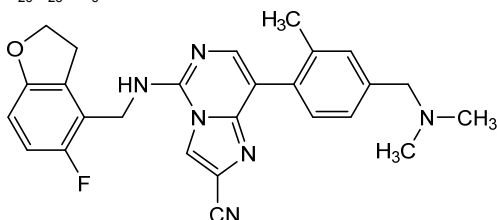
8-{4-[(diméthylamino)méthyl]-2-méthylphényl}-5-[[[5-fluoro-2,3-dihydro-1-benzofuran-4-yl)méthyl]amino]imidazo[1,2-c]pyrimidine-2-carbonitrile
inhibiteur de la protéine de développement de l'ectoderme embryonnaire (EED), antinéoplasique

rinzimetostat

8-{4-[(dimetilamino)metil]-2-metilfenil}-5-[[[5-fluoro-2,3-dihidro-1-benzofuran-4-il)metil]amino]imidazo[1,2-c]pirimidina-2-carbonitrilo
inhibidor de la proteína EED, antineoplásico

C₂₆H₂₅FN₆O

2369769-29-7

**risvutatugum #**

risvutatug

immunoglobulin G1-lambda1, anti-[*Homo sapiens* CD276 (B7H3, B7-H3, B7-related protein 2, B7RP2, B7RP-2, B7 homolog 3, B7 homologue 3)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*01 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%) T122>A (113), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-215')-disulfide with L-lambda1 light chain *Homo sapiens* (1'-215') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV8-61*01 (89.7%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.10] (26'-34'.52'-54'.91'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC1*02 (100%) (C-LAMBDA1 S127>del) (111'-215')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
antineoplastic

risvutatug

immunoglobuline G1-lambda1, anti-[*Homo sapiens* CD276 (B7H3, B7-H3, protéine 2 liée à B7, B7RP2, B7RP-2, B7 homolog 3, B7 homologue 3)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*01 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%) T122>A (113), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-215')-disulfure avec la chaîne légère L-lambda1 *Homo sapiens* (1'-215') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV8-61*01 (89.7%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.10] (26'-34'.52'-54'.91'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC1*02 (100%)

(C-LAMBDA1 S127>del) (111'-215')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa antinéoplasique

risvutatug

immunoglobulina G1-lambda1, anti-[*Homo sapiens* CD276 (B7H3, B7-H3, proteína 2 vinculada a B7, B7RP2, B7RP-2, B7 homolog 3, B7 homólogo 3)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*01 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%) T122>A (113), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108))] (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-215')-disulfuro con la cadena ligera L-lambda1 *Homo sapiens* (1'-215') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV8-61*01 (89.7%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.10] (26'-34'.52'-54'.91'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC1*02 (100%) (C-LAMBDA1 S127>del) (111'-215')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hamster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa antineoplásico

3042848-87-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H")

```
QVQLVQSGGG VVQPGTSLRL SCAASGFIFS SSAMHWVRQA PGKGLEWVAV 50
ISYDGSNKYY VDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARSA 100
RLYASFDYWG QGALVTVSSA STKGPSVFPF APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTWSV NSGALTSGVH TFPVAVLQSSG LYSLSVSVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN TKVDKKVEPK SCDKTHTCP CPAPPELLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSRDEL TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L")

```
DTVVTTQEPSP SVSPGGTCTL TCGLSSGSVS TSHYPSWYQQ TPGQAPRMLI 50
YNTNTRSSGV PDRFSGSILG NKAALTITGA QADDESYYC AIHVDRIWV 100
FGGGTKLTVL GQPKANPTVT LFPSPSEELQ ANKATLVCLI SDFYPGAVTV 150
AWKADGSPVK AGVETTKPSK QSNKNYAASS YLSLTPEQWK SHRSYSCQVT 200
HEGSTVEKTV APTEC 215
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 263-323 369-427
22"-96" 146"-202" 263"-323" 369"-427"

Intra-L (C23-C104) 22'-90' 138"-197"
22"-90" 138"-197"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-215' 222"-215"

Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228" 231-231"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxopropyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 299, 299"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 449, 449"

risvutatugum rezetecanum #
risvutatug rezetecan

immunoglobulin G1-lambda1, anti-[*Homo sapiens* CD276 (B7H3, B7-H3, B7-related protein 2, B7RP2, B7RP-2, B7 homolog 3, B7 homologue 3)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; conjugated on an average of four cysteinyl residues to *rezetecan*, comprising a linker and a camptothecin derivative (*exatecan*);

H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*01 (94.9%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%) T122>A (113), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-215')-disulfide with L-lambda1 light chain *Homo sapiens* (1'-215') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV8-61*01 (89.7%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.10] (26'-34'.52'-54'.91'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC1*02 (100%) (C-LAMBDA1 S127>del) (111'-215')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide; produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa; substituted at the sulfur atoms of four L-cysteinyl residues on an average among 222, 228, 231, 215', 222", 228", 231" and 215"" with (3*RS*)-1-[(2*R*,10*S*)-10-benzyl-2-cyclopropyl-1-[[[(1*S*,9*S*)-9-ethyl-5-fluoro-9-hydroxy-4-methyl-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolin-1-yl]amino]-1,6,9,12,15,18-hexaoxa-3-oxa-5,8,11,14,17-pentaazatricosan-23-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl] (*rezetecan*) groups *antineoplastic*

risvutatug rézétécan

immunoglobuline G1-lambda1, anti-[*Homo sapiens* CD276 (B7H3, B7-H3, protéine 2 liée à B7, B7RP2, B7RP-2, B7 homolog 3, B7 homologue 3)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; conjugué par quatre résidus cystéinyles en moyenne au *rézétécan*, comprenant un linker et un dérivé de la camptothécine (*exatécan*); chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*01 (94.9%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%) T122>A (113), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-215')-disulfure avec la chaîne

légère L-lambda1 *Homo sapiens* (1'-215') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV8-61*01 (89.7%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.10] (26'-34'.52'-54'.91'-100')) (1'-110') - *Homo sapiens* IGLC1*02 (100%) (C-LAMBDA1 S127>del) (111'-215'))]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa; substitué, sur les atomes de soufre de quatre résidus L-cystéinyle en moyenne parmi 222, 228, 231, 215', 222", 228", 231" et 215"', avec des groupes (3RS)-1-[(2R,10S)-10-benzyl-2-cyclopropyl-1-[[[(1S,9S)-9-éthyl-5-fluoro-9-hydroxy-4-méthyl-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pyrano[3',4':6',7']indolizino[1,2-*b*]quinoléin-1-yl]amino]-1,6,9,12,15,18-hexaoxo-3-oxa-5,8,11,14,17-pentaazatricosan-23-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle (*rézetécán*)
antineoplasique

risvutatug rezetecán

inmunoglobulina G1-lambda1, anti-[*Homo sapiens* CD276 (B7H3, B7-H3, proteína 2 vinculada a B7, B7RP2, B7RP-2, B7 homolog 3, B7 homólogo 3)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; conjugado, por cuatro residuos de cisteinilo, por término medio a *rezetecán*, que comprende un enlace y un derivado de la camptotecina (*exatecán*); cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*01 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%) T122>A (113), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-215')-disulfuro con la cadena ligera L-lambda1 *Homo sapiens* (1'-215') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV8-61*01 (89.7%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.10] (26'-34'.52'-54'.91'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC1*02 (100%) (C-LAMBDA1 S127>del) (111'-215'))]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa; sustituido, en los átomos de azufre de cuatro residuos de L-cisteinilo en promedio de 222, 228, 231, 215', 222", 228", 231" y 215"', con grupos (3RS)-1-[(2R,10S)-10-bencil-2-ciclopropil-1-[[[(1S,9S)-9-etil-5-fluoro-9-hidroxi-4-metil-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahidro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pirano[3',4':6',7']indolizino[1,2-*b*]quinolein-1-il]amino]-1,6,9,12,15,18-hexaoxo-3-oxa-5,8,11,14,17-pentaazatricosan-23-il]-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo (*rezetecán*)
antineoplásico

3042849-33-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H")
QVQLVQSGGG VVQPGTSLRL SCAASGFIFS SSAMHWVRQA PGKGLEWVAV 50
ISYDGSNKYY VDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARSA 100
RLYASFDYWG QGALVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TTPAVLQSSG LYSLSVVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN TKVDKKVEPK SCDKTHTCPP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTPV VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSRDEL TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCVM HEALHNHYTQ KLSLSLSPGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L")
DTVVTQEPSF SVSPGGTVTL TCGLSSGSVS TSHYPSWYQQ TPGQAPRMLI 50
YNTNTRSSGV PDRFSGSILG NKAALTITGA QADDESYYC AHVDRDIWV 100
FGGGTKLTVL GQPKANPTVT LFPPSSEELQ ANKATLVCLI SDFYPGAVTV 150
AWKADGSPVK AGVETTKPSK QSNKKYAASS YLSLTPEQWK SHRSYSCQVT 200
HEGSTVEKTV APTEC 215

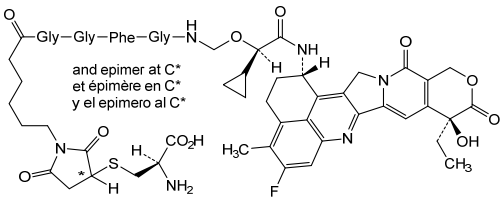
Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 263-323 369-427
22"-96" 146"-202" 263"-323" 369"-427"
Intra-L (C23-C104) 22'-90' 138'-197'
22'''-90''' 138'''-197'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-215' 222"-215"
Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228" 231-231"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl) / pyroglutamide (pE, 5-oxopropyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 299, 299"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 449, 449"

Modified residues / résidus modifiés / restos modificados*
C (222, 228, 231, 215', 222", 228", 231", 215")
*(rezetecan:mAb ~ 4:1)



roltotatugum #
roltotatug

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* DLK1 (delta like non-canonical Notch ligand 1)], humanized monoclonal antibody;

	H-gamma1 heavy chain humanized (1-448) [VH (<i>Homo sapiens</i>IGHV4-4*08 (85.6%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (86.7%), CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107)) (1-118) -<i>Homo sapiens</i>IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-220') [V-KAPPA(<i>Homo sapiens</i>IGKV4-1*01 (90.1%) -IGKJ2*01 (100%), CDR -IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -<i>Homo sapiens</i>IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide, produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, glycoform alfa <i>antineoplastic</i>
roltotatug	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> DLK1 (delta like non-canonique Notch ligand 1)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-448) [VH (<i>Homo sapiens</i>IGHV4-4*08 (85.6%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (86.7%), CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107)) (1-118) -<i>Homo sapiens</i>IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-220') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i>IGKV4-1*01 (90.1%) -IGKJ2*01 (100%), CDR -IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -<i>Homo sapiens</i>IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure, produit dans une lignée cellulaire des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa <i>antinéoplasique</i>
roltotatug	immunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> DLK1 (delta como un ligando no canónico de Notch 1)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-448) [VH (<i>Homo sapiens</i>IGHV4-4*08 (85.6%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (86.7%), CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107)) (1-118) -<i>Homo sapiens</i>IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-220') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i>IGKV4-1*01 (90.1%) -IGKJ2*01 (100%), CDR -IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -<i>Homo sapiens</i>IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro, producido en una línea celular de las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa <i>antineoplásico</i>

3038456-05-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H^{''})

QVQLQESGPG LVKPSSETLSL TCTVSGFSLI IYSVHVWRQP PGKGLEWIGL 50
 IWGGGSTDYN PSLKSRVTIS KDTSKNQVSL KLSSVTAADT AVYYCARKEG 100
 NYLWFAYWQO GTLTVTVSSAS TKGFSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
 FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLTGTQYI 200
 CMVNHKPSNT KVDKKVEPKS CDKTHTCPPC PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
 TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST 300
 YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
 TLPSPSRDELT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPVLD 400
 SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L^{''})

DIVMTQSPDS LAVSLGERVT MNCKSSQSLL QSSNQKNYLA WYQQKPGQPP 50
 KLLVYFASR ESGVPDRFSG SGSGTDFTLT ISSVQAEDVA VYYCQQHYSI 100
 PLTFTGQGTKL EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 150
 KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKDSSTYS LSSTLTLSKA DYEKKHVVAC 200
 EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC 220

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-95 145-201 262-322 368-426
 22"-95" 145"-201" 262"-322" 368"-426"

Intra-L (C23-C104) 23'-94' 140'-200'
 23'''-94''' 140'''-200'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-220' 221"-220"

Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)

H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 298, 298"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 448, 448"**roltotatugum vedotinum #**

roltotatug vedotin

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* DLK1 (delta like non-canonical Notch ligand 1)], humanized monoclonal antibody; conjugated on an average of four cysteinyl residues to *vedotin*, comprising a cleavable linker and monomethylauristatin E (MMAE);
 H-gamma1 heavy chain humanized (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-4*08 (85.6%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (86.7%), CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107))] (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (90.1%) -IGKJ2*01 (100%), CDR -IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, glycoform alfa; substituted at the sulfur atoms of an average of four L-cysteinyl residues among 221, 227, 230, 220', 221", 227", 230" and 220''' with (3RS)-1-(6-(((2S)-1-(((2S)-5-(carbamoylamino)-1-{4-(((2S)-1-(((2S)-1-(((3R,4S,5S)-1-((2S)-2-((1R,2R)-3-(((1S,2R)-1-hydroxy-1-phenylpropan-2-yl)amino)-1-methoxy-2-methyl-3-oxopropyl)pyrrolidin-1-yl)-3-methoxy-5-methyl-1-oxoheptan-4-yl)(methyl)amino)-3-methyl-1-

- oxobutan-2-yl]amino}-3-methyl-1-oxobutan-2-yl](methyl)carbamoyl}oxy)methyl]anilino)-1-oxopentan-2-yl]amino}-3-methyl-1-oxobutan-2-yl]amino}-6-oxohexyl)-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl (vedotin) groups
antineoplastic
- roltotatug védotine immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* DLK1 (delta like non-canonical Notch ligand 1)], anticorps monoclonal humanisé; conjugué par quatre résidus cystéinyle en moyenne à la *védotine*, comprenant un linker clivable et monométhylauristatine E (MMAE); chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-4*08 (85.6%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (86.7%), CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (90.1%) -IGKJ2*01 (100%), CDR -IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure, produit dans une lignée cellulaire des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa; substitué sur l'atome de soufre d'une moyenne de quatre résidus L-cystéinyle parmi 221, 227, 230, 220', 221", 227", 230" et 220"" avec des groupes (3RS)-1-(6-[[[(2S)-1-[[[(2S)-5-(carbamoylamino)-1-{4-[[[(2S)-1-[[[(2S)-1-[[[(3R,4S,5S)-1-{(2S)-2-[(1R,2R)-3-[[[(1S,2R)-1-hydroxy-1-phénylpropan-2-yl]amino]-1-méthoxy-2-méthyl-3-oxopropyl]pyrrolidin-1-yl]-3-méthoxy-5-méthyl-1-oxoheptan-4-yl](méthyl)amino]-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl]amino]-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl](methyl)carbamoyl}oxy)methyl]anilino)-1-oxopentan-2-yl]amino]-3-méthyl-1-oxobutan-32-yl]amino]-6-oxohexyl)-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle (*védotine*)
antineoplasique
- roltotatug vedotina inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* DLK1 (delta como un ligando no canónico de Notch 1)], anticuerpo monoclonal humanizado; conjugado en una media de cuatro residuos cisteinilo a la *vedotina*, que comprende un enlace escindible y monometilauristatina E (MMAE); cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-4*08 (85.6%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (86.7%), CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (90.1%) -IGKJ2*01 (100%), CDR -IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro, producido en una línea celular de las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa; sustituido en los átomos de azufre de un promedio de cuatro residuos de L-cisteinilo entre 221, 227, 230, 220', 221", 227", 230" y 220"" con grupos (3RS)-1-(6-[[[(2S)-1-[[[(2S)-5-(carbamoylamino)-1-{4-[[[(2S)-1-[[[(2S)-1-[[[(3R,4S,5S)-1-{(2S)-2-[(1R,2R)-3-[[[(1S,2R)-1-fenil-1-hidroxipropan-2-il]amino]-2-metil-1-metoxi-3-oxopropil]pirolidin-1-il]-5-metil-3-metoxi-1-oxoheptan-4-il](metil)amino]-3-metil-1-oxobutan-2-il]amino]-3-metil-1-oxobutan-2-il](metil)carbamoyl}oxi)methyl]anilino)-1-oxopentan-2-il]amino]-3-metil-1-oxobutan-32-il]amino]-6-oxohexil)-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo (*vedotina*)
antineoplásico

3038456-06-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H'')

QVQLVSGESGP	LVKPSETSL	TCTVSGFSLS	IYSVHWVRQP	PGKGLEWIGL	50
IWGGSDFTYD	PSLKRVTIS	KDTSKNQVFL	KLSSVTAAD	AVYCARKEG	100
NYLWFAADYN	GLTLVTSAS	KGTSVQFLA	PKSSSTSGT	AALGLCVKDY	150
FPEPVTVSWN	SAGLTSVGH	PLVQSSQLG	YLSLSSVTV	SSSLGTQTYI	200
CNNHNKPSN	KVDKKEVPEK	CDKTHCTPCP	PAPELLGGVP	VLFPPKPKPD	250
TLRISSTPEV	TCVVVDVSH	DEPVKYNVLE	DGEVHNATK	KPREQEQYNT	300
YLVSVSLTVL	HDQWLNGKEY	CKVSNKALP	AGPEVTKIA	KGQPREQVST	350
TLPPSRDEL	KNQVSLTCLV	KGFPVSDIAH	EWESNGQPN	NYKTTTPVLD	400
SDGSFDFLT	LYSLDKRSWQ	NMVFSCSVH	ELAHNYQTK	SLSLSGPK	448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L")

High quality	Medium quality	Low quality	Count		
DIWVTQSPDS	LAVSLGERVT	MNCKSSQSLL	QSSNQKNYLA	WYQKPGPGQV	50
KLLVYFASTR	ESGVPRDFSG	SGSGDTFTLT	ISSVQAEDVA	VYYCQQHYSI	100
PLTFGGQTKL	EIKRTVAAPS	VFIFPPSDQ	LKSGTASVVC	LLNNFYPREA	150
KVQGWKVDNAL	QSGNSQSESVT	EQDSKDSYTS	LSSTLTLSKA	DYEKKHKVAY	200
EVTHGQSLVK	VTPKSFNRGEC				220

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104)	22-95	145-201	262-322	368-426
	22"-95"	145"-201"	262"-322"	368"-426"

Intra-L (C23-C104)	23'-94'	140'-200'
	23'''-94'''	140'''-200'''

Inter-H-L (h 5-CL 126)* 221-220' 221"-220'''

Inter-H-E (h 9, h 12)*	221-226"	221-226"
Inter-H-H (h 11, h 14)*	227-227"	230-230"

*Two or three of the four inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 4 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

*Deux ou trois des quatre ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 4 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

*Dos o tres de los cuatro puentes disulfuro inter-catenarios no están presentes, una media de 4 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q> pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxopropyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
HVHQI; 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4; 298, 298"

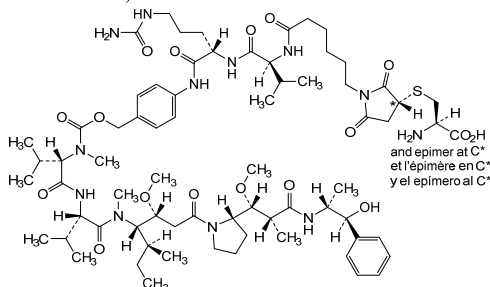
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 448, 448"

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados*

C (221, 227, 230, 220', 221'', 227'', 230'', 220''')

$$*(\text{vedotin:mAb} \sim 4:1)$$


ruvonoflastum

ruvonoflast

propan-2-yl (2*R*)-2-[[[(1,2,3,5,6,7-hexahydro-s-indacen-4-yl)carbamoyl]oxy]-3-(pyrimidin-2-yl)propanoate
non-steroidal anti-inflammatory

ruvonoflast

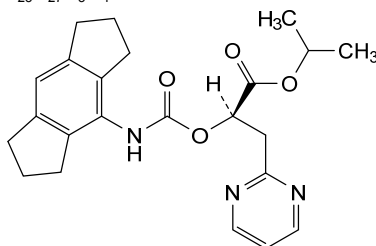
(2*R*)-2-[[[(1,2,3,5,6,7-hexahydro-s-indacén-4-yl)carbamoyl]oxy]-3-(pyrimidin-2-yl)propanoate de propan-2-yle
anti-inflammatoire non-stéroïdien

ruvonoflast

(2*R*)-2-[[[(1,2,3,5,6,7-hexahidro-s-indacen-4-il)carbamoi]oxi]-3-(pirimidin-2-il)propanoato de propan-2-ilo
antiinflamatorio no esteroide

C₂₃H₂₇N₃O₄

2272917-13-0

**sacituzumabum drozuntecanum #**

sacituzumab drozuntecan

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TACSTD2 (tumor-associated calcium signal transducer 2, membrane component chromosome 1 surface marker 1, M1S1, gastrointestinal tumor-associated antigen GA7331, pancreatic carcinoma marker protein GA733-1, epithelial glycoprotein-1, EGP-1, trophoblast antigen-2, cell surface glycoprotein Trop-2, TROP2)], humanized monoclonal antibody; conjugated on an average of 4.5 cysteinyl residues to *drozuntecan*, comprising a cleavable linker and a camptothecin derivative (*exatecan*);
H-gamma1 heavy chain (1-451) [*humanized* VH (*Homo sapiens*IGHV7-4-1*02 (85.7%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (86.7) T122>S (115), CDR_IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens*IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (218) (122-219), hinge (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-9*01 (82.2%) -IGKJ4*01 (91.7%) G120>A (100), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01, Km3, A45.1 (153'), V101 (191') (108'-214')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa; substituted at the sulfur atoms of 4.5 L-cysteinyl residues on an average among 214', 214"', 224, 224", 230, 230", 233, 233" with (3*RS*)-1-[(3*S*,11*S*)-11-benzyl-1-[[[(1*S*,9*S*)-9-ethyl-5-fluoro-9-hydroxy-4-methyl-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolin-1-yl]amino]-3-methyl-1,7,10,13,16,19-hexaoxa-4-oxa-6,9,12,15,18-pentaazatetracosan-24-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl (*drozuntecan*) groups
antineoplastic

sacituzumab drozuntécán

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TACSTD2 (transducteur 2 de signaux calciques associé aux tumeurs, composant membranaire du chromosome 1 marqueur de surface 1, M1S1, antigène GA7331 associé aux tumeurs gastrointestinales, protéine GA733-1 marqueur de carcinomes pancréatiques, glycoprotéine épithéliale 1, EGP-1, antigène 2 du trophoblaste, glycoprotéine Trop-2 à la surface des cellules, TROP2)], anticorps monoclonal humanisé; conjugué par 4,5 résidus cystéinyles en moyenne au *drozuntécán*, comprenant un linker et un dérivé de la camptothécine (*exatécán*); chaîne lourde H-gamma1 (1-451) [VH humanisé (*Homo sapiens*IGHV7-4-1*02 (85.7%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (86.7) T122>S (115), CDR_IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens*IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (218) (122-219), charnière (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-9*01 (82.2%) -IGKJ4*01 (91.7%) G120>A (100), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') - *Homo sapiens*IGKC*01, Km3, A45.1 (153'), V101 (191') (108'-214')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa; substitué, sur les atomes de soufre de 4,5 résidus L-cystéinyle en moyenne parmi 214', 214"', 224, 224"', 230, 230"', 233, 233"', avec des groupes (3RS)-1-[(3S,11S)-11-benzyl-1-[(1S,9S)-9-éthyl-5-fluoro-9-hydroxy-4-méthyl-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*bj*]quinoléin-1-yl]amino]-3-méthyl-1,7,10,13,16,19-hexaoxo-4-oxa-6,9,12,15,18-pentaazatétracosan-24-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle (*drozuntécán*)
antinéoplasique

sacituzumab drozuntécán

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TACSTD2 (transductor 2 de señales cálcicas asociadas a los tumores, componente de la membrana del cromosoma 1 marcador de superficie 1, M1S1, antígeno GA7331 asociado a los tumores gastrointestinales, proteína GA733-1 marcador de carcinomas pancreáticos, glicoproteína epitelial 1, EGP-1, antígeno 2 del trofoblasto, glicoproteína Trop-2 en la superficie de las células, TROP2)], anticuerpo monoclonal humanizado; conjugado, conjugado, por 4,5 residuos de cisteinilo, por término medio a *drozuntécán*, que comprende un enlace y un derivado de la camptotecina (*exatécán*); cadena pesada H-gamma1 (1-451) [VH humanizado (*Homo sapiens*IGHV7-4-1*02 (85.70%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (86.7) T122>S (115), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens*IGHG1*03, G1m3, nG1m1CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (218) (122-219), bisagra (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-9*01 (82.2%) -IGKJ4*01 (91.7%) G120>A (100), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') - *Homo sapiens*IGKC*01, Km3, A45.1 (153'), V101 (191') (108'-214')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa; sustituido, en los átomos de azufre de 4,5 residuos de L-cisteinilo en promedio

de 214', 214"', 224, 224", 230, 230", 233, 233", con grupos (3*RS*)-1-[(3*S*,11*S*)-11-bencil-1-[[[(1*S*,9*S*)-9-etil-5-fluoro-9-hidroxi-4-metil-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahidro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pirano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolein-1-il]amino]-3-metil-1,7,10,13,16,19-hexaoxo-4-oxa-6,9,12,15,18-pentaazatetracosan-24-il]-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo (drozuntecán)
antineoplásico

2792722-58-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H ^{''})	
QVQLQSGSE LKPGASVKV SCKASGYTFT NYGMNWKQA PGQGLKWMGW	50
INTYTGPTY TDDFKGRFAF SLDTSVSTAY LQISLAKAD TAVYFCARGG	100
FGSSYWFYDV WQGSGLVTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV	150
KDYFPEPVTW SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSV TVPSSSLGTQ	200
TYICNVNHKP SNTKVDKRVK PKSCDKTHCT PPCAPELLG GPSVFLFPPK	250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY	300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP	350
QVYTLPPSRE EMTKNQVSLT CLVKGFPYSD IAVEWESNGQ PENNYKTTTP	400
VLDSDGSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFCSS VMHEALHNNH TQKSLSLSPG	450
K	451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L ^{''})	
DIQLTQSPSS LSASVGDRVS ITCKASQDVS IAVAWYQKPK GKAPKLLIYS	50
ASRYRTGVPD RFGSGSGSDT FTLTISSLQP EDFAVYYCQQ HYITPLTFGA	100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWQV	150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG	200
LSSPVTKSFN RGEK	214

Post-translational modifications

Intra-H (C23-C104)	22-96	148-204	265-325	371-429
	22"-96"	148"-204"	265"-325"	371"-429"
Intra-L (C23-C104)	23'-88'	134'-194'		
	23'''-88'''	134'''-194'''		

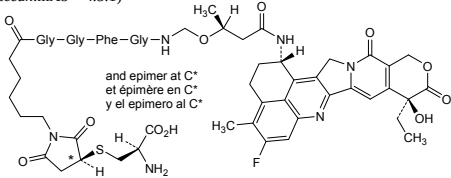
Inter-H-L (h 5-CL 126)* 224-214' 224"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14)* 230-230" 233-233"
*The four inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 4 to 5 (4.5) cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.
*Les quatre ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 4 to 5 (4.5) cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.
*Los cuatro puentes disulfuro inter-catenarios no están presentes, una media de 4 to 5 (4.5) cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxopropyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 301, 301"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 451, 451"

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados
C (214', 214"', 224, 224", 230, 230", 233, 233")
(drozuntecan:mAb ~ 4.5:1)



sanritatugum #

sanritatug

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD38 (ADP-ribosyl cyclase 1, cyclic ADP-ribose hydrolase 1, cADPr hydrolase 1, cADPR1)], chimeric monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain chimeric (1-449) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV4-1*02 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV3-48*01 (73.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%) L123>T (114), V124>L (115), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-218')-disulfide with L-kappa light chain chimeric (1'-218') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV3-12*01 (85.9%) -IGKJ4*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (68.1%) -IGKJ2*02 (90.9%) Q120>S (104'), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101'') (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195'')) (112'-218'')]; dimer (228-228'':231-231'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
antineoplastico

sanritatug

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD38 (ADP-ribosyl cyclase 1, ADP cyclique-ribose hydrolase 1, cADPr hydrolase 1, cADPR1)], anticorps monoclonal chimérique;
chaîne lourde H-gamma1 chimérique (1-449) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV4-1*02 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV3-48*01 (73.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%) L123>T (114), V124>L (115), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-218')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa chimérique (1'-218') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV3-12*01 (85.9%) -IGKJ4*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (68.1%) -IGKJ2*02 (90.9%) Q120>S (104'), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101'') (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195'')) (112'-218'')]; dimère (228-228'':231-231'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
antineoplasique

sanritatug

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD38 (ADP-ribosil ciclase 1, ADP cíclico-ribosa hidrolasa 1, cADPr hidrolasa 1, cADPR1)], anticuerpo monoclonal quimérico;
cadena pesada H-gamma1 quimérica (1-449) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV4-1*02 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV3-48*01 (73.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%) L123>T (114), V124>L (115), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-218')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa quimérica (1'-218') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV3-12*01 (85.9%) -IGKJ4*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (68.1%) -IGKJ2*02 (90.9%) Q120>S (104'), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101'') (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195'')) (112'-218'')]; dímero (228-228'':231-231'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
antineoplásico

3028478-15-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H^{''})
QVQLLESGGG LVQPGGSLKL SCVASGFDFS LYWMNWVRQA PGKGLEWIGK 50
INPDSSSTINY TPSLKDKEFI SRDNAKNTLY LQMTKVRSED TALYYCARLW 100
IATGGFDYWG QGTTLTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTYSW NSGALTSQVH TFPAVLQSSG LYSLSVTVV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN TKVDKKVEPK SCDKTHTCPP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTP ETCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSRDEL TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPPV 400
DSDGSEFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L^{''})
EIVMTQSPAS LSASLGQRAT ISCRASSSVS SSAFSYVHWY QQKSGQPPKL 50
LIYLASNL EGVPARFSGSG SGTDFLTTH PVESEDVATY YCHHSRELFP 100
TFGSGTKLEI KRTVAAPSVE IFPPSDEQLK SGTSASVCLL NNFYPREKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLS STLTLSKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGEC 218

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 146"-202" 263"-323" 369"-427"

22"-96" 146"-202" 263"-323" 369"-427"

Intra-L (C23-C104) 23"-92" 138"-198"

23"-92" 138"-198"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 222"-218" 222"-218"

Inter-H-H (h 11, h 14) 228"-228" 231"-231"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolinyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolinyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)

H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H VH N66: 59, 59"

Aglycosylated / aglycosylé / aglicosilado

H CH2 N84.4: 299, 299"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 449, 449"

satoprodilum

satoprodil

(2S)-4-([5-(2-fluoro-4-methylphenoxy)pyrazin-2-yl]methyl)-N-methylmorpholine-2-carboxamide
N-methyl-D-aspartate (NMDA) receptor negative allosteric modulator

satoprodil

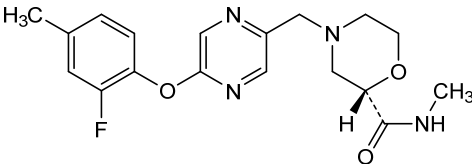
(2S)-4-([5-(2-fluoro-4-méthylphénoxy)pyrazin-2-yl]méthyl)-N-méthylmorpholine-2-carboxamide
modulateur allostérique négatif du récepteur N-méthyl-D-aspartate (NMDA)

satoprodil

(2S)-4-([5-(2-fluoro-4-metilfenoxi)pirazin-2-il]metil)-N-metilmorfolina-2-carboxamida
modulador negativo del receptor de N-metil-D-aspartato (NMDA)

C₁₈H₂₁FN₄O₃

2416269-15-1



sebaloxavirum marboxilum

sebaloxavir marboxil

{{(12aR)-12-[(11S)-7,8-difluoro-6,11-dihydrodibenzo[*b,e*]selenepin-11-yl]-6,8-dioxo-3,4,6,8,12,12a-hexahydro-1*H*-[1,4]oxazino[3,4-*c*]pyrido[2,1-*f*][1,2,4]triazin-7-yl)oxy)methyl methyl carbonate
influenza CAP-dependent endonuclease inhibitor, antiviral

sébaloxavir marboxil

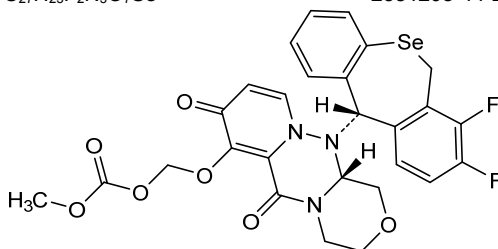
carbonate de {{(12aR)-12-[(11S)-7,8-difluoro-6,11-dihydrodibenzo[*b,e*]sélénépin-11-yl]-6,8-dioxo-3,4,6,8,12,12a-hexahydro-1*H*-[1,4]oxazino[3,4-*c*]pyrido[2,1-*f*][1,2,4]triazin-7-yl)oxy)méthyle et de méthyle
inhibiteur de l'endonucléase dépendante de la CAP de la grippe, antiviraux

sebaloxavir marboxilo

carbonato de {{(12aR)-12-[(11S)-7,8-difluoro-6,11-dihydrodibenzo[*b,e*]selenepin-11-il]-6,8-dioxo-3,4,6,8,12,12a-hexahidro-1*H*-[1,4]oxazino[3,4-*c*]pirido[2,1-*f*][1,2,4]triazin-7-il)oxi)metilo y metilo
inhibidor de la endonucleasa dependiente de CAP de la gripe, antiviral

C₂₇H₂₃F₂N₃O₇Se

2581298-44-2

**sebrinoflastum**

sebrinoflast

2-(4-[[{(3*R*)-5,5-dimethyloxolan-3-yl]amino}pyrido[3,4-*d*]pyridazin-1-yl]-5-methylphenol
non-steroidal anti-inflammatory

sébrinoflast

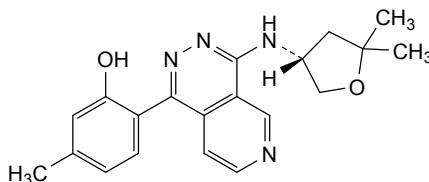
2-(4-[[{(3*R*)-5,5-diméthyloxolan-3-yl]amino}pyrido[3,4-*d*]pyridazin-1-yl]-5-méthylphénol
anti-inflammatoire non-stéroïdien

sebrinoflast

2-(4-[[{(3*R*)-5,5-dimetiloxolan-3-il]amino}pirido[3,4-*d*]piridazin-1-il]-5-metilfenol
antiinflamatorio no esteroideo

C₂₀H₂₂N₄O₂

2919854-67-2



selcodebartum #

selcodebart

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* HJV (hemojuvelin, hemochromatosis type 2 protein, HFE2, repulsive guidance molecule C, RGMC)], humanized monoclonal antibody;

H-gamma1 heavy chain humanized (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*02 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 R120>K(212) (116-213), hinge 1-15 (214-228), CH2 L1.3>A (232), L1.2>A (233) (229-338), CH3 E12 (354), M14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-219')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (87.0%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimer (224-224": 227-227")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-DG44, glycoform alfa *antianaemic*

selcodébart

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* HJV (hémoujuvéline, protéine hémochromatose de type 2, HFE2, molécule C de guidage répulsif, RGMC)], anticorps monoclonal humanisé;

chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*02 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 R120>K (212) (116-213), charnière 1-15 (214-228), CH2 L1.3>A (232), L1.2>A (233) (229-338), CH3 E12 (354), M14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-219')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (87.0%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimère (224-224": 227-227")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-DG44, glycoforme alfa *antianémique*

selcodebart

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* HJV (hemojuvelina, proteína hemocromatosa de tipo 2, HFE2, molécula C de guía repulsiva, RGMC)], anticuerpo monoclonal humanizado;

cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*02 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 R120>K (212) (116-213), bisagra 1-15 (214-228), CH2 L1.3>A (232), L1.2>A (233) (229-338), CH3 E12 (354), M14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-219')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (87.0%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dímero (224-224": 227-227")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-DG44, forma glicosilada alfa *antianémico*

3038196-66-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H⁺)
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS NYGMNWVRQA PGKGLEWIGM 50
IYYDSSEKHY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAKGT 100
TPDYWGQGTMT VTVSSASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAL GCLVKDYFPE 150
PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVPSSS LGTQTYICNV 200
NHKPSNTKVD KKVPEKSCDK THTCPPCPAP EAAGGPSVFL FPPKPKDTLM 250
ISRTPVETCV VVDVSHEDPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQYNSTYRV 300
VSVLTVLHQD WLNKEYEKCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ PREPQVYITLP 350
PSREEMTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400
SFFLYSKLTV DKSRWQQGNV FSCSVMEAL HNHYQKSLS LSPGK 445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L⁺)
DVVLTSQPLS LPVTLGQPAS ISCRSSQSLE ESDGYTFLHW FQQRPGQSPR 50
LLIYEVSTRF SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGV YYCFQATHDP 100
LTFGQGTKLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDYSTYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNREGC 219

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 142-198 259-319 365-423
22"-96" 142"-198" 259"-319" 365"-423"
Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'
23"-93" 139"-199"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 218-219' 218"-219"
Inter-H-H (h 11, h 14) 224-224" 227-227"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84,4: 295, 295"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 445, 445"

sepidleucelum
sepidleucel

human culture expanded and activated autologous lymphocytes derived from peripheral blood of patients with hepatocellular carcinoma, or other solid tumors such as glioblastoma multiforme, pancreatic ductal adenocarcinoma. The peripheral blood mononuclear cells are isolated and stimulated first with anti-CD3 antibodies in media containing fetal bovine serum (FBS; 10%), interleukin 2 (IL-2; 750,000 U) and insulin and are then further expanded in medium containing IL-2 (175,000 U) insulin and a low concentration of FBS (0,5%) that is increased to 1% in the final culture stage. The final substance consists of lymphocytes CD3+ (≥80%), predominantly cytotoxic T lymphocytes [CD3+, CD8+ (≥60%)] and cytokine induced killer cells [CD3+, CD56+ (≥10%)] and low levels of CD14+ and CD20+ cells (<1.0%). The cells are cytotoxic (≥25%) to target cells (K562 erythroleukemia cell line) as measured by a lactate dehydrogenase (LDH) assay cell therapy (antineoplastic)

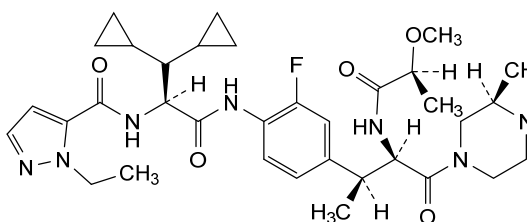
sépidleucel

lymphocytes autologues humains amplifiés et activés, issus de cellules du sang périphérique de patients atteints d'un carcinome hépatocellulaire ou d'autres tumeurs solides, telles que le glioblastome multiforme ou l'adénocarcinome canalaire pancréatique. Les cellules mononucléaires du sang périphérique sont isolées et stimulées par des anticorps anti-CD3 dans un milieu contenant du sérum foetal bovin (SFB; 10%), de l'interleukine-2 (IL-2; 750,000 U) et de l'insuline.

	Elles sont ensuite amplifiées dans un milieu contenant de l'IL-2 (175,000 U), de l'insuline et une faible concentration de SFB (0.5%), portée à 1 % lors de la culture finale. La substance finale est constituée de lymphocytes CD3+ (≥80%), principalement de lymphocytes T cytotoxiques [CD3+, CD8+ (≥60%)], de cellules tueuses induites par les cytokines [CD3+, CD56+ (≥10%)] et de faibles niveaux de cellules CD14+ et CD20+ (<1.0%). Les cellules sont cytotoxiques (≥25%) pour les cellules cibles (lignée cellulaire érythroleucémique K562), comme le montre un test de lactate déshydrogénase (LDH) <i>thérapie cellulaire (antinéoplasique)</i>
sepidleucel	linfocitos autólogos humanos expandidos y activados, derivados de sangre periférica de pacientes con carcinoma hepatocelular u otros tumores sólidos tales como glioblastoma multiforme o adenocarcinoma ductal de páncreas. Las células mononucleares de sangre periférica se aíslan y estimulan primero con anticuerpos anti-CD3 en medio que contiene suero bovino fetal (FBS; 10%), interleuquina 2 (IL-2; 750,000 U) e insulina, y después se expanden más en medio que contiene IL-2 (175,000 U), insulina y una baja concentración de FBS (0.5%) que se incrementa al 1% en la etapa final del cultivo. La substancia final consiste en linfocitos CD3+ (≥80%), predominantemente linfocitos T citotóxicos [CD3+, CD8+ (≥60%)] y células asesinas inducidas por citoquinas [CD3+, CD56+ (≥10%)] y bajos niveles (<1.0%) de células CD14+ y CD20+. Las células son citotóxicas (≥25%) frente a células diana (la línea celular de eritroleucemia K562) medido mediante un ensayo de lactato deshidrogenasa (LDH) <i>terapia celular (antineoplásico)</i>
simepdekinraum simepdekinra	<i>N</i> -[(2 <i>S</i>)-1,1-dicyclopropyl-3-(4-{(2 <i>S</i> ,3 <i>R</i>)-4-[(3 <i>R</i>)-3,4-dimethylpiperazin-1-yl]-3-[(2 <i>S</i>)-2-methoxypropanamido]-4-oxobutan-2-yl}-2-fluoroanilino)-3-oxopropan-2-yl]-1-ethyl-1 <i>H</i> -pyrazole-5-carboxamide <i>interleukin 17-A antagonist, immunomodulator</i>
simepdekinra	<i>N</i> -[(2 <i>S</i>)-1,1-dicyclopropyl-3-(4-{(2 <i>S</i> ,3 <i>R</i>)-4-[(3 <i>R</i>)-3,4-diméthylpipérazin-1-yl]-3-[(2 <i>S</i>)-2-méthoxypropanamido]-4-oxobutan-2-yl}-2-fluoroanilino)-3-oxopropan-2-yl]-1-éthyl-1 <i>H</i> -pyrazole-5-carboxamide <i>antagoniste de l'interleukine 17-A, immunomodulateur</i>
simepdekinra	<i>N</i> -[(2 <i>S</i>)-1,1-diciclopropil-3-(4-{(2 <i>S</i> ,3 <i>R</i>)-4-[(3 <i>R</i>)-3,4-dimetilpiperazin-1-il]-3-[(2 <i>S</i>)-2-metoxipropanamido]-4-oxobutan-2-il}-2-fluoroanilino)-3-oxopropan-2-il]-1-etil-1 <i>H</i> -pirazol-5-carboxamida <i>antagonista de la interleukina 17-A, inmunomodulador</i>

C₃₅H₅₀FN₇O₅

2978700-29-5

**sitneprotafibum**

sitneprotafib

(5*S*)-1'-{5-[(2-amino-3-chloropyridin-4-yl)sulfanyl]pyrazin-2-yl}-5,7-dihydrospiro[cyclopenta[*b*]pyridine-6,4'-piperidin]-5-amine
human protein tyrosine phosphatase (HPTP) inhibitor, antineoplastic

sitnéprotafib

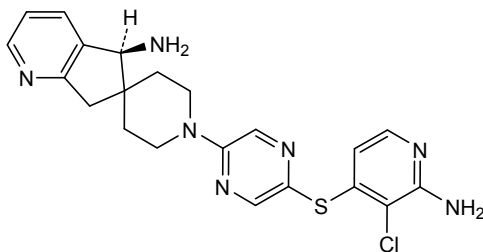
(5*S*)-1'-{5-[(2-amino-3-chloropyridin-4-yl)sulfanyl]pyrazin-2-yl}-5,7-dihydrospiro[cyclopenta[*b*]pyridine-6,4'-pipéridin]-5-amine
inhibiteur de la protéine tyrosine phosphatase humaine (HPTP), antinéoplasique

sitneprotafib

(5*S*)-1'-{5-[(2-amino-3-cloropiridin-4-il)sulfanil]pirazin-2-il}-5,7-dihidroespiro[ciclopenta[*b*]piridina-6,4'-piperidin]-5-amina
inhibidor de la proteína tirosina fosfatasa humana (HPTP), antineoplásico

C₂₁H₂₂ClN₇S

2245082-05-5

**socrodeucitinibum**

socrodeucitinib

3²-methoxy-*N*-(²H₃)methyl-7-oxo-4,6-diaza-5(5,3)-pyridazina-2(1,3)-[1,2,4]triazola-3(1,3)-benzena-1,8(1)-dicyclopropanaoctaphane-5⁶-carboxamide
Janus kinase inhibitor, anti-inflammatory

socrodeucitinib

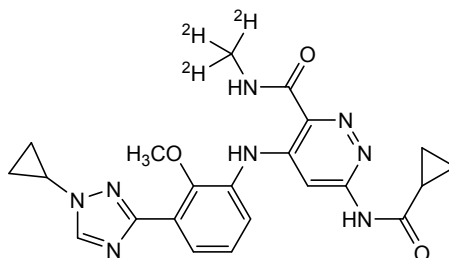
3²-méthoxy-*N*-(²H₃)méthyl-7-oxo-4,6-diaza-5(5,3)-pyridazina-2(1,3)-[1,2,4]triazola-3(1,3)-benzéna-1,8(1)-dicyclopropanaoctaphane-5⁶-carboxamide
inhibiteur de la tyrosine kinase Janus, anti-inflammatoire

socrudeucitinib

N-(²H₃)metil-3²-metoxi-7-oxo-4,6-diaza-5(5,3)-piridazina-2(1,3)-[1,2,4]triazola-3(1,3)-bencena-1,8(1)-díciclopropanoactafano-5⁶-carboxamida
inhibidor de la tirosina kinasa Janus, antiinflamatorio

C₂₂H₂₁²H₃N₈O₃

2457365-35-2



soficitinibum

soficitinib

3-[(3a*S*,6a*R*)-5-{5-chloro-2-[(1-methyl-1*H*-pyrazol-4-yl)amino]pyrimidin-4-yl}-3a-methylhexahydropyrrolo[3,4-*c*]pyrrol-2(1*H*)-yl]-3-oxopropanenitrile

Janus kinase inhibitor, anti-inflammatory

soficitinib

3-[(3a*S*,6a*R*)-5-{5-chloro-2-[(1-méthyl-1*H*-pyrazol-4-yl)amino]pyrimidin-4-yl}-3a-méthylhexahydropyrrolo[3,4-*c*]pyrrol-2(1*H*)-yl]-3-oxopropanenitrile

inhibiteur de la tyrosine kinase Janus, anti-inflammatoire

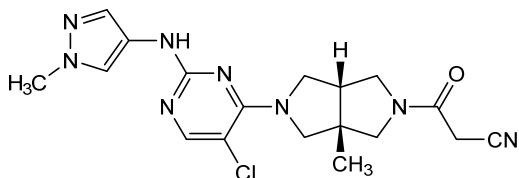
soficitinib

3-[(3a*S*,6a*R*)-5-{5-cloro-2-[(1-metil-1*H*-pirazol-4-il)amino]pirimidin-4-il}-3a-metilhexahidropirrol[3,4-*c*]pirrol-2(1*H*)-il]-3-oxopropanonitrilo

inhibidor de la tirosina kinasa Janus, antiinflamatorio

C₁₈H₂₁ClN₈O

2574524-67-5



sonvuterkibum

sonvuterkib

2'-{5-methyl-2-[(1-methyl-1*H*-pyrazol-5-yl)amino]pyrimidin-4-yl}-5'-[(6-methylpyridin-2-yl)methyl]spiro[oxetane-3,6'-pyrrolo[3,4-*d*][1,3]thiazol]-4'(5'*H*)-one
extracellular signal-regulated kinases (ERK) inhibitor, antineoplastic

sonvuterkib

2'-{5-méthyl-2-[(1-méthyl-1*H*-pyrazol-5-yl)amino]pyrimidin-4-yl}-5'-[(6-méthylpyridin-2-yl)méthyl]spiro[oxétane-3,6'-pyrrolo[3,4-*d*][1,3]thiazol]-4'(5'*H*)-one

inhibiteur des kinases régulées par le signal extracellulaire (ERK), antinéoplasique

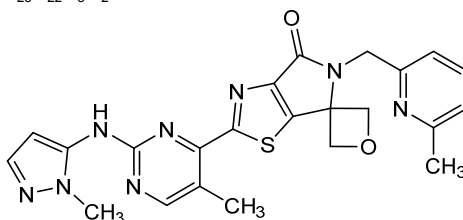
sonvuterkib

2'-{5-metil-2-[(1-metil-1*H*-pirazol-5-il)amino]pirimidin-4-il}-5'-[(6-metilpiridin-2-il)metil]spiro[oxetano-3,6'-pirrolo[3,4-*d*][1,3]tiazol]-4'(5'*H*)-ona

inhibidor de las kinasas reguladas por señales extracelulares (ERK), antineoplásico

C₂₃H₂₂N₈O₂S

2890225-50-8



sturlingenum erparepvecum #
sturlimgene erparepvec

replication competent recombinant oncolytic herpes simplex virus 1 (HSV1) based on strain RH018A, with the gene ICP47 (US12) and both copies of ICP34.5 (RL1) genes deleted, expressing the US11 gene under the control of the ICP47 promoter, and encoding two copies of an expression cassette inserted in opposite orientation at the ICP34.5 gene deletion sites, comprising (i) codon-optimised human granulocyte-macrophage colony-stimulating factor (hGM-CSF), (ii) a single chain variable fragment (scFv) targeting human cytotoxic T-lymphocyte associated protein-4 (CTLA-4) linked to an IgG1 Fc region via a (G₄S)₃ linker, and (iii) a codon-optimised fusogenic Gibbon ape leukaemia virus glycoprotein lacking the R transmembrane peptide (GALV-GP-R-). Expression of hGM-CSF is under control of the immediate-early CMV promoter (CMV IE)/bovine growth hormone (BGH) polyadenylation sequence; the anti-CTLA-4 scFv expression is under control of the Moloney murine leukemia virus long terminal repeat (MMLV-LTR) promoter/ rabbit beta-globin (RBG) polyadenylation sequence; GALV-GP-R- expression is under control of the Rous sarcoma virus (RSV) promoter/simian virus 40 (SV40) polyadenylation sequence
gene therapy (antineoplastic)

sturlimgène erparepvec

virus herpès simplex 1 (HSV1) oncolytique, recombinant, compétent pour la réplication basé sur la souche RH018A, avec le gène ICP47 (US12) et les deux copies du gène ICP34.5 (RL1) supprimés, exprimant le gène US11 sous le contrôle du promoteur ICP47, et codant deux copies d'une cassette d'expression insérée dans une orientation opposée

aux sites de suppression du gène ICP34.5, comprenant: (i) un facteur stimulant les colonies de granulocytes et de macrophages humain optimisé par codon (hGM-CSF); (ii) un fragment variable à chaîne unique (scFv) ciblant la protéine 4 associée aux lymphocytes T cytotoxiques humains (CTLA-4), lié à une région Fc IgG1 à l'aide d'un coupleur peptidique (G₄S)₃; et, (iii) une glycoprotéine fusogène du virus de la leucémie du singe Gibbon optimisée par codons et dépourvue du peptide transmembranaire R (GALV-GP-R-). L'expression du hGM-CSF est sous le contrôle de la séquence de polyadénylation du promoteur CMV immédiat-précoce (CMV IE)/hormone de croissance bovine (BGH); l'expression du scFv anti-CTLA-4 est sous le contrôle du promoteur de la répétition terminale longue du virus de la leucémie murine de Moloney (MMLV-LTR)/séquence de polyadénylation de la bêta-globine de lapin (RBG); l'expression du GALV-GP-R- est sous le contrôle du promoteur du virus du sarcome de Rous (RSV)/séquence de polyadénylation du virus simien 40 (SV40)
thérapie génique (antineoplasique)

esturlimgén erparepvec

virus herpes simplex 1 (HSV1) competente de replicación, recombinante, oncolítico, basado en la cepa RH018A, con el gen ICP47 (US12) y ambas copias del gen ICP34.5 (RL1) delecionados, que expresa el gen US11 bajo el control del promotor de ICP47, y codifica dos copias de un casete de expresión insertado en orientación inversa en los sitios de deleción del gen ICP34.5, que constan de (i) factor estimulador de colonias de granulocitos-macrófagos humano (hGM-CSF,) con codones optimizados, (ii) un fragmento variable de cadena sencilla (scFv) dirigido a la proteína asociada a linfocitos T citotóxicos 4 (CTLA-4) humana ligado a una región Fc de IgG1 mediante un enlazador (G₄S)₃, y (iii) una glicoproteína fusogénica del virus de la leucemia del mono Gibbon, que carece del péptido transmembrana R (GALV-GP-R-), con codones optimizados. La expresión de hGM-CSF está bajo el control del promotor inmediato-temprano de CMV (CMV IE)/secuencia de poliadenilación de la hormona de crecimiento bovine (BGH); la expresión del scFv anti-CTLA-4 está bajo el control del promotor de la repetición terminal larga del virus de la leucemia murina de Moloney (MMLV-LTR)/secuencia de poliadenilación de la beta-globina de conejo (RBG); la expresión de GALV-GP-R- está bajo el control del promotor del virus del sarcoma de Rous (RSV)/secuencia de poliadenilación del virus simio 40 (SV40)
terapia génica (antineoplásico)

2773482-44-1

sunakimentum #
sunakiment

immunoglobulin Fab VH-G1(CH1-7h)_L-lambda2, anti-[*Homo sapiens* TSLP (thymic stromal lymphopoietin)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
 VH-G1(CH1-7h) chain anti-TSLP *Homo sapiens* (H) (1-227) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (93.9%) - (IGHD) -IGHJ3*02 (93.8%), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) - G1(CH1-7h) *Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, CH1 R120 (CH1 R120 (219) (123-220), hinge 1-7 (221-227)) (123-227)], (225-213')-disulfide with L-lambda2 light chain anti-TSLP *Homo sapiens* (L') (1'-214') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21*02 (96.9%) - IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.11] (26'-31'.49'-51'.88'-98')) (1'-108') - *Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (109'-214')], produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, non-glycosylated
immunomodulator

sunakiment

immunoglobuline Fab VH-G1(CH1-7h)_L-lambda2, anti-[*Homo sapiens* TSLP (lymphopoïétine stromale thymique)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne VH-G1(CH1-7h) anti-TSLP *Homo sapiens* (H) (1-227) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (93.9%) - (IGHD) -IGHJ3*02 (93.8%), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) -G1(CH1-7h) *Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, CH1 R120 (CH1 R120 (219) (123-220), charnière 1-7 (221-227)) (123-227)], (225-213')-disulfure avec la chaîne légère L-lambda2 anti-TSLP *Homo sapiens* (L') (1'-214') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21*02 (96.9%) - IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.11] (26'-31'.49'-51'.88'-98')) (1'-108') - *Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (109'-214')], produit dans une lignée cellulaire des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, non-glycosylé
immunomodulateur

sunakiment

inmunoglobulina Fab VH-G1(CH1-7h)_L-lambda2, anti-[*Homo sapiens* TSLP (linfopoetina estromal tímica)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena VH-G1(CH1-7h) anti-TSLP *Homo sapiens* (H) (1-227) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (93.9%) - (IGHD) -IGHJ3*02 (93.8%), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) -G1(CH1-7h) *Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, CH1 R120 (CH1 R120 (219) (123-220), bisagra1-7 (221-227)) (123-227)], (225-213')-disulfuro con la cadena ligera L-lambda2 anti-TSLP *Homo sapiens* (L') (1'-214') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21*02 (96.9%) - IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.11] (26'-31'.49'-51'.88'-98')) (1'-108') - *Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (109'-214')], producido en una línea celular de las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, no glicosilado
immunomodulador

2928519-36-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada : VH-G1(CH1-7h) (H)

QMQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGFTFR TYGMHWVRQA PGKGLEWVAV 50
 IWYDGSNKHY ADSVKGRFTI TRDNSKNTLN LQMNSLRAED TAVYYCARAP 100
 QWELVHEAFD IWGQGTMTV SVASTKGPSV FPLAPSSKST SGGTAALGCL 150
 VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTPSSSLGT 200
 QTYICNVNHK PSNTKVDKRV EPKSCDK 227

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera : L-lambda (L')

SYVLTQPPSV SVAPGQTARI TCGGNLGSK SVHWYQQKPG QAPVLVVDYD 50
 SDRPSWIPER FSGSNSGNTA TLTISRGEAG DEADYYCQVW DSSSDHVVFV 100
 GGTKLTVLGQ PKAAPSVTLF PPSSEELQAN KATLVCLISD FYPGAVTVAV 150
 KADSSPVKAG VETTTPSKQS NNYAASSYL SLTPEQWKSH RSYSCQVTHE 200
 GSTVEKTVAP TECS 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 149-205

Intra-L' (C23-C104) 22'-87' 136'-195'

Inter-H-L' (h 5-CL 126) 225-213'

Total number of disulfide bridges: 5 (4 intra-, 1 inter-).

N-terminal glutaminyI cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxopropyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)

H VH Q1: 1

suvigletistatum

suvigletistat

methyl {(2*S*,5*E*)-7-(dimethylamino)-1-[(1-[[4-(2-methylpropyl)-1*H*-1,3-benzimidazol-2-yl]]methyl)-2-oxo-1,2-dihydropyridin-3-yl]amino]-1,7-dioxohept-5-en-2-yl}carbamate
transglutaminase inhibitor

suviglétistat

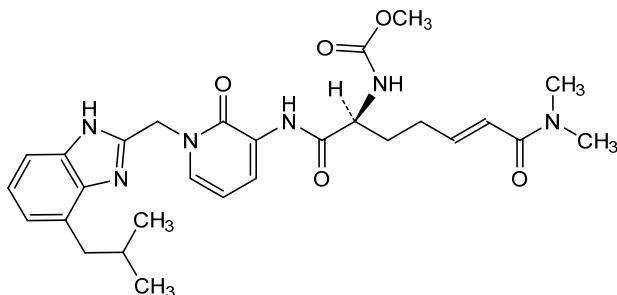
{(2*S*,5*E*)-7-(diméthylamino)-1-[(1-[[4-(2-méthylpropyl)-1*H*-1,3-benzimidazol-2-yl]]méthyl)-2-oxo-1,2-dihydropyridin-3-yl]amino]-1,7-dioxohept-5-én-2-yl}carbamate de méthyle
inhibiteur de la transglutaminase

suvigletistat

{(2*S*,5*E*)-7-(dimetilamino)-1-[(1-[[4-(2-metilpropil)-1*H*-1,3-benzimidazol-2-il]]metil)-2-oxo-1,2-dihidropiridin-3-il]amino]-1,7-dioxohept-5-en-2-il}carbamato de metilo
inhibidor de la transglutaminasa

C₂₈H₃₆N₆O₅

2410912-75-1



tagarafdegum

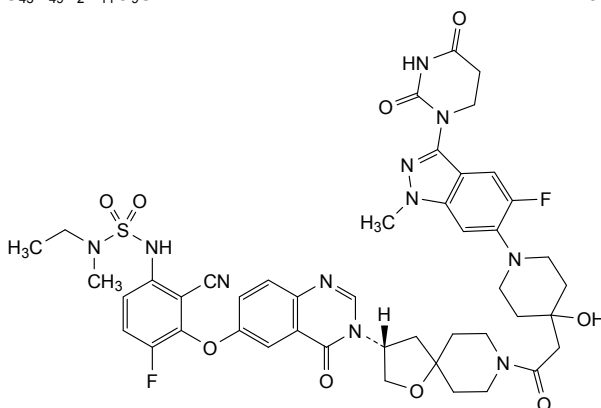
tagarafdeg *N'*-[(6²*R*)-9²-cyano-2⁵,9⁶-difluoro-3⁴-hydroxy-2¹-methyl-1²,1⁴,5,7⁴-tetraoxo-2¹*H*,7⁴*H*-6⁴,8-dioxa-6⁸-aza-7(3,6)-quinazolina-2(3,6)-indazola-1(1)-[1,3]diazinana-3(1,4)-piperidina-6(8,2)-spiro[4.5]decana-9(1)-benzenanonaphan-9³-yl]-*N*-ethyl-*N*-methylsulfuric diamide
B-Raf (BRAF) degradation inducer, antineoplastic

tagarafdeg *N'*-[(6²*R*)-9²-cyano-2⁵,9⁶-difluoro-3⁴-hydroxy-2¹-méthyl-1²,1⁴,5,7⁴-tétraoxo-2¹*H*,7⁴*H*-6⁴,8-dioxa-6⁸-aza-7(3,6)-quinazolina-2(3,6)-indazola-1(1)-[1,3]diazinana-3(1,4)-pipéridina-6(8,2)-spiro[4.5]décana-9(1)-benzénanonaphan-9³-yl]-*N*-éthyl-*N*-méthyldiamide sulfurique
inhibiteur de la dégradation de B-Raf (BRAF), antinéoplasique

tagarafdeg *N'*-[(6²*R*)-9²-ciano-2⁵,9⁶-difluoro-3⁴-hidroxi-2¹-metil-1²,1⁴,5,7⁴-tetraoxo-2¹*H*,7⁴*H*-6⁴,8-dioxa-6⁸-aza-7(3,6)-quinazolina-2(3,6)-indazola-1(1)-[1,3]diazinana-3(1,4)-piperidina-6(8,2)-espiro[4.5]decana-9(1)-bencenanonafan-9³-il]-*N*-etil-*N*-metildiamida sulfúrica
inductor de la degradación de B-Raf (BRAF), antineoplásico

C₄₅H₄₉F₂N₁₁O₉S

2882165-79-7

**tagmokitugum #**

tagmokitug immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CCR8 (C-C motif chemokine receptor 8, CKR-L1, CDw198)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (100%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens*IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-216')-disulfide with L-lambda2 light chain *Homo sapiens* (1'-217') [V-LAMBDA (*Homo sapiens*IGLV2-23*02 (99.0%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [9.3.11] (26'-34'.52'-54'.91'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens*IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (112'-217')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, lacking the enzyme alpha-(1,6)-fucosyltransferase (FUT8-KO), glycoform alfa
antineoplastic

tagmokitug immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CCR8 (récepteur 8 de chimiokine C-C motif, CKR-L1, CDw198)]; anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (100%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens*IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2

(233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-216')-disulfure avec la chaîne légère L-lambda2 *Homo sapiens* (1'-217') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-23*02 (99.0%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [9.3.11] (26'-34'.52'-54'.91'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (112'-217')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, ne présentant pas l'enzyme alpha-(1,6)-fucosyltransférase (FUT8-KO), glycoforme alfa *antineoplasique*

tagmokitug

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CCR8 (receptor 8 de quimiocina C-C motivo, CKR-L1, CDw198)]; anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (100%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-216')-disulfuro con la cadena ligera L-lambda2 *Homo sapiens* (1'-217') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-23*02 (99.0%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [9.3.11] (26'-34'.52'-54'.91'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (112'-217')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, en ausencia de la enzima alfa-1,6-fucosiltransferasa (FUT8-KO), forma glicosilada alfa *antineoplásico*

3024486-14-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H')

QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SKASGYTFT SYMHWVRQA PGQGLEWMMGI 50
INPSGGSTSY AQKFQGRVTM TRDTSTSTVY MELSSLRSER TAVVYCARAV 100
RNRFRFDYWG QGTLVTVSSA STKGPSVFPPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTYSW NSGALTSGVH TTPAVLQSSG LYSLSSTVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHNKPSN TKVDKKVEPK SCDKTHTCPP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTPE VTCVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSKNAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSRDEL TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTFPVL 400
DSGDSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L')

QSALTQPASV SGSPGQSITI SCTGTSSDVG SYNLSVSYQQ HPGKAPKLM 50
YEVSKRPSGV SNRFGSGKSG NTASLTISGL QAEDADYYC SSYAGSSTFV 100
VFGGGTKLTV LGQPKAAPSV TLFPPSSEEL QANKATLVCL ISDFYPGAVT 150
VAWKADSPV KAGVETTPS KQSNKYAAS SYLSLTPEQW KSHRSYSCQV 200
THEGSTVEKT VAPTECS 217

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 263-323 369-427
22"-96" 146"-202" 263"-323" 369"-427"

Intra-L (C23-C104) 22'-90' 139'-198'
22'''-90''' 139'''-198'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-216' 222"-216"

Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228" 231-231"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxopropyle) / piroglutamilo

(pE, 5-oxoprolilo)

H VH Q1: 1, 1'

L VL V-LAMBDA Q1: 1', 1''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 299, 299"

Afucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes afucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos afucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 449, 449"

taligantininibum

taligantininib

*N*¹-[3-fluoro-4-({5-[3-(morpholin-4-yl)propoxy]-2,3-dihydro[1,4]dioxino[2,3-*f*]quinolin-10-yl}oxy)phenyl]-*N*¹-phenylcyclopropane-1,1-dicarboxamide
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

taligantininib

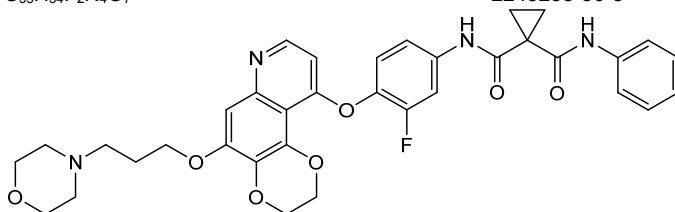
*N*¹-[3-fluoro-4-({5-[3-(morpholin-4-yl)propoxy]-2,3-dihydro[1,4]dioxino[2,3-*f*]quinolin-10-yl}oxy)phényl]-*N*¹-phénylcyclopropane-1,1-dicarboxamide
inhibiteur de tyrosine kinase, antinéoplasique

taligantininib

*N*¹-[3-fluoro-4-({5-[3-(morpholin-4-il)propoxi]-2,3-dihidro[1,4]dioxino[2,3-*f*]quinolin-10-il}oxi)fenil]-*N*¹-fenilciclopropano-1,1-dicarboxamida
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₃₅H₃₄F₂N₄O₇

2243235-80-3

**tambotatugum #**

tambotatug

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD276 (B7H3, B7-H3, B7-related protein 2, B7RP2, B7RP-2, B7 homolog 3, B7 homologue 3)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120(217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-215')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (91.7%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'-33'.51'-53'.90'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
antineoplastic

tambotatug

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD276 (B7H3, B7-H3, protéine 2 liée à B7, B7RP2, B7RP-2, B7 homolog 3, B7 homologue 3)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-215')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (91.7%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'-33'.51'-53'.90'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
antineoplasique

tambotatug

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD276 (B7H3, B7-H3, proteína 2 vinculada a B7, B7RP2, B7RP-2, B7 homolog 3, B7 homólogo 3)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-215')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (91.7%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'-33'.51'-53'.90'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa *antineoplásico*

2925042-44-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H")			
EVQLLES	GGG	LVQPGGSLRL	SCAASGFTFS SYAMNWVRQA PGKGLEWVSG 50
ISGSGG	STYY	ADSVQGRFTI	SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAKAR 100
SGVDYF	FDYW	GQGT	LVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEP	VTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNH	KPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMIS	SRTP	EVT	CVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVS	VL	TLVH	QDNLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPS	RDE	LT	KNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
LDSDGSF	FLY	SKL	TVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L")			
EIVLTQSP	GT	LSLSPGERAT	LSCRASQRIS SSFLAWYQK PGQAPSLLIY 50
GASSRAT	GIP	DRFSGSGSGT	DFTLTISSE PEDFAVFYQC QYNSNPLTFG 100
GGTKVEI	KRT	VAAPSVFIFP	PSDEQLKSGT ASVVCLLNMF YPREAKVQWK 150
VNALQSG	NS	QESVTEQDSK	DSTYSLSTL TLSKADYEK KKYACEVTHQ 200
GLSSPVT	KSF	NRGEC	
			215

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro			
Intra-H (C23-C104)	22-96	147-203	264-324 370-428
	22"-96"	147"-203"	264"-324" 370"-428"
Intra-L (C23-C104)	23'-89'	135'-195'	
	23'''-89'''	135'''-195'''	
Inter-H-L (h 5-CL 126)	223-215'	223"-215"	
Inter-H-H (h 11, h 14)	229-229"	232-232"	

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 300, 300"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 450, 450"

tambotatugum pelitecanum #

tambotatug pelitecan

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD276 (B7H3, B7-H3, B7-related protein 2, B7RP2, B7RP-2, B7 homolog 3, B7 homologue 3)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; conjugated on an average of eight cysteinyl residues to *pelitecan* groups, comprising a linker and a camptothecin derivative (a topoisomerase I inhibitor); H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120(217) (121-

	218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-215')-disulfide with L-kappa light chain <i>Homo sapiens</i> (1'-215') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-20*01 (91.7%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'-33'.51'-53'.90'-98')) (1'-108') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa; substituted at the sulfur atoms of the L-cysteine residues 223, 229, 232, 215', 223", 229", 232" and 215"" with 5-[(11S,14S)-11-[4-(dipropylamino)butyl]-1-[(7S)-7-ethyl-7-hydroxy-8,11-dioxo-7,8,11,13-tetrahydro-2H,10H-[1,3]dioxolo[4,5-g]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinolin-14-yl]-7,10,13,16-tetraoxo-14-(propan-2-yl)-4-oxa-6,9,12,15-tetraazahenicos-20-yn-21-yl]pyrimidin-2-yl (<i>pelitecan</i>) groups <i>antineoplastic</i>
tambotatug pélitécan	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> CD276 (B7H3, B7-H3, protéine 2 liée à B7, B7RP2, B7RP-2, B7 homolog 3, B7 homologue 3)], anticorps monoclonal <i>Homo sapiens</i>; conjugué par huit résidus cystéinyle en moyenne au groupe <i>pelitecan</i>, comprenant un linker et un dérivé de la camptothécine (un inhibiteur de la topoisomérase I); chaîne lourde H-gamma1 <i>Homo sapiens</i> (1-450) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-215')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa <i>Homo sapiens</i> (1'-215') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-20*01 (91.7%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'-33'.51'-53'.90'-98')) (1'-108') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa; substitué sur l'atome de soufre des résidus L-cystéinyle 223, 229, 232, 215', 223", 229", 232" et 215"" avec des groupes 5-[(11S,14S)-11-[4-(dipropylamino)butyl]-1-[(7S)-7-éthyl-7-hydroxy-8,11-dioxo-7,8,11,13-tétrahydro-2H,10H-[1,3]dioxolo[4,5-g]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinoléin-14-yl]-7,10,13,16-tétraoxo-14-(propan-2-yl)-4-oxa-6,9,12,15-tétrazahenicos-20-yn-21-yl]pyrimidin-2-yle (<i>pélitécan</i>) <i>antineoplasique</i>
tambotatug pelitecán	immunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> CD276 (B7H3, B7-H3, proteína 2 vinculada a B7, B7RP2, B7RP-2, B7 homolog 3, B7 homólogo 3)], anticuerpo monoclonal <i>Homo sapiens</i>; conjugado por ocho residuos cisteinilo por término medio con grupos <i>pelitecán</i>, que comprende un enlace y un derivado de la camptotecina (un inhibidor de la topoisomerasa I); cadena pesada H-gamma1 <i>Homo sapiens</i> (1-450) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-23*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-215')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa <i>Homo sapiens</i> (1'-215') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-20*01 (91.7%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'-33'.51'-53'.90'-98')) (1'-108') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma

tanerasertibum

tanerasertib

1²-amino-2⁵-(5-fluoropyridin-2-yl)-6-aza-2(2,3)-imidazo[4,5-*b*]pyridina-7(4)-pyrimidina-1(3)-pyridina-5(1,4)-piperidina-3(1,4)-benzenaheptaphane-7²-carbonitrile
serine/ threonine kinase inhibitor, antineoplastic

tanérasertib

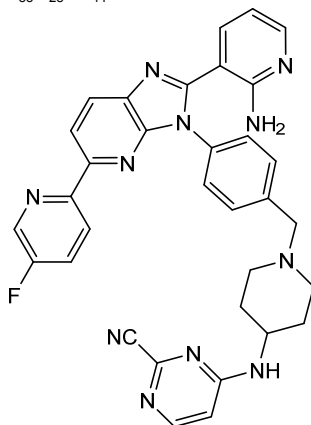
1²-amino-2⁵-(5-fluoropyridin-2-yl)-6-aza-2(2,3)-imidazo[4,5-*b*]pyridina-7(4)-pyrimidina-1(3)-pyridina-5(1,4)-pipéridina-3(1,4)-benzénaheptaphane-7²-carbonitrile
inhibiteur de sérine/thréonine kinases, antinéoplasique

tanerasertib

1²-amino-2⁵-(5-fluoropiridin-2-il)-6-aza-2(2,3)-imidazo[4,5-*b*]piridina-7(4)-pirimidina-1(3)-piridina-5(1,4)-piperidina-3(1,4)-bencenaheptafano-7²-carbonitrilo
inhibidor de la serina/treonina kinasa, antineoplásico

C₃₃H₂₈FN₁₁

3034255-93-8

**tasronetidum**

tasronetide

plexin-A1 (PLXNA1, PLXN1, semaphorin receptor NOV, NOV) (*Homo sapiens*), fragment 1216-1241, variant (V¹²²¹>T⁶, I¹²²³>L⁸, G¹²²⁴>V⁹, G¹²²⁷>V¹², L¹²³²>E¹⁷, A¹²³⁶>E²¹, L¹²³⁸>del, I¹²³⁹>del), peptidyl (1-24)-penta(L-glutamic acid) (25-29);
 L-threonyl-L-leucyl-L-prolyl-L-alanyl-L-isoleucyl-L-threonylglycyl-L-leucyl-L-valylglycylglycyl-L-valylglycyl-L-leucyl-L-leucyl-L-leucyl-L-α-glutamyl-L-valyl-L-isoleucyl-L-valyl-L-α-glutamyl-L-valyl-L-alanyl-L-tyrosyl-L-α-glutamyl-L-α-glutamyl-L-α-glutamyl-L-glutamic acid
neuroprotectant

tasronetide

plexine-A1 (PLXNA1, PLXN1, récepteur NOV de sémaphorine, NOV) (*Homo sapiens*), fragment 1216-1241, variant (V¹²²¹>T⁶, I¹²²³>L⁸, G¹²²⁴>V⁹, G¹²²⁷>V¹², L¹²³²>E¹⁷, A¹²³⁶>E²¹, L¹²³⁸>déf, I¹²³⁹>déf), peptidyl (1-24)-penta(acide L-glutamique)(25-29) ;
 acide L-thréonyl-L-leucyl-L-prolyl-L-alanyl-L-isoleucyl-L-thréonylglycyl-L-leucyl-L-valylglycylglycyl-L-valylglycyl-L-leucyl-L-leucyl-L-leucyl-L-α-glutamyl-L-valyl-L-isoleucyl-L-valyl-L-α-glutamyl-L-valyl-L-alanyl-L-tyrosyl-L-α-glutamyl-L-α-glutamyl-L-α-glutamyl-L-glutamine
neuroprotecteur

tasronetida

plexina-A1 (PLXNA1, PLXN1, receptor NOV de semaforina, NOV) (*Homo sapiens*), fragmento 1216-1241, variante (V¹²²¹>T⁶, I¹²²³>L⁸, G¹²²⁴>V⁹, G¹²²⁷>V¹², L¹²³²>E¹⁷, A¹²³⁶>E²¹, L¹²³⁸>del, I¹²³⁹>del), peptidil (1-24)-penta(ácido L-glutámico)(25-29); ácido L-treonil-L-leucil-L-prolil-L-alanil-L-isoleucil-L-treonilglicil-L-leucil-L-valilglicilglicil-L-valilglicil-L-leucil-L-leucil-L-leucil-L-α-glutamil-L-valil-L-isoleucil-L-valil-L-α-glutamil-L-valil-L-alanil-L-tirosil-L-α-glutamil-L-α-glutamil-L-α-glutamil-L-α-glutamil-L-glutámico
neuroprotector

C₁₃₈H₂₂₅N₂₉O₄₇

2919567-65-8

TLPAITGLVG GVGLLLEVIV EVAYEEEEEE 29

tegacoratum

tegacorat

6,7-difluoro-8-[6-fluoro-1-(methanesulfonyl)-1*H*-indol-4-yl]-1,4,4,9-tetramethyl-4,5-dihydro[1,2,4]triazolo[4,3-*a*]quinoxaline
glucocorticoid receptor agonist, anti-inflammatory

tégacorat

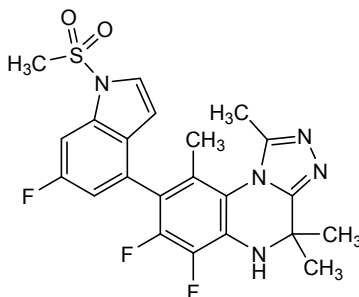
6,7-difluoro-8-[6-fluoro-1-(méthanesulfonyl)-1*H*-indol-4-yl]-1,4,4,9-tétraméthyl-4,5-dihydro[1,2,4]triazolo[4,3-*a*]quinoxaline
agoniste des récepteurs des glucocorticoïdes, anti-inflammatoire

tegacorat

6,7-difluoro-8-[6-fluoro-1-(metanosulfonyl)-1*H*-indol-4-il]-1,4,4,9-tetrametil-4,5-dihidro[1,2,4]triazolo[4,3-*a*]quinoxalina
agonista de los receptores glucocorticoides, antiinflamatorio

C₂₂H₂₀F₃N₅O₂S

2409551-99-9



tenumomeranum #

tenumomeran

messenger RNA (mRNA), 5' capped (with an anti-reverse cap analogue [ARCA] [m₂^{7,2'-O}G⁺5'ppsp5'G]), encoding codon-optimised human papilloma virus 16 (HPV16) early protein 6 (E6) tumour-associated antigen, preceded by a secretory signal peptide sequence derived from the human major histocompatibility complex (MCH) class I alpha chain, and followed by sequences coding for tetanus toxoid-derived T helper epitopes (P2P16) and a major histocompatibility complex (MHC) class I trafficking domain [MITD], each of them separated by glycine/serine rich linkers. The transgene is flanked by 5' and 3' untranslated regions (UTR) followed by a 3' polyadenylation (polyA) tail. The 5' UTR is derived from human alpha-globin gene and contains an optimised Kozak sequence; the synthetic 3' UTR is a combination of two elements derived from the amino-terminal enhancer of split (AES) mRNA and mitochondrial

	encoded 12S ribosomal RNA. The polyA tail consists of 30 adenosine residues followed by a 10-nucleotide linker sequence and another 70 adenosine residues <i>anti-HPV, antineoplastic</i>
ténúmoméran	ARN messenger (ARNm), coiffé en 5' (avec un analogue anti-coiffe reverse [ARCA] [m²⁷,2'-OG+5'ppsp5'G]), codant l'antigène tumoral E6 (protéine précoce 6) du virus du papillome humain 16 (HPV16) à codons optimisés, précédé d'une séquence peptidique signal sécrétoire dérivée de la chaîne alpha de classe I du complexe majeur d'histocompatibilité (CMH) humain, et suivi de séquences codant les épitopes T auxiliaires dérivés de l'anatoxine tétanique (P2P16) et un domaine de trafic de la classe I (MITD) du complexe majeur d'histocompatibilité (CMH), chacun d'eux séparés par des couleures peptidiques riches en glycine/sérine. Le transgène est flanqué de régions non traduites (UTR) en 5' et en 3', suivies d'une queue de polyadénylation (polyA) en 3'. L'UTR en 5' est dérivée du gène de l'alpha-globine humaine et contient une séquence Kozak optimisée; l'UTR en 3' synthétique est une combinaison de deux éléments dérivés de l'amplificateur amino-terminal de l'ARNm divisé (AES) et de l'ARN ribosomique 12S codé par les mitochondries. La queue polyA est constituée de 30 résidus d'adénosine, suivis d'une séquence de liaison de 10 nucléotides et de 70 résidus d'adénosine supplémentaires <i>anti-HPV, antinéoplasique</i>
tenumomerán	ARN mensajero (ARNm), protegido con la caperuza 5' (con un análogo anti-reverso de la caperuza [ARCA] [m²⁷,2'-OG+5'ppsp5'G]), que codifica, con codones optimizados, el antígeno asociado a tumores proteína temprana 6 (E6) del virus del papiloma humano 16 (HPV16), precedido por una secuencia secretora de péptido señal derivada de la cadena alfa del complejo principal de histocompatibilidad (MHC) de clase I humano, y seguido por una secuencia que codifica epítomos de células T colaboradoras derivados del toxoide tetánico (P2P16) y un dominio de tráfico de clase I (MITD) del complejo mayor de histocompatibilidad (MHC), cada uno de ellos separados por enlazadores ricos en glicina/serina. El transgén está flanqueado por regiones sin traducir (UTR) en 5' y 3' seguido por una cola de poliadenilación (poliA) en 3'. La 5' UTR deriva del gen de la alfa-globina humana y contiene una secuencia Kozak optimizada; la 3' UTR sintética es una combinación de dos elementos derivados del ARNm del potenciador del procesamiento amino-terminal (AES) y del ARN ribosómico 12S codificado en la mitocondria. La cola poliA consta de 30 residuos de adenosina seguidos de una secuencia enlazadora de 10 nucleótidos y otros 70 residuos de adenosina <i>anti-HPV, antineoplásico</i>

3024099-60-0

tepilukimigum #
tepilukimig

immunoglobulin (H-gamma1_L-kappa)_(H-gamma1_L-kappa), anti-[*Homo sapiens* TSLP (thymic stromal lymphopoietin) IL7R (interleukin 7 receptor, IL7RA, CD127) binding site epitope] and anti-[*Homo sapiens* TSLP (thymic stromal lymphopoietin) CRLF2 (cytokine receptor like factor 2, TSLPR, thymic stromal lymphopoietin receptor) binding site epitope], humanized monoclonal antibody, biparatopic, bivalent;
H-gamma1 heavy chain anti-TSLP IL7R binding site epitope humanized (H) (1-451) knob [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%) L123>T (116), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 14-G1v74 CH3 C10, 14-G1v32 CH3 W22 (knob), 6-G1v39 CH2 F1.3, E1.2, S116 (CH1 R120 (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 L1.3>F (238), L1.2>E (239), P116>S (335) (235-344), CH3 S10>C (358), E12 (360), M14 (362), T22>W (370) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-215')-disulfide with common L-kappa light chain humanized (L') (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (81.2%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'-33'.51'-53'.90'-98'') (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192'') (109'- 215'')];
H-gamma1 heavy chain anti-TSLP CRLF2 binding site epitope humanized (H'') (1-446) hole [VH (*Homo sapiens* IGHV2-26*01 (86.9%) -(IGHD) IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.10] (26'-33'.51'-57''.96''-105'') (1''-116'') -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 T120, CH3 E12, M14, 14-G1v95 CH1 E16, D107, T120, CH2 Q30, Q38, CH3 Q11, E98, 6-G1v39 CH2 F1.3, E1.2, S116, 14-G1v75 CH3 C5, 14-G4v33 CH3 S22, A24, V86 (hole) (CH1 G16>E (136''), N107>D (202''), R120>T (213'') (117''-214''), hinge 1-15 (215''-229''), CH2 L1.3>F (233''), L1.2>E (234''), H30>Q (267''), K38>Q (273''), P116>S (330'') (230''-339''), CH3 Y5>C (348''), R11>Q (354''), E12 (355''), M14 (357''), T22>S (365''), L24>A (367''), Y86>V (406''), Q98>E (418'') (340''-444''), CHS (445''-446'') (117''-446'')], (219''-215'')-disulfide with common L-kappa light chain humanized (L''') (1'''-215''') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (81.2%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'''-33''' .51'''-53''' .90'''-98''') (1'''-108''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'''), V101 (192''') (109'''- 215''')];
dimer (230-225''-233-228''-358-348'')-trisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator

tépilukimig

immunoglobuline (H-gamma1_L-kappa)_(H-gamma1_L-kappa), anti-[*Homo sapiens* TSLP (lymphopoïétine stromale thymique) épitope du site de liaison de l'IL7R (récepteur de l'interleukine 7, IL7RA, CD127)] et anti-[*Homo sapiens* TSLP (lymphopoïétine stromale thymique) épitope du site de liaison du CRLF2 (récepteur du facteur 2 cytokine like, TSLPR, récepteur de la lymphopoïétine stromale thymique)], anticorps monoclonal humanisé biparatopique, bivalent;
chaîne lourde H-gamma1 anti-TSLP épitope du site de liaison de l'IL7R, humanisée (H) (1-451) knob [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%) L123>T (116), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 14-G1v74 CH3 C10, 14-G1v32 CH3 W22 (knob), 6-G1v39 CH2 F1.3, E1.2, S116 (CH1 R120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 L1.3>F (238), L1.2>E (239), P116>S (335) (235- 344), CH3 S10>C

(358), E12 (360), M14 (362), T22>W (370) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-215')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa commune humanisée (L') (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (81.2%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'-33'.51'-53'.90'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215'))]; chaîne lourde H-gamma1 anti-TSLP épitope du site de liaison du CRLF2, humanisée (H'') (1-446) hole [VH (*Homo sapiens* IGHV2-26*01 (86.9%) -(IGHD) IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.10] (26"-33".51"-57".96"-105")) (1"-116") -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 T120, CH3 E12, M14, 14-G1v95 CH1 E16, D107, T120, CH2 Q30, Q38, CH3 Q11, E98, 6-G1v39 CH2 F1.3, E1.2, S116, 14-G1v75 CH3 C5, 14-G4v33 CH3 S22, A24, V86 (hole) (CH1 G16>E (136"), N107>D (202"), R120>T (213") (117"-214"), charnière 1-15 (215"-229"), CH2 L1.3>F (233"), L1.2>E (234"), H30>Q (267"), K38>Q (273"), P116>S (330") (230"-339"), CH3 Y5>C (348"), R11>Q (354"), E12 (355"), M14 (357"), T22>S (365"), L24>A (367"), Y86>V (406"), Q98>E (418") (340"-444"), CHS (445"-446")) (117"-446")], (219"-215'')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa commune humanisée (L''')(1'''-215''') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (81.2%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'''-33'''-51'''-53'''-90'''-98''')) (1'''-108''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'''), V101 (192''')) (109'''-215''')]; dimère (230-225'':233-228'':358-348'')-trisdifure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa immunomodulateur

teplukimig

inmunoglobulina (H-gamma1_L-kappa)_(H-gamma1_L-kappa), anti-[*Homo sapiens* TSLP (linfopoetina estromal tímica) epítopo del sitio de enlace del IL7R (receptor de la interleukina 7, IL7RA, CD127)] y anti-[*Homo sapiens* TSLP (linfopoetina estromal tímica) epítopo del sitio de enlace del CRLF2 (receptor del factor 2 como citoquina, TSLPR, receptor de la linfopoetina estromal tímica)], anticuerpo monoclonal humanizado biparatópico, bivalente; cadena pesada H-gamma1 anti-TSLP epítopo del sitio de enlace del IL7R, humanizada (H) (1-451) knob [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%) L123>T (116), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 14-G1v74 CH3 C10, 14-G1v32 CH3 W22 (knob), 6-G1v39 CH2 F1.3, E1.2, S116 (CH1 R120 (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 L1.3>F (238), L1.2>E (239), P116>S (335) (235-344), CH3 S10>C (358), E12 (360), M14 (362), T22>W (370) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-215')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa con común humanizada (L') (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (81.2%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'-33'.51'-53'.90'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215'))]; cadena pesada H-gamma1 anti-TSLP epítopo del sitio de enlace del CRLF2, humanizada (H'') (1-446) hole [VH (*Homo sapiens* IGHV2-26*01 (86.9%) -(IGHD) IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.10] (26"-33".51"-57".96"-105")) (1"-116") -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 T120, CH3 E12, M14, 14-G1v95 CH1 E16, D107, T120, CH2 Q30, Q38, CH3 Q11, E98, 6-G1v39 CH2 F1.3, E1.2, S116, 14-G1v75 CH3 C5, 14-G4v33 CH3 S22, A24, V86 (hole) (CH1 G16>E (136"), N107>D (202"), R120>T (213") (117"-214"), bisagra 1-15 (215"-229"), CH2 L1.3>F (233"), L1.2>E (234"), H30>Q (267"), K38>Q (273"), P116>S (330") (230"-339"), CH3 Y5>C (348"), R11>Q (354"), E12 (355"), M14 (357"),

T22>S (365"), L24>A (367"), Y86>V (406"), Q98>E (418") (340"-444"), CHS (445"-446") (117"-446")], (219"-215")-disulfuro con la cadena ligera L-kappa común humanizada (L") (1"-215") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (81.2%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27"-33".51"-53".90"-98")) (1"-108")) -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154"), V101 (192")) (109"-215")]; dímero (230-225":233-228":358-348")-trisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa *immunomodulador*

2985643-31-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: H-gamma1 anti-TSLP IL7R binding site epitope (H) knob

```
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYAFS NYWMNWVRQA PGQGLEWMGQ 50
IFPGDSITDY DQKFQGRVTM TRDTSTSTVY MELSSLRSED TAVYICARAG 100
YYRGYYAMDY WGQGTITVTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSV TVPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP SNTKVDKRVK PKSCDKHTHC PPCPAPEFEG GPSVFLFPPK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPASIEKTI SKAKGQPREP 350
QVYTLPPCRE EMTKNQVSLW CLVKGFPYSD IAEWESENGQ PENNYKTPP 400
VLDSDSGSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFCSS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG 450
K 451
```

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: H-gamma1 anti-TSLP CRLF2 binding site epitope (H) hole

```
QVTLKESGPV LVKPTETLTL TCTVSGFSL S YDISWIRQP PGKALEWLG 50
INSEGGTSYS TSLKSLTIS KDTSKSQVVL TMTNMDPVD ATYYCARDSD 100
DGYLWNGQGT LVTVSSASTK GPSVFPLAPS SKSTSEGTAA LGCLVKDYFP 150
EPVTYVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVTVVPSS SLGTQTYICN 200
VDHKPSNTKV DKTVEPKSCD KTHTCPPCPA PEFEGGPSVF LFPKPKDTL 250
MISRTPEVTC VVVDVQEDP EVQFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR 300
VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNAKALPAS IEKTISKAKG QPREPQVCTL 350
PPSQEEMTKN QVSLSCAVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTTTPPVLDSD 400
GSFFLVSKLT VDKSRWQEGN VFSCSVMEHA LHNHYTQKSL SLSPGK 446
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-kappa common (L', L")

```
EIVMTQSPAT LSVSPGERAT LSCSVSSSIS SSNLHWYQQK PGQAPRWIY 50
GTSNLAGSIP ARFSGSGSGT EFTLTISVQ AEDFAVYYCQ QWSSYPLTFG 100
QGKLEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVCLLNFF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYLSSTL TSKADYEK KUYACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGEK 215
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 148-204 265-325 371-429
 Intra-H' (C23-C104) 22"-95" 143"-199" 260"-320" 366"-424"
 Intra-L' (C23-C104) 23'-89' 135'-195'
 Intra-L" (C23-C104) 23"-89" 135"-195"
 Inter-H-L', inter-H"-L" (h 5-CL 126) 224-215' 219"-215"
 Inter-H-H" (h 11, h 14) 230-225" 233-228"
 Inter-H-H" (CH3 C10-C5)* 358-348"

*variants 14-G1v74 (HCH3 C10) and 14-G1v75 (H" CH3 C5) creating an additional inter-H-H disulfide bond.

Total number of disulfide bridges: 17 (12 intra-, 5 inter-).

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl) / pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
 H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:
 301, 296"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 451, 446"

tezampanelum etibutylum

tezampanel etibutil

2-ethylbutyl (3*S*,4*aR*,6*R*,8*aR*)-6-(2-(2*H*-tetrazol-5-yl)éthyl)decahydroisoquinoline-3-carboxylate
 AMPA/KA glutamate receptor antagonist

tézampanel etibutil

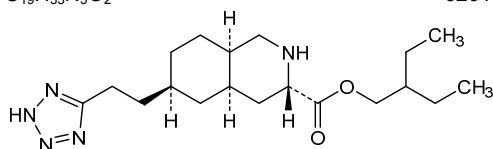
(3*S*,4*aR*,6*R*,8*aR*)-6-(2-(2*H*-tétrazol-5-yl)éthyl)décahydroisoquinoline-3-carboxylate de 2-éthylbutyle
 antagoniste des récepteurs du glutamate AMPA/KA

tezampanel etibutilo

(3*S*,4*aR*,6*R*,8*aR*)-6-(2-(2*H*-tetrazol-5-yl)etil)decahidroisoquinolina-3-carboxilato de 2-etilbutilo
 antagonista del receptor de glutamato AMPA/KA

C₁₉H₃₃N₅O₂

620113-98-6

**ticalicibartum #**

ticalicibart

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PCSK9 (proprotein convertase subtilisin/kexin type 9)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
 H-gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-441) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30-5*03 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.7] (26-33.51-58.97-103)) (1-114) -*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10(CH1 (115-212), hinge 1-12 S10>P (222) (213-224), CH2 L92 (303) (225-334), CH3 (335-439), CHS (440-441)) (115-441)], (128-220')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (98.0%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103'')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197'')) (114'-220'')]; dimer (220-220'':223-223'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
 antihyperlipidaemic

ticalicibart

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PCSK9 (proprotéine convertase subtilisine/kexine type 9)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
 chaîne lourde H-gamma4 *Homo sapiens* (1-441) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30-5*03 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.7] (26-33.51-58.97-103)) (1-114) -*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (115-212), charnière 1-12 S10>P (222) (213-224), CH2 L92 (303) (225-334), CH3 (335-439), CHS (440-441)) (115-441)], (128-220')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (98.0%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103'')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197'')) (114'-220'')]; dimère (220-220'':223-223'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
 antihypercholestérolémiant

ticalicibart

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PCSK9 (proproteína convertasa subtilisina/kexina tipo 9)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada H-gamma4 *Homo sapiens* (1-441) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30-5*03 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.7] (26-33.51-58.97-103)) (1-114) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (115-212), bisagra 1-12 S10>P (222) (213-224), CH2 L92 (303) (225-334), CH3 (335-439), CHS (440-441)) (115-441)], (128-220')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (98.0%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103'')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197'')) (114'-220')]; dímero (220-220":223-223")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
antihipercolesterolémico

3033317-31-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H")
QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGFTFS SYGMHWVRQA PGKGLEWMAV 50
IWYDGTNKYY ADSVKGRFTI SRDNSKNTVY LQMNSLRAED TAVYYCAREK 100
GLDWGGGTLV TVSSASTKGP SVFPLAPCSR STSESTAALG CLVKDYFPEP 150
VTVSWNSGAL TSGVHTFFAV LQSSGLYSLV SVVTVPSSSL GTKTYTCNVD 200
HKPSNTKVDK RVESKYGPPC PPCPAPEFLG GPSVFLFPPK PKDTLMISRT 250
PEVTCVVVDV SQEDPEVQFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQF NSTYRVVSVL 300
TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK GLPSSIEKTI SKAKGQPREP QVYTLPPSQE 350
EMTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTTP VLDSDGSFFL 400
YSRLTVDKSR WQEGNVFSCS VMHEALHNHY TQKSLSLSTLG K 441

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L")
DIVMTQSPDS LAVSLGERAT INCKSSQSVL YSSTNKNYLV WYQQKPGQPP 50
KLLIYWASTR ESGVPDRFSG SGSGTDFTLT ISSLQAEDVA VYQCQQYYST 100
PWTFGQGTKV EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 150
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKSTYS LSSTLTLSKA DYEKHKVYAC 200
EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC 220

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 141-197 255-315 361-419
22"-96" 141"-197" 255"-315" 361"-419"
Intra-L (C23-C104) 23'-94' 140"-200'
23'''-94''' 140'''-200'''
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 128-220' 128"-220"
Inter-H-H (h 8, h 11) 220-220" 223-223"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutamínilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprofilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 291, 291"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 441, 441"

tiostreptonum

tiosrepton

2-[(1²S,1³R,4S,10S,13S,15⁷R,15⁸S,18R,19S,23S,26⁴S,27Z,30S)-13-[(2S)-butan-2-yl]-23-[(2S,3R)-2,3-dihydroxybutan-2-yl]-27-ethylidene-15⁸-hydroxy-30-[(1R)-1-hydroxyethyl]-15⁴-[(1S)-1-hydroxyethyl]-4,10,18-trimethyl-7-methylidene-3,6,9,12,16,21,25,29,32-nonaoxo-1⁴,1⁵,15⁷,15⁸,26⁴,26⁵-hexahydro-1²H-17-oxa-2,5,8,11,14,20,24,28,31-nonaaza-15(7,2)-quinolina-1(3,3,2)-pyridina-22,26,33,34(4,2)-tetrakis[1,3]thiazolabicyclo[17.14.1]tetratriacontaphan-1⁶-yl]-N-{3-[(3-amino-3-oxoprop-1-en-2-yl)amino]-3-oxoprop-1-en-2-yl}-1,3-thiazole-4-carboxamide
peroxiredoxin 3 inhibitor, antineoplastic

tiosrepton

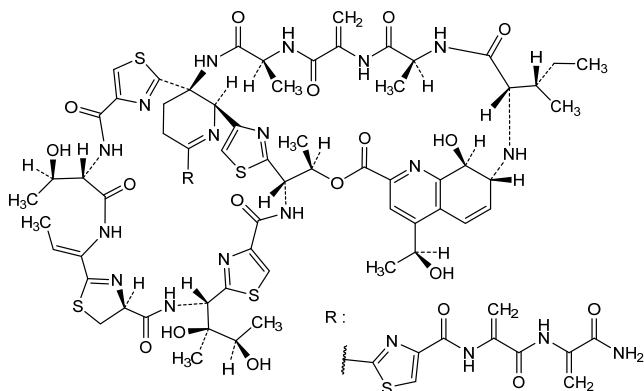
2-[(1²S,1³R,4S,10S,13S,15⁷R,15⁸S,18R,19S,23S,26⁴S,27Z,30S)-13-[(2S)-butan-2-yl]-23-[(2S,3R)-2,3-dihydroxybutan-2-yl]-27-éthylidène-15⁸-hydroxy-30-[(1R)-1-hydroxyéthyl]-15⁴-[(1S)-1-hydroxyéthyl]-4,10,18-triméthyl-7-méthylidène-3,6,9,12,16,21,25,29,32-nonaoxo-1⁴,1⁵,15⁷,15⁸,26⁴,26⁵-hexahydro-1²H-17-oxa-2,5,8,11,14,20,24,28,31-nonaaza-15(7,2)-quinolina-1(3,3,2)-pyridina-22,26,33,34(4,2)-tétrakis[1,3]thiazolabicyclo[17.14.1]tétratriacontaphan-1⁶-yl]-N-{3-[(3-amino-3-oxoprop-1-én-2-yl)amino]-3-oxoprop-1-én-2-yl}-1,3-thiazole-4-carboxamide
inhibiteur de la peroxyredoxine 3, antinéoplasique

tiosreptón

2-[(1²S,1³R,4S,10S,13S,15⁷R,15⁸S,18R,19S,23S,26⁴S,27Z,30S)-13-[(2S)-butan-2-il]-23-[(2S,3R)-2,3-dihidroxiutan-2-il]-27-etilideno-15⁸-hidroxi-30-[(1R)-1-hidroxietil]-15⁴-[(1S)-1-hidroxietil]-4,10,18-trimetil-7-metilideno-3,6,9,12,16,21,25,29,32-nonaoxo-1⁴,1⁵,15⁷,15⁸,26⁴,26⁵-hexahidro-1²H-17-oxa-2,5,8,11,14,20,24,28,31-nonaaza-15(7,2)-quinolina-1(3,3,2)-piridina-22,26,33,34(4,2)-tetrakis[1,3]tiazolabicyclo[17.14.1]tetratriacontafan-1⁶-il]-N-{3-[(3-amino-3-oxoprop-1-en-2-il)amino]-3-oxoprop-1-en-2-il}-1,3-tiazol-4-carboxamide
inhibidor de la peroxiredoxina 3, antineoplásico

C₇₂H₈₅N₁₉O₁₈S₅

1393-48-2



tolododekinum alfa #

tolododekin alfa

human interleukin 12 subunit β (IL-12B, IL12B, cytotoxic lymphocyte maturation factor 40 kDa subunit, CLMF p40, IL-12 subunit p40; Uniprot: P29460) (1-306), fused at the C-terminus via peptide linker ³⁰⁷GGGGSGGGSGGGGS³²¹ to human interleukin 12 subunit α (IL-12A, IL12A, cytotoxic lymphocyte maturation factor 35 kDa subunit, CLMF p35, IL-12 subunit p35; Uniprot: P29459) (322-518 in the current sequence), fused at the C-terminus with a synthetic 66 amino-acid aluminum-binding peptide (ABP) (519-584 in the current sequence), produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, co-expressing human extracellular serine/threonine protein kinase FAM20C, resulting in a high degree of O-phosphorylation; glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

tolododékine alfa

sous-unité β de l'interleukine 12 humaine (IL-12B, IL12B, sous-unité de 40 kDa du facteur de maturation des lymphocytes cytotoxiques, CLMF p40, sous-unité p40 de l'IL-12 ; Uniprot : P29460) (1-306, fusionnée à l'extrémité C-terminale via le coupleur peptidique 307GGGGSGGGSGGGGS321 à la sous-unité α de l'interleukine 12 humaine (IL-12A, IL12A, sous-unité de 35 kDa du facteur de maturation des lymphocytes cytotoxiques, CLMF p35, sous-unité p35 de l'IL-12 ; Uniprot : P29459) (322-518 dans la séquence actuelle) fusionnée à l'extrémité C-terminale avec un peptide synthétique de 66 acides aminés se liant à l'aluminium (ABP, 519-584 dans la séquence actuelle), produit dans des cellules d'ovaire de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, co-exprimant la protéine kinase sérine/thréonine extracellulaire humaine FAM20C, entraînant un degré élevé de O-phosphorylation; glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

tolododekina alfa

subunidad β de la interleukina 12 humana (IL-12B, IL12B, subunidad de 40 kDa del factor de maduración de linfocitos citotóxicos, CLMF p40, subunidad p40 de la IL-12; Uniprot: P29460) (1-306), fusionada en el extremo C terminal mediante el enlace peptídico ³⁰⁷GGGGSGGGSGGGGS³²¹ a la subunidad α de la interleukina 12 humana (IL-12A, IL12A, subunidad de 35 kDa del factor de maduración de linfocitos citotóxicos, CLMF p35, subunidad p35 de la IL-12; Uniprot: P29459) (322-518 en la secuencia actual) fusionada en el extremo C terminal con un péptido sintético de unión al aluminio de 66 aminoácidos (ABP) (519-584 en la secuencia actual), producido en células de ovario de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, que coexpresa la proteína quinasa serina/treonina extracelular humana FAM20C, lo que da como resultado un alto grado de O-fosforilación; glicoforma alfa
immunomodulador, antineoplásico

3028474-00-9

Sequence / Séquence / Secuencia		
IWELKKDVYV	VELDWYPDAP	GEMVVLTCDT PEEDGITWTL DQSSEVLGSG 50
KTLTIQVKEF	GDAGQYTCHK	GGEVLSHSLL LLHKKEDGIW STDILKDQKE 100
PKNKTFLRCE	AKNYSGRFTC	WWLTITISTDL TFSVKSSRGS SDPQGVTCGA 150
ATLSAERVVG	DNKEYEYSVE	CQEDSACPAE EESLPIEVMV DAVHKLKYEN 200
YTSSFFIRDI	IKPDPPKNLQ	LKPLKNSRQV EVSWEYPDTW STPHSYFSLT 250
FCVQVQGKSK	REKKDRVFTD	KTSATVICRK NASISVRAQD RYSSSSWSEW 300
ASVPCSGGGG	SGGGGSGGGG	SRNLPVATPD PGMFPCLHHS QNLLRAVSNM 350
LQKARQTLEF	YPCTSEEIDH	EDITKDKTST VEACLPLELT KNESCLNSRE 400
TSFITNGSCL	ASRKTSFMMA	LCLSSIIYEDL KMYQVEFKTM NAKLLMDPKR 450
QIFLDQNMLA	VIDELMQALN	FNSETVPQKS SLEEPDFYKT KIKLCILLHA 500
FRIRAVTIDR	VMSYLNASGG	GGEGGGGSEE GGGGSEEGGG GSEEGGGGSE 550
EGGGGSEEGG	GGSEEGGGGS	EEGGGGSEEG GGGS 584

Peptide linker / Peptide liant / Péptido de unión

³⁰⁷GGGGSGGGSGGGGS³²¹

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-chain IL12B (predicted): 28-68, 109-120, 148-171, 278-305

IL12A (predicted): 336-409, 363-495, 384-422

Inter-chain IL12B-IL12A: 177-395

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

IL12B: N103, N200, N281; IL12A: N392, N406

O-glycosylation sites / Sites de O-glycosylation / Posiciones de O-glicosilación

IL12A: T328

O-phosphorylation sites / Sites de O-phosphorylation / Posiciones de O-fosforilación

IL12B: S43 (23-25%), S154 (10%), S283 and/or S285 (12-14%);

linker: S311 (11-19%), S316 (40-46%);

IL12A: S365 (30-38%), S481 (100%);

ABP: additional serines are phosphorylated but positions and degree of phosphorylation not determined

tomostrocelum
tomostrocel

allogeneic mesenchymal stromal cells (MSC) derived from bone marrow of healthy female and male human donors. Mononuclear cells from eight donors are pooled for each MSC cell bank batch and are expanded in media containing platelet lysate and heparin. The cells are positive (≥95%) for the mesenchymal stromal cell surface markers CD73, CD90, CD105, and are negative (≤2%) for CD34, CD45 and CD14. The MSC cells can differentiate into osteoblasts and adipocytes and demonstrate suppression (≥30%) of allo-reactivity in an induced lymphocyte proliferation assay (mixed lymphocyte reaction)
cell therapy (immunomodulator)

tomostrocel

cellules stromales mésenchymateuses (CSM) allogéniques dérivées de moelle osseuse de donneurs sains, hommes et femmes. Les cellules mononucléées de huit donneurs sont regroupées pour chaque lot de banque de cellules CSM et multipliées dans un milieu contenant du lysat plaquettaire et de l'héparine. Les cellules sont positives (≥95%) pour les marqueurs de surface des cellules stromales mésenchymateuses CD73, CD90 et CD105, et négatives (≤2%) pour CD34, CD45 et CD14. Les CSM peuvent se différencier en ostéoblastes et en adipocytes, et présentent une suppression (≥30%) de l'allo-réactivité, lors d'un test de prolifération lymphocytaire induite (réaction lymphocytaire mixte)
thérapie cellulaire (immunomodulateur)

tomostrocel

células mesenquimales estromales (MSC) alogénicas derivadas de médula ósea de donantes hombres y mujeres sanos. Células mononucleares de ocho donantes se agrupan para cada lote de banco de células de MSC y se expanden en medio que contiene lisado plaquetario y heparina. Las células son positivas ($\geq 95\%$) para los marcadores de superficie de la célula mesenquimal estromal CD73, CD90, CD105, y son negativas ($\leq 2\%$) para CD34, CD45 y CD14. Las MSC pueden diferenciarse en osteoblastos y adipocitos y muestran supresión ($\geq 30\%$) de alo reactividad en un ensayo de proliferación inducida de linfocitos (cultivo mixto de linfocitos)

terapia celular (inmunomodulador)

trastuzumabum bultecanum #

trastuzumab bultecan

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (receptor tyrosine-protein kinase erbB-2, epidermal growth factor receptor 2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], humanized monoclonal antibody; conjugated on an average of eight cysteinyl residues to *bultecan* groups, comprising a linker and a camptothecin derivative;

H-gamma1 heavy chain humanized (1-450) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-66*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1SV, lacking the glutamine synthetase (GS-KO) gene, glycoform alfa; substituted at the sulfur atoms of the L-cysteinyl residues 223, 229, 232, 214', 223", 229", 232" and 214'" with (3*RS*)-1-[(9*S*,12*S*,15*S*)-1-[(4*S*)-4-ethyl-8-fluoro-4-hydroxy-9-methyl-3,14-dioxo-3,4,12,14-tetrahydro-1*H*-pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolin-10-yl]-9-methyl-8,11,14,17-tetraoxo-15-(3-oxo-3-[(2*S*,3*R*,4*R*,5*R*)-2,3,4,5,6-pentahydroxyhexyl]amino)propyl]-12-(propan-2-yl)-5-oxa-7,10,13,16-tetraazadocosan-22-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl (*bultecan*) groups

antineoplastic

trastuzumab bultécan

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (récepteur tyrosine-protéine kinase erbB-2, récepteur 2 du facteur de croissance épidermique, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticorps monoclonal humanisé; conjugué par huit résidus cystéinyle en moyenne au groupe *bultécan*, comprenant un linker et un dérivé de la camptothécine;

chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-450) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-66*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo*

trastuzumab bultecán

sapiens IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)), (223-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1SV, ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GS-KO), glycoforme alfa; substitué sur l'atome de soufre de résidus L-cystéinyle 223, 229, 232, 214', 223", 229", 232" et 214"" avec des groupes (3RS)-1-[(9S,12S,15S)-1-[(4S)-4-éthyl-8-fluoro-4-hydroxy-9-méthyl-3,14-dioxo-3,4,12,14-tétrahydro-1H-pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinolin-10-yl]-9-méthyl-8,11,14,17-tétraoxo-15-(3-oxo-3-[(2S,3R,4R,5R)-2,3,4,5,6-pentahydroxyhexyl]amino)propyl)-12-(propan-2-yl)-5-oxa-7,10,13,16-tétraazadocosan-22-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle (*bultécán*)
antinéoplasique

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (receptor tirosina-proteína quinasa erbB-2, receptor 2 del factor de crecimiento epidérmico, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticuerpo monoclonal humanizado; conjugado por ocho residuos cisteinilo por término medio con grupos *bultecán*, que comprende un enlace y un derivado de la camptotecina; cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)), (223-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1SV, en ausencia del gen de la glutamina sintetasa (GS-KO), forma glicosilada alfa; sustituido en los átomos de azufre de residuos L-cisteinilo 223, 229, 232, 214', 223", 229", 232" y 214"" con grupos (3RS)-1-[(9S,12S,15S)-1-[(4S)-4-etil-8-fluoro-4-hidroxi-9-metil-3,14-dioxo-3,4,12,14-tetrahydro-1H-pirano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinolin-10-il]-9-metil-8,11,14,17-tetraoxo-15-(3-oxo-3-[(2S,3R,4R,5R)-2,3,4,5,6-pentahidroxihexil]amino)propil)-12-(propan-2-il)-5-oxa-7,10,13,16-tetraazadocosan-22-il]-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo (*bultecán*)
antineoplásico

3033451-22-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H')

```

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFNIK DTYIHWRQA PGKGLEWVAR 50
IYPTNGYTRY ADSVKGRFTI SADTSKNTAY LQMNSLRAED TAVYICSRWG 100
GDGFYAMDYW GQGTLVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTPEVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPPRPQ 350
VYITLPPSREE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPPV 400
LDSGGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L')

```

DIQMTQSPSS LSASVGDRVITTCRASQDVN TAVAWYQQKPGKAPKLLIYS 50
ASFLYSGVPS RFGSGRSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ HYTTPPTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNAQLQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
 22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194"
 23'-88" 134'-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126)* 223"-214" 223"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14)* 229"-229" 232"-232"

*The inter-chain disulfide bridges are not present, the 8 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

*Les ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, les 8 cystéinyl étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

*Los puentes disulfuro entre cadenas no están presentes, cada uno de los 8 cisteinil está conjugada a través de un enlace tioéter a un linker-principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados

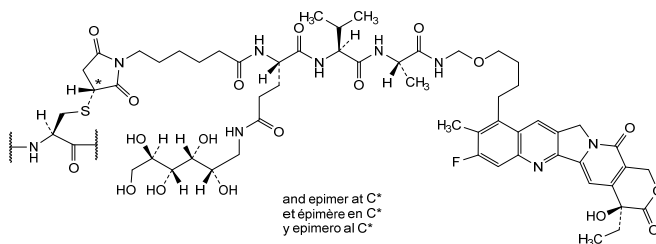
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 450, 450"

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados

C (223, 229, 232, 214', 223", 229", 232", 214")

(bultecan/mAb ~ 8:1)



trosoavilpum alfa #

trosoavilp alfa

virus-like-particle (VLP) with icosahedral structure derived from the Chikungunya virus strain 37997, composed of envelope glycoprotein E1 (Uniprot: Q5XXP3 Y⁸¹⁰-H¹²⁴⁸, 1-439 in the current sequence), envelope glycoprotein E2 (Uniprot: Q5XXP3 S³²⁶-A⁷⁴⁸, 1-423 in the current sequence, A⁴²⁴>added) and capsid protein (Uniprot: Q5XXP3 M¹-W²⁶¹). The icosahedral structure consists of an outer spherical shell of 80 non-covalent spike-shaped trimers, each comprising three non-covalent heterodimers of the spike glycoproteins E1 and E2, and an inner spherical capsid shell of a similar non-covalent assembly of 240 molecules of the capsid protein. The three proteins E1, E2 and capsid are expressed and assembled into the VLP by human embryonic kidney (HEK293) cells and comprise a HEK293-derived lipid bilayer, glycoform alfa
immunological agent for active immunization (anti-Chikungunya virus)

trosoavilp alfa

particule pseudo-virale (PPV) à structure icosaédrique dérivée de la souche 37997 du virus Chikungunya, composée de la glycoprotéine d'enveloppe E1 (Uniprot: Q5XXP3 Y⁸¹⁰-H¹²⁴⁸, 1-439 dans la séquence actuelle), de la glycoprotéine d'enveloppe E2 (Uniprot: Q5XXP3 S³²⁶-A⁷⁴⁸, 1-423 dans la séquence actuelle, A⁴²⁴>ajouté) et de la protéine de capside (Uniprot: Q5XXP3 M¹-W²⁶¹). La structure icosaédrique est constituée d'une enveloppe sphérique externe de 80 trimères non covalents en forme de spicule, chacun comprenant trois hétérodimères non covalents des glycoprotéines de spicule E1 et E2, et d'une enveloppe sphérique interne de capside constituée d'un assemblage non covalent similaire de 240 molécules de la protéine de capside. Les trois protéines E1, E2 et la capside sont exprimées et assemblées dans la PPV par les cellules rénales embryonnaires humaines (HEK293) et comprennent une bicouche lipidique dérivée de HEK293, glycoforme alfa
agent immunologique pour l'immunisation active (anti-virus Chikungunya)

trosoavilp alfa

partícula pseudoviral (PSV) con estructura icosaédrica derivada de la cepa 37997 del virus Chikungunya, compuesta por la glicoproteína de envoltura E1 (Uniprot: Q5XXP3 Y⁸¹⁰-H¹²⁴⁸, 1-439 en la secuencia actual), la glicoproteína de envoltura E2 (Uniprot: Q5XXP3 S³²⁶-A⁷⁴⁸, 1-423 en la secuencia actual, A⁴²⁴>añadido) y la proteína de la cápside (Uniprot: Q5XXP3 M¹-W²⁶¹). La estructura icosaédrica consiste en una capa esférica externa de 80 trímeros no covalentes en forma de espícula, cada uno compuesto por tres heterodímeros no covalentes de las glicoproteínas de la espícula E1 y E2, y una capa esférica interna de la cápside con un ensamblaje no covalente similar de 240 moléculas de la proteína de la cápside. Las tres proteínas E1, E2 y la cápside se expresan y se ensamblan en la PSV por células renales embrionarias humanas (HEK293) y comprenden una bicapa lipídica derivada de HEK293, glicofoma alfa
agente inmunológico para inmunización activa (anti virus Chikungunya)

2986379-37-5

Sequence / Séquence / Secuencia
Capsid:
MEFIPTQTFY NRRYQPRPWA PRPTIQVIRP RPRPQRQAGQ LAQLISAVNK 50
LTMRAVPQQK PRRNRKNKKQ RQKKQAPQND PKQKKQPPQK KPAQKKKKPG 100
RRERMCMKIE NDCIFEVKHE GKVMGYACLV GDKVMKPAHV KGTIDNADLA 150
KLAFKRSSKY DLECAQIPVH MKSDASKFTH EKPEGYYNWH HGAVQYSSGR 200
FTIPTGAGKP GDSGRPIFDN KGRVVAIVLG GANEGARTAL SVVTWNKDIV 250
TKITPEGAE W 261

Envelope glycoprotein E1:
YEHVTVIPNT VGVYPKTLVN RPYSPMVLE MELQSVTLEP TLSLDYITCE 50
YKTVIPSPYV KCCGTAECKD KSLPDYSCKV FTGVYPFMWG GAYCFCDEN 100
TQLSEAHVEK SESCKTEFAS AYRAHTASAS AKLRVLYQGN NITVAAYANG 150
DHAIVTKDAK FVVGPMSSAW TPFDNKIVVY KGDVYNMDYP PFGAGRPQG 200
GDIQSRTPEK KDVYANTQLV LQRPAAQTVH VPYSQAPSGF KYWLKERGAS 250
LQHTAPFGCQ IATNPVRAVN CAVGNIPISI DIPDAAFTRV VDAPSVTDM 300
CEVPACTHSS DFGGVAIKY TASKKGKCAV HSMTNAVITR EADVEVEGNS 350
QLQISFSTAL ASAEFRVQVC STQVHCAAAC HPPKDHIVNY PASHTTLGVQ 400
DISTTAMSWV QKITGGVGLI VAAALILIV VLCVSFSRH 439

Envelope glycoprotein E2:
STKDNFNVYK ATRPYLAHCP DCGEGHSCHS PIALERIRNE ATDGTLKIQV 50
SLQIGIKTDD SHDWTCLRYM DSHTPADAER AGLLVRTSAP CTITGTMGHF 100
ILARCPKGET LTVGFTDSRK ISHTCTHPFH HEPPVIGRER FHSRPQHGE 150
LPCSTYVQST AATAEEIEVH MPPDTPDRTL MTQQSGNVKI TVNGQTVRYK 200
CNCGGSNEGL TTTDKVINNC KIDQCHAAVT NHKNWQYNSP LVPRNAELGD 250
RKGKIHIPFP LANVTCRVPK ARNPTVTYVK NQVTMLLYPD HPTLLSYRNM 300
GQEPNYHEEW VTHKKEVTLT VPTEGLEVTW GNNEPYKYWP QMSTNGTAHG 350
HPHEIILYYY ELYPTMTVVI VSVASFVLLS MVGTAVGMCV CARRRCITPY 400
ELTPGATVPF LLSLLCCVRT TKAA 424

Mutation / Mutation / Mutación
E2: A⁴²⁴>added

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-E1: 49-114, 62-94, 63-96, 68-78, 259-271, 301-376, 306-380, 328-370
Intra capsid: 113-128

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
Envelope glycoprotein E1: N141
Envelope glycoprotein E2: N263, N345

S-lipidation sites / Sites de S-lipidation / Posiciones de S-lipidation
Envelope glycoprotein E1: 433
Envelope glycoprotein E2: 396, 416, 417

turletricinum
turletricin

*N*³⁸-(1,3-dihydroxypropan-2-yl)-2'-*epi*-amphotericin B-38-amide;
(1*R*,3*S*,5*R*,6*R*,9*R*,11*R*,15*S*,16*R*,17*R*,18*S*,19*E*,21*E*,23*E*,25*E*,27
E,29*E*,31*E*,33*R*,35*S*,36*R*,37*S*)-33-[(3-amino-3,6-dideoxy-β-D-
glucopyranosyl)oxy]-*N*-(1,3-dihydroxypropan-2-yl)-
1,3,5,6,9,11,17,37-octahydroxy-15,16,18-trimethyl-13-oxo-
14,39-dioxabicyclo[33.3.1]nonatriaconta-19,21,23,25,27,29,31-
heptaene-36-carboxamide
antifungal

turlétricine

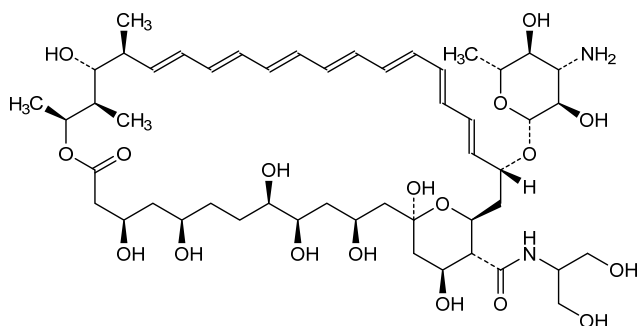
*N*³⁸-(1,3-dihydroxypropan-2-yl)-2'-*epi*-amphotéricine B-38-
amide;
(1*R*,3*S*,5*R*,6*R*,9*R*,11*R*,15*S*,16*R*,17*R*,18*S*,19*E*,21*E*,23*E*,25*E*,27
E,29*E*,31*E*,33*R*,35*S*,36*R*,37*S*)-33-[(3-amino-3,6-didésoxy-β-D-
glucopyranosyl)oxy]-*N*-(1,3-dihydroxypropan-2-yl)-
1,3,5,6,9,11,17,37-octahydroxy-15,16,18-triméthyl-13-oxo-
14,39-dioxabicyclo[33.3.1]nonatriaconta-19,21,23,25,27,29,31-
heptaène-36-carboxamide
antifongique

turlettricina

N^{38} -(1,3-dihydroxypropan-2-yl)-2'-*epi*-amfotericina B-38-amida;
(1*R*,3*S*,5*R*,6*R*,9*R*,11*R*,15*S*,16*R*,17*R*,18*S*,19*E*,21*E*,23*E*,25*E*,27*E*,29*E*,31*E*,33*R*,35*S*,36*R*,37*S*)-33-[(3-amino-3,6-didesoxi- β -D-glucopiranosil)oxi]-*N*-(1,3-dihydroxypropan-2-yl)-1,3,5,6,9,11,17,37-octahydroxi-15,16,18-trimetil-13-oxo-14,39-dioxabicyclo[33.3.1]nonatriaconta-19,21,23,25,27,29,31-heptaeno-36-carboxamida
antifúngico

 $C_{50}H_{80}N_2O_{18}$

2761794-74-3



turmetabartum #
turmetabart

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SEZ6 (seizure related 6 homolog)], humanized monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain humanized (1-444) [VH (*Homo sapiens*IGHV5-51*01 (88.3%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-115) -*Homo sapiens*IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 15-G1v37 h S5 (CH1 K120(212) (116-213), hinge 1-15 C5>S (218) (214-228), CH2 (229-338), CH3 D12 (354), L14 (356) (339-443), CHS K2>del (444)) (116-444)], with L-kappa light chain humanized (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (87.2%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195')) (112'-218')]; dimer (224-224'': 227-227'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
antineoplástico

turmétabart

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SEZ6 (homologue 6 lié à la convulsion)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (88.3%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 15-G1v37 h S5 (CH1 K120 (212) (116-213), charnière 1-15 C5>S (218) (214-228), CH2 (229-338), CH3 D12 (354), L14 (356) (339-443), CHS K2>del (444)) (116-444)], avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (87.2%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195')) (112'-218')]; dimère (224-224'': 227-227'')-bisdisulfure, produit

turmetabart

dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO),
glycoforme alfa
antineoplasique

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SEZ6
(homólogo 6 relacionado con convulsiones)], anticuerpo
monoclonal humanizado;
cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (88.3%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 15-G1v37 h S5 (CH1 K120 (212) (116-213), bisagra 1-15 C5>S (218) (214-228), CH2 (229-338), CH3 D12 (354), L14 (356) (339-443), CHS K2>del (444)) (116-444)], con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (87.2%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195')) (112'-218')]; dímero (224-224": 227-227")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
antineoplásico

2650574-80-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H")
EVQLVQSGAE VKKPGESLKI SCKGSGYSFT SSWINWVRQM PGKGLEWMGR 50
IYPGEGDTNY NGNFEGQVTI SADKSIISTAY LQWSSSLKASD TAMYYCTRGL 100
VMDYWGQGTLL VTVSSASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAL GCLVKDYFPE 150
PVTIVSNWSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVSPSS LGTQTYICNV 200
NHKPSNTKVD KKVEPKSSDK THTCPPCPAP ELLGGPSVFL FPPKPKDTLM 250
ISRTPEVTCV VVDVSHEDPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQYNSTYRV 300
VSVLTVLHQD WLNGKEYKCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ PREPQVYTLF 350
PSRDELTKNQ VSLTCLVKGK YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400
SFFFLYSKLTIV DKSRWQQGNV FSCSVMEAL HNHYTQKSLS LSPG 444

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L")
EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQSDV YNGISYMHWY QQKPGQAPRL 50
LIYAASNVQS GIPARFSGSG SGTDFTLTIS SLEPEDFAVY YCQQSIDEDP 100
TFGGGTKEVEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLT STLTLSKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGEC 218

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 142-198 259-319 365-423
22"-96" 142"-198" 259"-319" 365"-423"
Intra-L (C23-C104) 23'-92' 138'-198'
23"'-92"' 138"'-198"
Inter-H-L (h 5-CL 126)* 218 S, 218' * 218 S, 218" *
Inter-H-H (h 11, h 14) 224-224" 227-227"
* No inter-H-L and free sulphydryl at CL126 owing to the hinge variant 15-G1v37 h S5.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 295, 295"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados.

turmetabartum adizutecanum #
turmetabart adizutecan

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SEZ6 (seizure related 6 homolog)], humanized monoclonal antibody;
conjugated on six cysteinyl residues to *adizutecan*, comprising a linker and a camptothecin derivative;
H-gamma1 heavy chain humanized (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (88.3%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*01,

G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 15-G1v37 h S5 (CH1 K120(212) (116-213), hinge 1-15 C5>S (218) (214-228), CH2 (229-338), CH3 D12 (354), L14 (356) (339-443), CHS K2>del (444)) (116-444)], with L-kappa light chain humanized (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (87.2%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101')) (1'-111') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195')) (112'-218')]; dimer (224-224": 227-227")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa; substituted at the sulfur atoms of the six L-cysteine residues 234, 237, 218', 234", 237" and 218" with 2-[(2S)-1-[(2S)-1-[(3-[(7S)-7-ethyl-7-hydroxy-8,11-dioxo-7,8,11,13-tetrahydro-2H,10H-[1,3]dioxolo[4,5-g]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinolin-14-yl]bicyclo[1.1.1]pentan-1-yl)amino]-1-oxopropan-2-yl)amino]-3-methyl-1-oxobutan-2-yl)amino]-2-oxoethyl (*adizutecan*) *antineoplastic*

turmétabart adizutécan

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SEZ6 (homologue 6 lié à la convulsion)], anticorps monoclonal humanisé; conjugué par six résidus cystéinyle à l'*adizutécan*, comprenant un linker et un dérivé de la camptothécine; chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (88.3%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 15-G1v37 h S5 (CH1 K120 (212) (116-213), charnière 1-15 C5>S (218) (214-228), CH2 (229-338), CH3 D12 (354), L14 (356) (339-443), CHS K2>del (444)) (116-444)], avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (87.2%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195')) (112'-218')]; dimère (224-224": 227-227")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa; substitué sur l'atome de soufre de six résidus L-cystéinyle 234, 237, 218', 234", 237" et 218" avec des groupes 2-[(2S)-1-[(2S)-1-[(3-[(7S)-7-éthyl-7-hydroxy-8,11-dioxo-7,8,11,13-tétrahydro-2H,10H-[1,3]dioxolo[4,5-g]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinoléin-14-yl]bicyclo[1.1.1]pentan-1-yl)amino]-1-oxopropan-2-yl)amino]-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl)amino]-2-oxoéthyle (*adizutécan*) *antinéoplasique*

turmetabart adizutecán

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SEZ6 (homólogo 6 relacionado con convulsiones)], anticuerpo monoclonal humanizado; conjugado por seis residuos cisteinilo al *adizutecán*, que comprende un conector y un derivado de camptotecina; cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (88.3%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 15-G1v37 h S5 (CH1 K120 (212) (116-213), bisagra 1-15 C5>S (218) (214-228), CH2 (229-338), CH3 D12 (354), L14 (356) (339-443), CHS K2>del (444)) (116-444)], con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (87.2%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195')) (112'-218')]; dímero (224-224": 227-227")-bisdisulfuro, producido en las

células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa; sustituido en el átomo de azufre de seis residuos L-cisteinilo 234, 237, 218', 234'', 237'' y 218''' con grupos 2-[[[(2S)-1-[[[(2S)-1-((3-[(7S)-7-etil-7-hidroxi-8,11-dioxo-7,8,11,13-tetrahidro-2H,10H-[1,3]dioxolo[4,5-g]pirano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinolein-14-il]biciclo[1.1.1]pentan-1-il]amino)-1-oxopropan-2-il]amino)-3-metil-1-oxobutan-2-il]amino)-2-oxoetilo (*adizutecán*) *antineoplásico*

3034205-72-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H')

```
EVQLVQSGAE VKKPGESLKI SKKSGYSFT SSWINWVRQM PGKGLEWMGR 50
IYPGEGDTNY NGNFEGQVTI SADKSISTAY LQWSSLKASD TAMYYCTRGL 100
VMDYWGQGTLL VTVSSASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAL GCLVKDYFPE 150
PVTVSNNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVPSSS LGTQTYICNV 200
NHKPSNTKVD KKVEPKSSDK THTCPPCPAP ELLGGPSVFL FPPKPKDTLM 250
ISRTPEVTCV VVDVSHEDPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQYNSTYRV 300
VSVLTIVLHQD WLNKEYKCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ PREPQVYTLF 350
PSRDELTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400
SFLYSKLTIV DKSRRQQGNV FSCSVMEAL HNHYTQKSL SLP 444
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L')

```
EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQSV D YNGISYMHY QQKPGQAPRL 50
LIYAASNVQS GIPARFSGSG SGTDFTLTIS SLEPEDFAV YCQQSIEDPP 100
TFGGGTKEVI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGASVVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSL S TLTLSKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGEC 218
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22'-96' 142'-198' 259'-319' 365'-423'
22''-96'' 142''-198'' 259''-319'' 365''-423''

Intra-L (C23-C104) 23'-92' 138'-198'
23'''-92''' 138'''-198'''

Inter-H-L (h 5-CL 126)* 218 S, 218' * 218" S, 218" *

Inter-H-H (h 11, h 14)** 224-224'' 227-227''

* No inter-H-L and free sulfhydryl at CL126 owing to the hinge variant 15-G1v37 h S5.

** At least three inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 6 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

** Au moins trois ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 6 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

** Al menos tres puentes disulfuro inter-catenarios no estan presentes, una media de 6 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

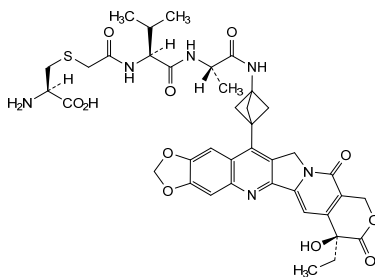
H CH2 N84.4: 295,295''

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados.

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados

C (224, 237, 218', 224'', 227'', 218''')

(adizutecan/mAb ~6:1)



umiposgenum parvecum #

umiposgene parvec

recombinant self-complementary non-replicating adeno-associated virus vector with a chimeric cardiotropic AAV2/AAV8 capsid (rAAV2i8) encoding a codon-optimised truncated form of protein phosphatase 1 regulatory subunit 1A (PPP1R1A, protein phosphatase inhibitor 1 (I-1)) (amino acids 1-65; with a T35D mutation to render the protein phosphatase inhibitor-1 constitutively active). Expression is under control of a human cytomegalovirus (CMV) enhancer/promoter and a simian virus 40 (SV40) polyadenylation signal. The expression cassette also contains a synthetic chimeric intron upstream of the transgene and is flanked by AAV2 inverted terminal repeats
gene therapy (heart failure)

umiposgène parvec

vecteur viral adéno-associé recombinant auto-complémentaire et non réplcatif, avec une capsid chimérique cardiotrope AAV2/AAV8 (rAAV2i8) codant une forme tronquée optimisée en termes de codons de la sous-unité régulatrice 1A de la protéine phosphatase 1 (PPP1R1A, inhibiteur de la protéine phosphatase 1 (I-1)) (acides aminés 1 à 65; avec une mutation T35D rendant l'inhibiteur de la protéine phosphatase 1 constitutivement actif). L'expression est sous le contrôle d'un activateur/promoteur du cytomégalo virus humain (CMV) et d'un signal de polyadénylation du virus simien 40 (SV40). La cassette d'expression contient également un intron chimérique synthétique en amont du transgène et est flanquée de répétitions terminales inversées d'AAV2
thérapie génique (insuffisance cardiaque)

umiposgén parvec

vector de virus adenoasociado recombinante, no replicativo, auto complementario con una cápsida quimérica cardiotrópica AAV2/AAV8 (rAAV2i8), que codifica, con codones optimizados, una forma truncada de la subunidad reguladora 1A de la proteína fosfatasa 1 (PPP1R1A, inhibidor 1 (I-1) de la proteína fosfatasa) (aminoácidos 1-65; con una mutación T35D para convertir en constitutivamente activa al inhibidor 1 de la proteína fosfatasa). La expresión está bajo el control de un potenciador/promotor de citomegalovirus (CMV) y una señal de poliadenilación del virus simio 40 (SV40). El casete de expresión también contiene un intrón sintético quimérico más arriba del transgén, y está flanqueado por repeticiones terminales invertidas de AAV2
terapia génica (insuficiencia cardíaca)

3035440-64-0

urcosimodum

urcosimod

N-(29-oxo-4,7,10,13,16,19,22,25-octaoxa-28-azatetratetracontan-1-oyl)glycylglycyl-D-tyrosyl-L-phenylalanyl-L-leucyl-L-prolyl-D-seryl-L-glutaminyll-L-phenylalanyl-D-alanyl-(3*S*)-1,2,3,4-tetrahydroisoquinoline-3-carbonyl-L-serine
immunomodulator, anti-inflammatory

urcosimod

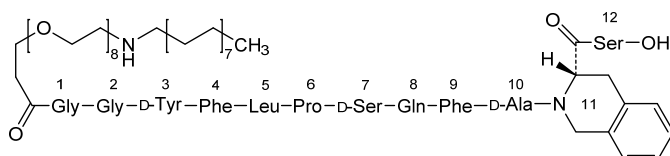
N-(29-oxo-4,7,10,13,16,19,22,25-octaoxa-28-azatétratétracontan-1-oyl)glycylglycyl-D-tyrosyl-L-phénylalanyl-L-leucyl-L-prolyl-D-séryll-L-glutaminyll-L-phénylalanyl-D-alanyl-(3*S*)-1,2,3,4-tétrahydroisoquinoléine-3-carbonyl-L-sérine
immunomodulateur, anti-inflammatoire

urcosimod

N-(29-oxo-4,7,10,13,16,19,22,25-octaoxa-28-azatetratetracontan-1-oil)glicilglicil-D-tirosil-L-fenilalanil-L-leucil-L-prolil-D-seril-L-glutaminil-L-fenilalanil-D-alanil-(3*S*)-1,2,3,4-tetrahidroisoquinoleina-3-carbonil-L-serina
immunomodulador, antiinflamatorio

C₁₀₁H₁₅₂N₁₄O₂₇

1610366-43-2

**utidelonum**

utidelone

(4*S*,7*R*,8*S*,9*S*,13*Z*,16*S*)-4,8-dihydroxy-5,5,7,9,13-pentamethyl-16-[(1*E*)-1-(2-methyl-1,3-thiazol-4-yl)prop-1-en-2-yl]-1-oxacyclohexadec-13-ene-2,6-dione
microtubule stabilizing agent, antineoplastic

utidélone

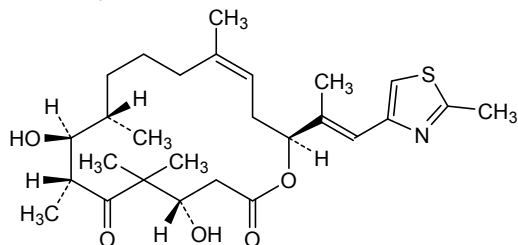
(4*S*,7*R*,8*S*,9*S*,13*Z*,16*S*)-4,8-dihydroxy-5,5,7,9,13-pentaméthyl-16-[(1*E*)-1-(2-méthyl-1,3-thiazol-4-yl)prop-1-én-2-yl]-1-oxacyclohexadéc-13-ène-2,6-dione
agent stabilisateur des microtubules, antinéoplasique

utidelona

(4*S*,7*R*,8*S*,9*S*,13*Z*,16*S*)-4,8-dihidroxi-5,5,7,9,13-pentametil-16-[(1*E*)-1-(2-metil-1,3-tiazol-4-il)prop-1-en-2-il]-1-oxaciclohexadec-13-eno-2,6-diona
agente estabilizante del microtúbulo, antineoplásico

C₂₇H₄₁NO₅S

189453-10-9



varsetatugum #

varsetatug immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EPCAM (epithelial cell adhesion molecule, tumor-associated calcium signal transducer 1, TACSTD1, gastrointestinal tumor-associated protein 2, GA733-2, epithelial glycoprotein 2, EGP-2, KSA, KS1/4 antigen, M4S1, tumor antigen 17-1A, Ep-CAM, EpCAM, CD326)], humanized monoclonal antibody with a cleavable prodomain of 46 amino acids fused at the N-terminal end of the L-kappa light chains; H-gamma1 heavy chain humanized (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (81.6%) -IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (111), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (213) (117-214), hinge 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS K2>del (445)) (117-445)], (219-265')-disulfide with L-kappa light chain humanized fused at its N-terminal end to a cleavable prodomain (1'-265') [prodomain (1'-46') -*Homo sapiens* V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2D-29*02 (86.0%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (73'-83'.101'-103'.140'-148')) (47'-158') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (204'), V101 (242')) (159'-265')]; dimer (225-225":228-228")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-DG44, glycoform alfa *antineoplastic*

varsétatug immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EPCAM (molécule d'adhésion des cellules épithéliales, transducteur 1 du signal calcium associé aux tumeurs, TACSTD1, protéine 2 associée aux tumeurs gastrointestinales, GA733-2, glycoprotéine épithéliale 2, EGP-2, KSA, antigène KS1/4, M4S1, antigène tumoral 17-1A, Ep-CAM, EpCAM, CD326)], anticorps monoclonal humanisé avec un prodomaine clivable de 46 acides aminés fusionné à l'extrémité N-terminale des chaînes légères L-kappa; chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (81.6%) -IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (111), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (213) (117-214), charnière 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS K2>del (445)) (117-445)], (219-265')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée fusionnée à son extrémité N-terminale à un prodomaine clivable (1'-265') [prodomaine (1'-46') -*Homo sapiens* V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2D-29*02 (86.0%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (73'-83'.101'-103'.140'-148')) (47'-158') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (204'), V101 (242')) (159'-265')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-DG44, glycoforme alfa *antinéoplasique*

varsetatug inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EPCAM (molécula de adhesión de las células epiteliales, transductor 1 de adhesión de las células epiteliales, transductor de señal de calcio asociado a tumores 1, TACSTD1, proteína 2 asociada a los tumores gastrointestinales, GA733-2, glicoproteína epitelial 2, EGP-2, KSA, antígeno KS1/4, M4S1, antígeno tumoral 17-1A, Ep-CAM, EpCAM, CD326)], anticuerpo monoclonal humanizado con un prodominio escindible de 46 aminoácidos fusionado al extremo N-terminal de las cadenas ligeras L-kappa; cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (81.6%) -IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (111), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (213) (117-214), bisagra 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS K2>del (445)) (117-445)], (219-265')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada fusionada a su extremo N-terminal a um prodominio escindible (1'-265') [prodominio (1'-46') -*Homo sapiens* V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2D-29*02 (86.0%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (73'-83'.101'-103'.140'-148')) (47'-158') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (204'), V101 (242')) (159'-265')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-DG44, forma glicosilada alfa *antineoplásico*

3036004-28-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H ^{''})			
QVQLVQSGAE	VKKPGASVKV	SCKASGYTFT	NYIIHWVRQA
IYPGNVYIQY	NEKFKGRATL	TADKSASTAY	MELSSLRSED
PWFAYWGGQT	LVTVSSASTK	GPSVFPLAPS	SKSTSGGTAA
EPVTVSWNSG	ALTSQGVHTFP	AVLQSSGLYS	LSSVVTVPSS
VNHKPSNTKV	DKKVEPKSCD	KTHTCPPCPA	PELLGGPSVF
MISRTPEVTC	VVDVSHEDP	EVKFNWYVDG	VEVHNAKTKP
VVSVLTVLHQ	DWLVNGKEYKC	KVSNKALPAP	IEKTISKAKG
PPSRDELTKN	QVSLTCLVKG	FYPSDIAVEW	ESNGQPENNY
GSFFLYSKLT	VDKSRWQQGN	VFSCSVMHEA	LHNHYTQKSL
			SLSPG
			445
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L ^{''})			
QGGSGGQWWP	PCQGGGAWCEQ	RIGGGSSSGS	ISSGLLSGRS
TQTPLSLSVT	PGQPASISCR	SSRSLHSDG	FTYLYWFLQK
QTSNLASGVP	DRFSSSSGSGT	DFTLKISRVE	AEDVGYYCA
QGTKLEIKRT	VAAPSVFIFP	PSDEQLKSGT	ASVVCLLNNF
VDNALQSGNS	QESVTEQDSK	DSTYSLSSTL	TLISKADYEKH
GLSSPVTKSF	NRGEC		
			265

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 143-199 260-320 366-424
22"-96" 143"-199" 260"-320" 366"-424"

Intra-prodomain 12'-18' 12"-18"

Intra-L (C23-C104) 69'-139' 185'-245'
69"-139" 185"-245"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 219-265' 219"-265"

Inter-H-H (h 11, h 14) 225-225" 228-228"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)

H VH Q1: 1, 1"

L prodomain Q1: 1', 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 296, 296"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados

varsetatugum masetecanum #

varsetatug masetecan

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EPCAM (epithelial cell adhesion molecule, tumor-associated calcium signal transducer 1, TACSTD1, gastrointestinal tumor-associated protein 2, GA733-2, epithelial glycoprotein 2, EGP-2, KSA, KS1/4 antigen, M4S1, tumor antigen 17-1A, Ep-CAM, EpCAM, CD326)], humanized monoclonal antibody with a cleavable prodomain of 46 amino acids fused at the N-terminal end of the L-kappa light chains; conjugated on eight cysteinyl residues to *masetecan*, comprising a cleavable linker and a camptothecin derivative;

H-gamma1 heavy chain humanized (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (111), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (213) (117-214), hinge 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS K2>del (445)) (117-445)], (219-265')-disulfide with L-kappa light chain humanized fused at its N-terminal end to a cleavable prodomain (1'-265') [prodomain (1'-46') - *Homo sapiens* V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2D-29*02 (86.0%) - IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (73'-83'.101'-103'.140'-148')) (47'-158') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (204'), V101 (242')) (159'-265')]; dimer (225-225":228-228")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-DG44, glycoform alfa; substituted at the sulfur atoms of eight L-cysteinyl residues 219, 219", 225, 225", 228, 228", 265', 265"

with (3*RS*)-1-[(9*S*,12*S*,15*S*)-1-[(4*S*)-4-ethyl-8-fluoro-4-hydroxy-9-methyl-3,14-dioxo-3,4,12,14-tetrahydro-1*H*-pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolin-11-yl]-9,12,15-trimethyl-3,8,11,14,17-pentaoxo-5-oxa-2,7,10,13,16-pentaazadocosan-22-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl (*masetecan*) groups
antineoplastic

varsétatug masétécan immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EPCAM (molécule d'adhésion des cellules épithéliales, transducteur 1 du signal calcium associé aux tumeurs, TACSTD1, protéine 2 associée aux tumeurs gastrointestinales, GA733-2, glycoprotéine épithéliale 2, EGP-2, KSA, antigène KS1/4, M4S1, antigène tumoral 17-1A, Ep-CAM, EpCAM, CD326)], anticorps monoclonal humanisé avec un prodomaine clivable de 46 acides aminés fusionné à l'extrémité N-terminale des chaînes légères L-kappa; conjugué par huit résidus cystéinyle au masétécan, comprenant un linker clivable et un dérivé de camptothécine;
chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (111), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (213) (117-214), charnière 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS K2>del (445)) (117-445)], (219-265')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée fusionnée à son extrémité N-terminale à un prodomaine clivable (1'-265') [prodomaine (1'-46') -*Homo sapiens* V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2D-29*02 (86.0%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (73'-83'.101'-103'.140'-148')) (47'-158') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (204'), V101 (242')) (159'-265')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-DG44, glycoforme alfa; substitué sur l'atome de soufre de huit résidus L-cystéinyle 219, 225, 228, 265', 219", 225", 228" et 265'" avec des groupes (3*RS*)-1-[(9*S*,12*S*,15*S*)-1-[(4*S*)-4-éthyl-8-fluoro-4-hydroxy-9-méthyl-3,14-dioxo-3,4,12,14-tétrahydro-1*H*-pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinoléin-11-yl]-9,12,15-triméthyl-3,8,11,14,17-pentaoxo-5-oxa-2,7,10,13,16-pentaazadocosan-22-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle (*masétécan*)
antinéoplasique

varsetatug masetecán inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* EPCAM (molécule de adhesión de las células epiteliales, transductor 1 de adhesión de las células epiteliales, transductor de señal de calcio asociado a tumores 1, TACSTD1, proteína 2 asociada a los tumores gastrointestinales, GA733-2, glicoproteína epitelial 2, EGP-2, KSA, antígeno KS1/4, M4S1, antígeno tumoral 17-1A, Ep-CAM, EpCAM, CD326)], anticuerpo monoclonal humanizado con un prodominio escindible de 46 aminoácidos fusionado al extremo N-terminal de las cadenas ligeras L-kappa, conjugado por ocho residuos de cisteinilo a *masetecán*, que comprende un enlace y un derivado de la camptotecina;
cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (111), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (213) (117-214), bisagra 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS K2>del (445)) (117-445)], (219-265')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada fusionada a su extremo N-terminal a un prodominio escindible (1'-265') [prodominio (1'-46') -*Homo sapiens* V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2D-29*02 (86.0%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (73'-

83'.101'-103'.140'-148')) (47'-158') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (204'), V101 (242')) (159'-265')]; dímero (225-225''',228-228'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-DG44, forma glicosilada alfa; sustituido en los átomos de azufre de ocho residuos L-cisteinilo 219, 225, 228, 265', 219'', 225'', 228'' y 265''' con grupos (3RS)-1-{(9S,12S,15S)-1-[(4S)-4-etil-8-fluoro-4-hidroxi-9-metil-3,14-dioxo-3,4,12,14-tetrahidro-1H-pirano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinolein-11-il]-9,12,15-trimetil-3,8,11,14,17-pentaoxo-5-oxa-2,7,10,13,16-pentaazadocosan-22-il}-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo (masetecán) antineoplásico

3036126-39-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE	VKKKASGVKV	SCKASGYSTT	NYIHWVWRA	PQQRLEYIGW	50
YPGNVYIGQ	NEKFKGRALT	TADKASGYT	MELSSLRSDT	TAVYVCARDG	100
PWFAYWYQGT	LVTVSASTK	GPSVFLPAPS	SKTSSGGTA	LGCLWQDYFP	150
EPVTVSWNSG	ALTSVGHTFP	AVLQSSGLYS	LSGVTVPSSS	SLGTQYTCIN	200
VNHKPSNTSP	DKDKVPKSCD	KHTCCPPCA	PPELLGSPVS	LPFPPKPKND	250
MISRTPEVTC	VVVVDVSHED	EVKFNKVPDG	VEVHNKATVP	REQEYNSTYR	300
VSVSLTVLTH	DWLNGKEYKC	GSKNKALPAP	IEKTSKAGK	QPREQPVYTL	350
GPSRDELTKV	QSVSLTCLVQ	FYPSDIAVE	ESNGQPNKYI	KTPPPVLDSQ	400
PGSFYLSKLT	VDKSRWQOON	VFSCSDMVEA	LHNHYHTKSL	SLSPG	445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

QQQSGQGWWP	PCQGGAWCEQ	RIGGGSSGGS	ISSGLLSGRS	DNIGGSDIVL	50
TQTPLLSLVP	PQGPASISCR	SSRSLLSHSD	FTVLYYFLQK	PQGSQPTLLY	100
QTSNLASLVT	DRFSSSSSGT	DTDLTKISRV	AEDVYVYQQA	QNLELPQLLG	150
QGTKLEIKRT	VAAPSVFIFP	PSDEQLKSGT	ASVVCLLNNE	YPREAKVQWK	200
VDNALQSGNS	QESVTEQDSK	DSTYLSLSTL	TLSPKDYEEK	KYVACEVTHQ	250
GLSSPVTKSF	NRGEC				265

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104)	22-96	143-199	260-320	366-424
	22"-96"	143"-199"	260"-320"	366"-424"

Intra-prodomain	12'-18'	12'''-18'''
-----------------	---------	-------------

Intra-L (C23-C104)	69'-139'	185'-245'
	69'''-139'''	185'''-245'''

Inter-H-L (h 5-CL 126)* 219-265' 219"-265'''

Inter-H-E (h 13, h 12)	217-225	217-225
Inter-H-H (h 11, h 14)*	225-225"	228-228"

*The inter-chain disulfide bridges are not present, the 8 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

*Les ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, les 8 cystéinyl étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

*Los puentes disulfuro entre cadenas no están presentes, cada uno de los 8 cisteinil está conjugada a través de un enlace tioéter a un linker-principio activo.

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl) / pyroglutamide (pE, 5-oxopropyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxopropiljo)

H VHO1: 1.1"

L prodomain Q1: 1', 1'''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

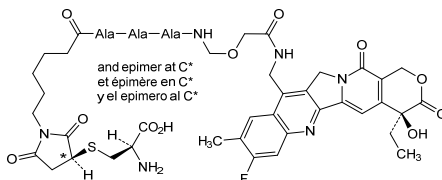
H CH2 N84.4: 296, 296"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados

C (219,219",225,225",228,228",265',265")

(*masetecarr.mAb* ~ 8:1)



vasigrobartum #

vasigrobart

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDGFB (platelet-derived growth factor subunit B)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
 H-gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-443) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (117-214), hinge 1-12 S10>P (224) (215-226), CH2 L92 (305) (227-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (117-443)], (130-214')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (92.6%) -IGKJ3*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97'')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (222-222":225-225")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
platelet-derived growth factor inhibitor

vasigrobart

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDGFB (sous-unité B du facteur de croissance dérivé des plaquettes)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde H-gamma4 *Homo sapiens* (1-443) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (117-214), charnière 1-12 S10>P (224) (215-226), CH2 L92 (305) (227-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (117-443)], (130-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (92.6%) -IGKJ3*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97'')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (222-222":225-225")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
inhibiteur du facteur de croissance dérivé des plaquettes

vasigrobart

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDGFB (subunidad B del factor de crecimiento derivado de las plaquetas)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada H-gamma4 *Homo sapiens* (1-443) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (117-214), bisagra 1-12 S10>P (224) (215-226), CH2 L92 (305) (227-336), CH3 (337-441), CHS (442-443)) (117-443)], (130-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (92.6%) -IGKJ3*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97'')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (222-222":225-225")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
inhibidor del factor de crecimiento derivado de plaquetas

3030730-59-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H⁺)
QVQLVQSGTE VKKPGASVKV SCKASGYTYG AYAISWVRQA PGQGLEWMGW 50
ISAYNGNTNY AQKFQDRVTM TTDSTNTAY MELRGLKSDD TAVYFCARAW 100
NSFDYWGQGT LVTSSASTK GPSVFPLAPC SRSTSESTAA LGCLVKDYFP 150
EPVTYSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVTVTPSS SLGKTTYTCN 200
VDHKPSNTKV DKRVESKYGP PCPPCPAPEF LGGPSVFLFP PKPKDTLMIS 250
RTPEVTCVVV DVSQEDPEVQ FNWYVDGVEV HNAKTKPREE QFNSTYRVVS 300
VLTVLHQDWL NGKEYCKKVS NKGLPSSIEK TISKAKGQPR EPQVYTLPPS 350
QEEMTKNQVS LTCLVKGFYP SDIAVEWESN GQPENNYKTT PPVLDSDGSF 400
FLYSRLTVDK SRWQEGNVFS CSMHEALHN HYTKSLSLS LGK 443

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L⁺)
DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCQASQDIR KNLNMYQQKP GKAPKLLISD 50
ASTLETGVPS RFSGSGSGTD FTFTISSLQP EDIAKYQCQ YYNLPFTFGP 100
GTKVDIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 143-199 257-317 363-421
22"-96" 143"-199" 257"-317" 363"-421"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 130-214" 130"-214"
Inter-H-H (h 8, h 11) 222-222" 225-225"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 293, 293"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados

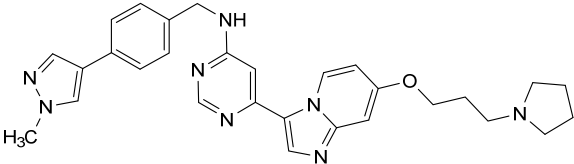
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 443, 443"

velvakimentum #
velvakiment

immunoglobulin only-VH, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukin 17A, IL-17A)], *Homo sapiens* monoclonal antibody only-VH;
only-VH chain *Homo sapiens* (H) (1-120) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-7*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-120)], produced in the bacteria *Escherichia coli* (*E. coli*), non-glycosylated
immunomodulator

velvakiment

immunoglobuline VH-seulement, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukine 17A, IL-17A)], VH-seulement anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne VH-seulement *Homo sapiens* (H) (1-120) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-7*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-120)], produit dans la bactérie *Escherichia coli* (*E. coli*), non-glycosylé
immunomodulateur

velvakiment	immunoglobulina VH-solamente, anti-[<i>Homo sapiens</i> IL17A (interleukina 17A, IL-17A)], VH-solamente anticuerpo monoclonal <i>Homo sapiens</i>; cadena VH-solamente <i>Homo sapiens</i> (H) (1-120) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-7*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-120)], producido en la bacteria <i>Escherichia coli</i> (<i>E. coli</i>), no glicosilado <i>inmunomodulador</i> 3036636-75-3 Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada : VH (H) EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYSMYWVRQA PGKGLEWVAE 50 IKQDGSVQYY VSDVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TAVYYCAKGE 100 ILPLYFDYWG QGTLVTVSSA 120 Post-translational modifications Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro Intra-H (C23-C104) 22-96 Total number of disulfide bridges: 1 (1 intra-) No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningun posición de N-glicosilación
velzatinibum velzatinib	<i>N</i>-{[4-(1-methyl-1<i>H</i>-pyrazol-4-yl)phenyl]methyl}-6-{7-[3-(pyrrolidin-1-yl)propoxy]imidazo[1,2-<i>a</i>]pyridin-3-yl}pyrimidin-4-amine <i>tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic</i>
velzatinib	<i>N</i>-{[4-(1-méthyl-1<i>H</i>-pyrazol-4-yl)phényl]méthyl}-6-{7-[3-(pyrrolidin-1-yl)propoxy]imidazo[1,2-<i>a</i>]pyridin-3-yl}pyrimidin-4-amine <i>inhibiteur de tyrosine kinase, antinéoplasique</i>
velzatinib	<i>N</i>-{[4-(1-metil-1<i>H</i>-pirazol-4-il)fenil]metil}-6-{7-[3-(pirrolidin-1-il)propoxi]imidazo[1,2-<i>a</i>]piridin-3-il}pirimidin-4-amina <i>inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico</i> C₂₉H₃₂N₈O 2590556-80-0  The chemical structure of velzatinib is shown. It features a central pyrimidine ring substituted at the 4-position with an amine group. This amine group is further substituted with a 6-(7-[3-(pyrrolidin-1-yl)propoxy]imidazo[1,2-a]pyridin-3-yl) group and a 4-(1-methyl-1H-pyrazol-4-yl)phenyl group. The pyrazole ring has a methyl group at the 1-position. The pyridine ring is substituted at the 3-position with a propoxy group, which is further substituted with a pyrrolidine ring.
vemzatatugum # vemzatatug	immunoglobulin G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> GPRC5D (G protein-coupled receptor class C group 5 member D)], humanized monoclonal antibody; H-gamma1 heavy chain humanized (1-454) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-7*01 (86.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.10.15] (26-33.51-60.99-113)) (1-124) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14(CH1 K120 (221) (125-222), hinge 1-15 (223-237), CH2 (238-347), CH3 D12 (363), L14 (365) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-214')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-16*01 (89.5%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i>

	IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214'); dimer (233-233":236-236")-bisdisulfide, produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, glycoform alfa <i>antineoplastic</i>
vemzatatug	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> GPRC5D (membre D du groupe 5 de la classe C des récepteurs couplés aux protéines G)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-454) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-7*01 (86.0%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.10.15] (26-33.51-60.99-113)) (1-124) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (221) (125-222), charnière 1-15 (223-237), CH2 (238-347), CH3 D12 (363), L14 (365) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-16*01 (89.5%) - IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214'); dimère (233-233":236-236")-bisdisulfure, produit dans une lignée cellulaire des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa <i>antineoplasique</i>
vemzatatug	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> GPRC5D (miembro D del grupo 5 de la clase C de los receptores acoplados a proteínas G)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-454) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-7*01 (86.0%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.10.15] (26-33.51-60.99-113)) (1-124) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (221) (125-222), bisagra 1-15 (223-237), CH2 (238-347), CH3 D12 (363), L14 (365) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-16*01 (89.5%) - IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214'); dímero (233-233":236-236")-bisdisulfuro, producido en una línea celular de las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa <i>antineoplásico</i>

3035714-52-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H^{''})
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS DYWMNWVRQA PGKGLEWVAE 50
IRLKSNNYAT HYAESVKGRF TISRDNAKNS LYQMNSLRA EDTAVYYCAR 100
PLLWFRYYA MDYWGGQTLV TVSSASTKGP SVFPLAPSSK STSGGTAALG 150
CLVKDYFPEP VTVSWNSGAL TSGVHTFPAV LQSSGLYSLS SVVTVPSSSL 200
GTQTYICNVN HKPSNTKVDK KVEPKSCDKT HTCPCCPAPE LLGGPSVFLF 250
PPKPKDTLMI SRTPEVTCVV VDVSHEDPEV KFNWYVDGVE VHNAKTKPRE 300
EQYNSTYRVV SVLTVLHQDW LNGKEYKCKV SNKALPAPIE KTISKAKGQP 350
REPQVYTLPP SRDELTKNQV SLTCLVKGFY PSDIAVEWES NGQPENNYKT 400
TPPVLDSDGS FFLYSLKTV D KSRWQQGNVF SCSVMHEALH NHYTQKSLSL 450
SPGK 454

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L^{''})
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCSASQGIS NYLNWYQQKP GKAPKLLIYY 50
TSSLHSGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ YSKLPFTFGQ 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-98 151-207 268-328 374-432
22"-98 151"-207" 268"-328" 374"-432"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'''-88''' 134'''-194'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 227-214' 227"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 233-233" 236-236"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 304, 304"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 454, 454"

vemzatatugum vedotinum #

vemzatatug vedotin immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* GPRC5D (G protein-coupled receptor class C group 5 member D)], humanized monoclonal antibody; conjugated on an average of four cysteinyl residues to *vedotin*, comprising a cleavable linker and monomethylauristatin E (MMAE);
H-gamma1 heavy chain humanized (1-454) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-7*01 (86.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.10.15] (26-33.51-60.99-113)) (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (221) (125-222), hinge 1-15 (223-237), CH2 (238-347), CH3 D12 (363), L14 (365) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-214')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (89.5%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97'')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (233-233":236-236")-bisdisulfide, produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, glycoform alfa; substituted at the sulfur atoms of an average of four L-cysteinyl residues among 227, 233, 236, 214', 227", 233", 236" and 214"" with (3RS)-1-(6-[[[(2S)-1-[[[(2S)-5-(carbamoylamino)-1-[4-[[[(2S)-1-[[[(2S)-1-[[[(3R,4S,5S)-1-[(2S)-2-[[[(1R,2R)-3-[[[(1S,2R)-1-hydroxy-1-phenylpropan-2-yl]amino]-1-methoxy-2-methyl-3-oxopropyl]pyrrolidin-1-yl]-3-methoxy-5-methyl-1-oxoheptan-4-yl](methyl)amino]-3-methyl-1-oxobutan-2-yl]amino]-3-methyl-1-oxobutan-2-yl](methyl)carbamoyl]oxy)methyl]anilino]-1-oxopentan-2-yl]amino]-3-methyl-1-oxobutan-2-yl]amino]-6-oxohexyl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl] (*vedotin*) groups
antineoplastic

vemzatatug védotíne	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> GPRC5D (membre D du groupe 5 de la classe C des récepteurs couplés aux protéines G)], anticorps monoclonal humanisé ; conjugué par quatre résidus cystéinyle en moyenne à la <i>védotíne</i>, comprenant un linker clivable et monométhylauristatine E (MMAE); chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-454) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-7*01 (86.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.10.15] (26-33.51-60.99-113)) (1-124) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (221) (125-222), charnière 1-15 (223-237), CH2 (238-347), CH3 D12 (363), L14 (365) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-16*01 (89.5%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (233-233":236-236")-bisdisulfure, produit dans une lignée cellulaire des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa; substitué sur l'atome de soufre d'une moyenne de quatre résidus L-cystéinyle parmi 227, 233, 236, 214', 227", 233", 236" et 214'" avec des groupes (3RS)-1-(6-[[[(2S)-1-[[[(2S)-5-(carbamoylamino)-1-{4-[[[(2S)-1-[[[(2S)-1-[[[(3R,4S,5S)-1-[(2S)-2-[(1R,2R)-3-[[[(1S,2R)-1-hydroxy-1-phénylpropan-2-yl]amino]-1-méthoxy-2-méthyl-3-oxopropyl]pyrrolidin-1-yl]-3-méthoxy-5-méthyl-1-oxoheptan-4-yl](méthyl)amino]-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl]amino]-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl](méthyl)carbamoyl]oxy)méthyl]anilino]-1-oxopentan-2-yl]amino]-3-méthyl-1-oxobutan-32-yl]amino]-6-oxohexyl)-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle (<i>védotíne</i>) <i>antinéoplasique</i>
vemzatatug vedotína	immunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> GPRC5D (miembro D del grupo 5 de la clase C de los receptores acoplados a proteínas G)], anticuerpo monoclonal humanizado; conjugado en una media de cuatro residuos cisteinilo a la <i>vedotína</i>, que comprende un enlace escindible y monometilauristatina E (MMAE); cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-454) [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-7*01 (86.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.10.15] (26-33.51-60.99-113)) (1-124) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (221) (125-222), bisagra 1-15 (223-237), CH2 (238-347), CH3 D12 (363), L14 (365) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-16*01 (89.5%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (233-233":236-236")-bisdisulfuro, producido en una línea celular de las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa; sustituido en los átomos de azufre de un promedio de cuatro residuos de L-cisteinilo entre 227, 233, 236, 214', 227", 233", 236" y 214'" con grupos (3RS)-1-(6-[[[(2S)-1-[[[(2S)-5-(carbamoylamino)-1-{4-[[[(2S)-1-[[[(2S)-1-[[[(3R,4S,5S)-1-[(2S)-2-[[[(1R,2R)-3-[[[(1S,2R)-1-fenil-1-hidroxipropan-2-il]amino]-2-metil-1-metoxi-3-oxopropil]pirrolidin-1-il]-5-metil-3-metoxi-1-oxoheptan-4-il](metil)amino]-3-metil-1-oxobutan-2-il]amino]-3-metil-1-oxobutan-2-il](metil)carbamoyl]oxi)metil]anilino]-1-oxopentan-2-il]amino]-3-metil-1-oxobutan-32-il]amino]-6-oxohexil)-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo (<i>vedotína</i>) <i>antineoplásico</i>

3035714-53-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS DYWMNWVRQA PGKGLEWVAE 50
 IRLKSNNYAT HYAESVKGRF TISRDNANKS LYLQMNLSRA EDTAVVYCAR 100
 PLLWFRYYA MDYWGQGTLV TVSSASTKGP SVFPLAPSSK STSGGTAALG 150
 CLVKDYFPPEP VTSVWNSGAL TSGVHTFPAP LQSSGLYSL SSVTVPSSSL 200
 GTQTYICNVN HKPSNTKVDK KVEPKSCDKT HTCPCCPAPE LGGPSVFLF 250
 PPKPKDTLMI SRTPEVTCVV VDVSHEDPEV KFNWYVDGVE VHNAKTKPRE 300
 EQYNSTYRVV SVLTVLHQDW LNKKEYKCKV SNKALPAPIE KTISKAKGQP 350
 REPQVYTLPP SRDELTKNQV SLTCLVKGFY PSDIAVEWES NGQPENNYKT 400
 TPPVLDSDGS FFLYSLKLTVD KSRWQQGNVF SCSVMHEALH NHYTKQSLSL 450
 SPGK 454

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCSASQGIS NYLNWYQKP GKAPKLLIYY 50
 TSSLHSGVPS RFGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ YSKLPFTFGQ 100
 GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSK STYSLSSLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
 LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-98 151-207 268-328 374-432
 22"-98 151"-207" 268"-328" 374"-432"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
 23"'-88'" 134"'-194'"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 227-214' 227"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 233-233" 236-236"

*Two or three of the four inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 4 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

*Deux ou trois des quatre ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 4 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

*Dos o tres de los cuatro puentes disulfuro inter-catenarios no están presentes, una media de 4 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH₂N84.4: 304, 304"

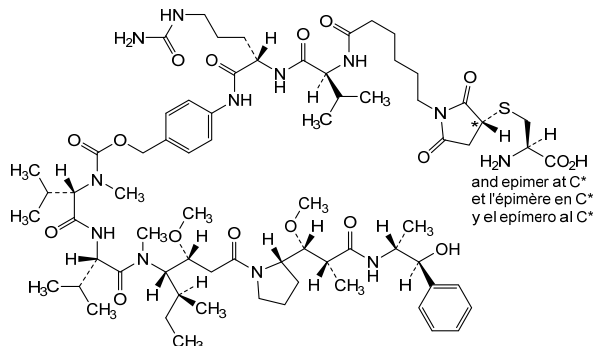
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 454, 454"

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados*

C (227, 233, 236, 214', 227", 233", 236", 214")

*(*vedotin*:mAb ~ 4:1)

vizenpistatum

vizenpistat

4-(6,7-dimethoxyquinazolin-4-yl)-1,4-diazepane-1-sulfonamide
ectonucleotide pyrophosphatase/phosphodiesterase 1 (ENPP1)
inhibitor, antineoplastic

vizenpistat

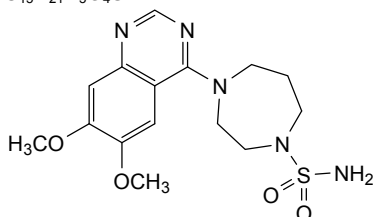
4-(6,7-diméthoxyquinazolin-4-yl)-1,4-diazépane-1-sulfonamide
inhibiteur de l'ectonucléotide pyrophosphatase/phosphodiesterase
1 (ENPP1), antinéoplasique

vizenpistat

4-(6,7-dimetoxiquinazolin-4-il)-1,4-diazepano-1-sulfonamida
inhibidor de la pirofosfatasa/fosfodiesterasa 1 (ENPP1) de
ectonucleótidos, antineoplásico

C₁₅H₂₁N₅O₄S

2687222-58-6

**vobramitamabum tavatecanum #**

vobramitamab tavatecan

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD276 (B7H3, B7-H3, B7-related protein 2, B7RP2, B7RP-2, B7 homolog 3, B7 homologue 3)], humanized monoclonal antibody; conjugated to the the camptothecin derivative *exatecan* via a linker;
H-gamma1 heavy chain humanized (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-7*01 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (214) (118-215), hinge 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-215')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27-32.50-52.89-98)) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-S; substituted at N⁴ of the L-asparaginyl residues 297 and 297" with two 2-acetamido-2,6-dideoxy-6-[(5a*RS*,6*SR*,6a*SR*)-6-{13-[(1'¹S,1'⁹S,9*S*,12*S*,24*S*,27*S*,35'¹S,35'⁹S)-1'⁹,35'⁹-diethyl-1'⁵,35'⁵-difluoro-1'⁹,35'⁹-dihydroxy-1'⁴,9,27,35'⁴-tetramethyl-1'¹⁰,1'¹³,3,8,11,14,22,25,28,33,35'¹⁰,35'¹³-dodecaoxo-12,24-di(propan-2-yl)-1'²,1'³,1'⁹,1'¹⁰,1'¹³,1'¹⁵,35'²,35'³,35'⁹,35'¹⁰,35'¹³,35'¹⁵-dodecahydro-1'¹H,1'¹²H,35'¹H,35'¹²H-4,15,21,32-tetraoxa-2,7,10,13,18,23,26,29,34-nonaaza-1,35(1)-bis(benzo[*de*]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolina)-6,30(1,4)-dibenzenapentatriacontaphane-18-sulfonamido]-3,5,5,13-tetraoxo-2,9,12-trioxa-5*λ*⁶-thia-4,6-diazatridecan-1-yl]-5,5a,6,6a,7,8-hexahydrocyclopropa[5,6]cycloocta[1,2-*d*][1,2,3]triazol-1(4*H*)-yl]-β-D-galactopyranosyl-(1→4)-[6-deoxy-α-L-galactopyranosyl-(1→6) and unsubstituted 1:9]-2-acetamido-2-deoxy-β-D-glucopyranosyl (*tavatecan*) groups
antineoplastic

vobramitamab tavatécan

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD276 (B7H3, B7-H3, protéine 2 liée à B7, B7RP2, B7RP-2, B7 homolog 3, B7 homologue 3)], anticorps monoclonal humanisé; conjugué au *exatécan* (un dérivé du camptothécine) via un linker;

chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-447) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-7*01 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (214) (118-215), charnière 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27-32.50-52.89-98)) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-S; substitué en N⁴ des résidus L-asparaginyle 297 et 297" avec deux groupes 2-acétamido-2,6-didésoxy-6-[(5aRS,6SR,6aSR)-6-{13-[(1¹S,1⁹S,9S,12S,24S,27S,35¹S,35⁹S)-1⁹,35⁹-diéthyl-1⁵,35⁵-difluoro-1⁹,35⁹-dihydroxy-1⁴,9,27,35⁴-tétraméthyl-1¹⁰,1¹³,3,8,11,14,22,25,28,33,35¹⁰,35¹³-dodécaoxo-12,24-di(propan-2-yl)-1²,1³,1⁹,1¹⁰,1¹³,1¹⁵,35²,35³,35⁹,35¹⁰,35¹³,35¹⁵-dodécahydro-1¹H,1¹²H,35¹H,35¹²H-4,15,21,32-tétraoxa-2,7,10,13,18,23,26,29,34-nonaaza-1,35(1)-bis(benzo[de]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinoléine)-6,30(1,4)-dibenzénapentatriacontaphane-18-sulfonamido]-3,5,5,13-tétraoxo-2,9,12-trioxa-5a⁶-thia-4,6-diazatridécan-1-yl)-5,5a,6,6a,7,8-hexahydrocyclopropa[5,6]cycloocta[1,2-d][1,2,3]triazol-1(4H)-yl]-β-D-galactopyranosyl-(1→4)-[6-désoxy-α-L-galactopyranosyl-(1→6) et non substitué 1:9]-2-acétamido-2-désoxy-β-D-glucopyranosyle (tavatécan)
antineoplasique

vobramitamab tavatecán

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo* CD276 (B7H3, B7-H3, protéína 2 de unión con B7, B7RP2, B7RP-2, B7 homólogo 3, B7 homólogo 3)], anticuerpo monoclonal humanizado; conjugado con exatecán (un derivado de camptotecina) a través de un enlace; cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-447) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-7*01 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (214) (118-215), bisagra 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27-32.50-52.89-98)) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-S; substituido en N⁴ de los residuos L-asparaginilo 297 y 297" con dos grupos 2-acetamido-2,6-didesoxi-6-[(5aRS,6SR,6aSR)-6-{13-[(1¹S,1⁹S,9S,12S,24S,27S,35¹S,35⁹S)-1⁹,35⁹-diétil-1⁵,35⁵-difluoro-1⁹,35⁹-dihidroxi-1⁴,9,27,35⁴-tetrametil-1¹⁰,1¹³,3,8,11,14,22,25,28,33,35¹⁰,35¹³-dodécaoxo-12,24-di(propan-2-il)-1²,1³,1⁹,1¹⁰,1¹³,1¹⁵,35²,35³,35⁹,35¹⁰,35¹³,35¹⁵-dodécahidro-1¹H,1¹²H,35¹H,35¹²H-4,15,21,32-tetraoxa-2,7,10,13,18,23,26,29,34-nonaaza-1,35(1)-bis(benzo[de]pirano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinoleína)-6,30(1,4)-dibencenapentatriacontafano-18-sulfonamido]-3,5,5,13-tetraoxo-2,9,12-trioxa-5a⁶-tia-4,6-diazatridecan-1-il)-5,5a,6,6a,7,8-hexahidrociclopropa[5,6]cicloocta[1,2-d][1,2,3]triazol-1(4H)-il]-β-D-galactopiranosil-(1→4)-[6-desoxi-α-L-galactopiranosil-(1→6) y no sustituido 1:9]-2-acetamido-2-desoxi-β-D-glucopiranosilo (tavatecán)
antineoplasico

3036552-56-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H')

```

EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS SYGMSWVRQA PGKGLEWVAT 50
INSGGSNTYY PDSLKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TAVYYCARHD 100
GGAMDYWGQG TTVTVSSAST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVTVPS SSLGTQTYIC 200
NVNHKPSNTK VDKRVEPKSC DKHTTCPPCP APELLGGPSV FLFPPKPKDT 250
LMISRTPEVT CVVVDVSHED FEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQYNSTY 300
RVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK GQPREPQVYT 350
LPSPREEMTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTPPVLD 400
DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVME ALHNHYTQKS LSLSPGK 447

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L')

```

DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCRASESIY SYLAWYQQKP GKAPKLLVYN 50
TKTLPEGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQH HYGTPPWTFG 100
QGTRLEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNNE YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYLSSTL TLSKADYEKH KVIACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGEK 215

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 144-200 261-321 367-425

22"-96" 144"-200" 261"-321" 367"-425"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 135'-195'

23'''-88''' 135'''-195'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 220-215' 220"-215"

Inter-H-H (h 11, h 14) 226-226" 229-229"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 297, 297"

Partially fucosylated special disaccharides conjugated to two exatecan molecules each /

Disaccharides spéciaux partiellement fucosylés, conjugués chacun à deux molécules d'exatécane / Disacáridos especiales parcialmente fucosilados conjugados con dos moléculas de exatécane cada uno.

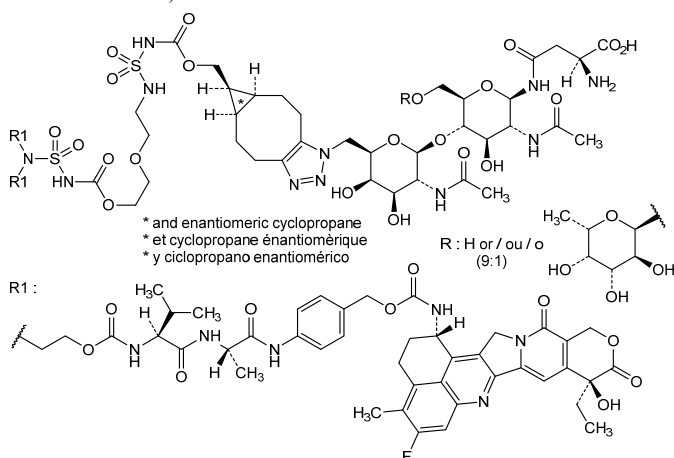
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 447, 447"

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados

N (297, 297")

(tavatecan:mAb ~ 1.9:1)



voderdeucitinibum

voderdeucitinib

6-(cyclopropanecarboxamido)-4-[(2,5-diméthyl-4,5-dihydro-2H-pyrazolo[4,3-c]quinolin-6-yl)amino]-N-(²H₃)méthylpyridine-3-carboxamide

Janus kinase inhibitor, anti-inflammatory

voderdeucitinib

6-(cyclopropanecarboxamido)-4-[(2,5-diméthyl-4,5-dihydro-2H-pyrazolo[4,3-c]quinolin-6-yl)amino]-N-(²H₃)méthylpyridine-3-carboxamide

inhibiteur de tyrosine kinase Janus, anti-inflammatoire

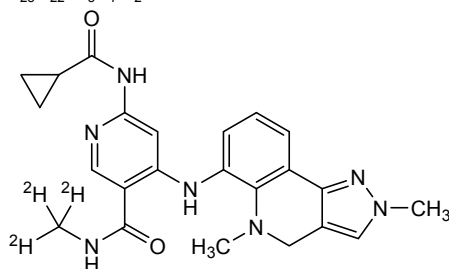
voderdeucitinib

6-(ciclopropanecarboxamido)-4-[(2,5-diméthil-4,5-dihidro-2H-pirazolo[4,3-c]quinolin-6-il)amino]-N-(²H₃)metilpiridina-3-carboxamida

inhibidor de tirosina kinasa Janus, antiinflamatorio

C₂₃H₂₂²H₃N₇O₂

2824164-00-1

**zacamecgenum parvecum #**

zacamecgene parvec

recombinant non-replicating adeno-associated virus serotype 9 (rAAV9) vector encoding human methyl-CpG-binding protein 2 (MeCP2) under control of the cytomegalovirus (CMV)/chicken beta actin (CBA) promoter, a shortened Woodchuck hepatitis virus post-transcriptional regulatory element (WPRE3) and a simian virus 40 (SV40) polyadenylation signal; flanked by AAV2 inverted terminal repeats. The expression construct also contains a synthetic intron, derived from the adenovirus genome, that comprises a non-naturally occurring miRNA sequence 5' to the transgene, and a 3' UTR sequence containing the complementary miRNA binding sites for the non-natural miRNA resulting in regulation of transgenic protein expression
gene therapy (Rett syndrome)

zacamecène parvec

vecteur recombinant non réplcatif du virus adéno-associé de sérotype 9 (rAAV9) codant la protéine 2 de liaison au méthyle-CpG (MeCP2) humaine, sous le contrôle du promoteur cytomégalo-virus (CMV)/bêta-actine de poulet (CBA), d'un élément régulateur post-transcriptionnel raccourci du virus de l'hépatite de la marmotte (WPRE3) et d'un signal de polyadénylation du virus simien 40 (SV40); flanqué de répétitions terminales inversées d'AAV2. La construction d'expression contient également un intron synthétique, dérivé du génome de l'adénovirus, comprenant une séquence de miARN non naturelle en 5' du transgène, et une séquence UTR en 3' contenant les sites de liaison complémentaires du miARN non naturel, ce qui permet de réguler l'expression de la protéine transgénique
thérapie génique (syndrome de Rett)

zacamecégén parvec

vector de virus adenoasociado del serotipo 9, recombinante (rAAV9), no replicativo, que codifica la proteína de unión a metil-CpG 2 (MeCP2) humana bajo el control del promotor del citomegalovirus (CMV)/promotor de beta actina de pollo (CBA), un elemento regulador post-transcripcional del virus de la hepatitis de la marmota recortado (WPRE3) y una señal de poliadenilación del virus simio 40 (SV40); flanqueado por repeticiones terminales invertidas de AAV2. El constructo de expresión también contiene un intrón sintético, derivado del genoma del adenovirus, que contiene una secuencia de ARNm que no existe de forma natural en 5' del transgén, y una secuencia 3' UTR que contiene los sitios de unión complementarios al ARNm para el ARNm no natural, lo que resulta en la regulación de la expresión de la proteína transgénica
terapia génica (síndrome de Rett)

3035440-86-6

zalgoleucelum

zalgoleucel

autologous neoantigen-specific T lymphocytes prepared from peripheral blood mononuclear cells (PBMCs), collected by apheresis from patients with newly diagnosed glioblastoma with O⁶-methylguanine-DNA methyltransferase (MGMT)-unmethylated promoter. The apheresis occurs approximately two weeks after immunotherapy with autologous attenuated cancer cells given subcutaneously together with an immunologic adjuvant. The cells are cultured initially in medium containing recombinant murine anti-human CD3 antibody for activation and then expanded in medium containing interleukin 7 and interleukin 15. The final cells consist of >70% CD3+ lymphocytes and comprise a mixture of CD4+ and CD8+ T lymphocytes. The cells upregulate expression of markers CD71 (transferrin receptor), CD45RO (effector memory T lymphocytes) and CD25 (IL-2 receptor) upon activation and demonstrate increased secretion of interferon gamma (IFN-γ), interleukin 10 (IL-10), and tumor necrosis factor alpha (TNF-α)
cell therapy (antineoplastic)

zalgoleucel

lymphocytes T autologues spécifiques du néoantigène, préparés à partir de cellules mononucléaires du sang périphérique (CMSP), prélevés par aphérèse chez des patients atteints d'un glioblastome récemment diagnostiqué, avec un promoteur non méthylé de la O⁶-méthylguanine-ADN méthyltransférase (MGMT). L'aphérèse a lieu environ deux semaines après une immunothérapie par cellules cancéreuses atténuées autologues administrées par voie sous-cutanée avec un adjuvant immunologique. Les cellules sont d'abord cultivées dans un milieu contenant un anticorps murin recombiné, anti-CD3 humain pour l'activation, puis multipliées dans un milieu contenant de l'interleukine 7 et de l'interleukine 15. Les cellules finales sont constituées de plus de 70% de lymphocytes CD3+ et d'un mélange de lymphocytes T CD4+ et CD8+. Les cellules régulent à la hausse l'expression des marqueurs CD71 (récepteur de la transferrine), CD45RO (lymphocytes T à mémoire effecteurs) et CD25 (récepteur de l'IL-2), lors de l'activation et démontrent une sécrétion accrue d'interféron gamma (IFN-γ), d'interleukine 10 (IL-10) et de facteur de nécrose tumorale alpha (TNF-α)
thérapie cellulaire (antinéoplasique)

zalgoleucel

linfocitos T autólogos específicos de neoantígenos, preparados a partir de células mononucleares de sangre periférica (PBMCs) recogidas por leucoaféresis de pacientes con glioblastoma recién diagnosticado con el promotor de la O⁶-metilguanina-ADN metiltransferasa (MGMT) sin metilar. La aféresis ocurre aproximadamente dos semanas después de la inmunoterapia con células cancerosas atenuadas autólogas administradas subcutáneamente junto con un adyuvante inmunológico. Las células se cultivan inicialmente in medio que contiene anticuerpo murino anti-CD3 humano para activarlas y después se expanden en medio que contiene interleuquina 7 e interleuquina 15. Las células finales consisten en >70% de linfocitos CD3+ y constan de una mezcla de linfocitos T CD4+ y CD8+. Las células aumentan la expresión de los marcadores CD71 (receptor de transferrina), CD45RO (linfocitos T de memoria efectora) y CD25 (receptor de IL-2) tras la activación y muestran aumento de secreción de interferón gamma (IFN-γ), interleuquina 10 (IL-10) y factor de necrosis tumoral alfa (TNF-α)

terapia celular (antineoplásico)

zalobliddegum

zalobliddeg

rac-2-[[4¹(4³)-trans-(1³R)-7⁵-chloro-2⁴-fluoro-1²,1⁶,2¹,9²-tetraoxo-9¹-(propan-2-yl)-2¹,2³,9¹,9²-tetrahydro-5-oxa-8-aza-9(6)-quinolina-2(2,5)-isoindola-7(2,4)-pyrimidina-1(3),3,6(4,1)-tripiperidina-4(1,3)-cyclobutananonaphan-9³-yl]oxy}-N-methylacetamide
B-cell lymphoma 6 (BCL6) degradation inducer, antineoplastic

zalobliddeg

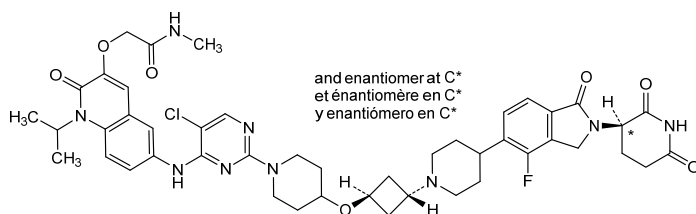
rac-2-[[4¹(4³)-trans-(1³R)-7⁵-chloro-2⁴-fluoro-1²,1⁶,2¹,9²-tétraoxo-9¹-(propan-2-yl)-2¹,2³,9¹,9²-tétrahidro-5-oxa-8-aza-9(6)-quinoléina-2(2,5)-isoindola-7(2,4)-pirimidina-1(3),3,6(4,1)-tripéridina-4(1,3)-ciclobutananonafan-9³-yl]oxy}-N-méthylacétamide
inducteur de la dégradation de la protéine 6 du lymphome à cellules B (BCL6), antinéoplasique

zalobliddeg

rac-2-[[4¹(4³)-trans-(1³R)-7⁵-cloro-2⁴-fluoro-1²,1⁶,2¹,9²-tetraoxo-9¹-(propan-2-il)-2¹,2³,9¹,9²-tetrahidro-5-oxa-8-aza-9(6)-quinoleína-2(2,5)-isoindola-7(2,4)-pirimidina-1(3),3,6(4,1)-tripiperidina-4(1,3)-ciclobutananonafan-9³-il]oxi}-N-metilacetamida
inductor de la degradación de la proteína 6 del limfoma de células B, antineoplásico

C₄₆H₅₃ClFN₉O₇

2851885-95-3



zamristobartum

zamristobart

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* LILRB1 (leukocyte immunoglobulin-like receptor B1, ILT2, LIR-1, MIR7, CD85j)], monoclonal antibody;
H-gamma4 heavy chain (1-446) [VH Musmus/Homsap (*Mus*

musculus IGHV3-6*01 (90.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (94.1%)/*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (81.2%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (90.9%), CDR-IMGT [9.7.12] (26-34.52-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 6-G4v3 CH2 E1.2 (CH1 (120-217), hinge 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 L1.2>E (234), L92 (308) (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (120-447)], (133-213')-disulfide with L-kappa light chain (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (85.3%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.8] (27'-32'.50'-52'.89'-96')) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (152'), V101 (190')) (107'-213')]; dimer (225-225":228-228")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-DG44, glycoform alfa
immunostimulant, antineoplastic

zamristobart

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* LILRB1 (récepteur B1 immunoglobuline-like des leucocytes, ILT2, LIR-1, MIR7, CD85j)], anticorps monoclonal; chaîne lourde H-gamma4 (1-446) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV3-6*01 (90.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (94.1%)/*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (81.2%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (90.9%), CDR-IMGT [9.7.12] (26-34.52-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 6-G4v3 CH2 E1.2 (CH1 (120-217), charnière 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 L1.2>E (234), L92 (308) (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (120-447)], (133-213')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (85.3%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.8] (27'-32'.50'-52'.89'-96')) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (152'), V101 (190')) (107'-213')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-DG44, glycoforme alfa
immunostimulant, antinéoplasique

zamristobart

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* LILRB1 (receptor B1 como la inmunoglobulina de los leucocitos, ILT2, LIR-1, MIR7, CD85j)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada H-gamma4 (1-446) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV3-6*01 (90.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (94.1%)/*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (81.2%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (90.9%), CDR-IMGT [9.7.12] (26-34.52-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 6-G4v3 CH2 E1.2 (CH1 (120-217), bisagra 1-12 S10>P (227) (218-229), CH2 L1.2>E (234), L92 (308) (230-339), CH3 (340-444), CHS (445-446)) (120-447)], (133-213')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa (1'-213') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (85.3%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.8] (27'-32'.50'-52'.89'-96')) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (152'), V101 (190')) (107'-213')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-DG44, forma glicosilada alfa
inmunoestimulante, antineoplásico

3036192-53-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H")
DVQLQGSGPG LVKPSETLSL TCSVTGYSIT SGYYWNWIRQ FPGKKLEWMG 50
YISYDGSNNY NPSLKNRITI SRDTSKNQFS LKLSNVTAAD TATYYCAHGY 100
SYYYAMDAGW QGTSVTVSSA STKGPSVFPL APCSRSTSES TAALGCLVKD 150
YFPEPVTYSW NSGALTSGVH TFPVQLQSSG LYSLSVVTV PSSSLGTKTY 200
TCNVDPKPSN TKVDKRVESK YGPPCPPCPA PEFEGGPSVF LFPPKPKDTL 250
MISRTPEVTC VVVDVSQEDP EVQFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQFNSTYR 300
VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNGKLPSS IEKTISKAKG QPREPQVYTL 350
PPSQEEMTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTTTPVLDSD 400
GSFFLYSRLT VDKSRWQEGN VFSCSVMHEA LHNHYTQKSL SLSLGK 446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L")
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRTSQDIS NYLNWYQQKP GKAVKLLISY 50
TSRLHSGVPS RFGSGSGSTD YTLTISSLQP EDFATYYCQQ GNTLPTFGQG 100
TKLEIKRTVA APSVFIFPPS DEQLKSGTAS VVCLNNFYF REAKVQWKVD 150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYSLSSTLTL SKADYEKHKV YACEVTHQGL 200
SSPVTKSFNR GEC 213

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 260-320 366-424
22"-96" 146"-202" 260"-320" 366"-424"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 133'-193'
23"'-88"" 133"'-193""
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 133-213' 133"-213"
Inter-H-H (h 8, h 11) 225-225" 228-228"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 296, 296"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 446, 446"

zarutatugum #
zarutatug

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CDH17 (cadherin 17)], humanized monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain humanized (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*02 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%) L123>T (117), V124>L (118), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) - *Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (219) (123-220), hinge 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-215')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1D-13*01 (84.2%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'-33'.51'-53'.90'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dimer (231-231":234-234")-bisdisulfide, produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, glycoform alfa
antineoplastic

zarutatug

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CDH17 (cadherine 17)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*02 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%) L123>T (117), V124>L (118), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) - *Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (219) (123-220), charnière 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-215')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1D-13*01 (84.2%) -IGKJ2*02 (100%),

CDR-IMGT [7.3.9] (27'-33'.51'-53'.90'-98'')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215'); dimère (231-231":234-234")-bisdisulfure, produit dans une lignée cellulaire des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa *antineoplasique*

zarutatug

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CDH17 (cadherina 17)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*02 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%) L123>T (117), V124>L (118), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) - *Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17, 1 CH1 K120, CH2 D12, L14 (CH1 K120 (219) (123-220), bisagra 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-215')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1D-13*01 (84.2%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'-33'.51'-53'.90'-98'')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215'); dímero (231-231":234-234")-bisdisulfuro, producido en una línea celular de las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa *antineoplásico*

3038456-02-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H')

QVQLVQSGAE VKKPGSSVKI SCKVSGYTFT DHTIHWMRQA PGQGLEWIGY 50
IFPRDDIVVY AQKFQGRATL TADKSTSTAY MELSSLRSER TAVYYCARPP 100
YYYSRNFYFD YWQGTTTLTV SSASTKGPSV FPLAPSSKST SGGTAALGCL 150
VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTPVSSSLGT 200
QTYICNVNHK PSNTKVDKKV EPKSCDKTHT CPPCPAPELL GGPSVFLFPP 250
KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
YNSTYRVVSV LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KALPAPIEKT ISKAKGQPRE 350
PQVYTLPPSR DELTKNQVSL TCLVKGFPYS DIAVEWESNG QPENNYKTTT 400
PVLDSGGSFF LYSKLTVDKS RWQQGNVFSC SVMHEALHNN YTQKSLSLSP 450
GK 452

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L', L'')

DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCRVSSII SSKLHWYQQK PGKAPKPLIY 50
GTSTLASGVP SRFSGSGSGT DYTLTISLQ PEDFATYYCQ QWSNYPFTFG 100
QGTLEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNNE YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYLSSTL TSLKADYEKH KVAACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGEK 215

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 149'-205" 266'-326" 372'-430"
22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"

Intra-L (C23-C104) 23'-89' 135'-195'
23"-89" 135"-195"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 225-215' 225"-215"

Inter-H-H (h 11, h 14) 231-231" 234-234"

N-terminal glutaminy cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 302, 302"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 452, 452"

zarutatugum vedotinum #

zarutatug vedotin

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CDH17 (cadherin 17)], humanized monoclonal antibody; conjugated on an average of four cysteinyl residues to *vedotin*, comprising a cleavable linker and monomethylauristatin E (MMAE); H-gamma1 heavy chain humanized (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*02 (81.6%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (86.7%) L123>T (117), V124>L (118), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) - *Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (219) (123-220), hinge 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-215')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1D-13*01 (84.2%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'-33'.51'-53'.90'-98')) (1'-108') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215'))]; dimer (231-231":234-234")-bisdisulfide, produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, glycoform alfa; substituted at the sulfur atoms of an average of four L-cysteinyl residues among 225, 231, 234, 215', 225", 231", 234" and 215" with (3*RS*)-1-(6-[[[(2*S*)-1-[[[(2*S*)-5-(carbamoylamino)-1-{4-[[[(2*S*)-1-[[[(2*S*)-1-[[[(3*R*,4*S*,5*S*)-1-{(2*S*)-2-[(1*R*,2*R*)-3-[[[(1*S*,2*R*)-1-hydroxy-1-phenylpropan-2-yl]amino]-1-methoxy-2-methyl-3-oxopropyl]pyrrolidin-1-yl]-3-methoxy-5-methyl-1-oxoheptan-4-yl](methyl)amino)-3-methyl-1-oxobutan-2-yl]amino)-3-methyl-1-oxobutan-2-yl](methyl)carbamoyl]oxy)methyl]anilino]-1-oxopentan-2-yl]amino)-3-methyl-1-oxobutan-2-yl]amino)-6-oxohexyl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl (*vedotin*) groups
antineoplastic

zarutatug védotine

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CDH17 (cadherine 17)], anticorps monoclonal humanisé; conjugué par quatre résidus cystéinyle en moyenne à la *védotine*, comprenant un linker clivable et monométhylauristatine E (MMAE); chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*02 (81.6%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (86.7%) L123>T (117), V124>L (118), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) - *Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (219) (123-220), charnière 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-215')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1D-13*01 (84.2%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'-33'.51'-53'.90'-98')) (1'-108') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215'))]; dimère (231-231":234-234")-bisdisulfure, produit dans une lignée cellulaire des cellules ovariennes

de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa; substitué sur l'atome de soufre d'une moyenne de quatre résidus L-cystéinyle parmi 225, 231, 234, 215', 225'', 231'', 234'' et 215''' avec des groupes (3RS)-1-(6-(((2S)-1-(((2S)-5-(carbamoylamino)-1-{4-(((2S)-1-(((2S)-1-(((3R,4S,5S)-1-((2S)-2-((1R,2R)-3-(((1S,2R)-1-hydroxy-1-phénylpropan-2-yl]amino)-1-méthoxy-2-méthyl-3-oxopropyl]pyrrolidin-1-yl)-3-méthoxy-5-méthyl-1-oxoheptan-4-yl](méthyl)amino)-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl]amino)-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl](méthyl)carbamoyl)oxy)méthyl]anilino)-1-oxopentan-2-yl]amino)-3-méthyl-1-oxobutan-3-yl]amino)-6-oxohexyl)-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle (*védotine*)
antinéoplasique

zarutatug vedotina

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CDH17 (cadherina 17)], anticuerpo monoclonal humanizado; conjugado en una media de cuatro residuos cisteinilo a la *vedotina*, que comprende un enlace escindible y monometilauristatina E (MMAE); cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*02 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%) L123>T (117), V124>L (118), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17.1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (219) (123-220), bisagra 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 D12 (361), L14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-215')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1D-13*01 (84.2%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'-33'.51'-53'.90'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dímero (231-231'':234-234'')-bisdisulfuro, producido en una línea celular de las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa; sustituido en los átomos de azufre de un promedio de cuatro residuos de L-cisteinilo entre 225, 231, 234, 215', 225'', 231'', 234'' y 215''' con grupos (3RS)-1-(6-(((2S)-1-(((2S)-5-(carbamoylamino)-1-{4-(((2S)-1-(((2S)-1-(((3R,4S,5S)-1-((2S)-2-((1R,2R)-3-(((1S,2R)-1-fenil-1-hidroxipropan-2-il]amino)-2-metil-1-metoxi-3-oxopropil]pirrolidin-1-il)-5-metil-3-metoxi-1-oxoheptan-4-il](metil)amino)-3-metil-1-oxobutan-2-il]amino)-3-metil-1-oxobutan-2-il](metil)carbamoyl)oxi)metil]anilino)-1-oxopentan-2-il]amino)-3-metil-1-oxobutan-32-il]amino)-6-oxohexil)-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo (*vedotina*)
antineoplásico

3038456-03-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE	VKKPGSSVKI	SCKVSGYTFT	DHTIHWMRQA	PGQGLEWIGY	50
IYPRDDIVY	AQRKFGGRTL	TADKSTSTAY	MELSSLRSD	TAGYVACRP	100
FFRNNIYFD	YWGQGTTLT	SASTAGKPS	FLAPSSKST	GGTAAALGGL	150
VKDYPEPFVPT	VSNMGSALG	GVTHTFPAVLQ	SGGLYSLSV	YTPVSSLLGT	200
QTYICNVNHS	PSNTKVDKKV	EPKSKDPTHT	PCPCPEALL	GGPSVSLFPT	250
KPKDTLMISV	TPEVTQGVND	VSHEDPEVKF	NWVVDGEVNH	NAKTKPREEQ	300
YNSTYIRLRV	LTVLHGQVDL	GKEYKCKVSN	KALPAPIETK	ISAKAQQPRE	350
PQVYTLPPSR	DELTKNQVSL	TLCKVGFPYS	DAIVAESNG	PENNYKNTPT	400
PLVDSGDSGF	LYSKLTVDKS	RWQQGNVFC	SVMHREALNH	YTQKSLSLSP	450
PK					452

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

Light chain ^a	Chain ^b region ^c	Ca ²⁺ chain ^d	
DIQMTQSPSS	LSASVGDRVT	ITCRVSSIIS	SSKLHWYQQK PGKAPKPLIY 50
GTSTLASGVP	SRFSGSGSGT	DYTLTISSLQ	PEDFATYYCQ QWSNYPFTFG 100
QGTHLEIKRT	VAAPSFIIFP	PSDEQLKSGT	ASVVCLLNNF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS	QESVTEQDSK	DSTYISLSTL	TLSKADYEKH KVVYACEVTHF 200
GLSSPVTKEH	NRGEC		215

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104)	22-96	149-205	266-326	372-430
--------------------	-------	---------	---------	---------

22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"

	22-36	113-203
Intra-L (C23-C104)	23'-89'	135'-195'

Interval E (C25-C104)	25"-89"	135"-195"
	23'''-89'''	135'''-195'''

Inter-H-L (h 5-CL 126)* 225-215' 225"-215'''

Inter-H-H (h 11, h 14)*	231-231"	234-234"
-------------------------	----------	----------

*Two or three of the four inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 4 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

*Deux ou trois des quatre ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 4 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

*Dos o tres de los cuatro puentes disulfuro inter-catenarios no están presentes, una media de 4 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl) / pyroglutamide (pE, 5-oxopropyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)

H V H O 1:1. 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 302.302"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

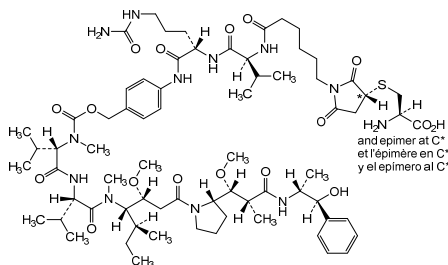
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

HCHSK2:452,452"

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados*

C (225, 231, 234, 215', 225", 231", 234", 215''')

*(*vedotin*:mAb ~ 4:1)



zavabresibum

zavabresib

4-[6-(3,5-dimethyl-1,2-oxazol-4-yl)-1-[1,1-di(pyridin-2-yl)ethyl]-1*H*-pyrrolo[3,2-*b*]pyridin-3-yl]benzoic acid
bromodomain and extra-terminal motif (BET) inhibitor; antineoplastic

zavabrésib

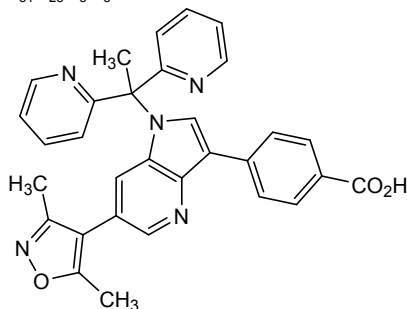
acide 4-{6-(3,5-diméthyl-1,2-oxazol-4-yl)-1-[1,1-di(pyridin-2-yl)éthyl]-1H-pyrrolo[3,2-b]pyridin-3-yl}benzoïque
*inhibiteur du bromodomaine et du motif extra-terminal (BET),
 antinéoplasique*

zavabresib

ácido 4-{6-(3,5-dimetil-1,2-oxazol-4-il)-1-[1,1-di(piridin-2-il)etil]-1H-pirrol[3,2-b]piridin-3-il}benzoico
*inhibidor del bromodominio y del motivo extra-terminal (BET),
 antineoplásico*

C₃₁H₂₅N₅O₃

2089390-09-8

**zefamenibum**

zefamenib

(8¹S,8^{3a}R,8^{6a}S)-3⁵-fluoro-8¹,8²,8³,8^{3a},8⁴,8⁵,8⁶,8^{6a}-octahydro-4-oxa-6²,6⁷-diaz-8(1)-cyclopenta[c]pyrrola-5(6,5)-[1,2,4]triazina-2(4,5)-pyrimidina-6(2,7)-spiro[3.5]nonana-3(1,2)-benzena-1(1)-cyclopropanaoctaphan-7-one
menin inhibitor, antineoplastic

zéfaménib

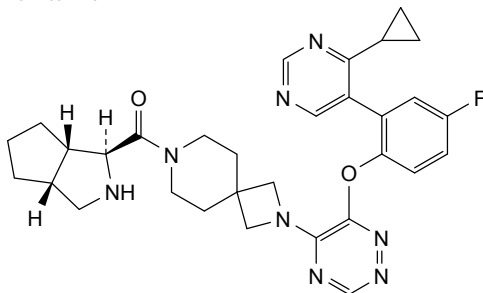
(8¹S,8^{3a}R,8^{6a}S)-3⁵-fluoro-8¹,8²,8³,8^{3a},8⁴,8⁵,8⁶,8^{6a}-octahydro-4-oxa-6²,6⁷-diaz-8(1)-cyclopenta[c]pyrrola-5(6,5)-[1,2,4]triazina-2(4,5)-pyrimidina-6(2,7)-spiro[3.5]nonana-3(1,2)-benzéna-1(1)-cyclopropanaoctaphan-7-one
inhibiteur de la ménine, antinéoplasique

zefamenib

(8¹S,8^{3a}R,8^{6a}S)-3⁵-fluoro-8¹,8²,8³,8^{3a},8⁴,8⁵,8⁶,8^{6a}-octahidro-4-oxa-6²,6⁷-diaz-8(1)-ciclopenta[c]pirrola-5(6,5)-[1,2,4]triazina-2(4,5)-pirimidina-6(2,7)-espiro[3.5]nonana-3(1,2)-bencena-1(1)-ciclopropanaoctafan-7-ona
inhibidor de la menina, antineoplásico

C₃₁H₃₅FN₈O₂

2938995-50-5



zelestrocelum**zelestrocel**

allogeneic mesenchymal stromal cells (MSC) prepared from subcutaneous adipose tissue of healthy donors, collected by liposuction. The adipose tissue is enzymatically digested, and the released cells are placed in culture media containing a low percentage of fetal bovine serum (FBS) and recombinant basic fibroblast growth factor (bFGF), under hypoxic conditions ($<10\%$ O_2). The isolated cells are frozen to generate a master cell bank (MCB) at an early passage, and then resuscitated and culture expanded under the same conditions. The cells express mesenchymal stromal cell marker cluster of differentiation 73 (CD73), CD90, and CD105 (all $\geq 95\%$) and do not express CD14, CD19, CD34, and CD45 ($\leq 2\%$). The cells demonstrate tri-lineage differentiation capability (adipocyte, osteoblast and chondrocyte differentiation). The *in vitro* activated cells express cytokines including vascular endothelial growth factor (VEGF) and transforming growth factor beta (TGF- β) when exposed to hypoxia and upregulate soluble TNF receptor type 1 (sTNFR1) and indoleamine 2,3-dioxygenase (IDO) enzyme expression in response to pro-inflammatory cytokines
cell therapy (tissue regeneration)

zélestrocel

cellules stromales mésenchymateuses (CSM) allogéniques préparées à partir de tissu adipeux sous-cutané de donneurs sains, prélevé par liposuction. Le tissu adipeux est digéré enzymatiquement, puis les cellules libérées sont placées dans un milieu de culture contenant un faible pourcentage de sérum foetal bovin (SFB) et du facteur de croissance des fibroblastes basique recombiné (FCFb), en conditions hypoxiques ($<10\%$ d' O_2). Les cellules isolées sont congelées pour générer une banque de cellules mères (BCM) à un passage précoce, puis réanimées et cultivées dans les mêmes conditions. Les cellules expriment les marqueurs de différenciation des cellules stromales mésenchymateuses CD73, CD90 et CD105 (tous $\geq 95\%$) et n'expriment pas CD14, CD19, CD34 et CD45 ($\leq 2\%$). Les cellules démontrent une capacité de différenciation tri-lignée (différenciations adipocytaire, ostéoblastique et chondrocytaire). Les cellules activées *in vitro* expriment des cytokines, notamment le facteur de croissance endothélial vasculaire (FCEV) et le facteur de croissance transformant bêta (FCT- β), lorsqu'elles sont exposées à l'hypoxie et régulent à la hausse l'expression du récepteur soluble du TNF de type 1 (sTNFR1) et de l'enzyme indoléamine 2,3-dioxygénase (IDO) en réponse aux cytokines pro-inflammatoires
thérapie cellulaire (régénération tissulaire)

zelestrocel

células estromales mesenquimales (MSC) alogénicas preparadas a partir de tejido adiposo subcutáneo de donantes sanos recogido por liposucción. El tejido adiposo se digiere enzimáticamente y las células liberadas se ponen en medio de cultivo que contiene un bajo porcentaje de suero bovino fetal (FBS) y factor de crecimiento de fibroblastos básico (bFGF) recombinante, bajo condiciones hipóxicas ($<10\%$ O_2). Las células aisladas se congelan para generar un banco de células maestro (BCM) en un pase temprano, y luego se resucitan y se expanden en cultivo en las mismas condiciones. Las células expresan los marcadores de células mesenquimales estromales grupo de diferenciación 73 (CD73), CD90 y CD105 (todos $\geq 95\%$), y no expresan CD14, CD19, CD34 y CD45 ($\leq 2\%$). Las células muestran capacidad de diferenciación a tres linajes (adipocitos, osteoblastos y condrocitos). Las células activadas *in vitro* expresan citoquinas, incluyendo factor de crecimiento del endotelio vascular (VEGF) y factor de crecimiento transformador beta (TGF- β) cuando se exponen a hipoxia y sobre regulan la expresión del receptor soluble de TNF tipo 1 (sTNFR1) y de la enzima indoleamina 2,3-dioxigenasa (IDO) en respuesta a citoquinas pro-inflamatorias
terapia celular (regeneración tisular)

zemlikafuspum alfa #
zemlikafusp alfa

human gamma 1 heavy chain anti-(human B-lymphocyte antigen CD20, B-lymphocyte surface antigen B1, Bp35, leukocyte surface antigen Leu-16, membrane-spanning 4-domains subfamily A member 1, CD20 (MS4A1)) (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-9*01 -(IGHD) -IGHJ6*01, CDR-Kabat [5.17.13] (31-35.50-66.99-111)) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (CH1 (123-220), hinge (221-235), CH2 (236-345), CH3 (346-450), CH3 K452>del (451))]] fused at the C-terminus via peptide linker ⁴⁵²STGS⁴⁵⁵ to a humanized variable heavy domain of heavy chain anti-(human natural cytotoxicity triggering receptor 1, lymphocyte antigen 94 homolog, NK cell-activating receptor, natural killer cell p46-related protein, NK-p46, NKp46, hNKp46, CD335 (NCR1, Ly94)) (456-575) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*06 -(IGHD) -IGHJ4*01, CDR-Kabat [5.17.11] (486-490.505-521.554-564))]] fused via peptide linker ⁵⁷⁶VEGGSGSGSGSGSGGVD⁵⁹³ to humanized variable light domain of light chain anti-(human natural cytotoxicity triggering receptor 1, lymphocyte antigen 94 homolog, NK cell-activating receptor, natural killer cell p46-related protein, NK-p46, NKp46, hNKp46, CD335 (NCR1, Ly94)) (594-700) [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 -IGKJ1*01, CDR-Kabat [11.7.9] (617-627.643-649.682-690))]] fused at the C-terminus via peptide linker ⁷⁰¹GSSSSGSSSSGS⁷¹² to human interleukin-2 (IL-2, IL2, Uniprot: P60568) fragment variant (4-133, 713-842 in the current sequence, R³⁸>A⁷⁴⁷, F⁴²>K⁷⁵¹, C¹²⁵>A⁸³⁴)-disulfide with human VL-CL-G1(h-CH2-CH3) anti-(human B-lymphocyte antigen CD20, B-lymphocyte surface antigen B1, Bp35, leukocyte surface antigen Leu-16, membrane-spanning 4-domains subfamily A member 1, CD20 (MS4A1)) (1'-441') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 -IGKJ5*01, CDR-Kabat [11.7.9] (24'-34'.50'-56'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (108'-214') -G1(h-CH2-CH3) (215'-441') [*Homo sapiens* IGHG1*03 (hinge EPKSC 214'-215'>del (215'-224'), CH2 (225'-334'), CH3 (335'-439'), CHS (440'-441'))]]]; heterodimer (225'-214':231'-220':234'-223')-trisdulfide; produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-M, glycoform alfa *antineoplastic*

zemlikafusp alfa

chaîne lourde gamma 1 humaine anti-(antigène des lymphocytes B humains CD20, antigène de surface B1 des lymphocytes B, Bp35, antigène de surface des leucocytes Leu-16, membre 1 de la sous-famille A des protéines à 4 domaines transmembranaires, CD20 (MS4A1)) (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-9*01 -(IGHD) -IGHJ6*01, CDR-Kabat [5.17.13] (31-35.50-66.99-111)) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (CH1 (123-220), charnière (221-235), CH2 (236-345), CH3 (346-450), CH3 K452>del (451))]] fusionné à l'extrémité C-terminale via un coupleur peptidique ⁴⁵²STGS⁴⁵⁵ à un domaine lourd variable humanisé de la chaîne lourde anti-(récepteur 1 humain déclenchant la cytotoxicité naturelle, homologue de l'antigène lymphocytaire 94, récepteur d'activation des cellules NK, protéine apparentée à p46 des cellules tueuses naturelles, NK-p46, NKp46, hNKp46, CD335 (NCR1, Ly94)) (456-575) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*06 -(IGHD) -IGHJ4*01, CDR-Kabat [5.17.11] (486-490.505-521.554-564))]] fusionné via un coupleur peptidique ⁵⁷⁶VEGGSGSGSGSGSGGVD⁵⁹³ au domaine léger variable humanisé de la chaîne légère anti-(récepteur 1 humain déclenchant la cytotoxicité naturelle, homologue de l'antigène lymphocytaire 94, récepteur d'activation des cellules NK, naturel protéine liée à la cellule tueuse p46, NK-p46, NKp46, hNKp46, CD335 (NCR1, Ly94)) (594-700) [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 -IGKJ1*01, CDR-

Kabat [11.7.9] (617-627.643-649.682-690))] fusionné à l'extrémité C-terminale via le coupleur peptidique ⁷⁰¹GSSSSGSSSSGS⁷¹² au variant du fragment d'interleukine-2 humaine (IL-2, IL2, Uniprot: P60568) (4-133, 713-842 dans la séquence actuelle, R³⁸>A⁷⁴⁷, F⁴²>K⁷⁵¹, C¹²⁵>A⁸³⁴)-disulfure avec VL-CL-G1(h-CH2-CH3) anti-(antigène des lymphocyte B humains CD20, antigène de surface B1 des lymphocytes B, Bp35, antigène de surface des leucocytes Leu-16, membre 1 de la sous-famille A des protéines à 4 domaines transmembranaires, CD20 (MS4A1)) (1'-441') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 -IGKJ5*01, CDR-Kabat [11.7.9] (24'-34'.50'-56'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (108'-214') -G1(h-CH2-CH3) (215'-441') [*Homo sapiens* IGHG1*03 (charnière EPKSC 214'-215'>del (215'-224'), CH2 (225'-334'), CH3 (335'-439'), CHS (440'-441'))]]; hétérodimère (225-214':231-220':234-223')-trisdifluore; produit dans des cellules d'ovaire de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-M, glycoforme alfa antineoplasique

zemlikafusp alfa

cadena pesada gamma 1 humana anti-(antígeno de linfocito B humano CD20, antígeno de superficie B1 de linfocito B, Bp35, antígeno de superficie leucocitario Leu-16, miembro 1 de la subfamilia A de proteínas con 4 dominios transmembranales, CD20 (MS4A1)) (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-9*01 -(IGHD) -IGHJ6*01, CDR-Kabat [5.17.13] (31-35.50-66.99-111)) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (CH1 (123-220), bisagra (221-235), CH2 (236-345), CH3 (346-450), CH3 K452>del (451))] fusionado en el extremo C mediante enlace peptídico ⁴⁵²STGS⁴⁵⁵ a un dominio pesado variable humanizado de la cadena pesada anti-(receptor 1 humano desencadenante de citotoxicidad natural, homólogo del antígeno 94 del linfocito, receptor activador de células NK, proteína relacionada con p46 de células asesinas naturales, NK-p46, NKp46, hNKp46, CD335 (NCR1, Ly94)) (456-575) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*06 -(IGHD) -IGHJ4*01, CDR-Kabat [5.17.11] (486-490.505-521.554-564))] fusionado a través del enlace peptídico (⁵⁷⁶VEGGSGSGSGSGSGGVD⁵⁹³) a dominio ligero variable humanizado de cadena ligera anti-(receptor 1 humano desencadenante de citotoxicidad natural, homólogo del antígeno 94 del linfocito, receptor activador de células NK, proteína relacionada con p46 de células asesinas naturales, NK-p46, NKp46, hNKp46, CD335 (NCR1, Ly94)) receptor, proteína relacionada con p46 de células asesinas naturales, NK-p46, NKp46, hNKp46, CD335 (NCR1, Ly94)) (594-700) [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 -IGKJ1*01, CDR-Kabat [11.7.9] (617-627.643-649.682-690))] fusionado en el extremo C a través del enlace peptídico ⁷⁰¹GSSSSGSSSSGS⁷¹² a la variante del fragmento de interleukina-2 humana (IL-2, IL2, Uniprot: P60568) (4-133, 713-842 en la secuencia actual, R³⁸>A⁷⁴⁷, F⁴²>K⁷⁵¹, C¹²⁵>A⁸³⁴)-disulfuro con VL-CL-G1(h-CH2-CH3) humano anti-(antígeno de linfocito B humano CD20, antígeno de superficie B1 de linfocito B, Bp35, antígeno de superficie de leucocitos Leu-16, miembro 1 de la subfamilia A de proteínas con 4 dominios transmembranales, CD20 (MS4A1)) (1'-441') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 -IGKJ5*01, CDR-Kabat [11.7.9] (24'-34'.50'-56'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (108'-214') -G1(h-CH2-CH3) (215'-441') [*Homo sapiens* IGHG1*03 (bisagra EPKSC 214'-215'>del (215'-224'), CH2 (225'-334'), CH3 (335'-439'), CHS (440'-441'))]]; heterodímero (225-214':231-220':234-223')-trisdifluore; producido en células de ovario de hámster chino (CHO), línea celular CHO-M, glicoforma alfa antineoplásico

3038191-80-6

Sequence / Séquence / Secuencia

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: IgG1-VH-VL-IL2

EVQLVESGGG LVQPDRSLRL SCAASGFTFH DYAMHWVRQA PGKGLEWVST 50
 ISWNSGTIGY ADSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TALYYCAKDI 100
 QYGNYYYGMD VWGQGTTVTV SSASTKGPSV FPLAPSSKST SGGTAALGCL 150
 VKDYFFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTPVSSSLGT 200
 QTYICNVNHK PSNTKVDKRV EPKSCDKTHT CPPCPAPELL GGPSVFLFPP 250
 KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
 YNSTYRVVSV LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KALPAPIEKT ISKAKGQPRE 350
 PQVYTLPPSR EEMTKNQVSL TCLVKGFPYS DIAVEWESNG QPENNYKTTP 400
 PVLDSGSGFF LYSKLTVDKS RWQQGNVFSC SVMHEALHNH YTQKSLSLSP 450
GSTGSQVQLV QSGAEVKKPG SSVKVSCKAS GYTFSDYVIN WVRQAPGQGL 500
EWMGEIYPGS GTNYYNEKFK AKATITADKS TSTAYMELSS LRSEDATVYY 550
CARRGYGLY AMDYWGQGT VTVSSVEGGS GSGSGSGGS GVDLIQMTQS 600
PSSLSASVGD RVTITCRASQ DISNYLNWYQ QKPGKAPKLL IYYTSRLHSG 650
VPSTRFSGSGS GTDFTFTISS LQPEDIATYF CQQGNTRPWT FGGGKVEIK 700
GSSSSGSSSS GSSSTKKTQ LQLEHLLDL QMILNGINNY KNPKLTA~~MLT~~ 750
KKFYMPKKAT ELKHLQCLEE ELKPLEEVLN LAQSKNFHLR PRDLISINIV 800
 IVLELKGSET TFMCEYADET ATIVEFLNRW ITFAQSIIST LT 842

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: VL-CL-G1 (h-CH2-CH3)

EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQSVS SYLAWYQKP GQAPRLLIYD 50
 ASNRATGIPA RFGSGSGTD FTLTISSLEP EDFAVYYCQQ RSNWPITFGQ 100
 GTRLEIKRTV AAPSVFIIPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
 LSSPVTKSFN RGECDKTHC PPCPAPELLG GPSVFLFPPK PKDTLMISRT 250
 PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVH AKTKPREEQY NSTYRVVSVL 300
 TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP QVYTLPPSRE 350
 EMTKNQVSLT CLVKGFPYPS IAVEWESNGQ PENNYKTTPP VLDSGSGFFL 400
 YSKLTVDKSR WQQGNVFSCS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG K 441

Mutation / Mutation / Mutación

heavy chain: ¹APT³>~~del~~, R³⁸>A⁷⁴⁷, F⁴²>K⁷⁵¹, C¹²⁵>A⁸³⁴

Peptide linker / Peptide liant / Péptido de unión

⁴⁵²STGS⁴⁵⁵, ⁵⁷⁶VEGGSGSGSGSGSGSGGV⁵⁹³, ⁷⁰¹GSSSSGSSSSGS⁷¹²

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra heavy chain, anti-CD20-γ1 Fc: 22-96, 149-205, 266-326, 372-430,

anti-NCR1 VH: 477-551, 616-68; IL2: 767-814

Intra light chain: 23'-88', 134'-194', 255'-315', 361'-419'

Inter heavy - light chain: 225-214', 231-220', 234-223'

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

N302, N291'

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

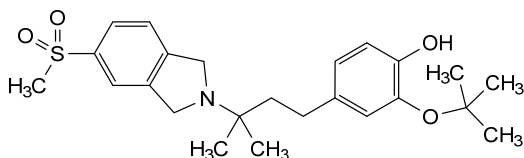
L CHS K2: K441'

zenagamtidum
zenagamtide

glucagon-like peptide 1(7-37) [human GLP-1(7-37)] (1-31), (A⁸>2-MeAla², G²²>E¹⁶, K²⁶>R²⁰, K³⁴>R²⁸, G³⁷>K³¹)-variant, fused via a G₄ peptide linker (32-35) to an artificial 33-peptide (36-68, amylin receptor agonist), 68-amide, substituted at N⁶ of the lysine residue 31 with a (22S)-22,40-dicarboxy-10,19,24-trioxo-3,6,12,15-tetraoxa-9,18,23-triazatetracontan-1-oyl group
glucagon-like peptide 1 (GLP-1) and amylin receptors agonist

$C_{24}H_{33}NO_4S$

1802632-22-9

**zolucatetidum**

zolucatetide

($C^{2,4}S$)-10,14-anhydro- $O^{10,4}$, $N^{1,11}$ -carbonyl- $C^{2,1}$, $C^{2,4}$ -[(2Z)-hex-2-ene-1,6-diyl][1-acetyl-L-prolyl-L- α -aspartyl-4-methyl-L-leucyl-(6E)-2-amino-10-hydroxydec-6-enoyl-L- α -aspartyl-3-carboxy-L-phenylalanyl-2-methylalanyl-L-alanyl-L-phenylalanyl-L-lysyl-(3S)-3-aminopyrrolidine-3-carbonyl-3-(thiophen-3-yl)-L-alanyl-3-(1-benzothiophen-3-yl)-L-alanyl-L- α -glutamyl-L-alaninamide]
antineoplastic

zolucatétide

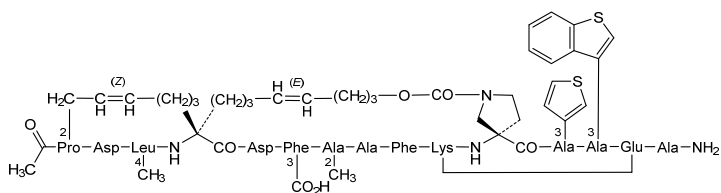
($C^{2,4}S$)-10,14-anhydro- $O^{10,4}$, $N^{1,11}$ -carbonyl- $C^{2,1}$, $C^{2,4}$ -[(2Z)-hex-2-ène-1,6-diyl][1-acétyl-L-prolyl-L- α -aspartyl-4-méthyl-L-leucyl-(6E)-2-amino-10-hydroxydéc-6-énol-L- α -aspartyl-3-carboxy-L-phénylalanyl-2-méthylalanyl-L-alanyl-L-phénylalanyl-L-lysyl-(3S)-3-aminopyrrolidine-3-carbonyl-3-(thiophén-3-yl)-L-alanyl-3-(1-benzothiophén-3-yl)-L-alanyl-L- α -glutamyl-L-alaninamide]
antineoplasique

zolucatetida

($C^{2,4}S$)-10,14-anhidro- $O^{10,4}$, $N^{1,11}$ -carbonil- $C^{2,1}$, $C^{2,4}$ -[(2Z)-hex-2-eno-1,6-diil][1-acetil-L-proli-L- α -aspartil-4-metil-L-leucil-(6E)-2-amino-10-hidroxi-dec-6-enol-L- α -aspartil-3-carboxi-L-fenilalanil-2-metilalanil-L-alanil-L-fenilalanil-L-lisil-(3S)-3-aminopirrolidina-3-carbonil-3-(tiofen-3-il)-L-alanil-3-(1-benzotiofen-3-il)-L-alanil-L- α -glutamil-L-alaninamida]
antineoplásico

 $C_{102}H_{134}N_{18}O_{25}S_2$

3044032-95-0

**zovegalisibum**

zovegalisib

N -[(3R)-3-(2-chloro-5-fluorophenyl)-6-(5-cyano[1,2,4]triazolo[1,5-a]pyridin-6-yl)-1-oxo-2,3-dihydro-1H-isoindol-4-yl]-3-fluoro-5-(trifluoromethyl)benzamide
phosphatidylinositol 3-kinase (PI3K) inhibitor, antineoplastic

zovégalisib

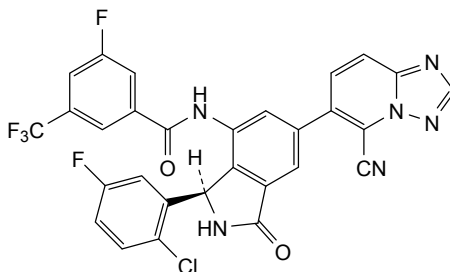
N -[(3R)-3-(2-chloro-5-fluorophényl)-6-(5-cyano[1,2,4]triazolo[1,5-a]pyridin-6-yl)-1-oxo-2,3-dihydro-1H-isoindol-4-yl]-3-fluoro-5-(trifluorométhy)l)benzamide
inhibiteur de la phosphatidylinositol 3-kinase (PI3K), antinéoplasique

zovegalisib

N-[(3*R*)-6-(5-ciano[1,2,4]triazolo[1,5-*a*]piridin-6-il)-3-(2-cloro-5-fluorofenil)-1-oxo-2,3-dihidro-1*H*-isoindol-4-il]-3-fluoro-5-(trifluorometil)benzamida
inhibidor de fosfatidilinositol 3-kinasa (PI3K), antineoplásico

C₂₉H₁₄ClF₅N₆O₂

2733573-94-7

**zugocabtagenem geleucelum #**

zugocabtagene geleucel

allogeneic T lymphocytes obtained from peripheral blood mononuclear cells by leukapheresis of healthy donors, electroporated with CRISPR/Cas9 (clustered regularly interspaced short palindromic repeats/CRISPR-associated protein 9)-guide RNA (gRNA) nucleoprotein complexes to knock out the T cell receptor alpha chain constant (*TRAC*), the beta 2 microglobulin (*B2M*) locus, the transforming growth factor beta receptor 2 (*TGFBR2*) locus and the Regnase-1 (*ZC3H12A*) locus. The cells are also transduced with a recombinant adeno-associated virus serotype 6 vector (rAAV6) to introduce an anti-CD19 chimeric antigen receptor (CAR) expression cassette at the *TRAC* locus by homology-directed repair.

The integrated sequence comprises a 5' *TRAC* homology arm, the CAR expression cassette and a 3' *TRAC* homology arm. The CAR expression cassette comprises an elongation factor alpha (EF-1 α) promoter, a granulocyte-macrophage colony-stimulating factor receptor subunit alpha (CSF2RA) signal peptide, the anti-CD19 single chain variable fragment (scFv; FMC63), CD8 α transmembrane domain, CD28 co-stimulatory domain, CD3 ζ signalling domain and is followed by a synthetic polyadenylation sequence.

The leukapheresis material is enriched for CD4/CD8 T lymphocytes by positive immunoselection and activated in media containing CD3 and CD28 agonists prior to transduction with the vector and further cell expansion. Finally, the lymphocytes are cultured in media containing human AB serum, interleukin 2 (IL-2) and IL-7 for two days prior to removal of the residual TCR $\alpha\beta$ + lymphocytes by magnetic depletion. The suspension consists primarily of T lymphocytes (CD5+ $\geq$ 95%) which are >30% CAR+ (<0.15% TCR+ T lymphocytes), have on-target editing of *ZC3H12A* ($\geq$ 80%) and *TGFBR2* ($\geq$ 80%) and are cytotoxic to CD19-expressing cells
cell-based gene therapy (antineoplastic, immunomodulator)

zugocabtagène géleucel

lymphocytes T allogéniques obtenus à partir de cellules mononucléaires du sang périphérique par leucaphérèse de donneurs sains, électroporés avec des complexes nucléoprotéiques CRISPR/Cas9 (courtes répétitions palindromiques groupées et régulièrement espacées/protéine 9 associée à CRISPR)- ARN-guide (ARNg), pour inactiver la chaîne

constante alpha du récepteur des cellules T (*TRAC*), le locus de la bêta 2 microglobuline (*B2M*), le locus du récepteur bêta 2 du facteur de croissance transformant (*TGFB2*) et le locus de la Régénase-1 (*ZC3H12A*). Les cellules sont également transduites avec un vecteur recombinant du virus adéno-associé de sérotype 6 (rAAV6) pour introduire une cassette d'expression du récepteur antigénique chimérique (RAC) anti-CD19 au locus *TRAC* par réparation dirigée par homologie.

La séquence intégrée comprend un bras d'homologie *TRAC* en 5', la cassette d'expression RAC et un bras d'homologie *TRAC* en 3'. La cassette d'expression RAC comprend un promoteur du facteur d'élongation alpha (*EF-1 α*), un peptide signal de la sous-unité alpha du récepteur du facteur de stimulation des colonies de granulocytes et de macrophages (*CSF2RA*), un fragment variable à chaîne unique anti-CD19 (scFv; *FMC63*), un domaine transmembranaire *CD8 α* , un domaine de costimulation *CD28*, un domaine de signalisation *CD3 ζ* et est suivie d'une séquence de polyadénylation synthétique.

Le matériel de leucaphérèse est enrichi en lymphocytes T *CD4/CD8* par immunosélection positive et activé dans un milieu contenant des agonistes *CD3* et *CD28*, avant la transduction avec le vecteur et l'expansion cellulaire ultérieure. Enfin, les lymphocytes sont cultivés dans un milieu contenant du sérum humain AB, de l'interleukine 2 (*IL-2*) et de l'*IL-7*, pendant deux jours, avant l'élimination des lymphocytes *TCR $\alpha\beta$* ⁺ résiduels par déplétion magnétique. La suspension est principalement composée de lymphocytes T (*CD5*⁺ $\geq 95\%$), dont $>30\%$ sont *RAC*⁺ ($< 0.15\%$ de lymphocytes T *TCR*⁺), présentent une édition ciblée de la *ZC3H12A* ($\geq 80\%$) et du *TGFB2* ($\geq 80\%$) et sont cytotoxiques pour les cellules exprimant *CD19*.

thérapie génique à base de cellules (antinéoplasique, immunomodulateur)

zugocabtagén geleucel

linfocitos T alogénicos obtenidos de células mononucleares de sangre periférica por leucoaféresis de donantes sanos, electroporados con complejos de nucleoproteína CRISPR/Cas9 (repeticiones palindrómicas agrupadas y espaciadas regularmente/proteína asociada a CRISPR 9)-ARN guía (ARNg) para eliminar la cadena constante alfa del receptor de linfocitos T (*TRAC*), el locus de la beta-2-microglobulina (*B2M*), el locus del receptor 2 del factor de crecimiento transformador beta (*TGFB2*) y el locus de Regnasa-1 (*ZC3H12A*). Las células se transducen también con un vector de virus adenoasociado de serotipo 6, recombinantes (rAAV6) para introducir un casete de expresión de un receptor de antígenos quimérico (CAR) anti-CD19 en el locus *TRAC* mediante reparación dirigida por homología.

La secuencia integrada consta de un brazo de homología *TRAC* en 5', el casete de expresión del CAR y un brazo de homología *TRAC* en 3'. El casete de expresión consta de un promotor del factor de elongación alfa (*EF-1 α*), un péptido señal de la subunidad alfa del receptor del factor estimulador de colonias de granulocitos-macrófagos (*CSF2RA*), un fragmento variable de cadena sencilla anti-CD19 (scFv; *FMC63*), dominio transmembrana de *CD8 α* , dominio coestimulador de *CD28*, dominio de señalización de *CD3 ζ* , y está seguido por una secuencia de poliadenilación sintética.

El material de leucoaféresis se enriquece para linfocitos T *CD4/CD8* mediante inmunoselección positiva y se activa en medio que contiene agonistas de *CD3* y *CD28* antes de la transducción con el vector y expansión celular adicional. Finalmente, los linfocitos se cultivan en medio que contiene suero AB humano, interleukina 2 (*IL-2*) e *IL-7* durante dos días ante de quitar los

linfocitos TCRαβ+ residuales mediante depleción magnética. La suspensión consiste primariamente en linfocitos T CD5+ (≥95%) que son con ≥30% CAR+ (<0.15% linfocitos T TCR+), tienen edición en la diana de *ZC3H12A* (≥80%) y *TGFBR2* (≥80%) y son citotóxicas frente a células que expresan CD19
terapia génica basada en células (antineoplásico, inmunomodulador)

zumilokibartum #
 zumilokibart

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL13 (interleukin-13)], humanized monoclonal antibody;
 H-gamma1 heavy chain humanized (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-4*08 (77.1%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (84.6%) L123>T (113), CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1-v14 CH2 A1.3, A1.2, 9-G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 K120 (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 L1.3>A (235), L1.2>A (236), M15.1>Y (253), S16>T (255), T18>E (257) (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-218')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-9*03 (83.7%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195')) (112'-218')]; dimer (227'-227''':230-230'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
immunomodulator

zumilokibart

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL13 (interleukine-13)]; anticorps monoclonal humanisé;
 chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-4*08 (77.1%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (84.6%) L123>T (113), CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1-v14 CH2 A1.3, A1.2, 9-G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 K120 (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 L1.3>A (235), L1.2>A (236), M15.1>Y (253), S16>T (255), T18>E (257) (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-218')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-9*03 (83.7%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195')) (112'-218')]; dimère (227'-227''':230-230'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
immunomodulateur

zumilokibart

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL13 (interleukina-13)]; anticuerpo monoclonal humanizado;
 cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-4*08 (77.1%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (84.6%) L123>T (113), CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1-v14 CH2 A1.3, A1.2, 9-G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 K120 (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 L1.3>A (235), L1.2>A (236), M15.1>Y (253), S16>T (255), T18>E (257) (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-218')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-9*03 (83.7%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101')) (1'-111') -*Homo*

sapiens IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195')) (112'-218')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa *inmunomodulador*

3037408-64-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H")
 EVQLQESGPG LVKPSETLSL TCTVSGFSLN AYSVNWIRQP PGKGLEWLG 50
 IWGDGKIVYN SALKSRLTIS KDSSKNQVSL KLSSVTAADT AVYYCAGDGY 100
 YPYAMDNWGQ GTTIVTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
 FPEPVTVSWN SGALTSQVHT FPAVLQSSGL YSLSSVTVTP SSSLGTQTYI 200
 CNVNHKPSNT KVDKKVEPKS CDKTHTCPPE PAPEAAGGPS VFLFPPKPKD 250
 TLYITREPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGEVEVHNAKT KPREEQYNST 300
 YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
 TLPSPRDELT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPPVL 400
 SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L, L")
 DIQLTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASKSVD SYGNSFMHWY QKPGKAPKL 50
 LIYLASNLES GVPSRFSGSG SGTDFTLTIS SLQPEDFATY YCQQNNEDPR 100
 TFGGGTKVEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTSASVCLL NNFYPREAKV 150
 QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLS STLTLISKADY EKHKYACEV 200
 THQGLSSPVT KSFNRGEC 218

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-95" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
 22"-95" 145"-201" 262"-322" 368"-426"

Intra-L (C23-C104) 23"-92" 138"-198"

23"-92" 138"-198"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 221"-218" 221"-218"

Inter-H-H (h 11, h 14) 227"-227" 230"-230"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 298, 298"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaricos complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 448, 448"

Electronic structure available on MedNet: <https://extranet.who.int/soinn/>

Structure électronique disponible sur MedNet: <https://extranet.who.int/soinn/>

Estructura electrónica disponible en MedNet: <https://extranet.who.int/soinn/>

Proposed International Nonproprietary Names: List 133 –COVID-19 (special edition)

Comments on, or formal objections to, the proposed names may be forwarded by any person to the INN Programme of the World Health Organization within four months of the date of their publication in *WHO Drug Information*, i.e., for **List 133 of Proposed INN not later than 10 November 2025**.
Publication date: 11/07/2025

Dénominations communes internationales proposées: Liste 133 - COVID-19 (édition spéciale)

Des observations ou des objections formelles à l'égard des dénominations proposées peuvent être adressées par toute personne au Programme des Dénominations communes internationales de l'Organisation mondiale de la Santé dans un délai de quatre mois à compter de la date de leur publication dans *WHO Drug Information*, c'est à dire pour la **Liste 133 de DCI Proposées le 10 novembre 2025 au plus tard**. **Date de publication :** 11/07/2025

Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas: Lista 133 - COVID-19 (edición especial)

Cualquier persona puede dirigir observaciones u objeciones respecto de las denominaciones propuestas, al Programa de Comunes Internacionales de la Organización Mundial de la Salud, en un plazo de cuatro meses, contados desde la fecha de su publicación en *WHO Drug Information*, es decir, para la **Lista 133 de DCI Propuestas el 10 de Noviembre de 2025 a más tardar**.
Fecha de publicación: 11/07/2025

<i>Proposed INN</i> (Latin, English, French, Spanish)	<i>Chemical name or description: Action and use: Molecular formula, Chemical Abstracts Service (CAS) registry number: Graphic formula</i>
<i>DCI Proposée</i>	<i>Nom chimique ou description: Propriétés et indications: Formule brute, Numéro dans le registre du CAS: Formule développée</i>
<i>DCI Propuesta</i>	<i>Nombre químico o descripción: Acción y uso: Fórmula molecular, Número de registro del CAS: Fórmula desarrollada</i>

quozovameranum #
quozovameran

self-amplifying messenger RNA (mRNA), 5'-capped, encoding codon-optimised Venezuelan equine encephalitis virus (VEEV) RNA-dependent RNA polymerase complex (VEEV proteins nsP1, nsP2, nsP3 and nsP4) and a full-length codon-optimised pre-fusion stabilised conformation variant (K982P and V983P) of the SARS-CoV-2 (severe acute respiratory syndrome coronavirus 2) spike (S) glycoprotein Omicron variant JN.1 (GISAID entry: EPI_ISL_18872762) containing furin cleavage-inactivating mutations (R678G, R679S and R681S), flanked by 5' and 3' untranslated regions and a 3' polyadenylation (polyA) tail; generation of capped S glycoprotein mRNA is under control of a VEEV subgenomic promoter
immunological agent for active immunization (anti-SARS-CoV-2)

quozovaméran

ARN messenger (ARNm) auto-amplifiant, avec une coiffe en 5', codant un complexe d'ARN polymérase dépendante de l'ARN du virus de l'encéphalite équine vénézuélienne (VEEV) optimisé en termes de codons (protéines nsP1, nsP2, nsP3 et nsP4 de VEEV) et une variante de conformation stabilisée de préfusion (K982P et V983P) de séquence complète, optimisée en termes de codons, de la glycoprotéine du spicule (S) du SRAS-CoV-2 (coronavirus 2 du syndrome respiratoire aigu sévère) variant Omicron JN.1 (entrée

quozovamerán

GISAID: EPI_ISL_18872762) contenant des mutations inactivant le clivage par la furine (R678G, R679S et R681S), flanqué en 5' et 3' par des régions non traduites et d'une queue de polyadénylation (polyA) en 3'; la génération de l'ARNm coiffé de la glycoprotéine S est sous le contrôle du promoteur sous-génomique de VEEV

agent immunologique pour immunisation active (anti-SRAS-CoV-2)

ARN mensajero (ARNm) auto amplificante, protegido con caperuza en 5', que codifica, con codones optimizados, un complejo de ARN polimerasa dependiente de ARN del virus de la encefalitis equina venezolana (VEEV) (proteínas nsP1, nsP2, nsP3 y nsP4 de VEEV) y una secuencia completa, con codones optimizados, de una variante estabilizada en conformación pre-fusión (K982P y V983P) de la glicoproteína de la espícula (S) del SRAS-CoV-2 (coronavirus 2 del síndrome respiratorio agudo severo) variante Omicron JN.1 (entrada GISAID: EPI_ISL_18872762) que contiene mutaciones inactivantes de la rotura por furina (R678G, R679S and R681S), flanqueado por regiones sin traducir 5' y 3' y una cola de poliadenilación (poliA) en 3'; la generación del ARNm protegido de la glicoproteína S está bajo el control de un promotor subgenómico de VEEV

agente inmunológico para inmunización activa (anti-SRAS-CoV-2)

3047336-79-5

Names for chemical modifications of INN (substituent groups, counterions, adduct partners, etc.):

Many pharmaceutical substances for which an International Nonproprietary Name (INN) has been established are used as modified derivatives (salts, esters, protein-drug conjugates, solvates, etc.). The chemical modification (including counterions) involved may be of complex nature and it is then inconvenient to use its systematic chemical name. Consequently, shorter nonproprietary names for such modifications have been devised, and these are recommended for creating modified International Nonproprietary Names (INN).

Dénominations applicables aux modifications chimiques des DCI (groupes substituants, contre-ions, adduits, etc.) :

Certaines substances pour lesquelles une dénomination commune internationale proposée a été établie sont parfois utilisées comme dérivés modifiés (sels, esters, médicaments conjugués à des protéines, produits de solvatation, etc.). Les modifications chimiques (incluant les contre-ions) sont alors quelques fois si complexes qu'il est malcommode de les désigner conformément à la nomenclature chimique systématique. Des dénominations communes abrégées ont donc été formées ou choisies pour certaines d'entre elles et il est suggéré de les employer pour créer les dénominations communes internationales modifiées (DCIM).

Denominaciones aplicables a modificaciones químicas de las DCI (grupos sustituyentes, contraiones, aductos, etc.):

Muchas sustancias farmacéuticas para las cuales hay establecidas una denominación común internacional (DCI) pueden usarse como derivados modificados (sales, ésteres, medicamentos conjugados con proteínas, solvatos, etc.). Las modificaciones químicas (incluidos los contraiones) implicadas pueden ser de naturaleza compleja y por tanto es inapropiado utilizar su nombre químico sistemático. Como consecuencia, se han diseñado denominaciones abreviadas para estas modificaciones y se recomiendan para la creación de Denominaciones Comunes Internacionales modificadas (DCIM).

adizutecanum

adizutecan

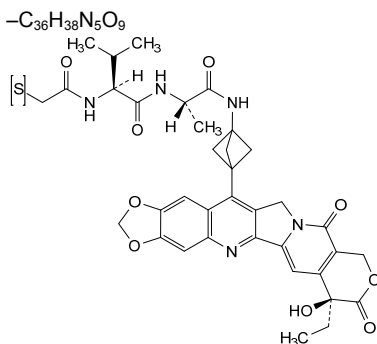
2-[[[(2S)-1-[[[(2S)-1-[(3-[(7S)-7-ethyl-7-hydroxy-8,11-dioxo-7,8,11,13-tetrahydro-2H,10H-[1,3]dioxolo[4,5-g]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinolin-14-yl)bicyclo[1.1.1]pentan-1-yl]amino)-1-oxopropan-2-yl]amino)-3-methyl-1-oxobutan-2-yl]amino)-2-oxoethyl

adizutécan

2-[[[(2S)-1-[[[(2S)-1-[(3-[(7S)-7-éthyl-7-hydroxy-8,11-dioxo-7,8,11,13-tétrahydro-2H,10H-[1,3]dioxolo[4,5-g]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinoléin-14-yl)bicyclo[1.1.1]pentan-1-yl]amino)-1-oxopropan-2-yl]amino)-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl]amino)-2-oxoéthyle

adizutecán

2-[[[(2S)-1-[[[(2S)-1-[(3-[(7S)-7-étíl-7-hidroxi-8,11-dioxo-7,8,11,13-tetrahydro-2H,10H-[1,3]dioxolo[4,5-g]pirano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinoleín-14-il]bíciclo[1.1.1]pentan-1-il]amino)-1-oxopropan-2-il]amino)-3-metil-1-oxobutan-2-il]amino)-2-oxoetiló



brexetanum

brexetan

(1,4,7-triazonane-1,4,7-triyl)tris[methylene(hydroxyphosphoryl)](1-oxopropane-3,1-diyl)azanediyl(proppane-3,1-diyl)(1*H*-1,2,3-triazole-1,4-diyl)(1-oxopropane-3,1-diyl)]

trivalent linker group

brexétan

(1,4,7-triazonane-1,4,7-triyl)tris[méthylène(hydroxyphosphoryl)](1-oxopropane-3,1-diyl)azanediyl(proppane-3,1-diyl)(1*H*-1,2,3-triazole-1,4-diyl)(1-oxopropane-3,1-diyl)]

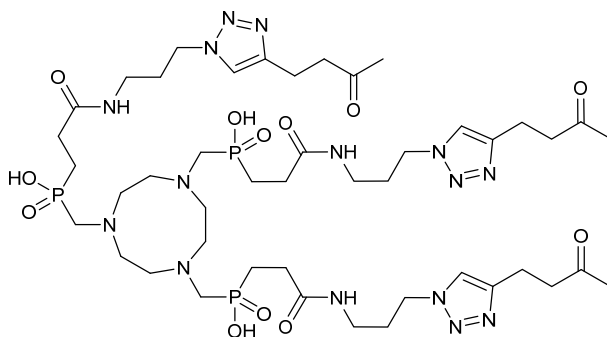
groupe de liaison trivalent

brexetán

(1,4,7-triazonano-1,4,7-triil)tris[metileno(hidroxifosforil)](1-oxopropano-3,1-diil)azanodiil(propano-3,1-diil)(1*H*-1,2,3-triazol-1,4-diil)(1-oxopropano-3,1-diil)]

grupo enlazador trivalente

$-C_{42}H_{69}N_{15}O_{12}P_3<$

**bultecanum**

bultecan

(3*RS*)-1-(6-[[*N*⁵-(1-deoxy-D-glucitol-1-yl)-L-glutaminy]-L-valyl-*N*¹-(4-[(4*S*)-4-ethyl-8-fluoro-4-hydroxy-9-methyl-3,14-dioxo-3,4,12,14-tetrahydro-1*H*-pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolin-10-yl]butoxy)methyl)-L-alaninamide]-*N*^{2,1}-yl]-6-oxohexyl)-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl

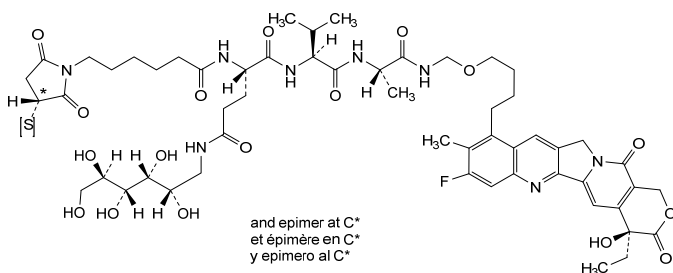
bultécan

(3*RS*)-1-(6-[[*N*⁵-(1-désoxy-D-glucitol-1-yl)-L-glutaminy]-L-valyl-*N*¹-(4-[(4*S*)-4-éthyl-8-fluoro-4-hydroxy-9-méthyl-3,14-dioxo-3,4,12,14-tétrahydro-1*H*-pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinoléin-10-yl]butoxy)méthyl)-L-alaninamide]-*N*^{2,1}-yl]-6-oxohexyl)-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle

bultecán

(3*RS*)-1-(6-[[*N*⁵-(1-desoxi-D-glucitol-1-il)-L-glutaminil-L-valil-*N*¹-(4-[(4*S*)-4-etil-8-fluoro-4-hidroxi-9-metil-3,14-dioxo-3,4,12,14-tetrahidro-1*H*-pirano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolein-10-il]butoxi)metil)-L-alaninamida]-*N*^{2,1}-il]-6-oxohexil)-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo

$-C_{55}H_{74}FN_8O_{17}$



drozuntecanum

drozuntecan

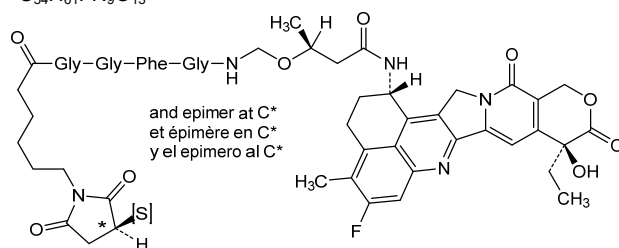
(3*RS*)-1-[(3*S*,11*S*)-11-benzyl-1-[[[(1*S*,9*S*)-9-ethyl-5-fluoro-9-hydroxy-4-methyl-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolin-1-yl]amino]-3-methyl-1,7,10,13,16,19-hexaoxo-4-oxa-6,9,12,15,18-pentaazatetracosan-24-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl

drozuntécan

(3*RS*)-1-[(3*S*,11*S*)-11-benzyl-1-[[[(1*S*,9*S*)-9-éthyl-5-fluoro-9-hydroxy-4-méthyl-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinoléin-1-yl]amino]-3-méthyl-1,7,10,13,16,19-hexaoxo-4-oxa-6,9,12,15,18-pentaazatétracosan-24-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle

drozuntecán

(3*RS*)-1-[(3*S*,11*S*)-11-bencil-1-[[[(1*S*,9*S*)-9-etil-5-fluoro-9-hidroxi-4-metil-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahidro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pirano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolein-1-il]amino]-3-metil-1,7,10,13,16,19-hexaoxo-4-oxa-6,9,12,15,18-pentaazatetracosan-24-il]-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo

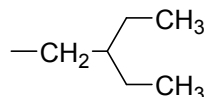
$$-C_{54}H_{61}FN_9O_{13}$$
**etibutylum**

etibutil

étibutil

etibutilo

2-ethylbutyl (ester)
2-éthylbutyle (ester)
2-etilbutilo (éster)

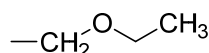
$$-C_6H_{13}$$
**etomoxilum**

etomoxil

étomoxil

etomoxilo

ethoxymethyl
éthoxyméthyle
etoximetilo

$$-C_3H_7O$$
**masetecanum**

masetecan

(3*RS*)-1-[(9*S*,12*S*,15*S*)-1-[(4*S*)-4-ethyl-8-fluoro-4-hydroxy-9-methyl-3,14-dioxo-3,4,12,14-tetrahydro-1*H*-pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolin-11-yl]-9,12,15-trimethyl-3,8,11,14,17-pentaoxo-5-oxa-2,7,10,13,16-pentaazadocosan-22-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl

masétécan

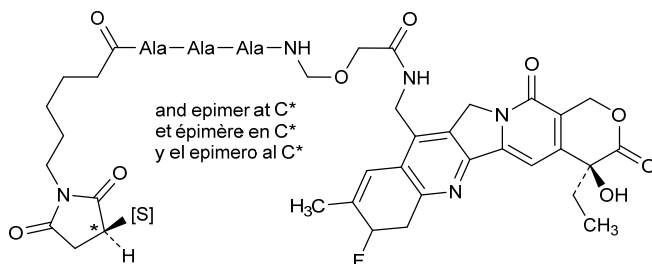
(3*RS*)-1-[(9*S*,12*S*,15*S*)-1-[(4*S*)-4-éthyl-8-fluoro-4-hydroxy-9-méthyl-3,14-dioxo-3,4,12,14-tétrahydro-1*H*-pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinoléin-11-yl]-9,12,15-triméthyl-3,8,11,14,17-pentaoxo-5-oxa-2,7,10,13,16-pentaazadocosan-22-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle

masetecán

(3*RS*)-1-[(9*S*,12*S*,15*S*)-1-[(4*S*)-4-etil-8-fluoro-4-hidroxi-9-metil-3,14-dioxo-3,4,12,14-tetrahidro-1*H*-pirano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolein-11-il]-

9,12,15-trimetil-3,8,11,14,17-pentaoxo-5-oxa-2,7,10,13,16-pentaazadocosan-22-il]-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo

—C₄₄H₅₂FN₈O₁₂



mopaxetanum

mopaxetan

[1⁶,5⁶-dicarboxy-3⁴,3⁷,3¹³,3¹⁶,6-pentaoxa-3¹,3¹⁰-diaz-1(2),5(2,4)-dipyridina-3(1,10)-cyclooctadecana-9(1)-benzenanonaphan-9⁴-yl]carbamothioyl or [4-(2-[[2-carboxy-6-({16-[(6-carboxypyridin-2-yl)méthyl]-1,4,10,13-tetraoxa-7,16-diazacyclooctadecan-7-yl)méthyl]pyridin-4-yl]oxy)éthyl)phényl]carbamothioyl

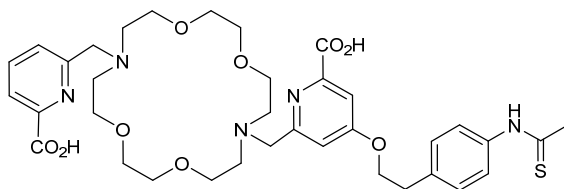
mopaxétan

[1⁶,5⁶-dicarboxy-3⁴,3⁷,3¹³,3¹⁶,6-pentaoxa-3¹,3¹⁰-diaz-1(2),5(2,4)-dipyridina-3(1,10)-cyclooctadecana-9(1)-benzénanonaphan-9⁴-yl]carbamothioyle ou [4-(2-[[2-carboxy-6-({16-[(6-carboxypyridin-2-yl)méthyl]-1,4,10,13-tétraoxa-7,16-diazacyclooctadecan-7-yl)méthyl]pyridin-4-yl]oxy)éthyl)phényl]carbamothioyle

mopaxetán

[1⁶,5⁶-dicarboxi-3⁴,3⁷,3¹³,3¹⁶,6-pentaoxa-3¹,3¹⁰-diaz-1(2),5(2,4)-dipiridina-3(1,10)-ciclooctadecana-9(1)-bencenanonafan-9⁴-il]carbamoitioilo u [4-(2-[[2-carboxi-6-({16-[(6-carboxipiridin-2-il)metil]-1,4,10,13-tetraoxa-7,16-diazaciclooctadecan-7-il]metil]piridin-4-il]oxi)etil]fenil]carbamoitioilo

—C₃₅H₄₄N₅O₉S



pacfosacilum

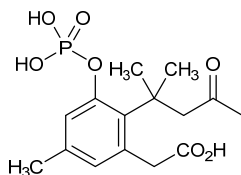
pacfosacil

pacfosacil

pacfosacilo

3-[2-(carboxyméthyl)-4-méthyl-6-(phosphonoxy)phényl]-3-méthylbutanoïl
3-[2-(carboxyméthyl)-4-méthyl-6-(phosphonoxy)phényl]-3-méthylbutanoyle
3-[2-(carboximetil)-6-(fosfonoxy)-4-metilfenil]-3-metilbutanoilo

—C₁₄H₁₈O₇P



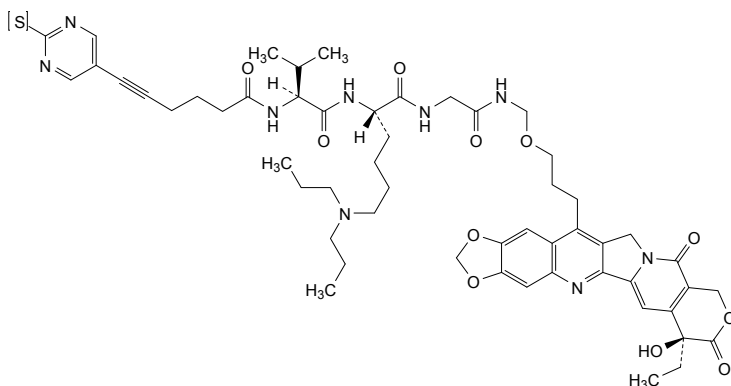
pelitecanum

pelitecan

5-[(11S,14S)-11-[4-(dipropylamino)butyl]-1-[(7S)-7-ethyl-7-hydroxy-8,11-dioxo-7,8,11,13-tetrahydro-2H,10H-[1,3]dioxolo[4,5-

pélitécán *g*]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolin-14-yl]-7,10,13,16-tetraoxo-14-(propan-2-yl)-4-oxa-6,9,12,15-tetraazahenicos-20-yn-21-yl]pyrimidin-2-yl 5-[(11*S*,14*S*)-11-[4-(dipropylamino)butyl]-1-[(7*S*)-7-éthyl-7-hydroxy-8,11-dioxo-7,8,11,13-tétrahydro-2*H*,10*H*-[1,3]dioxolo[4,5-*g*]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinoléin-14-yl]-7,10,13,16-tétraoxo-14-(propan-2-yl)-4-oxa-6,9,12,15-tétrazahenicos-20-yn-21-yl]pyrimidin-2-yle 5-[(11*S*,14*S*)-11-[4-(dipropilamino)butil]-1-[(7*S*)-7-etil-7-hidroxi-8,11-dioxo-7,8,11,13-tetrahidro-2*H*,10*H*-[1,3]dioxolo[4,5-*g*]pirano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolein-14-il]-7,10,13,16-tetraoxo-14-(propan-2-il)-4-oxa-6,9,12,15-tetraazahenicos-20-in-21-il]pirimidin-2-ilo

—C₅₄H₆₈N₉O₁₁



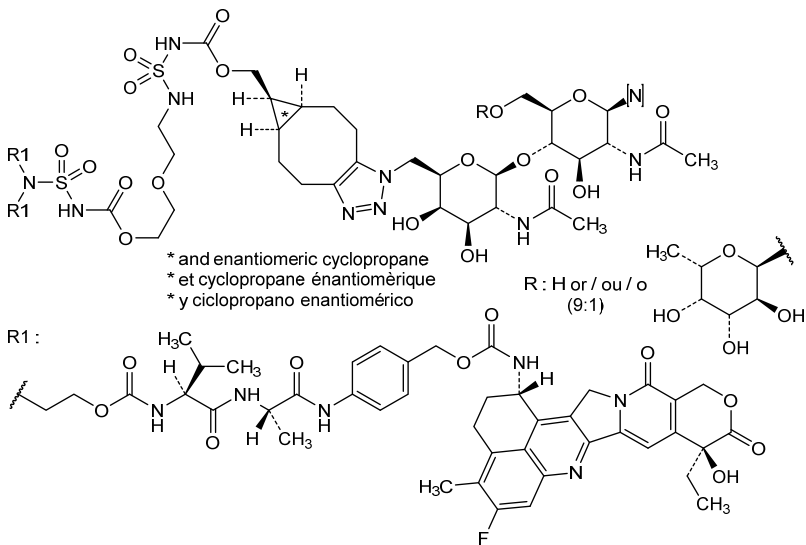
tavatecanum

tavatecan 2-acetamido-2,6-dideoxy-6-[(5*aRS*,6*SR*,6*aSR*)-6-{13-[(1'*S*,1'*S*,9*S*,12*S*,24*S*,27*S*,35'*S*,35'*S*)-1'⁹,35'⁹-diethyl-1'⁵,35'⁵-difluoro-1'⁹,35'⁹-dihydroxy-1'⁴,9,27,35'⁴-tetramethyl-1'¹⁰,1'¹³,3,8,11,14,22,25,28,33,35'¹⁰,35'¹³-dodecaoxo-12,24-di(propan-2-yl)-1'²,1'³,1'⁹,1'¹⁰,1'¹³,1'¹⁵,35'²,35'³,35'⁹,35'¹⁰,35'¹³,35'¹⁵-dodecahydro-1'^{1H},1'^{12H},35'^{1H},35'^{12H}-4,15,21,32-tetraoxa-2,7,10,13,18,23,26,29,34-nonaaza-1,35(1)-bis(benzo[*de*]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolina)-6,30(1,4)-dibenzapentatriacontaphane-18-sulfonamido]-3,5,5,13-tetraoxo-2,9,12-trioxa-5*Λ*⁶-thia-4,6-diazatridecan-1-yl]-5,5*a*,6,6*a*,7,8-hexahydrocyclopropa[5,6]cycloocta[1,2-*d*][1,2,3]triazol-1(4*H*)-yl]-β-D-galactopyranosyl-(1→4)-[6-deoxy-α-L-galactopyranosyl-(1→6) and unsubstituted 1:9]-2-acetamido-2-deoxy-β-D-glucopyranosyl

tavatécan 2-acétamido-2,6-didésoxy-6-[(5*aRS*,6*SR*,6*aSR*)-6-{13-[(1'*S*,1'*S*,9*S*,12*S*,24*S*,27*S*,35'*S*,35'*S*)-1'⁹,35'⁹-diéthyl-1'⁵,35'⁵-difluoro-1'⁹,35'⁹-dihydroxy-1'⁴,9,27,35'⁴-tétraméthyl-1'¹⁰,1'¹³,3,8,11,14,22,25,28,33,35'¹⁰,35'¹³-dodécaoxo-12,24-di(propan-2-il)-1'²,1'³,1'⁹,1'¹⁰,1'¹³,1'¹⁵,35'²,35'³,35'⁹,35'¹⁰,35'¹³,35'¹⁵-dodécahydro-1'^{1H},1'^{12H},35'^{1H},35'^{12H}-4,15,21,32-tétraoxa-2,7,10,13,18,23,26,29,34-nonaaza-1,35(1)-bis(benzo[*de*]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinoléina)-6,30(1,4)-dibenzénapentatriacontaphane-18-sulfonamido]-3,5,5,13-tétraoxo-2,9,12-trioxa-5*Λ*⁶-thia-4,6-diazatridécan-1-yl]-5,5*a*,6,6*a*,7,8-hexahydrocyclopropa[5,6]cycloocta[1,2-*d*][1,2,3]triazol-1(4*H*)-yl]-β-D-galactopyranosyl-(1→4)-[6-désoxy-α-L-galactopyranosyl-(1→6) et non substitué 1:9]-2-acétamido-2-désoxy-β-D-glucopyranosyle

tavatecán 2-acetamido-2,6-didesoxi-6-[(5*aRS*,6*SR*,6*aSR*)-6-{13-[(1'*S*,1'*S*,9*S*,12*S*,24*S*,27*S*,35'*S*,35'*S*)-1'⁹,35'⁹-diel-1'⁵,35'⁵-difluoro-1'⁹,35'⁹-dihidroxi-1'⁴,9,27,35'⁴-tetrametil-1'¹⁰,1'¹³,3,8,11,14,22,25,28,33,35'¹⁰,35'¹³-dodecaoxo-12,24-di(propan-2-il)-1'²,1'³,1'⁹,1'¹⁰,1'¹³,1'¹⁵,35'²,35'³,35'⁹,35'¹⁰,35'¹³,35'¹⁵-dodecahidro-1'^{1H},1'^{12H},35'^{1H},35'^{12H}-4,15,21,32-tetraoxa-2,7,10,13,18,23,26,29,34-nonaaza-1,35(1)-bis(benzo[*de*]pirano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinoléina)-6,30(1,4)-dibencenapentatriacontafano-18-sulfonamido]-3,5,5,13-tetraoxo-2,9,12-trioxa-5*Λ*⁶-tia-4,6-diazatridecan-1-il]-5,5*a*,6,6*a*,7,8-hexahidrocciclopropa[5,6]cicloocta[1,2-*d*][1,2,3]triazol-1(4*H*)-il]-β-D-galactopiranosil-(1→4)-[6-desoxi-α-L-galactopiranosil-(1→6) y no sustituido 1:9]-2-acetamido-2-desoxi-β-D-glucopiranosilo

-C₁₂₄H₁₅₂F₂N₂₁O₄₂S₂ and -C₁₁₈H₁₄₂F₂N₂₁O₃₈S₂ (1:9)



AMENDMENTS TO PREVIOUS LISTS
MODIFICATIONS APPORTÉES AUX LISTES ANTÉRIEURES
MODIFICACIONES A LAS LISTAS ANTERIORES

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 77
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 77
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 77
(WHO Drug Information, Vol. 11, No. 2, 1997)

p.92 **infiximabum #**
infiximab
infiximab
infiximab

insert the following sequence
insérer la séquence suivante
insertese la siguiente secuencia

Sequence
Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVKLEESGGG LVQPGGSMKL SCVASGFIFS NHWMNWVRQS PEKGLEWVAE 50
IRSKSINSAT HYAESVKGRF TISRDDSKSA VYLQMTDLRT EDTGVYYCSR 100
NYYGSTYDYW GQGTTLTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VILHQQDWLNGKEYCKVSNKALPAPIEKTIISKAKGQPREPQ 350
VYTLPPSRDELTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPPV 400
LDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFCSCVMHEALHNYHTQKSLSLSPGK 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DILLTQSPAI LSVSPGERVS FSCRASQFVG SSIHWYQQRT NGSPLLIIKY 50
ASEMSGIPSRFSGSGSGTDFTLISINTVESEDIADYYCQQSHSWPFTFGS 100
GTNLEVKRTVAAPSVFIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNNFYPREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQESVTEQDSKDSYSLSSLTLSKADYEKHKVYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFNGEC 214

p.99 **rituximabum #**
rituximab
rituximab
rituximab

insert the following sequence
insérer la séquence suivante
insertese la siguiente secuencia

Sequence
Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLQQPGAE LVKPGASVKM SCKASGYTFT SYNMHWVKQT PGRGLEWIGA 50
IYPGNGDTSY NQKFKGKATL TADKSSSTAY MQLSSLTSED SAVYYCARST 100
YYGDDWYFNV WGAGTTVTVS AASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150
KDYFPEPVTV WNSGALTSG VHTFFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP NTKVDKKAE PKSCDKHTC PCPAPELLG GPSVFLFPPK 250
PKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQY 300
NSTYRVVSVLTVLHQQDWLNGKEYCKVSNKALPAPIEKTIISKAKGQPREP 350
QVYTLPPSRDELTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPPV 400
VLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFCSCVMHEALHNYHTQKSLSLSPG 450
K 451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
QIVLSQSPAI LSASPGKEVT MTCRASSSVSYIHWFQQKPGSSPKPWIIYAT 50
SNLASGVPRFSGSGSGTSYSLTISRVEAE DAATYYCQQWTSNPPTFGGG 100
TKLEIKRTVAAPSVFIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNNFYPREAKVQWKV 150
NALQSGNSQESVTEQDSKDSYSLSSLTLSKADYEKHKVYACEVTHQGL 200
SSPVTKSFNGEC 213

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 78
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 78
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 78
(WHO Drug Information, Vol. 11, No. 4, 1997)

p.299 **daclizumabum #**
daclizumab
daclizumab
daclizumab

insert the following sequence
insérer la séquence suivante
insertese la siguiente secuencia

Sequence:
Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SKASGYTFT SYRMHWVRQA PGQGLEWIGY 50
INPSTGYTEY NQKFKDKATI TADESTNTAY MELSSLASED TAVYYCARGG 100
GVFDYWGQGT LVTVSSASTK GPSVFPLAPS SKSTSGGTAA LGCLVKDYFP 150
EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVTVFPSS SLGTQTYICN 200
VNHHKPSNTKV DKKVEPKSCD KHTCTPPCEA PELLGGPSVF LFPKPKDTL 250
MISRTPEVTC VVVDVSHEDP EVKFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTRY 300
VVSVLTVLHQ DWLNGKEYRC KVSNAKALPAP IEKTIKARG QPREPQVYTL 350
PFSRDELTKN QVSLTCLVKG FYFSDIAVEW ESNQGPFENNY KTFPVLDSLD 400
GSEFLYSLKT VDKSRQQGN VFSCSVNHEA LHNHYTKSL SLSPGK 446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPST LSASVGDRTV ITCSASSIS YMHWYQQKPG KAPKLLIYTT 50
SNLASGVPAR FSGSGSGTEF TLTISSLQPD DFATYYCHQR STYPLTFPGG 100
TKVEVKRTVA APSVFIFPPS DEQLKSGTAS VVCLLNNFYP REAKVQWKVD 150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYSLSSTLTLL SKADYEKKHV YACEVTHQGL 200
SSPVTKSFNR GEC 213

p.295 **trastuzumabum #**
trastuzumab
trastuzumab
trastuzumab

insert the following sequence
insérer la séquence suivante
insertese la siguiente secuencia

Sequence
Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFNIK DTIYHWVRQA PGKLEWVAR 50
IYPTNGYTRY ADSVKGRFTI SADTSKNTAY LQMNSLRAD TAVYYCSRWG 100
GDGEYAMDYW GQGTILVTSS ASTKGPSVEP LAPSSKSTSG GTALGCLVK 150
DIFPEPTYS WNSGALTSV HTFPAVLQSS GLYSLSSVTV VPSSSLGTQT 200
YICNNHKS NTKVQKVEP KSCDKTCTCP CPAPPELLGG SVFLFPPPK 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAIEKTIK KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLTCL LVKGFPYSDI AVEWESNGQP ENNYKTTFPV 400
LDSGDSFFLY SKLTVDKSRW QGNVVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGDRTV ITCRASQDVN TAVAWYQQK GKAPKLLIYS 50
ASFLISGVPS RFSGSRSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ HYTTPTPTFQ 100
GTKVLEIKRV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 82
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 82
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 82
(WHO Drug Information, Vol. 13, No. 4, 1999)

p.269 **cetuximabum #**
cetuximab
cétuximab
cetuximab

insert the following sequence
insérer la séquence suivante
insertese la siguiente secuencia

Sequence
Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLKQSGPG LVQPSQSLSI TCTVSGFSIT NYGVHWVRQS PGKGLEWLVG 50
IWSGNTDYN TPFTSRLSIN KDNSKQYVEF KMSLQSDNT AIYYCARALT 100
YYDEYFAYWG QGTLVTVSAA STKGPSVFP LAPSSTSGGT TAALGCLVND 150
YFPEPTVTSW NSGALTSGVH TFPAVLQSSG LYSLSVTVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHPKSN TKVDKRVPEK SCDKHTCTCP CPAPPELLGG SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTP ETCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSREEM TKNQVSLTCL LVKGFPYSDIA VEWESNGQPE NNYKTTFPVL 400
DSGDSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DILLTQSPVI LSVSPGERVS FSCRASQSIG TNIHWYQRT NGSPRLLIKY 50
ASESISGIPS RFSGSGSGTD FTLINSVS EADIADYYCQ NNNWPTTFGA 100
GTKLELKRIV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 83
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 83
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 83
(WHO Drug Information, Vol. 14, No. 2, 2000)

p.109 **alemtuzumabum #**
 alemtuzumab *insert the following sequence*
 alemtuzumab *insérer la séquence suivante*
 alemtuzumab *insertese la siguiente secuencia*

Sequence
Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLQESGPG LVRFSQTLSL TCTVSGFTFT DFYMNWVRQP PGRGLEWIGF 50
IRDKAKGYTT EYNPSVKGKV TMLVDTSKNO FSLRLSSVTA ADTAVYYCAR 100
EGHTAAPFDY WQGSLVTIVS SASTKGPSVF PLAPSKSTS GGTAALGCLV 150
KDYFPEPVTY WNSGALTISG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP SNTKVDKRVK PKSCDKHTHC PPCPAPELLG GPSVFLFPFK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYDQGEVHN AKTQPREEQY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTII SKAKQPREP 350
QVYTLPPSRD ELTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTTP 400
VLDSGGSFFL YSKLTVDKSR WQGNVFSCS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG 450
K 451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCKASQDID KYLNWYQKQP GKAPKLLIYN 50
TNNLQTGVPS RFGSGSGSTT FTFTISSLQP EDIATYYCLQ HISRPRTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVEIFPP SDEQLKSGTA SVVCLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYERKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGECC 214

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 84
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 84
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 84
(WHO Drug Information, Vol. 14, No. 4, 2000)

p.263 **omalizumabum #**
 omalizumab *insert the following sequence*
 omalizumab *insérer la séquence suivante*
 omalizumab *insertese la siguiente secuencia*

Sequence
Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPQGSRLR SCAVSGYSIT SGYSWNWIRQ APFGKLEWVA 50
SITYDGSITNY NPSVKGRTIT SRDSSKNTFY LQMNSLRAED TAVYYCARGS 100
HYFGHWHFV WQGTTLIVTS SASTKGPSVF PLAPSKSTS GGTAALGCLV 150
KDYFPEPVTY WNSGALTISG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP SNTKVDKRVK PKSCDKHTHC PPCPAPELLG GPSVFLFPFK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYDQGEVHN AKTQPREEQY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTII SKAKQPREP 350
QVYTLPPSRE EMTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTTP 400
VLDSGGSFFL YSKLTVDKSR WQGNVFSCS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG 450
K 451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQLTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSYD YDGSYMNWY QKPGKAPKL 50
LIYAASYLES GVPSPFSGSG SGTDFTLTIS SLQPEDFATY YCQSHEDPY 100
TFGQGTKVEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLT STITLSKADY EKHKVYACVE 200
THQGLSPPT KSFNRGEC 218

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 85
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 85
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 85
(WHO Drug Information, Vol. 15, No. 2, 2001)

p.133 **adalimumabum #**
 adalimumab *insert the following sequence*
 adalimumab *insérer la séquence suivante*
 adalimumab *insertese la siguiente secuencia*

Sequence:
Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPGRSLRL SCAASGFTFD DYAMHWVRQA PGKGLEWVSA 50
ITWNSGHIDY ADSVEGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TAVYYCAKVS 100
YLSTASSLDY WQGGTLTVTS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAAALGLV 150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSVV TVPSSSLGTQ 200
TYICNVNHPK SNTKVKQKVE FKSCOKHTTC PCPAPPELLG GPSVLEFPK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKAPREBOY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGPQPREP 350
QVYTLPEPRD ELTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTPE 400
VLDSGDSFEL YSKLTVDKSR WQQGNVFSCS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG 450
K 451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGRDVT ITCRASQGIT NYLAWYQKPK GKAPKLLIYA 50
ASTLQSGVPS RFGSGSGGTD FTLTISSLQP EDVATYYCQR YNRAPYTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWVK 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK YVACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 86
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 86
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 86
(WHO Drug Information, Vol. 16, No. 1, 2002)

p.64 **bevacizumabum #**
bevacizumab *insert the following sequence*
bévacizumab *insérer la séquence suivante*
bevacizumab *insertese la siguiente secuencia*

Sequence
Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGYTFT NYGMNWVRQA PGKGLEWVGW 50
INTYTGEPY AADFKRRTFT SLDTSKSTAY LQMNSLRAED TAVYYCAKYP 100
HYGSSHWYF DVWGGTLTVT VSSASTKGPS VFPLAPSSKS TSGGTAALGC 150
LVKDYFPEPV TVSWNSGALT SGVHTFFPAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG 200
TQTYICNVNH KPSNTKVDKK VEPKSCDKTH TCPCPAPEL LGGPSVFLFP 250
PKPKDTLMIS RTPEVTCVVV DVSHEDPEVK FNWYVDGVEV HNAKTKPREE 300
QYNSTYRVVS VLTVLHQDWL NGKEYCKKVS NKALPAPIEK TISKAKGPQR 350
EPQVYTLPPS REEMTKNQVS LTCLVKGFYP SDIAVEWESN GQPENNYKTT 400
PPVLDSGGSF FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSMVHEALHN HYTQKSLSL 450
PGK 453

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGRDVT ITCASQDIS NYLNNWYQKPK GKAPKVLIFY 50
TSSLHSGVPS RFGSGSGGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ YSTVPWTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWVK 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK YVACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 89
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 89
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 89
(WHO Drug Information, Vol. 17, No. 3, 2003)

p. 187 **belimumabum #**
belimumab *insert the following sequence*
bélimumab *insérer la séquence suivante*
belimumab *insertese la siguiente secuencia*

Sequence
Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLQSGAE VKKPGSSVRV SCASGGTFN NNAINWVRQA PGQGLEWMMG 50
IIPMFGTAKY SQNFQGRVAI TADESTGTAS MELSLRSLED TAVYYCARSR 100
DLLLFPHHAL SPWGRGTMVT VSSASTKGPS VFPLAPSSKS TSGGTAALGC 150
LVKDYFPEPV TVSWNSGALT SGVHTFFPAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG 200
TQTYICNVNH KPSNTKVDKK VEPKSCDKTH TCPCPAPEL LGGPSVFLFP 250
PKPKDTLMIS RTPEVTCVVV DVSHEDPEVK FNWYVDGVEV HNAKTKPREE 300
QYNSTYRVVS VLTVLHQDWL NGKEYCKKVS NKALPAPIEK TISKAKGPQR 350
EPQVYTLPPS RDELTKNQVS LTCLVKGFYP SDIAVEWESN GQPENNYKTT 400
PPVLDSGGSF FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSMVHEALHN HYTQKSLSL 450
PGK 453

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
SSELTQDFAV SVALGQTVRV TCQGDLSASY YASWYQKPK QAPVLVIYK 50
NNRPSGIPDR FSGSSSGNTA SLTITGAQAE DEADYCCSR DSSGNHWVFG 100
GGTELTVLGQ PKAAPSVTLF PPSSEELQAN KATLVCLISD FYPGAVTVAW 150
KADSSPVKAG VETTTPSKQS NNKYAASSYL SLTPEQWKSH RSYSCQVTHE 200
GSTVEKTVAF TECS 214

p.208 **pertuzumabum #**
pertuzumab *insert the following sequence*
pertuzumab *insérer la séquence suivante*
pertuzumab *insertese la siguiente secuencia*

Sequence
Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPFGSLRL SCAASGFTFT DYTMDWVRQA PGKGLEWVAD 50
VNPNSGGSIY NQRFKGRFTL SVDRSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARNL 100
GPSFYFDYWG QGTLVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTWSW NSGALTSGVH TFPAPVQSSG LYSLSVTVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHPKSN TKVDKVKVEK SCDKHTCPCP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNMY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKYSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSREEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
DSDGSEFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNYHTQ KSLSLSPGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS SASVGDRTVI TCKASQDYSI GVAWYQQKPK KAPKLLIYA 50
SYRYTGVESK FSGSGSGTD FTLTISLQPE DFATYYCQQY YIYPYTFGQG 100
TKVEIKRTVA APSVFIFPPS DEQLKSGTAS VVCLLNNFIP REAKVQWKVD 150
NALQSGNSQ SVTEQDSKDS TYSLSSTLT SKADYEKHKV YACEVTHQGL 200
SSPVTKSFN R GEC 213

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 90
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 90
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 90
(WHO Drug Information, Vol. 31, No. 2, 2017)

p.61 **ranibizumabum #**
ranibizumab *insert the following sequence*
ranibizumab *insérer la séquence suivante*
ranibizumab *insertese la siguiente secuencia*

Sequence
Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPFGSLRL SCAASGYDFT HYGMNWRVQA PGKGLEWVGW 50
INTYTGEPTY AADFKRRFTF SLDTSKSTAY LQMNSLRAED TAVYYCAKYP 100
YYIGTSHWYF DVMGQGLTIV VSSASTKGPS VFPLAPSKKS TSGGTAAALGC 150
LVKDYFPEPV TVSWNSGALT SGVHTFFAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG 200
TQTYICNVNH KPSNTKVDKK VEPKSCDRTH L 231

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQLTQSPSS LSASVGDRTV ITCSASQDIS NYLNNWYQQK GKAPKVLIIYF 50
TSSLHSGVPS RFGSGSGGTD FTLTISLQPE EDFATYYCQQ YSTVPWTFQG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN R GEC 214

p.64 **tadekinigum alfa #**
tadekinig alfa *replace the chemical name and sequence by the following ones*

tadékinig alfa *remplacer la séquence par la suivante*
tadekinig alfa *sustitúyase la secuencia por la siguiente*

extracellular part of the human Interleukin-18-binding protein (IL-18BP)
Sequence / Séquence / Secuencia
TFVSTQTAA TASVRSTKDP CPSQPFVFP AKQCPALEVT WPEVEVPING 50
TSLSCVACS RFPNFSILYV LGNGSFIEHL PGRLEGSTS RERGSTGTOL 100
CKALVLEQLT PALHSTNFSC VLVDPQVQV RHVLAQLNA GLRATLPPTQ 150
EALPSSHSSP QQQG 164

p.66 **tocilizumabum #**
tocilizumab *insert the following sequence*
tocilizumab *insérer la séquence suivante*
tocilizumab *insertese la siguiente secuencia*

Sequence	
Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada	
EVQLVESGGG LVFRSGTSL TCTVSGYSIT SDHANSWVRQ PPGRGLEWIG	50
YISYSGITTY NPSLKSRTVM LRDTSKNQFS LRLSSVTAAD TAVYYCARSL	100
ARTTAMDYWG QGSLVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD	150
YFPEPTVTSW NSGALTSGVH TFFAVLQSSG LYSLSVVTV PSSSLGTQTY	200
ICNVNHNKPSN TKVDKKVEPK SCDKTHTCPP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK	250
DTLMISRTPF VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS	300
TYRVVSVLTV LHQDNLNGRE YKCKVSNKAL PAPIETKISK AKGQPREPQV	350
YTLPPSRDEL TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESINGQPE NNYKTTTPVL	400
DSGDSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCVM HEALHNHYTQ KLSLSLSPG	448
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera	
DIQMTQSPFS LSAISGDRVT ITCRASQDIS SYLNNQQWQK GKAPKLLIY	50
TSRLHSGVPS RFSGSGSGTD FTFTISSIQP EDIATYYCQQ GNTLPYTFGQ	100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNNEY PREAKVQWK	150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSK STYSLSLTIL LSKADYERKH VYACEVTHQG	200
LSSPVTKSFN RGEK	214

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 91
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 91
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 91
(WHO Drug Information, Vol. 18, No. 2, 2004)

p.167

golimumabum #

golimumab

golimumab

golimumab

insert the following sequence

insérer la séquence suivante

insertese la siguiente secuencia

Sequence	
Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada	
QVQLVESGGG VVQPGRLRL SCAASGFIFS SYAMHWVRQA PGNGLEWVAF	50
MSYDGSNKKY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARDR	100
GIAAGNYYYY YGMDVWGQGT TTVTSSASTK GSFVFLAPS SKSTSGGTAA	150
LGCLVKDYFP EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVTVPS	200
SLGTQTYICN VNHKPSNTKV DKRVEPKSCD KTHTCPPCPA PELLGGPSVF	250
LFPFKPKDTL MISRTPEVTC VVVDVSHEDP EVKENWYVDG VEVHNARTKP	300
REQYNSTYR VVSVLTVLHQ DWLNGREYKC KVSNKALPAP IETISKAKG	350
QPREFQVYTL PPSRDELTKN QVSLTCLVKG FPFSDIAVSW ESNQPENNY	400
KTFEPVLDSG GSFFLYSKLT VDKSRWQQN VFSCSVHMEA LHNHYTQKSL	450
SLSPGK	456
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera	
EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQSVY SYLAWYQKPK GQAPRLLIYD	50
ASNRTGIPA RFSGSGSGTD FTLTISLLEP EDFAVYYCQQ RSNWPPFTFG	100
PGTKVDIKRT VAAPSVFIFFP SDEQLKSGT ASVVCLLNMF YPREAKVQWK	150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYSLSLTL TSKADYERKH VYACEVTHQ	200
GLSSPVTKSF NRGEK	215

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 93
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 93
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 93
(WHO Drug Information, Vol. 19, No. 2, 2005)

p.174

ofatumumabum #

ofatumumab

ofatumumab

ofatumumab

insert the following structure

insérer la structure suivante

insertese la siguiente estructura

Sequence	
Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada	
EVQLVESGGG LVQPGRLRL SCAASGFTFN DYAMHWVRQA PGKLEWVST	50
ISWNSGIGY ADSVKGRFTI SRDNAKSLY LQMNSLRAED TALYYCAKDI	100
QYGNYYGMD VMGQGTITTV SSASTKGPSV FFLAPSSKST SGGTAALGCL	150
VKDYFPEPTV VSWNSGALTS GVHTFFAVLQ SSGLYLSSV VTPVSSSLGT	200
QTYICNVNHNK PSNTKVDKRV EPKSCDTHT CPFCAPPELL GGSVFLFEP	250
RPKDLMLST FTEVTCVVDV VSHDEVEFT NWYDGVGEVH NAKTKRREK	300
VNSTYRVVSV LTVLHQDWLN GREYKCKVSN KALPAPEKT ISKAKQPRE	350
PQVYTLPEPR EEMTKNQVSL TCLVKGFYFS DIAVEWESNG QPENNYKTF	400
PVLDSGDSFF LYSKLTVDKS RWQGNVFESC SVMHEALHNN YTQKLSLSLP	450
GK	452
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera	
EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQSVY SYLAWYQKPK GQAPRLLIYD	50
ASNRTGIPA RFSGSGSGTD FTLTISLLEP EDFAVYYCQQ RSNWPFITFG	100
GTRLEIKRTV AAPSVFIFFP SDEQLKSGTA SVVCLLNMF PREAKVQWK	150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSK STYSLSLTIL LSKADYERKH VYACEVTHQG	200
LSSPVTKSFN RGEK	214

Post-translational modifications	
Disulfide bridges location/ Position des ponts disulfure/ Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-H	22-96 149-205 266-326 372-430
	22'-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"
Intra-L	23'-88" 134"-194"
	23"-88" 134"-194"
Inter-H-L	225-214' 225"-214"
Inter-H-H	231-231' 234-234"
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación	
302,302"	

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 97
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 97
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 97
(WHO Drug Information, Vol. 21, No. 2, 2007)

- p.175 **certolizumabum pegolum #**
 certolizumab pegol *insert the following sequence*
 certolizumab pégol *insérer la séquence suivante*
 certolizumab pegol *insertese la siguiente secuencia*

Sequence

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVQFGGSLRL SCAASGIVFT DYGMNVRQA PGKGLEWMGW 50
INTYIGEPIY ADSVKGGRFTF SLDTSKSTAY LQMNSLRAED TAVYYCARGY 100
RSYAMDYWGQ GTLVTVSSAS TKGPSVFFLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FFEPVTISWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKFSNT KVDKKVEPKS CDKTHTCAA 229
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS LSASVGRDVT ITCKASQNVG TNVANWYQKP GKAPKALIYS 50
ASFLYSGVPY RFGSGSGSTD FTLTSSLQP EDFATYYCQQ YNIYPLTFGQ 100
GTKVEIKRVT AAPSVFIFPP SDEQLKSSTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLTIT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214
```

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 117
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 117
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 117
(WHO Drug Information, Vol. 31, No. 2, 2017)

- p.312 **pegdarbepoetinum beta #**
 pegdarbepoetin beta *replace the structure by the following one*
 pegdarbépoétine bêta *remplacer la structure par la suivante*
 pegdarbepoetina beta *sustitúyase la estructura por la siguiente*

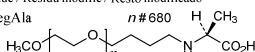
Sequence / Séquence / Secuencia

```
APRLICDSR VLERYLLEAK EAENITTCGN ETCSLNEKIT VPDTKVNIFY 50
WKRMEVQQQA VEWQGLALL SEAVLRGQAL LVNSQVNET LQLHVDKAVS 100
GLRSLTTLR ALCAQKEAIS PPDASAAPL RTITADTFRK LFRVYSNFLR 150
GKLLKLYTGEA CRTGD 165
```

Disulfide bridge location / Position du pont disulfure / Posición del puente disulfuro

7-161 29-33

Modified residue / Résidu modifié / Resto modificado

 $\Delta(1) = N\text{-pegAla}$ 

Glycosylation site (N, S) / Site de glycosylation (N, S) / Posición de glicosilación (N, S)

Asn-24 Asn-30 Asn-38 **Asn-83** Asn-88 Ser-126

- p.324 **rezafungini acetat**
 rezafungin acetate *replace the chemical name by the following one*
 acétate de rézafungine *remplacer le nom chimique par le suivant*
 acetato de rezafungina *sustitúyase el nombre químico por el siguiente*

$N^{5,1}$,6-anhydro[(4*R*,5*R*)-4-hydroxy- N^2 -[3⁴-(pentyloxy)][1¹,2¹:2⁴,3¹-terphenyl]-1⁴-carbonyl]-5-[2-(trimethylazaniumyl)ethoxy]-L-ornithyl-L-threonyl-*trans*-4-hydroxy-L-prolyl-(4*S*)-4-hydroxy-4-(4-hydroxyphenyl)-L-threonyl-L-threonyl-(3*S*,4*S*)-3-hydroxy-4-methyl-L-proline] acetate

acétate de $N^{5,1}$,6-anhidro[(4*R*,5*R*)-4-hydroxy- N^2 -[3⁴-(pentyloxy)][1¹,2¹:2⁴,3¹-terphényl]-1⁴-carbonyl]-5-[2-(triméthylazaniumyl)éthoxy]-L-ornithyl-L-thréonyl-*trans*-4-hydroxy-L-prolyl-(4*S*)-4-hydroxy-4-(4-hydroxyphényl)-L-thréonyl-L-thréonyl-(3*S*,4*S*)-3-hydroxy-4-méthyl-L-proline]

acetato de $N^{5,1}$,6-anhidro[(4*R*,5*R*)-4-hidroxi- N^2 -[3⁴-(pentiloxi)][1¹,2¹:2⁴,3¹-terfenil]-1⁴-carbonil]-5-[2-

(trimetilazaniumil)etoxi]-L-L-ornitil-L-treonil-*trans*-4-hidroxi-L-prolil-(4S)-4-hidroxi-4-(4-hidroxifenil)-L-treonil-L-treonil-(3S,4S)-3-hidroxi-4-metil-L-prolina]

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 122

Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 122

Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 122

(WHO Drug Information, Vol. 33, No. 4, 2019)

p.810 **belzupacapum sarotalocanum #**

-812 belzupacap sarotalocan *replace the chemical name and sequence by the following ones*

belzupacap sarotalocan *remplacer le nom chimique et la séquence par les suivants*
belzupacap sarotalocán *sustitúyase el nombre químico y la secuencia por los siguientes*

a modified human papillomavirus (HPV) type 16-derived empty nanoparticle, 55 nm in diameter conjugated to approximately 200 molecules of a phthalocyanine-based photosensitizer (*sarotalocan* group). Each nanoparticle is comprised of 72 capsomeres, made of 5 molecules of modified viral capsid protein L1 [**P**⁷⁸>**R**₁**T**¹⁷⁶>**N**₁, D²⁷³>T, N²⁸⁵>T, S²⁸⁸>N, **T**³⁵³>**P**₁, **T**³⁸⁹>**S**] and one molecule of viral capsid protein L2; human papilloma virus type 16 (HPV16) capsid, a spherical shell of 72 self-assembling pentagonal (L1)₅(L2)₁ capsomere units comprising the recombinant viral capsid proteins L1 ([**P**⁷⁸>**R**₁**T**¹⁷⁶>**N**₁, D²⁷³>T, N²⁸⁵>T, S²⁸⁸>N, **T**³⁵³>**P**₁, **T**³⁸⁹>**S**]-modified) and L2, conjugated to approximately 200 *sarotalocan* groups (near infrared absorbing dye) at N⁶ of lysine residues; produced by human embryonic kidney 293 (HEK293) cells

nanoparticule vide dérivée du virus du papillomavirus humain 16 (HPV) modifié, 55 nm de diamètre, conjuguée à approximativement 200 molécules d'un photosensibilisant à base de **phthalocyanine** (groupe *sarotalocan*). Chaque particule est composée de 72 capsomères, faits de 5 molécules de protéine de capsid virale L1 modifiée [**P**⁷⁸>**R**₁**T**¹⁷⁶>**N**₁, D²⁷³>T, N²⁸⁵>T, S²⁸⁸>N, **T**³⁵³>**P**₁, **T**³⁸⁹>**S**] et d'une molécule de protéine de capsid virale L2; capsid du virus du papillomavirus humain 16 (HPV16), une coquille sphérique de 72 unités de capsomère pentagonal (L1)₅(L2)₁, s'auto-assemblant comprenant les protéines recombinantes de capsid virale L1 ([**P**⁷⁸>**R**₁**T**¹⁷⁶>**N**₁, D²⁷³>T, N²⁸⁵>T, S²⁸⁸>N, **T**³⁵³>**P**₁, **T**³⁸⁹>**S**]-modifiée) et L2, conjuguées à environ 200 groupes *sarotalocan* (colorant absorbant les proches infrarouges) en N⁶ des résidus lysine; produite par des cellules rénales embryonnaires humaines (HEK293)

nanopartícula vacía derivada del virus del papilomavirus humano 16 (HPV) modificado, 55nm de diámetro, conjugado con aproximadamente 200 moléculas de un fotosensibilizante a base de ftalocianina (grupo *sarotalocán*). Cada partícula se compone de 72 capsómeros, hechos de 5 moléculas de proteína de cápside viral L1 modificada [**P**⁷⁸>**R**₁**T**¹⁷⁶>**N**₁, D²⁷³>T, N²⁸⁵>T, S²⁸⁸>N, **T**³⁵³>**P**₁, **T**³⁸⁹>**S**] y de una molécula de proteína de cápside viral L2; cápside del virus del papilomavirus humano 16 (HPV16), una cavidad esférica de 72 unidades de capsómero pentagonal (L1)₅(L2)₁, que se autoensamblan abarcando las proteínas recombinantes de cápside viral L1 ([**P**⁷⁸>**R**₁**T**¹⁷⁶>**N**₁, D²⁷³>T, N²⁸⁵>T, S²⁸⁸>N, **T**³⁵³>**P**₁, **T**³⁸⁹>**S**]-modificada) y L2, conjugadas

aproximadamente a 200 grupos *sarotalocán* (colorante absorbente infrarrojo cercano) en N° de los residuos de lisina; producido por las células renales embrionarias humanas (HEK293)

Sequence / Séquence / Secuencia	
major capsid protein L1:	
MSLWLPSEAT VYLPPVPVSK VVSTDEYVAR TNIYHAGTS RLLAVGHPYF	50
PIKKPNNNKI LVPKVSGLQY RVERIHLDDP NKGFPDTSF YNPDTQRLVW	100
ACVGVGVGRG QPLGVGISGH PLLNKLDDE NASAYAANAG VDNRECISMD	150
YKQTQLCLIG CKPPIGEHWG KGSPTNNVAV NPGDCPPLEL INTVIQDGD	200
VDTGFGAMDF TTLQANKSEV PLDICTSICK YPDYIKMVSE PYGDSLFFYL	250
RREQMFVRHL FNRAGAVGEN VPTDLYIKGS GSTATLANSN YFPTPSGSMV	300
TSDAQIFNKP YWLQRAQGHN NGICWGNQLF VTUVDTTRST NMSLCAAIST	350
SEYIKYKNTNF KEYLRHGEEY DLQFIFQLCK ITLTADVMY IHSMNSTILE	400
DWNFGLQPPP GGTLEDYRF VTSQAIAQCK HTPPAKEDP LKKYTFWEVN	450
LKEKFSADLD QFPLGRKFL QAGLKAKPKF TLGKRKATPT TSSTSTTAKR	500
KKRKL	505

cyclic pentamer (175'-428', 175'-428'', 175'''-428''', 175''''-428'''', 175'''''-428''''')-disulfide, with further intermolecular disulfide bridges of unknown position linking the 72 pentamers together

minor capsid protein L2:	
MRHKRSKRT KRASATQLYK TCKQAGTCPP DIIPKVEGKT IAEQILQYGS	50
MGVFFGGLGI GTGSGTGGRT GYIPLGTRPP TATDTLAPVR PPLTVPVPG	100
SDPSIVSLVE ETSFIDAGAP TSVPSIPDV SGFSITTSTD TTPAILDINN	150
TVTVTTHNN PTFTDPSVLQ PPTPAETGGH FTLSSSTIST HNYEIEPMDT	200
FIYSTNPNTV TSSTPIPGSR PVARLGLYSR TTQQKVVDV AFVTTPTKLI	250
TYDNPAYEGI DVDNTLYFSS NDNSINIAPD PDFLDIVALH RPALTSRRTG	300
IRYSRIGNKQ TLRTRSGKSI GAKVHYYYDL STIDPAEEIE LQTITPSTYT	350
TTSHAASPTS INNGLYDIYA DDEITDSTT VPSPVPSTSL SGYIPANTTI	400
PFGGAYNIPL VSGPDIPINI TDQAPSLIPI VPGSPQYITII ADAGDFYLHP	450
SYMLRKRKR RLPYFFSDVS LAA	473

intramolecular disulfide bridge: 22-28

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación
None / aucune / ninguna

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 128
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 128
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 128
(WHO Drug Information, Vol. 36, No. 4, 2022)

p.1002-
1004 **maridebartum #**
 maridebart
 maridébart
 maridebart

replace the chemical name by the following one
remplacer le nom chimique par le suivant
sustitúyase el nombre químico por el siguiente

immunoglobulin G1-kappa , anti-[*Homo sapiens* GIPR (gastric inhibitory polypeptide receptor)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, G1v64 CH2 C36, G1v54-30 CH2 C83, G84.4, C85 (CH1 R120>K (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 E36>C (275), R83>C (295), N84.4>G (300), V85>C (305) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (97.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.51-53.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (229-229'':232-232'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, **non-glycosylated**

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* GIPR (récepteur du polypeptide inhibiteur gastrique)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;

chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-33*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, G1v64 CH2 C36, G1v54-30 CH2 C83, G84.4, C85 (CH1 R120>K (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 E36>C (275), R83>C (295), N84.4>G (300), V85>C (305) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-15*01 (97.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.51-53.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), **non-glycosylé**

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* GIPR (receptor del polipéptido inhibidor gástrico)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;

cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-33*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, G1v64 CH2 C36, G1v54-30 CH2 C83, G84.4, C85 (CH1 R120>K (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 E36>C (275), R83>C (295), N84.4>G (300), V85>C (305) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-15*01 (97.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.51-53.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), **no glicosilado**

p.1004- maridebartum cafraglutidum #

1006	maridebart cafraglutide maridébart cafraglutide maridebart cafraglutida	<i>replace the chemical name by the following one</i> <i>remplacer le nom chimique par le suivant</i> <i>sustitúyase el nombre químico por el siguiente</i>
------	---	---

immunoglobulin G1-kappa , anti-[*Homo sapiens* GIPR (gastric inhibitory polypeptide receptor)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; conjugated with two identical glucagon-like peptide 1 (GLP-1) analogues;
 gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-33*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, G1v64 CH2 C36, G1v54-30 CH2 C83, G84.4, C85 (CH1 R120>K (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 E36>C (275), R83>C (295), N84.4>G (300), V85>C (305) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-15*01 (97.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.51-53.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, **non-glycosylated**; 275,275"-bis(thioether) conjugated to a glucagon-like peptide 1 (GLP-1) analogue (GCG (glucagon) 98-126, GLP-1 7-35 A8>methylalanine (2), V16>Y (10), G22>E (16)), via a fused 18-mer linker (diglycyl-tris(tetraglycyl-seryl)-lysineamide

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* GIPR (récepteur du polypeptide inhibiteur gastrique)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; conjugué avec deux peptides identiques analogues du peptide-1 similaire au glucagon(GLP-1); chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, G1v64 CH2 C36, G1v54-30 CH2 C83, G84.4, C85 (CH1 R120>K (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 E36>C (275), R83>C (295), N84.4>G (300), V85>C (305) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (97.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.51-53.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), **non-glycosylé**; 275,275"-bis(thioéther) conjugué à un analogue du glucagon-like peptide 1 (GLP-1)(GCG (glucagon) 98-126, GLP-1 7-35 A8>méthylalanine (2), V16>Y (10), G22>E (16)), via un linker fusionné de 18-mer (diglycyl-tris(tétraglycyl-séryl)-lysineamide)

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* GIPR (receptor del polipéptido inhibidor gástrico)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; conjugado con dos péptidos idénticos análogos del péptido tipo glucagón 1 (GLP-1); cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, G1v64 CH2 C36, G1v54-30 CH2 C83, G84.4, C85 (CH1 R120>K (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 E36>C (275), R83>C (295), N84.4>G (300), V85>C (305) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (97.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.51-53.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), **no glicosilado**; 275,275"-bis(tioéter) conjugado con un análogo del péptido de tipo glucagón 1 (GLP-1)(GCG (glucagón) 98-126, GLP-1 7-35 A8>metilalanina (2), V16>Y (10), G22>E (16)), a través de un enlace fusionado de 18-mer (diglicil-tris(tetraglicil-seril)-lisinamida)

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 130

Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 130

Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 130

(WHO Drug Information, Vol. 37, No. 4, 2023)

p.1157 setidegrasibum

setidegrasib

sétidegrasib

setidegrasib

replace the chemical name and structure by the following ones

remplacer le nom chimique et la structure par les suivants

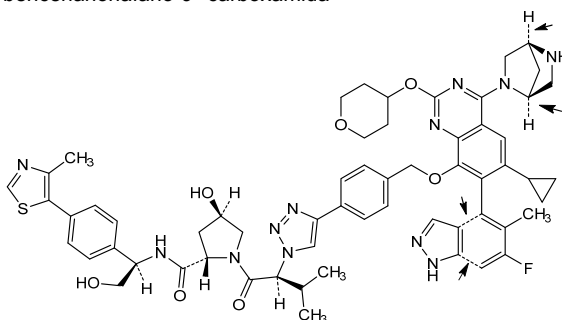
sustitúyase el nombre químico y la estructura por los siguientes

(1⁴M,7S,9²S,9⁴R)-2⁶-cyclopropyl-2⁴-[(1S,4S)-2,5-diazabicyclo[2.2.1]heptan-2-yl]-1⁶-fluoro-9⁴-hydroxy-N-[(1R)-2-

hydroxy-1-[4-(4-methyl-1,3-thiazol-5-yl)phenyl]ethyl]-1⁵-methyl-2²-[(oxan-4-yl)oxy]-8-oxo-7-(propan-2-yl)-1¹*H*-3-oxa-2(7,8)-quinazolina-1(4)-indazola-6(4,1)-[1,2,3]triazola-9(1)-pyrrolidina-5(1,4)-benzenanonaphane-9²-carboxamide

(1⁴*M*,7*S*,9²*S*,9⁴*R*)-2⁶-cyclopropyl-2⁴-[(1*S*,4*S*)-2,5-diazabicyclo[2.2.1]heptan-2-yl]-1⁶-fluoro-9⁴-hydroxy-*N*-{[(1*R*)-2-hydroxy-1-[4-(4-méthyl-1,3-thiazol-5-yl)phényl]éthyl]-1⁵-méthyl-2²-[(oxan-4-yl)oxy]-8-oxo-7-(propan-2-yl)-1¹*H*-3-oxa-2(7,8)-quinazolina-1(4)-indazola-6(4,1)-[1,2,3]triazola-9(1)-pyrrolidina-5(1,4)-benzénanonaphane-9²-carboxamide

(1⁴*M*,7*S*,9²*S*,9⁴*R*)-2⁶-ciclopropil-2⁴-[(1*S*,4*S*)-2,5-diazabíciclo[2.2.1]heptan-2-il]-1⁶-fluoro-9⁴-hidroxi-*N*-{[(1*R*)-2-hidroxi-1-[4-(4-metil-1,3-tiazol-5-il)fenil]etil]-1⁵-metil-2²-[(oxan-4-il)oxi]-8-oxo-7-(propan-2-il)-1¹*H*-3-oxa-2(7,8)-quinazolina-1(4)-indazola-6(4,1)-[1,2,3]triazola-9(1)-pirrolidina-5(1,4)-bencenanonafano-9²-carboxamida



Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 131

Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 131

Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 131

(WHO Drug Information, Vol. 38, No. 2, 2024)

p.309	<i>delete/supprimer/suprimase</i> dezecapavirum dezecapavir dézécapavir dezecapavir	<i>insert/insérer/insertese</i> fremocapavirum fremocapavir frémocapavir fremocapavir
p.310	direclidinum direclidine diréclidine direclidina	<i>replace the action and use by the following one</i> <i>remplacer les propriétés et indications par les suivantes</i> <i>sustitúyase los acción y uso por los siguientes</i> muscarinic M4 receptor agonist agoniste du récepteur muscarinique M4 agonista del receptor muscarínico M4
p.347-348	imneskibartum # imneskibart imneskibart imneskibart	<i>replace the chemical name by the following one</i> <i>remplacer le nom chimique par le suivant</i> <i>sustitúyase el nombre químico por el siguiente</i> immunoglobulin G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> IL2 (interleukin 2)], humanized monoclonal antibody; H-gamma1 heavy chain humanized (1-451) [VH (<i>Homo sapiens</i>

IGHV1-24*01 (84.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 L1.3>A (238), L1.2>A (239) (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)), (224-220')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (88.1%) -IGKJ4*01 (90.9%) G120>A (106'), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220'))]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL2 (interleukine 2)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-24*01 (84.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 L1.3>A (238), L1.2>A (239) (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)), (224-220')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (88.1%) -IGKJ4*01 (90.9%) G120>A (106'), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220'))]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL2 (interleukina 2)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-24*01 (84.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, G1v14 CH2 A1.3, A1.2(CH1 K120 (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 L1.3>A (238), L1.2>A (239) (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)), (224-220')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (88.1%) -IGKJ4*01 (90.9%) G120>A (106'), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220'))]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa

p.459-461 **tabirafuspum alfa #**

tabirafusp alfa *replace the structure by the following one*
 tabirafusp alfa *remplacer la structure par la suivante*
 tabirafusp alfa *sustitúyase la estructura por la siguiente*

Disulfide bridges location

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
 Intra VEGFR1/2-heavy chain: 30"-79", 124"-185", 237"-311", 361"-417", 478"-538", 584"-642"
 30"-79", 124"-185", 237"-311", 361"-417", 478"-538", 584"-642"
 Intra kappa light chain: 23"-87", 133"-193", 23"-87", 133"-193"
 Inter VEGFR1/2-heavy chain: 443-443", 446-446"
 Inter heavy chain-light chain: 437-213', 437"-213"

p.461-463 **tabirafuspum alfa tedromerum #**
tabirafusp alfa tedromer *replace the structure by the following one*
tabirafusp alfa tédromère *remplacer la structure par la suivante*
tabirafusp alfa tedrómero *sustitúyase la estructura por la siguiente*

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra VEGFR1/2-heavy chain: 30-79, 124-185, 237-311, 361-417, 478-538, 584-642
30"-79", 124"-185", 237"-311", 361"-417", 478"-538", 584"-642"
Intra kappa light chain: 23'-87', 133'-193', 23"-87", 133"-193"
Inter VEGFR1/2-heavy chain: 443-443", 446-446"
Inter heavy chain-light chain: 437-213', **437"-213"**

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 132
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 132
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 132
(WHO Drug Information, Vol. 38, No. 4, 2024)

p.1029-1032 **anbenitamabum repodatecanum #**
anbenitamab repodatecan *replace the structure by the following one*
anbénitamab répodatécan *remplacer la structure par la suivante*
anbenitamab repodatecán *sustitúyase la estructura por la siguiente*

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada : H-gamma1 anti-ERBB2 domain II (knob) (H)
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTT DYTHDWRQA PGKLEWAD 58
VFNISGGSTY NQRFKGRFTL SVRSKNTLY LQMSLRAD TAVYCAKRL 108
GPSFYFDYWG QGTLVTSSA STKGPSVFPL APSKSTSG TAALGCLVKD 158
YFPEPVTSW NSGALTSQVH TFPALVQSSG LYSLSVSVTV PSSSLGTQTY 208
ICIKVNHKPSN TKVDKKVEPK SCDKTHTCP CPAPELLGSP SVFLFPPKPK 258
DTLHISRTPE VTCVVDVSH EDPEVKFHW VDGVEVNAK TKPREEQYNV 308
TYRVSVLTV LHQDMLNGK YKCKVSNKAL PAPTEKTSK AKGQPREPQV 358
YTLPPSRDEL TKNQVSLWCL VKGFYPSDIA AVESNGQPE NNYKTTTPVL 408
DSGDSFFLYS ALTVDKSRMQ QGNVFSCSVN HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449

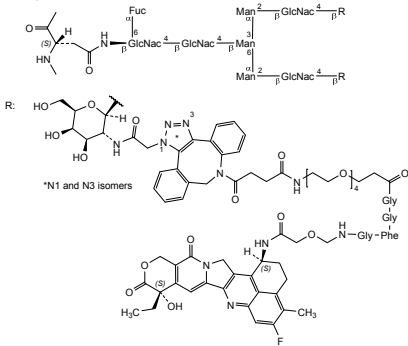
Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada : H-gamma1 anti-ERBB2 domain IV (hole) (H')
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGNIK DTYLHWWRQA PGKLEWVR 58
IYPTNGYTRY ADSVKGRFTI SADTSKNITAY LQMSLRAD TAVYCSRWG 108
GDFYAMDYWG QGTLVTSSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAAIGCLVK 158
DYFPEPVTS NSGALTSQVH TFPALVQSS GLYSLSVSVTV PSSSLGTQTY 208
YICVNHKPSN TKVDKKVEPK SCDKTHTCP PCPAPELLGS PSVFLFPPKP 258
KDTLMISRTPEVTCVVDVSHEDPEVKFHWYDGVEVHNAKTKPREEQYNV 308
STYRVSVLTVLHQDMLNGK EYKCKVSNKALPAPIEKITS KAKGQPREPQ 358
VYTLPPSRDEL TKNQVSLWCL VKGFYPSDIA AVESNGQPE ENNYKTTTPV 408
LDSGDSFFLYS SKLTVDKSRMQ QGNVFSCSVN MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera : L-kappa anti-ERBB2 (L', L'')
DIQNTQSPSS LSASVGRDVT ITCRASQDVN TAVAWYQKPK GKAPKLLIYS 58
ASFLYSGVPS RFSGSRSDTD FTLLTSLQLQ EDFATYTCQK HPTTPTTFQ 108
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVCLNNFNY PREAKVQWVK 158
DNALQSGNSQ ESVTQDQSKD STYLSLSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 208
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 263-323 369-427
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-214' 223'-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 228-229" 231-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 299, 300"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / Glycans de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / Glucanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados
C-terminal lysine clipping / Couppure de la lysine C-terminale / Recorte de laisina C-terminal
H CHS K2: 449, 450"

Modified distal [β]GlcNAc groups / Groupes [β]GlcNAc distaux modifiés / Grupos [β]GlcNAc distales modificados
*(repodatecanAb -3.8:1)
Asn299, Asn300":



p.1041-1042-463 **balekafuspum alfa #**

balekafusp alfa
balékafusp alfa
balekafusp alfa

replace the structure by the following one
remplacer la structure par la suivante
sustitúyase la estructura por la siguiente

Disulfide bridges
location

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra IgG1 heavy chain: 22-96, 148-204, 265-325, 371-429,
22"-96", 148"-204", 265"-325", 371"-429"
Intra IgG1 light chain-IL-2: 23'-229', 63'-148', 275'-335', 23"-229", 63"-148", 275"-335"
Inter IgG1 heavy chain-light chain-IL-2: 224-355', 224"-355"
Inter IgG1 heavy chain-heavy chain: 230-230", 233-233"

p.1078-1079 **efranarelinum alfa #**

efranarelin alfa
efranarélinine alfa
efranarelinina alfa

replace the chemical name by the following one
remplacer le nom chimique par le suivant
sustitúyase el nombre químico por el siguiente

human immunoglobulin G1 (IgG1) Fc fragment (h-CH2-CH3-CHS domains) (1-226) [Homo sapiens IGHG1*03 (hinge (1-10), CH2 L¹⁴>F, L¹⁵>E, P¹¹¹>S (11-120), CH3 S¹³⁴>C, T¹⁴⁶>W (121-225), CHS K²²⁷>del (226'))] fused via peptide linker (G₄S)₃G₅S (227-247) to the chain A of human relaxin H2 (RLN2) (1-24, 248-271 in the actual sequence), heterodimer (6-6':9-9':134-129':258-257':271-269')-pentakisdisulfide with human immunoglobulin G1 (IgG1) Fc fragment (h-CH2-CH3-CHS domains) (1'-226') [Homo sapiens IGHG1*03 (hinge (1'-10'), CH2 L¹⁴>F, L¹⁵>E, P¹¹¹>S (11'-120'), CH3 Y¹²⁹>C, T¹⁴⁶>S, L¹⁴⁸>A, Y¹⁸⁷>V (121'-225'), CHS K²²⁷>del (226'))] fused via peptide linker (G₄S)₃G₅S (227'-247') to the des-Asp¹-chain B of human relaxin H2 (RLN2) (2-29, 248'-275' in the actual sequence), produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa

fragment Fc de l'immunoglobuline G1 humaine (1-226) [Homo sapiens IGHG1*03 (charnière (1-10), CH2 L¹⁴>F, L¹⁵>E, P¹¹¹>S (11-120), CH3 S¹³⁴>C, T¹⁴⁶>W (121-225), CHS K²²⁷>del (226'))] fusionné via un coupleur peptidique (G₄S)₃G₅S (227-247) à la chaîne A de la relaxine H2 (RLN2) humaine (1-24, 248-271 dans la séquence actuelle), hétérodimère (6-6':9-9':134-129':258-257':271-269')-pentakisdisulfure avec fragment Fc de l'immunoglobuline G1 humaine (1'-226') [Homo sapiens IGHG1*03 (charnière (1'-10'), CH2 L¹⁴>F, L¹⁵>E, P¹¹¹>S (11'-120'), CH3 Y¹²⁹>C, T¹⁴⁶>S, L¹⁴⁸>A, Y¹⁸⁷>V (121'-225'), CHS K²²⁷>del (226'))] fusionné via un coupleur peptidique (G₄S)₃G₅S (227'-247') à la dés-Asp¹-chaîne B de la relaxine H2 (RLN2) humaine (2-29, 248'-275' dans la séquence actuelle), produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa

fragmento Fc de la inmunoglobulina G1 humana (1-226) [Homo sapiens IGHG1*03 (bisagra (1-10), CH2 L¹⁴>F, L¹⁵>E, P¹¹¹>S (11-120), CH3 S¹³⁴>C, T¹⁴⁶>W (121-225), CHS K²²⁷>del (226'))] fusionado mediante el enlazador peptídico (G₄S)₃G₅S (227-247) a la cadena A de la relaxina H2 (RLN2) humana (1-24, 248-271 en la secuencia actual), heterodímero (6-6':9-9':134-129':258-257':271-269')-pentakisdisulfuro con fragmento Fc de la inmunoglobulina G1 humana (1'-226') [Homo sapiens IGHG1*03 (bisagra (1'-10'), CH2 L¹⁴>F, L¹⁵>E, P¹¹¹>S (11'-120'), CH3 Y¹²⁹>C, T¹⁴⁶>S, L¹⁴⁸>A, Y¹⁸⁷>V (121'-225'), CHS K²²⁷>del (226'))] fusionado mediante el enlazador peptídico (G₄S)₃G₅S (227'-247') a la des-Asp¹-cadena B de la relaxina H2 (RLN2) humana (2-29, 248'-275' en la secuencia actual), producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, glicofoma alfa

p.1222 *delete/supprimer/suprimase* *insert/insérer/insertese*
technetium (^{99m}Tc) **technetium (^{99m}Tc) gliceparinum**
gliceparinum sodium **natricum**

p.1259-1260 **zoninterferonum alfa-2b #**

zoninterferon alfa-2b *replace the structure by the following one*
 zoninterféron alfa-2b *remplacer la structure par la suivante*
 zoninterferón alfa-2b *sustitúyase la estructura por la siguiente*

Sequence / Séquence / Secuencia

```
EVQLVESGGG LVQPGNSLR L SCAASGFTFS KFGMSWVRQA PGKGLEWVSS 50
ISGSGRDTLY AESVKGRFTI SRDNAKTTLY LQMNSLRPED TAVYYCTIGG 100
SLSVSSQGT L VTVSSSGGPA LFKSSFFPGS CDLPQTHSLG SRRTLMLLAQ 150
MRRISLFSCL KDRHDFGFPQ EEFGNQFQKA ETIPVLHEMI QQIFNLFSTK 200
DSSAAWDET L LDKFYTELQ QLNLEACVI QGVGVTTETPL MKEDSILAVR 250
KYFQRITLYL KKKYSPCAW EVVRAEIMRS FSLSTNLQES LRSKEGGPA 300
LFKSSFFPGS EVQLVESGGG LVQPGNSLR L SCAASGFTFS KFGMSWVRQA 350
PGKGLEWVSS ISGSGRDTLY AESVKGRFTI SRDNAKTTLY LQMNSLRPED 400
TAVYYCTIGG SLSVSSQGT L VTVSS 425
```

Peptide linkers / Coupleurs peptidiques / Enlazadores peptídicos

¹¹⁶SGGPA LFKSS EPPGS³⁰ (1-15)
²⁹⁶SGGPA LFKSS EPPGS⁸¹⁰ (1-15)

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

intra-VH 1: 22-96
 intra-IFNA2: 131-228, 159-268
 intra-VH 2: 332-406

O-Glycosylation site / Site de O-glycosylation / Posición de O-glicosilación

T236 (predicted), T216 (uncertain), T238 (uncertain)

p.1263-1264 **girocovateinum #**

girocovatein *replace the chemical name by the following one*
 girocovatéine *remplacer le nom chimique par le suivant*
 girocovateína *sustitúyase el nombre químico por el siguiente*

severe acute respiratory syndrome coronavirus 2 (SARS-CoV-2), omicron lineage JN.1 (Gisaid: EPI_ISL_18872762) spike (S) glycoprotein receptor binding domain (RBD) fragment (303-520, 1-218 in the current sequence), variant (K⁵²⁰>G²¹⁸) fused to severe acute respiratory syndrome coronavirus 2 (SARS-CoV-2), omicron lineage JN.1 spike (S) glycoprotein receptor binding domain (RBD) fragment (303-520, 219-436 in the current sequence, ~~K⁴³⁶~~), single-chain homodimer, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa

fragment du domaine de liaison au récepteur (RBD) de la glycoprotéine du spicule (S) du coronavirus 2 du syndrome respiratoire aigu sévère (SRAS-CoV-2), lignée omicron JN.1 (Gisaid: EPI_ISL_18872762) (303-520, 1-218 dans la séquence en cours), variant (K⁵²⁰>G²¹⁸), fusionné au fragment du domaine de liaison au récepteur de la glycoprotéine du spicule (S) du coronavirus 2 du syndrome respiratoire aigu sévère (SRAS-CoV-2), lignée omicron JN.1 (303-520, 219-436 dans la séquence en cours), homodimère monocaténaire, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1 glycoforme alfa

fragmento del dominio de unión al receptor (RBD) de la glicoproteína de espícula (S) del coronavirus 2 del síndrome respiratorio agudo severo (SRAS-CoV-2), linaje ómicron JN.1 (Gisaid: EPI_ISL_18872762) (303-520, 1-218 en la secuencia

actual), variante (K⁵²⁰>G²¹⁸), fusionado al fragmento del dominio de unión al receptor (RBD) de la glicoproteína de espícula (S) del coronavirus 2 del síndrome respiratorio agudo severo (SRAS-CoV-2), linaje ómicron JN.1 (303-520, **219-436** en la secuencia actual), homodímero de cadena única, producido en células ováricas de hámster Chino (CHO), línea celular CHO-K1, glicofoma alfa

ANNEX 1

PROCEDURE FOR THE SELECTION OF RECOMMENDED INTERNATIONAL NONPROPRIETARY NAMES FOR PHARMACEUTICAL SUBSTANCES¹

The following procedure shall be followed by the World Health Organization (hereinafter also referred to as "WHO") in the selection of recommended international nonproprietary names for pharmaceutical substances, in accordance with resolution WHA3.11 of the World Health Assembly, and in the substitution of such names.

Article 1 - Proposals for recommended international nonproprietary names and proposals for substitution of such names shall be submitted to WHO on the form provided therefore. The consideration of such proposals shall be subject to the payment of an administrative fee designed only to cover the corresponding costs of the Secretariat of WHO ("the Secretariat"). The amount of this fee shall be determined by the Secretariat and may, from time to time, be adjusted.

Article 2 - Such proposals shall be submitted by the Secretariat to the members of the Expert Advisory Panel on the International Pharmacopoeia and Pharmaceutical Preparations designated for this purpose, such designated members hereinafter referred to as "the INN Expert Group", for consideration in accordance with the "General principles for guidance in devising International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances", annexed to this procedure². The name used by the person discovering or first developing and marketing a pharmaceutical substance shall be accepted, unless there are compelling reasons to the contrary.

Article 3 - Subsequent to the examination provided for in article 2, the Secretariat shall give notice that a proposed international nonproprietary name is being considered.

a) Such notice shall be given by publication in *WHO Drug Information*³ and by letter to Member States and to national and regional pharmacopoeia commissions or other bodies designated by Member States.

i) Notice shall also be sent to the person who submitted the proposal ("the original applicant") and other persons known to be concerned with a name under consideration.

b) Such notice shall:

i) set forth the name under consideration;

ii) identify the person who submitted the proposal for naming the substance, if so requested by such person;

iii) identify the substance for which a name is being considered;

iv) set forth the time within which comments and objections will be received and the person and place to whom they should be directed;

v) state the authority under which WHO is acting and refer to these rules of procedure.

c) In forwarding the notice, the Secretariat shall request that Member States take such steps as are necessary to prevent the acquisition of proprietary rights in the proposed name during the period it is under consideration by WHO.

Article 4 - Comments on the proposed name may be forwarded by any person to WHO within four months of the date of publication, under article 3, of the name in *WHO Drug Information*.

¹ See Annex 1 in WHO Technical Report Series, No. 581, 1975. The original text was adopted by the Executive Board in resolution EB15.R7 and amended in resolutions EB43.R9 and EB115.R4.

² See Annex 2.

³ Before 1987, lists of international nonproprietary names were published in the *Chronicle of the World Health Organization*.

Article 5 - A formal objection to a proposed name may be filed by any interested person within four months of the date of publication, under article 3, of the name in *WHO Drug Information*.

Such objection shall:

- i) identify the person objecting;
- ii) state his or her interest in the name;
- iii) set forth the reasons for his or her objection to the name proposed.

Article 6 - Where there is a formal objection under article 5, WHO may either reconsider the proposed name or use its good offices to attempt to obtain withdrawal of the objection. Without prejudice to the consideration by WHO of a substitute name or names, a name shall not be selected by WHO as a recommended international nonproprietary name while there exists a formal objection thereto filed under article 5 which has not been withdrawn.

Article 7 - Where no objection has been filed under article 5, or all objections previously filed have been withdrawn, the Secretariat shall give notice in accordance with subsection (a) of article 3 that the name has been selected by WHO as a recommended international nonproprietary name.

Article 8 - In forwarding a recommended international nonproprietary name to Member States under article 7, the Secretariat shall:

- a) request that it be recognized as the nonproprietary name for the substance; and
- b) request that Member States take such steps as are necessary to prevent the acquisition of proprietary rights in the name and to prohibit registration of the name as a trademark or trade name.

Article 9

a) In the extraordinary circumstance that a previously recommended international nonproprietary name gives rise to errors in medication, prescription or distribution, or a demonstrable risk thereof, because of similarity with another name in pharmaceutical and/or prescription practices, and it appears that such errors or potential errors cannot readily be resolved through other interventions than a possible substitution of a previously recommended international nonproprietary name, or in the event that a previously recommended international nonproprietary name differs substantially from the nonproprietary name approved in a significant number of Member States, or in other such extraordinary circumstances that justify a substitution of a recommended international nonproprietary name, proposals to that effect may be filed by any interested person. Such proposals shall be submitted on the form provided therefore and shall:

- i) identify the person making the proposal;
- ii) state his or her interest in the proposed substitution; and
- iii) set forth the reasons for the proposal; and
- iv) describe, and provide documentary evidence regarding the other interventions undertaken in an effort to resolve the situation, and the reasons why these other interventions were inadequate.

Such proposals may include a proposal for a new substitute international nonproprietary name, devised in accordance with the General principles, which takes into account the pharmaceutical substance for which the new substitute international nonproprietary name is being proposed.

The Secretariat shall forward a copy of the proposal, for consideration in accordance with the procedure described in subsection (b) below, to the INN Expert Group and the original applicant or its successor (if different from the person bringing the proposal for substitution and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations).

In addition, the Secretariat shall request comments on the proposal from:

i) Member States and national and regional pharmacopoeia commissions or other bodies designated by Member States (by including a notice to that effect in the letter referred to in article 3(a), and

ii) any other persons known to be concerned by the proposed substitution.

The request for comments shall:

i) state the recommended international nonproprietary name that is being proposed for substitution (and the proposed substitute name, if provided);

ii) identify the person who submitted the proposal for substitution (if so requested by such person);

iii) identify the substance to which the proposed substitution relates and reasons put forward for substitution;

iv) set forth the time within which comments will be received and the person and place to whom they should be directed; and

v) state the authority under which WHO is acting and refer to these rules of procedure.

Comments on the proposed substitution may be forwarded by any person to WHO within four months of the date of the request for comments.

b) After the time period for comments referred to above has elapsed, the Secretariat shall forward any comments received to the INN Expert Group, the original applicant or its successor and the person bringing the proposal for substitution. If, after consideration of the proposal for substitution and the comments received, the INN Expert Group, the person bringing the proposal for substitution and the original applicant or its successor all agree that there is a need to substitute the previously recommended international nonproprietary name, the Secretariat shall submit the proposal for substitution to the INN Expert Group for further processing. Notwithstanding the foregoing, the original applicant or its successor shall not be entitled to withhold agreement to a proposal for substitution in the event the original applicant or its successor has no demonstrable continuing interest in the recommended international nonproprietary name proposed for substitution.

In the event that a proposal for substitution shall be submitted to the INN Expert Group for further processing, the INN Expert Group will select a new international nonproprietary name in accordance with the General principles referred to in article 2 and the procedure set forth in articles 3 to 8 inclusive. The notices to be given by the Secretariat under article 3 and article 7, respectively, including to the original applicant or its successor (if not the same as the person proposing the substitution, and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations), shall in such event indicate that the new name is a substitute for a previously recommended international nonproprietary name and that Member States may wish to make transitional arrangements in order to accommodate existing products that use the previously recommended international nonproprietary name on their label in accordance with national legislation.

If, after consideration of the proposal for substitution and the comments received in accordance with the procedure described above, the INN Expert Group, the original applicant or its successor and the person bringing the proposal for substitution do not agree that there are compelling reasons for substitution of a previously recommended international nonproprietary name, this name shall be retained (provided always that the original applicant or its successor shall not be entitled to withhold agreement to a proposal for substitution in the event that the original applicant or its successor has no demonstrable continuing interest in the recommended international nonproprietary name proposed to be substituted). In such an event, the Secretariat shall advise the person having proposed the substitution, as well as the original applicant or its

successor (if not the same as the person proposing the substitution, and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations), Member States, national and regional pharmacopoeia commissions, other bodies designated by Member States, and any other persons known to be concerned by the proposed substitution that, despite a proposal for substitution, it has been decided to retain the previously recommended international nonproprietary name (with a description of the reason(s) why the proposal for substitution was not considered sufficiently compelling).

ANNEX 2

GENERAL PRINCIPLES FOR GUIDANCE IN DEVISING INTERNATIONAL NONPROPRIETARY NAMES FOR PHARMACEUTICAL SUBSTANCES¹

1. International Nonproprietary Names (INN) should be distinctive in sound and spelling. They should not be inconveniently long and should not be liable to confusion with names in common use.

2. The INN for a substance belonging to a group of pharmacologically related substances should, where appropriate, show this relationship. Names that are likely to convey to a patient an anatomical, physiological, pathological or therapeutic suggestion should be avoided.

These primary principles are to be implemented by using the following secondary principles:

3. In devising the INN of the first substance in a new pharmacological group, consideration should be given to the possibility of devising suitable INN for related substances, belonging to the new group.

4. In devising INN for acids, one-word names are preferred; their salts should be named without modifying the acid name, e.g. "oxacillin" and "oxacillin sodium", "ibufenac" and "ibufenac sodium".

5. INN for substances which are used as salts should in general apply to the active base or the active acid. Names for different salts or esters of the same active substance should differ only in respect of the name of the inactive acid or the inactive base.

For quaternary ammonium substances, the cation and anion should be named appropriately as separate components of a quaternary substance and not in the amine-salt style.

6. The use of an isolated letter or number should be avoided; hyphenated construction is also undesirable.

7. To facilitate the translation and pronunciation of INN, "f" should be used instead of "ph", "t" instead of "th", "e" instead of "ae" or "oe", and "i" instead of "y"; the use of the letters "h" and "k" should be avoided.

8. Provided that the names suggested are in accordance with these principles, names proposed by the person discovering or first developing and marketing a pharmaceutical preparation, or names already officially in use in any country, should receive preferential consideration.

9. Group relationship in INN (see General principle 2) should if possible be shown by using a common stem. The following list contains examples of stems for groups of substances, particularly for new groups. There are many other stems in active use.² Where a stem is shown without any hyphens it may be used anywhere in the name.

¹ In its Twentieth report (WHO Technical Report Series, No. 581, 1975), the WHO Expert committee on Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances reviewed the general principles for devising, and the procedures for selecting, INN in the light of developments in pharmaceutical compounds in recent years. The most significant change has been the extension to the naming of synthetic chemical substances of the practice previously used for substances originating in or derived from natural products. This practice involves the use of a characteristic "stem" indicative of a common property of the members of a group. The reason for, and the implications of, the change are fully discussed.

The guiding principles were updated during the 13th consultation on nonproprietary names for pharmaceutical substances (Geneva, 27-29 April 1983) (PHARM S/NOM 928 13 May 1983, revised 18 August 1983).

² A more extensive listing of stems is contained in the working document WHO/EMP/RHT/TSN/2018.1 which is regularly updated and can be requested from the INN Programme, WHO, Geneva.

Latin	English	
-acum	-ac	anti-inflammatory agents, ibufenac derivatives
-adolum	-adol }	analgesics
-adol-	-adol-}	
-astum	-ast	antiasthmatic, antiallergic substances not acting primarily as antihistaminics
-astinum	-astine	antihistaminics
-azepamum	-azepam	diazepam derivatives
bol	bol	steroids, anabolic
-cain-	-cain-	class I antiarrhythmics, procainamide and lidocaine derivatives
-cainum	-caine	local anaesthetics
cef-	cef-	antibiotics, cephalosporanic acid derivatives
-cillinum	-cillin	antibiotics, 6-aminopenicillanic acid derivatives
-conazolum	-conazole	systemic antifungal agents, miconazole derivatives
cort	cort	corticosteroids, except prednisolone derivatives
-coxibum	-coxib	selective cyclo-oxygenase inhibitors
-entanum	-entan	endothelin receptor antagonists
gab	gab	gabamimetic agents
gado-	gado-	diagnostic agents, gadolinium derivatives
-gatrnum	-gatrnan	thrombin inhibitors, antithrombotic agents
gest	gest	steroids, progestogens
gli	gli	antihyperglycaemics
io-	io-	iodine-containing contrast media
-metacinum	-metacin	anti-inflammatory, indometacin derivatives
-mycinum	-mycin	antibiotics, produced by <i>Streptomyces</i> strains
-nidazolum	-nidazole	antiprotozoal substances, metronidazole derivatives
-ololum	-olol	β-adrenoreceptor antagonists
-oxacinum	-oxacin	antibacterial agents, nalidixic acid derivatives
-platinum	-platin	antineoplastic agents, platinum derivatives
-poetinum	-poetin	erythropoietin type blood factors
-pril(at)um	-pril(at)	angiotensin-converting enzyme inhibitors
-profenum	-profen	anti-inflammatory substances, ibuprofen derivatives
prost	prost	prostaglandins
-relinum	-relin	pituitary hormone release-stimulating peptides
-sartanum	-sartan	angiotensin II receptor antagonists, antihypertensive (non-peptidic)
-vaptanum	-vaptan	vasopressin receptor antagonists
vin-	vin- }	vinca-type alkaloids
-vin-	-vin-}	

ANNEXE 1

PROCEDURE A SUIVRE EN VUE DU CHOIX DE DENOMINATIONS COMMUNES INTERNATIONALES RECOMMANDEES POUR LES SUBSTANCES PHARMACEUTIQUES¹

L'Organisation mondiale de la Santé (également désignée ci-après sous l'appellation « OMS ») observe la procédure exposée ci-dessous pour l'attribution de dénominations communes internationales recommandées pour les substances pharmaceutiques, conformément à la résolution WHA3.11 de l'Assemblée mondiale de la Santé, et pour le remplacement de telles dénominations.

Article 1 - Les propositions de dénominations communes internationales recommandées et les propositions de remplacement de telles dénominations sont soumises à l'OMS sur la formule prévue à cet effet. L'examen de telles propositions est soumis au paiement d'une taxe administrative destinée uniquement à couvrir les coûts correspondants assumés par le Secrétariat de l'OMS (« le Secrétariat »). Le montant de cette taxe est déterminé par le Secrétariat et peut être modifié de temps à autre.

¹ Voir annexe 1 dans OMS, Série de Rapports techniques, N° 581, 1975. Le texte original a été adopté par le Conseil exécutif dans sa résolution EB15.R7 et amendé dans ses résolutions EB43.R9 et EB115.R4.

Article 2 - Ces propositions sont soumises par le Secrétariat aux experts désignés à cette fin parmi les personnalités inscrites au Tableau d'experts de la Pharmacopée internationale et des Préparations pharmaceutiques, ci-après désignés sous l'appellation « le Groupe d'experts des DCI » ; elles sont examinées par les experts conformément aux « Directives générales pour la formation de dénominations communes internationales pour les substances pharmaceutiques » reproduites ci-après¹. La dénomination acceptée est la dénomination employée par la personne qui découvre ou qui, la première, fabrique et lance sur le marché une substance pharmaceutique, à moins que des raisons majeures n'obligent à s'écarter de cette règle.

Article 3 - Après l'examen prévu à l'article 2, le Secrétariat notifie qu'un projet de dénomination commune internationale est à l'étude.

a) Cette notification est faite par une insertion dans *WHO Drug Information*² et par l'envoi d'une lettre aux Etats Membres et aux commissions nationales et régionales de pharmacopée ou autres organismes désignés par les Etats Membres.

i) Notification est également faite à la personne qui a soumis la proposition (« le demandeur initial ») et à d'autres personnes portant à la dénomination mise à l'étude un intérêt notoire.

b) Cette notification contient les indications suivantes :

i) dénomination mise à l'étude;

ii) nom de l'auteur de la proposition tendant à attribuer une dénomination à la substance, si cette personne le demande ;

iii) définition de la substance dont la dénomination est mise à l'étude ;

iv) délai pendant lequel seront reçues les observations et les objections à l'égard de cette dénomination ; nom et adresse de la personne habilitée à recevoir ces observations et objections ;

v) mention des pouvoirs en vertu desquels agit l'OMS et référence au présent règlement.

c) En envoyant cette notification, le Secrétariat demande aux Etats Membres de prendre les mesures nécessaires pour prévenir l'acquisition de droits de propriété sur la dénomination proposée pendant la période au cours de laquelle cette dénomination est mise à l'étude par l'OMS.

Article 4 - Des observations sur la dénomination proposée peuvent être adressées à l'OMS par toute personne, dans les quatre mois qui suivent la date de publication de la dénomination dans *WHO Drug Information* (voir l'article 3).

Article 5 - Toute personne intéressée peut formuler une objection formelle contre la dénomination proposée dans les quatre mois qui suivent la date de publication de la dénomination dans *WHO Drug Information* (voir l'article 3).

Cette objection doit s'accompagner des indications suivantes :

i) nom de l'auteur de l'objection ;

ii) intérêt qu'il ou elle porte à la dénomination en cause ;

iii) raisons motivant l'objection contre la dénomination proposée.

Article 6 - Lorsqu'une objection formelle est formulée en vertu de l'article 5, l'OMS peut soit soumettre la dénomination proposée à un nouvel examen, soit intervenir pour tenter d'obtenir le retrait de l'objection. Sans préjudice de l'examen par l'OMS d'une ou de plusieurs appellations de

¹ Voir annexe 2.

² Avant 1987, les listes de dénominations communes internationales étaient publiées dans la *Chronique de l'Organisation mondiale de la Santé*.

remplacement, l'OMS n'adopte pas d'appellation comme dénomination commune internationale recommandée tant qu'une objection formelle présentée conformément à l'article 5 n'est pas levée.

Article 7 - Lorsqu'il n'est formulé aucune objection en vertu de l'article 5, ou que toutes les objections présentées ont été levées, le Secrétariat fait une notification conformément aux dispositions du paragraphe a) de l'article 3, en indiquant que la dénomination a été choisie par l'OMS en tant que dénomination commune internationale recommandée.

Article 8 - En communiquant aux Etats Membres, conformément à l'article 7, une dénomination commune internationale recommandée, le Secrétariat :

- a) demande que cette dénomination soit reconnue comme dénomination commune de la substance considérée ; et
- b) demande aux Etats Membres de prendre les mesures nécessaires pour prévenir l'acquisition de droits de propriété sur cette dénomination et interdire le dépôt de cette dénomination comme marque ou appellation commerciale.

Article 9 -

a) Dans le cas exceptionnel où une dénomination commune internationale déjà recommandée donne lieu à des erreurs de médication, de prescription ou de distribution ou en comporte un risque démontrable, en raison d'une similitude avec une autre appellation dans la pratique pharmaceutique et/ou de prescription, et où il apparaît que ces erreurs ou ces risques d'erreur ne peuvent être facilement évités par d'autres interventions que le remplacement éventuel d'une dénomination commune internationale déjà recommandée, ou dans le cas où une dénomination commune internationale déjà recommandée diffère sensiblement de la dénomination commune approuvée dans un nombre important d'Etats Membres, ou dans d'autres circonstances exceptionnelles qui justifient le remplacement d'une dénomination commune internationale recommandée, toute personne intéressée peut formuler une proposition dans ce sens. Cette proposition est présentée sur la formule prévue à cet effet et doit s'accompagner des indications suivantes :

- i) nom de l'auteur de la proposition ;
- ii) intérêt qu'il ou elle porte au remplacement proposé ;
- iii) raisons motivant la proposition ; et
- iv) description, faits à l'appui, des autres interventions entreprises pour tenter de régler le problème et exposé des raisons pour lesquelles ces interventions ont échoué.

Les propositions peuvent comprendre une proposition de nouvelle dénomination commune internationale de remplacement, établie conformément aux Directives générales, compte tenu de la substance pharmaceutique pour laquelle la nouvelle dénomination commune internationale de remplacement est proposée.

Le Secrétariat transmet une copie de la proposition pour examen, conformément à la procédure exposée plus loin au paragraphe b), au Groupe d'experts des DCI et au demandeur initial ou à son successeur (s'il s'agit d'une personne différente de celle qui a formulé la proposition de remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles).

De plus, le Secrétariat demande aux entités et personnes ci-après de formuler des observations sur la proposition :

- i) les Etats Membres et les commissions nationales et régionales de pharmacopée ou d'autres organismes désignés par les Etats Membres (en insérant une note à cet effet dans la lettre mentionnée à l'article 3.a), et
- ii) toutes autres personnes portant au remplacement proposé un intérêt notoire.

La demande d'observations contient les indications suivantes :

- i) dénomination commune internationale recommandée pour laquelle un remplacement est proposé (et la dénomination de remplacement proposée, si elle est fournie) ;
- ii) nom de l'auteur de la proposition de remplacement (si cette personne le demande) ;
- iii) définition de la substance faisant l'objet du remplacement proposé et raisons avancées pour le remplacement ;
- iv) délai pendant lequel seront reçus les commentaires et nom et adresse de la personne habilitée à recevoir ces commentaires ; et
- v) mention des pouvoirs en vertu desquels agit l'OMS et référence au présent règlement.

Des observations sur la proposition de remplacement peuvent être communiquées par toute personne à l'OMS dans les quatre mois qui suivent la date de la demande d'observations.

b) Une fois échu le délai prévu ci-dessus pour la communication d'observations, le Secrétariat transmet les observations reçues au Groupe d'experts des DCI, au demandeur initial ou à son successeur et à l'auteur de la proposition de remplacement. Si, après avoir examiné la proposition de remplacement et les observations reçues, le Groupe d'experts des DCI, l'auteur de la proposition de remplacement et le demandeur initial ou son successeur reconnaissent tous qu'il est nécessaire de remplacer la dénomination commune internationale déjà recommandée, le Secrétariat soumet la proposition de remplacement au Groupe d'experts des DCI pour qu'il y donne suite.

Nonobstant ce qui précède, le demandeur initial ou son successeur n'est pas habilité à refuser son accord à une proposition de remplacement au cas où il ne peut être démontré qu'il porte un intérêt durable à la dénomination commune internationale recommandée qu'il est proposé de remplacer.

Dans le cas où une proposition de remplacement est soumise au Groupe d'experts des DCI pour qu'il y donne suite, le Groupe choisit une nouvelle dénomination commune internationale conformément aux Directives générales mentionnées à l'article 2 et selon la procédure décrite dans les articles 3 à 8 inclus. La notification faite par le Secrétariat en vertu de l'article 3 et de l'article 7, respectivement, y compris au demandeur initial ou à son successeur (si ce n'est pas la même personne que celle qui a proposé le remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles), doit dans un tel cas indiquer que la nouvelle dénomination remplace une dénomination commune internationale déjà recommandée et que les Etats Membres peuvent souhaiter prendre des mesures transitoires pour les produits existants qui utilisent la dénomination commune internationale déjà recommandée sur leur étiquette conformément à la législation nationale.

Si, après examen de la proposition de remplacement et des observations communiquées conformément à la procédure exposée plus haut, le Groupe d'experts des DCI, le demandeur initial ou son successeur et l'auteur de la proposition de remplacement ne s'accordent pas sur le fait qu'il y a des raisons impératives de remplacer une dénomination commune internationale déjà recommandée, cette dernière est conservée (étant entendu toujours que le demandeur initial ou son successeur n'est pas habilité à refuser son accord à une proposition de remplacement au cas où il ne peut être démontré qu'il porte un intérêt durable à la dénomination commune internationale recommandée qu'il est proposé de remplacer). Dans un tel cas, le Secrétariat informe l'auteur de la proposition de remplacement, ainsi que le demandeur initial ou son successeur (s'il s'agit d'une personne différente de celle qui a formulé la proposition de remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles), les Etats Membres, les commissions nationales et régionales de pharmacopée, les autres organismes désignés par les Etats Membres et toutes autres personnes portant un intérêt notoire au remplacement proposé que, malgré une proposition de remplacement, il a été décidé de conserver la dénomination commune internationale déjà recommandée (avec une brève description de la ou des raisons pour lesquelles la proposition de remplacement n'a pas été jugée suffisamment impérative).

ANNEXE 2

**DIRECTIVES GENERALES POUR LA FORMATION DE
DENOMINATIONS COMMUNES INTERNATIONALES APPLICABLES
AUX SUBSTANCES PHARMACEUTIQUES¹**

1. Les dénominations communes internationales (DCI) devront se distinguer les unes des autres par leur consonance et leur orthographe. Elles ne devront pas être d'une longueur excessive, ni prêter à confusion avec des appellations déjà couramment employées.

2. La DCI de chaque substance devra, si possible, indiquer sa parenté pharmacologique. Les dénominations susceptibles d'évoquer pour les malades des considérations anatomiques, physiologiques, pathologiques ou thérapeutiques devront être évitées dans la mesure du possible.

Outre ces deux principes fondamentaux, on respectera les principes secondaires suivants :

3. Lorsqu'on formera la DCI de la première substance d'un nouveau groupe pharmacologique, on tiendra compte de la possibilité de former ultérieurement d'autres DCI appropriées pour les substances apparentées du même groupe.

4. Pour former des DCI des acides, on utilisera de préférence un seul mot. Leurs sels devront être désignés par un terme qui ne modifie pas le nom de l'acide d'origine : par exemple « oxacilline » et « oxacilline sodique », « ibufénac » et « ibufénac sodique ».

5. Les DCI pour les substances utilisées sous forme de sels devront en général s'appliquer à la base active (ou à l'acide actif). Les dénominations pour différents sels ou esters d'une même substance active ne différeront que par le nom de l'acide inactif (ou de la base inactive). En ce qui concerne les substances à base d'ammonium quaternaire, la dénomination s'appliquera de façon appropriée au cation et à l'anion en tant qu'éléments distincts d'une substance quaternaire. On évitera de choisir une désignation évoquant un sel aminé.

6. On évitera d'ajouter une lettre ou un chiffre isolé ; en outre, on renoncera de préférence au trait d'union.

7. Pour simplifier la traduction et la prononciation des DCI, la lettre « f » sera utilisée à la place de « ph », « t » à la place de « th », « e » à la place de « ae » ou « oe », et « i » à la place de « y » ; l'usage des lettres « h » et « k » sera aussi évité.

8. On retiendra de préférence, pour autant qu'elles respectent les principes énoncés ici, les dénominations proposées par les personnes qui ont découvert ou qui, les premières, ont fabriqué et lancé sur le marché les préparations pharmaceutiques considérées, ou les dénominations déjà officiellement adoptées par un pays.

9. La parenté entre substances d'un même groupe (voir Directive générale 2) sera si possible indiquée dans les DCI par l'emploi de segments-clés communs. La liste ci-après contient des exemples de segments-clés pour des groupes de substances, surtout pour des groupes récents. Il y a beaucoup d'autres segments-clés en utilisation active.² Les segments-clés indiqués sans trait d'union pourront être insérés n'importe où dans une dénomination.

¹ Dans son vingtième rapport (OMS, Série de Rapports techniques, N° 581, 1975), le Comité OMS d'experts des Dénominations communes pour les Substances pharmaceutiques a examiné les directives générales pour la formation des dénominations communes internationales et la procédure à suivre en vue de leur choix, compte tenu de l'évolution du secteur pharmaceutique au cours des dernières années. La modification la plus importante a été l'extension aux substances de synthèse de la pratique normalement suivie pour désigner les substances tirées ou dérivées de produits naturels. Cette pratique consiste à employer des syllabes communes ou groupes de syllabes communes (segments-clés) qui sont caractéristiques et indiquent une propriété commune aux membres du groupe des substances pour lequel ces segments-clés ont été retenus. Les raisons et les conséquences de cette modification ont fait l'objet de discussions approfondies.

Les directives ont été mises à jour lors de la treizième consultation sur les dénominations communes pour les substances pharmaceutiques (Genève, 27-29 avril 1983) (PHARM S/NOM 928, 13 mai 1983, révision en date du 18 août 1983).

² Une liste plus complète de segments-clés est contenue dans le document de travail WHO/EMP/RHT/TSN/2018.1 qui est régulièrement mis à jour et qui peut être demandé auprès du programme des DCI, OMS, Genève

Latin	Français	
-acum	-ac	substances anti-inflammatoires du groupe de l'ibufénac analgésiques
-adolum	-adol	
-adol-	-adol-	
-astum	-ast	
-astinum	-astine	antiasthmatiques, antiallergiques n'agissant pas principalement en tant qu'antihistaminiques
-azepamum	-azépam	antihistaminiques
bol	bol	substances du groupe du diazépam
-cain-	-caïn-	stéroïdes anabolisants
-cainum	-caïne	antiarythmiques de classe I, dérivés du procaïnamide et de la lidocaïne
cef-	céf-	anesthésiques locaux
-cillinum	-cilline	antibiotiques, dérivés de l'acide céphalosporanique
-conazolum	-conazole	antibiotiques, dérivés de l'acide 6-aminopénicillanique
		agents antifongiques systémiques du groupe du miconazole
cort	cort	corticostéroïdes, autres que les dérivés de la prednisolone
-coxibum	-coxib	inhibiteurs sélectifs de la cyclo-oxygénase
-entanum	-entan	antagonistes du récepteur de l'endothéline
gab	gab	gabamimétiques
gado-	gado-	agents diagnostiques, dérivés du gadolinium
-gatrnum	-gatrnan	antithrombines, antithrombotiques
gest	gest	stéroïdes progestogènes
gli	gli	antihyperglycémiant
io-	io-	produits de contraste iodés
-metacinum	-métacine	substances anti-inflammatoires du groupe de l'indométacine
-mycinum	-mycine	antibiotiques produits par des souches de <i>Streptomyces</i>
-nidazolum	-nidazole	substances antiprotozoaires du groupe du métronidazole
-ololum	-olol	antagonistes des récepteurs β-adrénergiques
-oxacinum	-oxacine	substances antibactériennes du groupe de l'acide nalidixique
-platinum	-platine	antinéoplasiques, dérivés du platine
-poetinum	-poétine	facteurs sanguins de type érythropoïétine
-pril(at)um	-pril(ate)	inhibiteurs de l'enzyme de conversion de l'angiotensine
-profenum	-profène	substances anti-inflammatoires du groupe de l'ibuprofène
prost	prost	prostaglandines
-relinum	-réline	peptides stimulant la libération d'hormones hypophysaires
-sartanum	-sartan	antagonistes d'un récepteur de l'angiotensine II, antihypertenseurs (non peptidiques)
-vaptanum	-vaptan	antagonistes du récepteur de la vasopressine
vin-	vin-	alcaloïdes du type vinca
-vin-	-vin-	

ANEXO 1

**PROCEDIMIENTO DE SELECCIÓN DE DENOMINACIONES
COMUNES INTERNACIONALES RECOMENDADAS PARA
SUSTANCIAS FARMACÉUTICAS¹**

La Organización Mundial de la Salud (OMS) seguirá el procedimiento que se expone a continuación tanto para seleccionar denominaciones comunes internacionales recomendadas para las sustancias farmacéuticas, de conformidad con lo dispuesto en la resolución WHA3.11, como para sustituir esas denominaciones.

Artículo 1 - Las propuestas de denominaciones comunes internacionales recomendadas y las propuestas de sustitución de esas denominaciones se presentarán a la OMS en los formularios que se proporcionen a estos efectos. El estudio de estas propuestas estará sujeto al pago de una tasa destinada a sufragar los costos de administración que ello suponga para la Secretaría de la OMS («la Secretaría»). La Secretaría establecerá la cuantía de esa tasa y podrá ajustarla periódicamente.

Artículo 2 - Estas propuestas serán sometidas por la Secretaría a los miembros del Cuadro de Expertos en Farmacopea Internacional y Preparaciones Farmacéuticas encargados de su estudio, en adelante designados como «el Grupo de Expertos en DCI», para que las examinen de conformidad con los «Principios generales de orientación para formar denominaciones comunes internacionales para sustancias farmacéuticas», anexos a este procedimiento.² A menos que haya poderosas razones en contra, la denominación aceptada será la empleada por la persona que haya descubierto o fabricado y comercializado por primera vez esa sustancia farmacéutica.

Artículo 3 - Tras el examen al que se refiere el artículo 2, la Secretaría notificará que está en estudio un proyecto de denominación internacional.

a) Esa notificación se hará mediante una publicación en *Información Farmacéutica OMS*³ y el envío de una carta a los Estados Miembros y a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas u otros organismos designados por los Estados Miembros.

i) La notificación será enviada también a la persona que haya presentado la propuesta («el solicitante inicial») y a otras personas que tengan un interés especial en una denominación objeto de estudio.

b) En esa notificación se incluirán los siguientes datos:

i) la denominación sometida a estudio;

ii) la identidad de la persona que ha presentado la propuesta de denominación de la sustancia, si lo pide esa persona;

iii) la identidad de la sustancia cuya denominación está en estudio;

iv) el plazo fijado para recibir observaciones y objeciones, así como el nombre y la dirección de la persona a quien deban dirigirse; y

v) los poderes conferidos para el caso a la OMS y una referencia al presente procedimiento.

¹ Véase el anexo 1 en OMS, Serie de Informes Técnicos, N° 581, 1975. El texto vigente fue adoptado por el Consejo Ejecutivo en su resolución EB15.R7 y modificado en las resoluciones EB43.R9 y EB115.R4..

² Véase el anexo 2.

³ Hasta 1987 las listas de DCI se publicaban en la *Crónica de la Organización Mundial de la Salud*.

c) Al enviar esa notificación, la Secretaría solicitará de los Estados Miembros la adopción de todas las medidas necesarias para impedir la adquisición de derechos de patente sobre la denominación propuesta, durante el periodo en que la OMS la tenga en estudio.

Artículo 4 - Toda persona puede formular a la OMS observaciones sobre la denominación propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a su publicación en *Información Farmacéutica OMS*, conforme a lo dispuesto en el artículo 3.

Artículo 5 - Toda persona interesada puede presentar una objeción formal a una denominación propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a su publicación en *Información Farmacéutica OMS*, conforme a lo dispuesto en el artículo 3.

Esa objeción deberá acompañarse de los siguientes datos:

- i) la identidad de la persona que formula la objeción;
- ii) las causas que motivan su interés por la denominación; y
- iii) las causas que motivan su objeción a la denominación propuesta.

Artículo 6 - Cuando se haya presentado una objeción formal en la forma prevista en el artículo 5, la OMS podrá reconsiderar el nombre propuesto o utilizar sus buenos oficios para intentar lograr que se retire la objeción. La OMS no seleccionará como denominación común internacional una denominación a la que se haya hecho una objeción formal, presentada según lo previsto en el artículo 5, que no haya sido retirada, todo ello sin perjuicio de que la Organización examine otra denominación o denominaciones sustitutivas.

Artículo 7 - Cuando no se haya formulado ninguna objeción en la forma prevista en el artículo 5, o cuando todas las objeciones presentadas hayan sido retiradas, la Secretaría notificará, conforme a lo dispuesto en el párrafo a) del artículo 3, que la denominación ha sido seleccionada por la OMS como denominación común internacional recomendada.

Artículo 8 - Al comunicar a los Estados Miembros una denominación común internacional, conforme a lo previsto en el artículo 7, la Secretaría:

a) solicitará que esta denominación sea reconocida como denominación común para la sustancia de que se trate; y

b) solicitará a los Estados Miembros que adopten todas las medidas necesarias para impedir la adquisición de derechos de patente sobre la denominación, y prohíban que sea registrada como marca de fábrica o como nombre comercial.

Artículo 9

a) En el caso excepcional de que, debido a su semejanza con otra denominación utilizada en las prácticas farmacéuticas y/o de prescripción, una denominación común internacional recomendada anteriormente ocasione errores de medicación, prescripción o distribución, o suponga un riesgo manifiesto de que esto ocurra, y parezca que tales errores o potenciales errores no sean fácilmente subsanables con otras medidas que no sean la posible sustitución de esa denominación común internacional recomendada anteriormente; en el caso de que una denominación común internacional recomendada anteriormente difiera considerablemente de la denominación común aprobada en un número importante de Estados Miembros, o en otras circunstancias excepcionales que justifiquen el cambio de una denominación común internacional recomendada, cualquier persona interesada puede presentar propuestas en este sentido. Esas propuestas se presentarán en los formularios que se proporcionen a estos efectos e incluirán los siguientes datos:

- i) la identidad de la persona que presenta la propuesta;
- ii) las causas que motivan su interés en la sustitución propuesta;
- iii) las causas que motivan la propuesta; y

iv) una descripción, acompañada de pruebas documentales, de las otras medidas que se hayan adoptado con el fin de resolver la situación y de los motivos por los cuales dichas medidas no han sido suficientes.

Entre esas propuestas podrá figurar una relativa a una nueva denominación común internacional sustitutiva, formulada con arreglo a los Principios generales y que tenga en cuenta la sustancia farmacéutica para la que se proponga la nueva denominación común internacional sustitutiva.

La Secretaría enviará al Grupo de Expertos en DCI y al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que sea una persona diferente de la que ha presentado la propuesta de sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales) una copia de la propuesta, para que sea examinada de conformidad con el procedimiento descrito en el párrafo *b) infra*.

Además, la Secretaría solicitará observaciones sobre la propuesta:

i) a los Estados Miembros y a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas u otros organismos designados por los Estados Miembros (ello se hará incluyendo una notificación a tal efecto en la carta a la que se refiere el párrafo a) del artículo 3), y

ii) a cualquier persona que tenga un interés especial en la sustitución propuesta.

Al solicitar que se formulen estas observaciones se facilitarán los siguientes datos:

i) la denominación común internacional recomendada que se propone sustituir (y la denominación sustitutiva propuesta, si se ha facilitado);

ii) la identidad de la persona que ha presentado la propuesta de sustitución (si lo pide esa persona);

iii) la identidad de la sustancia a la que se refiere la sustitución propuesta y las razones para presentar la propuesta de sustitución;

iv) el plazo fijado para recibir observaciones, así como el nombre y la dirección de la persona a quien deban dirigirse; y

v) los poderes conferidos para el caso a la OMS y una referencia al presente procedimiento.

Toda persona puede formular a la OMS observaciones sobre la sustitución propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a la fecha en que se realizó la solicitud de observaciones.

b) Una vez agotado el mencionado plazo para la formulación de observaciones, la Secretaría enviará todos los comentarios recibidos al Grupo de Expertos en DCI, al solicitante inicial o a su sucesor, y a la persona que haya presentado la propuesta de sustitución. Si después de examinar la propuesta de sustitución y las observaciones recibidas, el Grupo de Expertos en DCI, la persona que haya presentado la propuesta de sustitución y el solicitante inicial, o su sucesor, están de acuerdo en la necesidad de sustituir la denominación común internacional recomendada anteriormente, la Secretaría remitirá la propuesta de sustitución al Grupo de Expertos en DCI para que la tramite.

No obstante lo anterior, el solicitante inicial o su sucesor no tendrán derecho a impedir el acuerdo sobre una propuesta de sustitución en el caso de que hayan dejado de tener un interés demostrable en la denominación común internacional cuya sustitución se propone.

En caso de que la propuesta de sustitución sea presentada al Grupo de Expertos en DCI para que la tramite, este grupo seleccionará una nueva denominación común internacional de conformidad con los Principios generales a los que se refiere el artículo 2 y al procedimiento establecido en los artículos 3 a 8 inclusive. En ese caso, en las notificaciones que la Secretaría ha de enviar con arreglo a los artículos 3 y 7, respectivamente, incluida la notificación al solicitante

inicial o a su sucesor (en el caso de que no sea la misma persona que propuso la sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales), se indicará que la nueva denominación sustituye a una denominación común internacional recomendada anteriormente y que los Estados Miembros podrán, si lo estiman oportuno, adoptar disposiciones transitorias aplicables a los productos existentes en cuya etiqueta se utilice, con arreglo a la legislación nacional, la denominación común internacional recomendada anteriormente que se haya sustituido.

En caso de que, después de haber estudiado la propuesta de sustitución y los comentarios recibidos de conformidad con el procedimiento descrito anteriormente, el Grupo de Expertos en DCI, el solicitante inicial o su sucesor y la persona que haya presentado la propuesta de sustitución no lleguen a un acuerdo sobre la existencia de razones poderosas para sustituir una denominación común internacional recomendada anteriormente, esta denominación se mantendrá (siempre en el entendimiento de que el solicitante inicial o su sucesor no tendrán derecho a impedir el acuerdo sobre una propuesta de sustitución en el caso de que hayan dejado de tener un interés demostrable en la denominación común internacional cuya sustitución se propone). En ese caso, la Secretaría comunicará a la persona que haya propuesto la sustitución, así como al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que no sea la misma persona que propuso la sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales), a los Estados Miembros, a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas o a otros organismos designados por los Estados Miembros y a cualquier otra persona que tenga interés en la sustitución propuesta, que, pese a la presentación de una propuesta de sustitución, se ha decidido mantener la denominación común internacional recomendada anteriormente (con una descripción de la o las razones por las que se ha considerado que la propuesta de sustitución no estaba respaldada por razones suficientemente poderosas).

ANEXO 2

PRINCIPIOS GENERALES DE ORIENTACIÓN PARA FORMAR DENOMINACIONES COMUNES INTERNACIONALES PARA SUSTANCIAS FARMACÉUTICAS¹

1. Las denominaciones comunes internacionales (DCI) deberán diferenciarse tanto fonética como ortográficamente. No deberán ser incómodamente largas, ni dar lugar a confusión con denominaciones de uso común.

2. La DCI de una sustancia que pertenezca a un grupo de sustancias farmacológicamente emparentadas deberá mostrar apropiadamente este parentesco. Deberán evitarse las denominaciones que puedan tener connotaciones anatómicas, fisiológicas, patológicas o terapéuticas para el paciente.

Estos principios primarios se pondrán en práctica utilizando los siguientes principios secundarios:

3. Al idear la DCI de la primera sustancia de un nuevo grupo farmacológico, deberá tenerse en cuenta la posibilidad de poder formar DCI convenientes para las sustancias emparentadas que se agreguen al nuevo grupo.

4. Al idear DCI para ácidos, se preferirán las de una sola palabra; sus sales deberán denominarse sin modificar el nombre del ácido: p. ej. «oxacilina» y «oxacilina sódica», «ibufenaco» y «ibufenaco sódico».

¹ En su 20º informe (OMS, Serie de Informes Técnicos, N° 581, 1975), el Comité de Expertos de la OMS en Denominaciones Comunes para las Sustancias Farmacéuticas revisó los Principios generales para formar denominaciones comunes internacionales (DCI), y su procedimiento de selección, a la luz de las novedades registradas en los últimos años en materia de compuestos farmacéuticos. El cambio más importante había consistido en hacer extensivo a la denominación de sustancias químicas sintéticas el método utilizado hasta entonces para las sustancias originadas en productos naturales o derivadas de éstos. Dicho método conlleva la utilización de una «partícula» característica que indica una propiedad común a los miembros de un grupo. En el citado informe se examinan en detalle las razones y consecuencias de este cambio.

Los Principios generales de orientación se actualizaron durante la 13ª consulta sobre denominaciones comunes para sustancias farmacéuticas (Ginebra, 27 a 29 de abril de 1983) (PHARM S/NOM 928, 13 de mayo de 1983, revisado el 18 de agosto de 1983).

5. Las DCI para las sustancias que se usan en forma de sal deberán en general aplicarse a la base activa o al ácido activo. Las denominaciones para diferentes sales o ésteres de la misma sustancia activa solamente deberán diferir en el nombre del ácido o de la base inactivos. En los compuestos de amonio cuaternario, el catión y el anión deberán denominarse adecuadamente por separado, como componentes independientes de una sustancia cuaternaria y no como sales de una amina.

6. Deberá evitarse el empleo de letras o números aislados; también es indeseable el empleo de guiones.

7. Para facilitar la traducción y la pronunciación, se emplearán de preferencia las letras «f» en lugar de «ph», «t» en lugar de «th», «e» en lugar de «ae» u «oe», e «i» en lugar de «y»; se deberá evitar el empleo de las letras «h» y «k».

8. Siempre que las denominaciones propuestas estén de acuerdo con estos principios, recibirán una consideración preferente las denominaciones propuestas por la persona que haya descubierto las sustancias, o que fabrique y comercialice por primera vez una sustancia farmacéutica, así como las denominaciones ya adoptadas oficialmente en cualquier país.

9. El parentesco entre sustancias del mismo grupo se pondrá de manifiesto en las DCI (véase el Principio 2) utilizando una partícula común. En la lista que figura a continuación se indican ejemplos de partículas para grupos de sustancias, en particular para grupos nuevos. Existen muchas otras partículas que se usan habitualmente.¹ Cuando una partícula aparece sin guión alguno, puede utilizarse en cualquier lugar de la palabra.

Latin	Español	
-acum	-aco	antiinflamatorios derivados del ibufenaco
-adolum	-adol)	analgésicos
-adol-	-adol-)	
-astum	-ast	antiasmáticos, sustancias antialérgicas cuya acción principal no es la antihistamínica
-astinum	-astina	antihistamínicos
-azepamum	-azepam	derivados del diazepam
bol	bol	esteroides anabolizantes
-cain-	-caína-	antiarrítmicos de clase I, derivados de procainamida y lidocaína
-cainum	-caína-	anestésicos locales
cef-	cef-	antibióticos, derivados del ácido cefalosporánico
-cillinum	-cilina	antibióticos derivados del ácido 6-aminopenicilánico
-conazolum	-conazol	antifúngicos sistémicos derivados del miconazol
cort	cort	corticosteroides, excepto derivados de prednisolona
-coxibum	-coxib	inhibidores selectivos de ciclooxigenasa
-entanum	-entán	antagonistas del receptor de endotelina
gab	gab	gabamiméticos
gado-	gado-	agentes para diagnóstico derivados de gadolinio
-gartranum	-gatrán	inhibidores de la trombina antitrombóticos
gest	gest	esteroides progestágenos
gli	gli	hipoglucemiantes, antihiper glucémicos
io-	io-	medios de contraste iodados
-metacinum	-metacina	antiinflamatorios derivados de indometacina
-mycinum	-micina	antibióticos producidos por cepas de <i>Streptomyces</i>
-nidazolum	-nidazol	antiprotazoarios derivados de metronidazol
-ololum	-olol	antagonistas de receptores β -adrenérgicos

¹ En el documento de trabajo WHO/EMP/RHT/TSN/2018.1, que se actualiza periódicamente y puede solicitarse al Programa sobre Denominaciones Comunes Internacionales, OMS, Ginebra, figura una lista más amplia de partículas.

<i>-oxacinum</i>	<i>-oxacino</i>	antibacterianos derivados del ácido nalidíxico
<i>-platinum</i>	<i>-platino</i>	antineoplásicos derivados del platino
<i>-poetinum</i>	<i>-poetina</i>	factores sanguíneos similares a la eritropoyetina
<i>-pril(at)um</i>	<i>-pril(at)</i>	inhibidores de la enzima convertora de la angiotensina
<i>-profenum</i>	<i>-profeno</i>	antiinflamatorios derivados del ibuprofeno
<i>prost</i>	<i>prost</i>	prostaglandinas
<i>-relinum</i>	<i>-relina</i>	péptidos estimulantes de la liberación de hormonas hipofisarias
<i>-sartanum</i>	<i>-sartán</i>	antihipertensivos (no peptídicos) antagonistas del
<i>-vaptanum</i>	<i>-vaptán</i>	antagonistas del receptor de vasopresina
<i>vin-</i>	<i>vin-)</i>	alcaloides de la vinca
<i>-vin-</i>	<i>-vin-)</i>	